

08-530,11a

PCT/JP94/01916

日 本 国 特 許 庁 11.11.94
PATENT OFFICE
JAPANESE GOVERNMENT

別紙添付の書類に記載されている事項は下記の出願書類に記載されている事項と同一であることを証明する。

This is to certify that the annexed is a true copy of the following application as filed with this Office.

出 願 年 月 日
Date of Application: 1993年11月12日

出 願 番 号
Application Number: 平成 5年特許願第355504号

出 願 人
Applicant (s): 松原 謙一
大久保 公策

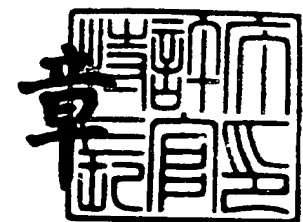
REC'D 27 JAN 1995
WIPO PCT

PRIORITY DOCUMENT

1995年 1月 6日

特 許 庁 長 官
Commissioner,
Patent Office

高 島



出証番号 出証特平06-3068714

【書類名】 特許願

【整理番号】 MB1-0001

【提出日】 平成 5年11月12日

【あて先】 特許庁長官殿

【国際特許分類】 C07H 21/00

【発明の名称】 ジーン・シグニチャー

【請求項の数】 3

【発明者】

 【住所又は居所】 大阪府吹田市山田東3-18-1-804

 【氏名】 松原 謙一

【発明者】

 【住所又は居所】 大阪府箕面市瀬川2-11-26

 【氏名】 大久保 公策

【特許出願人】

 【住所又は居所】 大阪府吹田市山田東3-18-1-804

 【氏名又は名称】 松原 謙一

【特許出願人】

 【住所又は居所】 大阪府箕面市瀬川2-11-26

 【氏名又は名称】 大久保 公策

【代理人】

 【識別番号】 100075258

 【弁理士】

 【氏名又は名称】 吉田 研二

 【電話番号】 03-3361-3699

【代理人】

 【識別番号】 100081503

 【弁理士】

 【氏名又は名称】 金山 敏彦

 【電話番号】 03-3361-3699

【付 人】

【識別番号】 100096976

【弁理士】

【氏名又は名称】 石田 純

【電話番号】 03-3361-3699

【手数料の表示】

【納付方法】 予納

【予納台帳番号】 001753

【納付金額】 21,000円

【提出物件の目録】

【物件名】 明細書 1

【物件名】 図面 1

【物件名】 要約書 1

【書類名】 明細書

【発明の名称】 ジーン・シグニチャー

【特許請求の範囲】

【請求項1】 配列番号1から6204に記載された塩基配列のいずれか、または、該いずれかの塩基配列の一部を含み、

ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA若しくはヒトmRNAにハイブリダイズする一本鎖DNA、または、その相補鎖、または、該一本鎖DNAとその相補鎖とからなる二本鎖DNA。

【請求項2】 配列番号1から6204に記載された塩基配列のいずれか、または、該いずれかの塩基配列の一部を含み、

ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA若しくはヒトmRNAにハイブリダイズする一本鎖DNA又はその相補鎖からなるDNAプローブ。

【請求項3】 配列番号1から6204に記載された塩基配列のいずれか、または、該いずれかの塩基配列の一部を含み、

ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA若しくはヒトmRNAにハイブリダイズする一本鎖DNA又はその相補鎖からなるDNAプライマー。

【発明の詳細な説明】

【0001】

【産業上の利用分野】

本願発明は、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNAまたはヒトmRNAの特定の部位とハイブリダイズするDNAからなり、特に、細胞内の種々のタンパク質に対応するmRNAの発現の状態を総合的または個別的に検出し、疾病、ウイルス感染などによる細胞の異常を検出または診断するため、または細胞の識別・同定をするためなどに必要なプローブならびにプライマーなどとして利用できるDNAに関するものである。

【0002】

【従来の技術】

生体の種々の細胞はその役割に応じて様々なタンパク質を発現しているが、細胞内に存在するタンパク質の濃度は、同一個体内の細胞でも、細胞の種類、環境

等によって異なる。

【0003】

ところで、タンパク質は、一般に「細胞の生存に必須なタンパク質」と「細胞に固有の機能を担うタンパク質」とに分類される。この内、「細胞の生存に必須なタンパク質」は、あらゆる種類の細胞で共通して発現しており、細胞の生存に必須なものと考えられ、「ハウスキーパー (house-keeper)」とも呼ばれている。一方、「細胞に固有の機能を担うタンパク質」は、特定の種類の細胞あるいは特定のグループに属する細胞において特異的に発現している。これを逆にいえば、「細胞の生存に必須なタンパク質」が発現することによって細胞が生存し、「細胞に固有の機能を担うタンパク質」が発現することによって細胞固有の機能が現出されているといえる。

【0004】

ところが、疾病、感染等により細胞が異常な状態になると、各細胞内のタンパク質の発現の状態が正常時と比べて変化する。特にウイルス感染時には、ウイルス固有のタンパク質が大量に発現する。これを逆に言えば、細胞のタンパク質の発現の状態の変化が、細胞を疾病等の異常な状態に導くといえる。

【0005】

このように、生体内の各細胞の機能と細胞内のタンパク質の発現の状態とは表裏一体の関係にある。従って、分子レベルで、生体内の各細胞の機能を解明したり疾病の原因を究明したりする際には、細胞内のタンパク質の発現の状態を把握することが必要となる。

【0006】

このための1つのアプローチとして、細胞内の全タンパク質を抽出して、その発現の状態を解析することが原理的には考えられる。しかし、特定のタンパク質については単離することが可能な場合もあるが、細胞内では非常に多くの種類のタンパク質が発現しているため、これらのタンパク質を完全に分離し、その発現量を直接測定することは殆ど不可能である。

【0007】

また、別のアプローチとして、細胞内のタンパク質濃度に対応する細胞内のm

RNA濃度を測定することが考えられる。しかし、特定のmRNAについては、単離することが可能な場合もあるが、細胞内では非常に多くの種類のmRNAが合成されているため、これらのmRNAを完全に分離し、その合成量を直接測定することはほとんど不可能である。

【0008】

【発明が解決しようとする課題】

本願発明は、細胞内の種々のmRNAの合成の状態を総合的または個別的に検出し、疾病、ウイルス感染等による細胞の異常を検出または診断するために必要なプローブ、プライマー等として使用できるDNAを提供することを目的とする。

【0009】

また、本願発明は、細胞内の種々のmRNAの合成の状態を総合的または個別的に検出し、細胞の識別・同定をするために必要なプローブ、プライマー等として使用できるDNAを提供することを目的とする。

【0010】

【本願発明の原理】

一般に、遺伝情報の流れはDNA→mRNA→タンパク質の順である（セントラルドグマ、1958年、F. H. C. クリックが提唱）。即ち、DNA上の「タンパク質のアミノ酸配列情報」は、mRNAに一旦転写されてからタンパク質に翻訳される。

【0011】

本願発明者らは、一般に、細胞内の特定のmRNAの存在割合が高いときは、それに対応するタンパク質の発現量も多くなるので、細胞内の各mRNAの存在割合を検出することによって、細胞内の各タンパク質の存在割合を検出することが可能であることを明らかにしている（DNA sequence 2 p. 137-144 (1991)、Nature genetics 2 p. 173-179 (1992)）。

【0012】

本願発明においても、基本的には常法の如く、逆転写酵素（reverse

ranscriptase)を用いて、特定の細胞から抽出したmRNAに相補的なcDNAを合成するものであるが、本願発明においては本願発明者らが開発した方法、すなわちmRNAの存在割合が対応するcDNAの存在割合に反映するようにcDNAを合成し、cDNAライブラリーを作成することによって、全mRNAに対応したcDNA群をクローニングし、該ライブラリーを配列決定するという方法を用いる。

【0013】

なお、本願発明者らのアプローチと一見類似するが、全く異質のアプローチとして、ベンターらのランダムプライミングによって取得したcDNAライブラリーのクローニングが挙げられる。

【0014】

ベンターらのグループは、市販の脳細胞由来のcDNAライブラリー（米国カリフォルニア州ストラテジーン社、カタログ番号936206、936205又は935）から、ランダムにcDNAをクローニングし、塩基配列を決定している（Science 252 p. 1651-1656 (1991)、Nature 355 p. 632-634 (1992)）。

【0015】

ベンターらの方法は、ランダムプライミングによって得られたcDNAを無作為に配列決定しているが、この方法によれば、

- ① 1本のmRNAの様々な領域をランダムにクローニングするので、1本のmRNAから重複する部分がない多くのcDNA断片が生じ、これらのcDNA断片が同一のmRNAに由来するのか、異なるmRNAに由来するのか区別できない。
- ② mRNAが長いほどそのmRNA由来のcDNAが合成される確率が上がる。
- ③ ランダムプライマーに含まれる各プライマーの塩基配列によってプライマーとして使用される頻度が異なり、cDNAの合成頻度にばらつきが生じる。

【0016】

等の理由から、各cDNAの出現頻度は、各mRNAの存在割合に対応しないものになってしまう。従って、ベンターらの方法によっては、仮に無作為のクロ

ーニングの際の各cDNAの出現頻度をとったとしても細胞内の各mRNAの存在割合を検出することは不可能であり、細胞内のタンパク質の存在状態を知ることとは不可能である。

【0017】

しかし、本願発明者らの開発した方法によりDNAライブラリーを作成すれば、上記問題点が全て解決され、mRNAの存在割合を忠実に反映したcDNAライブラリーが作成可能である。本願発明においては、「ポリT」のみをプライマーとしてcDNAを合成している。cDNAの3'末端には「ポリAテイル (poly A tail)」と呼ばれる、Aが連続した構造が存在するので、「ポリT」のみをプライマーとしてcDNAを合成すれば、必ず3'末端からcDNAの合成が開始され、3'末端側のcDNAが合成される。また、mRNAの3'末端の大半がそのmRNA独自のものであり、他の種類のmRNAには存在しないものであるので、(Brinsteil et al., Cell. 41. 349-359 (1985))、3'末端側のcDNAはほとんどが特定のmRNAのみにハイブリダイズするものとなる。cDNAを合成後、制限酵素Mbo I (4塩基を認識し切断する)でcDNAを切断すれば、3'側から最初のMbo I部位までのcDNAが作成される。なお、本願明細書中においては、このようにしてクローニングした「細胞内のmRNAの存在割合を忠実に反映したcDNAライブラリー」に含まれる各々のcDNAを「ジーンシグニチャー (gene signature) (以下GSと略称する) と称する。ただし、GSには二本鎖DNAばかりでなく、それぞれの一本鎖も含まれる。

【0018】

【課題を解決するための手段及び作用】

本願発明は、細胞内の種々のタンパク質の発現の状態を検出できるDNAであって、配列番号1から6204に記載された塩基配列のいずれか、または、該いずれかの塩基配列の一部を含み、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA若しくはヒトmRNAにハイブリダイズする一本鎖DNA、または、その相補鎖、または、該一本鎖DNAとその相補鎖とからなる二本鎖DNAに関する。

【0019】

また、本願発明は、配列番号1から6204に記載された塩基配列のいずれか、または、該いずれかの塩基配列の一部を含み、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA若しくはヒトmRNAにハイブリダイズする一本鎖DNA又はその相補鎖からなるDNAプローブに関する。

【0020】

更に、本願発明は、配列番号1から6204に記載された塩基配列のいずれか、または、該いずれかの塩基配列の一部を含み、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA若しくはヒトmRNAにハイブリダイズする一本鎖DNA又はその相補鎖からなるDNAプライマーに関する。

【0021】

以下、本願発明をより詳細に説明する。

【0022】

本願発明のDNAは、配列番号1から6204に記載された塩基配列ばかりでなく、そのいずれかの塩基配列の一部であってもよいし、またヒトジェノミックDNA、ヒトcDNA又はヒトmRNAとハイブリダイズすればその一部の塩基配列が置換、欠除もしくは、付加したものも含まれる。さらに、それらのDNAは一本鎖のものばかりではなく、その相補鎖または、該一本鎖DNAとその相補鎖からなる二本鎖DNAも含まれる。

【0023】

なお、ヒトジェノミックDNA、ヒトcDNAまたはヒトmRNAの特定の部位とのハイブリダイズの条件は、通常行われている条件を適用することができる（例えば、Molecular Cloning: A Laboratory Manual、Sambrookら、Cold Spring Harbor Laboratory Press、1989）。

【0024】

次に、各細胞内のmRNAの存在割合を忠実に反映するcDNAライブラリーの作成方法および全mRNAに対応したcDNA群のクローニング方法、ならびに各cDNAの塩基配列の決定方法についての一例を下記に記載する。

【0025】

まず、特定の組織に由来する細胞、例えば臓器由来の細胞、例えば、ヒト肝臓由来細胞（HepG2）を培養し、常法に従って、全mRNAを単離する。次いで、得られたmRNAをcDNAライブラリー作成のためのベクターに挿入する。

【0026】

例えばpUC19（クローニング部位側にM13の配列を有する）には、下記の方法で挿入する。

【0027】

すなわち、pUC19をHincIIおよびPstIで開裂し、PstI切断末端に20bpから30のbp程度のポリTを付加し、そこにmRNAの3'側のポリAをハイブリダイズさせる（図1a）。そして、常法により逆転写酵素を用いてDNA鎖を伸長させた後、例えばDNAポリメラーゼにより二本鎖DNAを合成する（図1b）。得られた二本鎖DNAを4塩基を認識する制限酵素MboIで切断する（図1c）。

【0028】

MboIは4塩基認識の制限酵素であるから、挿入cDNAのポリAテールから数百塩基程度離れた位置でDNAを切断すると考えられる。そしてMboIは、本願発明者らがGenBankのデータベースから無作為に抽出した約300のヒトcDNAを例外無く切断することを確認したことから、MboIはクローニングされるcDNAのいずれかの部位を切断すると考えられる。なお、pUC19はdam⁺の大腸菌、例えばE. coli JM109から調製するので、MboI認識部位のアデニンがメチル化されており（G^mATCとなっており）、MboIによっては切断されない。

【0029】

次に、pUC19に導入されたMboI切断部位を有する二本鎖DNAをベクター内に組み込むために、ベクター側にMboIと同じ粘着末端を生ずるBamHIを作用させる。この場合に、BamHI（GGATCC）は、MboI（GATC）の認識塩基配列を含むため（GGATCC）、伸長された二本鎖DNAが、更に当該BamHIによって切断されることはない。

【0030】

その後、常法により上記二本鎖DNAをライゲーションし、組み換え体プラスミドを大腸菌例えばE. coli DH5へ導入してcDNAライブラリーを作成する。

【0031】

この方法によれば、mRNAの3'側ポリA上流の配列のみを含むクローンを取得することができる。

【0032】

また、得られるcDNA断片の長さが平均270bpと短いため、cDNA断片が長すぎることから生ずるcDNA合成効率の差や形質転換時の効率の差から生ずるバイアスは回避できる。さらには、繰り返し配列等による不安定性も除かれるため、本cDNAライブラリーは各細胞内のmRNAの存在割合を忠実に反映できることとなる。

【0033】

さらに、ベクターに挿入されるcDNAが短い場合、cDNA断片に接する両端のベクター配列をプライマーとすることでcDNA断片の部分を確実に増幅することができ、しかも、PCR法により直接配列決定する際には、配列決定の精度を下げるといわれている3'側のポリAに妨げられずに、cDNAの5'側末端から配列決定することが可能となる。

【0034】

ベクターに含まれるcDNA断片すなわち前に説明したGSの増幅は次のようにして行うことができる。

【0035】

cDNAライブラリーを導入した上記大腸菌を常法により増殖させ、溶菌する。その後、溶菌物に含まれる夾雑物を取り除き、遠心によりベクターDNAを含む上清を回収し、得られたベクターDNAを鋳型DNAとしてPCR法による増幅反応に供することができる（図1d, PCR primer 1及びPCR primer 2による増幅）。

【0036】

一方、プライマーとしては、GSに接する両端のベクター配列を適宜選択し、通常の条件下でPCR法を行う。得られたPCR産物をGSの5'側に接するベクター内の配列に対する蛍光プライマーを用いて伸長反応を行い、オートシーケンサーにかけ、塩基配列決定を行う（図1d, dye primerによるシーケンス）。

【0037】

次いで、各GSの配列決定の結果に基づいて、各臓器細胞ごとのGSの種類およびそれらの出現頻度を検討した。

【0038】

各臓器細胞としては、正常細胞ばかりでなく病的状態下での細胞（ガン由来細胞、ウイルス感染細胞など）を使用でき、何等制限されるものではない。例えば、肝細胞（胎児、新生児、成人由来など）、各造血球系細胞（好中球、単球など）、肺細胞、脂肪組織細胞、血管内皮細胞、骨芽細胞、結腸粘膜細胞、網膜細胞および肝細胞癌由来細胞（Hep G2など）、前骨髄性白血病由来細胞（HL60など）を対象とすることができる。各細胞ごとの各GSの出現頻度について、それを図27から図297に記述した。なお図中、patent numberは各GSの対応する配列番号を、sizeは各GSの長さを、Fは各細胞における出現頻度を合計した値を表す。また、hep G2は「hep G2（肝臓細胞癌株）」、HL60は「HL60 promyelocytic cell line（前骨髄球性白血病細胞株）」、granuloは「granulocytoid（顆粒球様細胞、HL60をPMSOで刺激したもの）」、monoは「monocytoids（単球様細胞、HL60をTPAで刺激）」、40w liverは「40w liver（新生児肝臓）」、19w liverは「19w liver（胎生10週胎児肝臓）」、adult liverは「adult liver（成人肝臓）」、lungは「lung（成人肺）」、adiposeは「subcutaneous adipose tissue（皮下脂肪）」、endothelは「primary cultured aortic endothel（大動脈内皮初代培養）」、osteoblastは「osteoblast（骨芽細胞初代培養）」、colon mucosaは「co

lon mucosa (大腸粘膜組織)」、small cell carci
 . は「small cell carcinoma of lung (肺小細胞
 癌)」、retinaは「retina (網膜)」、cerebral cor
 texは「cerebral cortex (大脳皮質)」、adenoca
 rci (lung)は「adenocarcinoma of lung (肺腺
 癌)」、squamous cell ca (lung)は「squamous
 cell carcinoma of lung (肺扁平上皮癌)」、ke
 ratinocyteは「primary cultured keratin
 ocyte (皮膚角化上皮初代培養細胞)」、fibroblastは「pr
 imary cultured fibroblast (繊維芽細胞初代培養
)」、Alzheimerは「Alzheimer temporal l
 obe (アルツハイマー病側頭葉)」を表す。

【0039】

また、「Accession number of target mRNA
 」は配列を含むGenBank Release 79内の各GSとホモロジーを
 有するエントリーのアクセッション番号を、「match%」は該ホモロジーを
 有する配列とGSとのホモロジーの値を、「match size」はホモロジ
 ーを計算した領域の長さを、「match starts at (GS)」はG
 S内のホモロジーを計算した領域が始まる塩基の5' 側からの位置を、「mat
 ch starts at (GenBank)」は、GenBankのGSに対
 応する配列内のホモロジーを計算した領域が始まる塩基の5' 側からの位置を、
 「GenBank target size」はGenBankのGSに対応す
 る配列の全長を示す。なお、図28～図297のカラムは、図27の対応カラム
 と同一の項目で分類されている。

【0040】

また、図27から図297より、各GSを種々分類することが可能である。す
 なわち、特定の細胞あるいは細胞の性質が類似している細胞群（例えば「前骨髄
 性白血病細胞、顆粒球細胞、単球様細胞」群）で出現頻度が高く、そして他の細
 胞（群）では全く出現しないか、あるいはごくわずかしき出現しないGSは、「

特定細胞に固有の機能を担うタンパク質」をコードする遺伝子に対応するGSと考えられる（例えばGS0001553, GS0002047, GS0004895等）。また、あらゆる種類の細胞で共通して発現するGSは、「細胞の生存に必須なタンパク質」をコードする遺伝子に対応するGSと考えられる（例えばGS0000019, GS0000155, GS0000861等）。更に、発現頻度が低いGSも見出すことができる（例えばGS0000013, GS0002399, GS0003155等）。

【0041】

上記のように配列決定したGSは、特定の細胞で発現されるmRNAの存在割合に忠実に反映していると考えられることから、特定細胞のcDNAライブラリー中の各GSの出現頻度を調べれば、各細胞のmRNAの存在割合を知ることができるはずである。

【0042】

そこで、cDNAライブラリー中の各GSの出現頻度と細胞内でのmRNAの存在割合が対応することを確認するために、取得したGSを常法により³²P標識し、以下に述べるハイブリダイゼーションのプロープとして用いた。すなわち、特定の細胞から単離したmRNAに対し、上記³²P標識プロープを通常の下でハイブリダイズさせる。このノーザンハイブリダイゼーションの結果、cDNAライブラリーで出現する頻度が高いGSのプロープを用いると、特定の細胞から単離したmRNAに対し濃いバンドを形成し、GSの出現頻度と細胞内でのmRNAの存在割合が対応することが確認した（実施例5参照）。

【0043】

また、同様に、上記で作成した³²P標識プロープを用いて通常の下で前述のごとく作成したcDNAライブラリーに対してコロニーハイブリダイゼーションを行うと、GSの出現頻度と該GSにハイブリダイズするコロニー数は強い相対関係が認められること（実施例6参照）から、各GSの出現頻度とcDNAライブラリー中のGSの存在割合が対応することを確認した。

【0044】

以上のことから、本願発明のDNAをプロープまたはPCRプライマーとして

用いれば、細胞内のmRNAの状態、ひいてはタンパク質の発現の状態を検出することが可能であることは明白である。

【0045】

具体的には、本願発明のDNAは、疾病を検出・診断するためのプローブ・プライマー、疾病の原因遺伝子・関連遺伝子をクローニングするためのプローブ・プライマー、ウイルス遺伝子をクローニングするためのプローブ・プライマー、細胞を同定・識別するためのプローブ・プライマー、種特異的なプロモーターをクローニングするためのプローブ・プライマー、遺伝子のマッピングをするためのプローブ・プライマーなどとして用いることができる。

【0046】

本願発明のGSを用いて疾病を検出する方法の一例を説明する。図27～図297に示すように、前述の方法により、各組織におけるGSの出現頻度を調べ、各組織毎のGSの出現頻度を比較すれば、それぞれの組織由来のcDNAライブラリーに特異的に存在するGSを見出すことができる。また、様々な組織で共通に発現している蛋白質に対応するGSや、発現の割合の少ない蛋白質に対応するGSも識別することができる。これらのGSを変性したものを適当なフィルター、例えばナイロンフィルター又はニトロセルロースフィルターに固定する。1枚のフィルターに多数のGSを固定したフィルターを用いると簡便である。なお、1枚のフィルターに多数の変性したDNAを固定したフィルターは周知であり、例えば、大腸菌のジェノミックDNAのコスミドコンティグを1枚のナイロンフィルターに固定させた「The Escherichia coli Gene Mapping Membrane 宝酒造 Code No. 9035」などが知られている。特定の組織に特異的なGSを組織毎にまとめたフィルター、種々の組織で共通に発現している蛋白質に対応するGSをまとめたフィルター、発現の割合の少ない蛋白質に対応するGSをまとめたフィルターなどを作成することができる。これらのフィルターに固定した一本鎖GSに対して、被験組織から抽出したmRNAを鋳型に「ランダムプライマー」、「標識したヌクレオチドを含む4種のヌクレオチド」、「逆転写酵素」などによって合成した標識相補鎖断片をハイブリダイズさせる。(mRNAを直接標識したものをハイブリダイズ

することも可能である。) また、別に、正常組織から抽出した mRNA を鋳型に同様の方法で合成した標識相補鎖断片をハイブリダイズさせる。(mRNA を直接標識したものをハイブリダイズすることも可能である。) 予め、各種疾病時の組織におけるハイブリダイズのパターンと正常組織のハイブリダイズのパターンを比較して、各パターンの強度の度合いの相違を類型化しておけば、被験組織のハイブリダイズのパターンと正常組織のハイブリダイズのパターンとを比較し、前記のどの類型に属するかを解析することによって、被験組織がどのような疾病の状態にあるか判定することができる。また、ウイルスの感染も、疾病の検出と同様に検出することができる。

【0047】

次に、本願発明の GS を用いて、疾病の原因遺伝子もしくは関連遺伝子をクローニングする方法の一例を述べる。前述のごとく、GS を変性したものを固定したフィルターに対する、各種疾病時の組織におけるハイブリダイズのパターンと正常組織のハイブリダイズのパターンを比較する。その結果、正常組織におけるハイブリダイズシグナルの強度と疾病時の組織におけるハイブリダイズシグナルの強度とが大きく相違している場合、その GS が病原遺伝子に対応するものであると考えられる。なお、特定の組織に特異的な GS のみをまとめたフィルターをその組織由来の被験組織に用いれば、ハイブリダイズシグナルの強度が大きく相違している GS が見出される可能性が上昇するはずである。また、発現の割合の少ない蛋白質に対応する GS をまとめたフィルターを用いれば、本来はこれらの GS に対するハイブリダイズシグナルのレベルは低いはずであるので、強いシグナルを検出することで、病原遺伝子に対応する GS を容易に見出すことができるはずである。病原遺伝子に対応する GS を見出せば、該 GS をプローブとするジェノミックサザンハイブリダイゼーション等の公知の手法により、該 GS をプローブ・プライマーとして用いて、対応する病原遺伝子をクローニングすることができる。

【0048】

次に、本願発明の GS を用いて、細胞を同定・識別する方法の一例について述べる。図 27～図 297 に示すように、前述の方法により、各組織における GS

の出現頻度を調べ、各組織毎のGSの出現頻度を比較すれば、それぞれの組織由来のcDNAライブラリーに特異的に存在するGSを見出すことができる。これらの「組織特異的GS」をフィルターに固定する。各組織に特異的なGSをまとめてブロック化して固定すれば便利である。（例えば、肝細胞特異的なGSのブロック、大脳皮質細胞特異的なGSのブロックなど。）このフィルターに対して、前述の如く、被験組織・細胞から抽出したmRNAを鋳型に「ランダムプライマー」、「標識したヌクレオチドを含む4種のヌクレオチド」、「逆転写酵素」などによって合成した標識相補鎖断片をハイブリダイズさせる。（mRNAを直接標識したものをハイブリダイズすることも可能である。）組織・細胞の種類に応じて、該組織・細胞で特異的なGS群のみ強いハイブリダイズシグナルが検出されるはずである。なお、組織特異的なプロモーターは「組織特異的GS」をプローブとするジェノミックサザンハイブリダイゼーション等の公知の手法により、該GSをプローブ・プライマーとして用いて、対応する組織特異的に発現する遺伝子をクローニングし、5'上流側を構造解析することによりクローニングすることができる。

【0049】

ここで得られる組織特異的プロモーターは将来の遺伝子治療に有用なものである。

【0050】

すなわち、狭義の遺伝子治療では、患者で欠損している蛋白質を外から遺伝子工学的に補充することを目的とするが、この際、外来遺伝子を希望する組織で、希望する強度で発現させてやることが肝要である。そのためには、特定の組織で、所望の強度で（大半は強い強度が要求される）発現することが判っているプロモーターは、極めて有用である。現在は、しばしばウイルスのプロモーターが用いられるが、これは体内で早期にメチル化等の修飾を受けて不活化される。GSが提供する組織特異的プロモーターは、これらに代わる理想的な材料となる。

【0051】

次に上記のごとく得たGSに基づくプローブを利用して、本願発明のGSに対応するDNAを染色体にマップする方法について説明する。

【0052】

初めに、サザンブロッティングによる方法について説明する。

【0053】

この方法によれば、ヒトの正常な核型を有するリンパ芽球系の細胞（例えばGMO130b）から染色体を分離し、個々のヒト染色体をヒト以外の細胞、例えば齧歯類の動物細胞に導入し、単染色体のハイブリッドセル（monochromosomal hybrid cell）を作成し、常法により大量培養する。次いで該ハイブリッドセルからDNAを抽出し、これらのDNAを各種制限酵素で切断したのち、アガロースゲル中で電気泳動にかけ、次に上述のごとく作成した³²Pで標識したGSをプローブとして用いて、通常の条件下で電気泳動したDNAとハイブリダイズさせる。そして該プローブがどのハイブリッドセルのDNAにハイブリダイズするかを確認することによって、本願発明のGSに対応するDNAが存在する染色体の位置を見出すことができる。各々のGSをラベルしたプローブを用いてヒト全ゲノムDNAを対象にサザンハイブリダイゼーションを行っても各々のGSに対応する単一のバンドが検出されたことから、本願発明のDNAがヒトゲノムDNAに対する好適なプローブとして用いることができることが明らかになった。なお、ヒトゲノムDNAに対する好適なプローブとして使用できれば、ヒトcDNA、ヒトmRNAに対する好適なプローブとして使用できることは明らかである。

【0054】

また、同様に、PCR法を用いることにより、本願発明のGSがどの染色体に存在するか確認する方法について説明する。

【0055】

すなわち、GSの塩基配列の中から、通常の方法、例えばコンピューターソフトウェア OLIGO4.0（National Biosciences社製）により、プライマーとして最も適した塩基配列を選び、常法によりオリゴヌクレオチド（20～24mer）を合成し、プライマーとする。これらのプライマーを用いてPCR法で増幅される部分の長さは50merから100mer程度が望ましい。

【0056】

次いで、上記単染色体のハイブリッドセルから染色体DNAを抽出したDNAをそのまま鋳型として、先に述べたプライマーを適用し、常法のPCR法により増幅する。PCR産物をアクリルアミド非変性ゲルで電気泳動した後、エチジウムブロマイドによって染色し、蛍光を検出することで該PCR産物の長さの確認を行う。

【0057】

これらの操作で、それぞれのハイブリッドセル由来のゲノムDNAを鋳型として正しい長さを有するPCR産物が増幅されるか否かにより、プライマーが由来するGSがどの染色体に存在するかを確かめることができる。

【0058】

以上の操作から、本願発明の各GSに対応するDNAが、どの染色体に存在するかを確認できることが判明した。各々のGSを増幅するプライマーを用いたPCR法をヒト全ゲノムDNAを対象に行っても各々のGSに対応する単一のバンドが検出されたことから、本願発明のDNAがヒトゲノムDNAに対する好適なプライマーとして用いることができることが明らかになった。なお、ヒトゲノムDNAに対する好適なプローブとして使用できれば、ヒトcDNA、ヒトmRNAに対する好適なプローブとして使用できることは明白である。

【0059】

【実施例】

以下、本発明の好適な実施例について説明する。なお、本発明は、この実施例に拘束されるものではない。

[実施例1]

mRNAの標品調製

標準的な手法 (Sambrook et al., Molecular Cloning, 2nd ed. (New York: Cold Spring Harbor Laboratory), vol 1. pp. 7.3-7.36, 1989) により、肝臓癌細胞系 HepG2 (Aden et al., Nature 282, 615-617, 1979) から、細胞質RNAを抽出した。

すなわち、10%のFCSを添加したダルベッコの変法イーグル培地で培養したHepG2細胞を、RNA抽出緩衝液[0.14MNaCl、1.5mMMgCl₂、10mMTriis-HCl(pH8.6)、0.5%NP-40、1mM DTT、1000単位/mlRNase阻害剤(Pharmacia)]中で、ボルテックスミキサーを30秒間使用して溶解させ、その後5分間氷冷した。核及びその他の細胞破壊物を、90秒間、12,000gの遠心分離により沈殿させ、上清をプロテイナーゼKで除蛋白した後、フェノール抽出を行った。次いでRNAは、イソプロパノールを使用して沈殿させ、70%のエタノールで洗浄した。最後にオリゴdTカラム分別法(Aviv et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA 69, 1408-1412, 1972)を用いてポリA⁺画分を収集した。

[実施例2]

ベクタープライマーDNAの調製とcDNAライブラリーの構築

ベクタープライマーの調製に際しては、JM109細胞(Yanisch-Perron et al., Gene 33, 103-119, 1985)内で増幅したpUC19DNAをPst Iで完全に消化し、ターミナルトランスフェラーゼ(Pharmacia)によってポリTテールを添加して、その平均の長さを26にした。このプロセスは、³Hデオキシチミジン三リン酸(Okayama et al., Methods in Enzymology (San Diego: Academic Press), vol. 154, pp. 3-28, 1987)の取り込みにより調べられた。生成物はHinc IIによって消化し、その際生じた短いフラグメントを、セファローゼS-300のクロマトグラフィーによって除去した。次に、Tテールを有するプラスミドをオリゴdAカラムによって精製し、1μg/μlの濃度で、50%エタノール中に保存した。

[0060]

図1は、cDNAライブラリーの作成の概要を示している。各2μgの細胞質ポリA⁺RNA及びベクタープライマーDNAを、0.3M酢酸ナトリウムを含有する70%エタノール中で共沈させ、沈殿物を12μlの蒸留水中で溶解した。第1鎖合成のため10分間76℃で加熱変性した後、5×反応緩衝液を4μl

[250mM Tris-HCl (pH 8.3), 375mM KCl, 15mM $MgCl_2$], 0.1M DTTを2 μ l、並びに、それぞれ10mMのdATP、dCTP、dGTP及びdTTPを1 μ lずつ、37℃に加温したサンプル中に加えた。反応は、200単位の逆転写酵素MMLV-H-RT (BRL) を添加し、37℃で30分間インキュベートした後、反応チューブを氷上に移すことで停止した。次に、第2鎖の合成では、この反応液に92 μ lの蒸留水、32 μ lの5×E. coli反応緩衝液 [100mM Tris-HCl (pH 7.5)、20mM $MgCl_2$ 、50mM $(NH_4)_2SO_4$ 、500mM KCl、250 μ g/ml BSA、750 μ M β NAD] に、それぞれ10mMで3 μ lのdATP、dCTP、dGTP及びdTTP、15単位のE. coliリガーゼ (Pharmacia)、40単位のE. coliポリメラーゼ (Pharmacia) 並びに1.5単位のE. coli RNase H (Pharmacia) を添加し、これを16℃で2時間インキュベートした。反応混合物を、65℃で15分間加熱後、それぞれ20単位のBamHI及びMboIを添加し、37℃で1時間インキュベートした。再度65℃で30分間加熱した後、1×E. coli反応緩衝液で1mlに希釈し、100単位のE. coliリガーゼを添加した。得られた混合物は、16℃で一晩インキュベートし、この反応物を用いて、E. coli DH5のコンピテント細胞 (Toyobo) を形質転換した。形質転換細胞は、アンピシリン耐性に従って選択した。その結果、「3' MboI cDNAライブラリー」が作成された。

[実施例3]

cDNAインサートのPCRによる増幅

プラスミドを有するE. coliコロニーを、125 μ lのLB培地 (Davis et al., Advanced Bacterial Genetics. Cold Spring Harbour (New York: Laboratory), 1980) が入った96穴のプレートに接種し、37℃のチャンバー内で24時間培養した。96穴用ピン式レプリカ培養装置 (Sigma) を使用して各プレート毎にレプリカ培養を行い、後日利用できるようマスター・プレートを作製し-80℃で保存した。一晩37℃で培養した後、これらレプリカの

各ウエルから50 μ lの培養菌液を、ポリカーボネート96穴プレート (Technique) に移した。細菌は、Omni spin H4211ローター (Sorvall) により、1500 rpmの回転速度で5分間遠心分離することによって回収した。次に、菌体を50 μ lの水にもう一度懸濁させ、ミネラルオイル層で覆い、金属バス中、95℃、30分間で溶解させた。細胞破壊物は、前記ローターを3600 rpmの回転速度で30分間運転して、遠心分離をすることにより取り除いた。

【0061】

5 μ lの上清を20 μ lの蒸留水に添加し、ミネラルオイル層下で10分間、95℃で保温した。次に、変性された分離物は、70℃で各プライマー5 pmol、それぞれ5 nmolのdATP、dCTP、dGTP及びdTTP、並びに1.25単位のTaq DNAポリメラーゼ (Cetus) を含む、25 μ lの2×反応混合物 [40 mM Tris-HCl (23℃でpH 8.9)、3 mM MgCl₂、50 mM KCl、200 μ gゼラチン/ml] を70℃で加えて、PCRに供した。この反応混合物を加えた直後に、温度サイクル反応が実行された。このとき、マイクロフュージ・チューブ (PJ1000、Perkin Elmer Cetus) か96穴プレート (PHC-3、Technique) のサーモサイクラーを使用し、最後の伸張プロセスを行わずに、それぞれ96℃で30秒、55℃で1分間、72℃で2分間を35サイクル繰り返した。

【0062】

なお、この方法では、PCR反応に適したプライマーを選択することが、非常に重要である。そのため、適当なプライマーを選択するために、それぞれ予測T_mが60℃を超える次の組の被験プライマーを用いて予備実験を行った。

【0063】

即ち、市販されている24量体プライマーと同じプライマーであるFW (-47) 及びRV (-48) のプライマーの組；塩基配列決定用プライマーの中でも長いプライマー (21量体) であるFW (-40) とRV (-29) のプライマーの組；さらに3' 末端におけるトリプレットの配列がFW (-40) の配列と同じであるが、方向が異なるプライマーであるRV (-71) 及びRV (-14

) プライマーが試験された (図 2 A)。

【0064】

前記各種プライマーを組み合わせて行った試験の多くのサンプルで、期待された主要生成物の他に、短いアーティファクト生成物が出現した (図 2 B, アーティファクト生成物は矢印で示した)。これらのアーティファクトは、プライマー濃度もしくは基質濃度を低下させたり、アニーリング温度を上昇させると減少するが、いずれの場合も、主生成物の収率が不十分なため、濃縮を行わないと、塩基配列決定反応の鋳型として供給することはできなかった。

【0065】

しかし、SW (-40) 及びRV (-14) の組からは、アーティファクトが生成されなかった (図 3)。この組を用いて、更に試験を行ったところ、再現可能な結果が得られることが判明した。任意に抽出した cDNA クローンでも同様の結果が得られた。本実施例においては、プライマーとして全て SW (-40) 及びRV (-14) の組を用いた。

【実施例 4】

DNA 塩基配列決定

PCR 反応生成物を、攪拌しながら、リボアフィルター (VS0.025 μ m) により、TE (10 mM Tris \cdot HCl (pH 8.0)、1 mM EDTA) に対して 90 分間滴下透析した。直径 150 mm のフィルター 1 個で、48 個のサンプルを容易に処理できる。それ以上の精製をせずに、色素で標識したプライマーを使用して、サイクルシーケンスプロトコール (Applied Biosystems, 1991) に従ってサンプルの塩基配列を決定した。ジデオキシシチジン塩基配列決定反応では、2 μ l の透析後の PCR 反応生成物 (約 0.2 pmol の鋳型 DNA) を、0.4 pmol の FAM M13 (-21) プライマー (Applied Biosystems) Tris-HCl (160 mM, pH 8.9) 溶液に、40 mM (NH₄)₂SO₄、10 mM MgCl₂、50 μ M dATP、12.5 μ M dCTP、75 μ M 7-deaza-dGTP (Boehringer Mannheim Biochemicals)、50 mM dTTP 及び 0.8 単位の Taq ポリメラーゼ (Perkin Elm

er Cetus)を含む $3\mu\text{l}$ の反応混合物に加え、サーモサイクラー (PHC-3、Techne 英国) を使用して、 $15+15$ (95°C 30秒、 60°C 1秒、 70°C 1分及び 95°C 30秒、 70°C 1分) の反応サイクルを行った。他の3種類、即ちジデオキシグアノシン、ジデオキシアデノシン及びジデオキシチミジンに関する配列決定反応を、ジデオキシグアノシンとジデオキシチミジンの両反応については全成分を倍量使用したこと以外は、同じやり方で並行して行った (TMRA、JOEおよびROXの各プライマーは、それぞれApplied Biosystemsによって提供された)。4サンプルのセットを 4°C まで冷却し、プールした後に、エタノールで沈澱させ、ホルムアミド/50mMEDTA (V/Vで5/1) の溶液 $6\mu\text{l}$ 中に懸濁させ、シークエンスゲルにロードし、DNAオートシーケンサー (モデル373A ver 1.0.1, Applied Biosystems) で解析した。

[実施例5]

cDNAライブラリー内の各GSの出現頻度へのmRNA濃度の反映

3' 領域cDNAライブラリーが、HepG2細胞中のmRNA集団の偏った分布をとっているのではないことを確認するため、無作為のcDNAの選別によって重複してクローニングされたクラスから4つのcDNAクローン (EP-1 α 、 α -1-アンチトリプシン、hnRNPコアタンパク質A1及びインター α -トリプシンインヒビター) のインサートを放射標識し、これらをHepG2細胞からのポリA⁺mRNAのノザン解析におけるプローブとして使用した。

(結果は、図4A-Dに示され、Fに要約されている。) 4つのmRNA種のバンドの相対的強度から、それらの相対的比率が夫々52、24、1及び1.2 (Fのレーンiii) であることが判明した。次に、同一のプローブセットを用い、8,800クローンから成る同じcDNAライブラリーで各プローブとハイブリダイズするコロニーの数を測定した (図4e)。

[0066]

クローンの頻度は、307、128、7及び9で、即ち、相対比率は、それぞれ、44、17、1及び1.3であった (f内のレーンiv)。これら2種類の推定値は一致し、このcDNAライブラリーがmRNA集団の分布に偏りのない

標品であることが実証された。この比率は、同じ細胞から作成したmRNAの別の標品を試験したときにも、実際的には変わらなかった。

【0067】

なお図4は、3' 指向cDNAライブラリー中のcDNAクローンの出現頻度とmRNAの組成の一致を示す図である。そのうち図4AはHepG2細胞から得られた2 μ gのポリA⁺RNAを、エチジウムブロマイド(5 μ g/ml)を含有するホルムアミドアガロースゲルのレーン1-4で電気泳動にかけたものにUV照射し写真撮影した図である。レーン5は、サイズマーカー(Kb)として使用したRNAラダー(BRL)を示したものである。図4Bは以下の³²P標識の3' 特異的cDNAプローブを使用して、ノザンプロットを行った結果である。各レーンにはEF-1 α (レーン1)、 α 1-アンチトリプシン(レーン2)、HnRNPコアプロテインA1(レーン3)、インター- α -トリプシン・インヒビター(レーン4)がロードされている。また図4Cは2%アガロースゲル中で、非標識のcDNA断片、即ち、延長因子-1 α (レーン1)、 α 1-アンチトリプシン(レーン2)、HnRNPコアプロテインA1(レーン3)、インター- α -トリプシンインヒビター(レーン4)をそれぞれ1pmolずつ電気泳動させ、写真撮影した図である。図4Dは同じ放射活性プローブセットを使用した、図4Cからプロットしたフィルターのサザン解析である。レーン5は、基準1kbラダー(BRL)の移動パターンを表している。これらスクリーン像の普通記録を、Bに関しては8時間、Dに関しては1時間の時点で作成した。各バンドにおける放射能は、シンチスキャナー(β -603; Betagen)で直接測定し、Fの第1行と第2行に記載した。観察されたバンドの強度は、図4Dのバンドの強度(Fの第2行の値)を基準として補正し、さらにプローブ3(HnRNPコアA1, レーン3)の値を1としてノーマライズした(Fの第3行の値)。これらの値は、mRNAの元の標品の各mRNA種の相対的含有量を表している。図4Eは4つの放射性プローブから成る同じセットを使用し、3' 指向cDNAライブラリーの8,800コロニーが含まれている膜を用いたコロニーハイブリダイゼーションである。正のコロニー数がFの第4行に記載され、その値はプローブ3(HnRNPコアA1, レーン3)の値を1としてノーマラ

イズした（Fの第5行の値）。なお図4のB、D及びE中の各数字は、（F）内の各プローブ番号を表している。図4 Fにおいて、第3行の値と第5行の値すなわち（i i i）と（v）の間に顕著な一致が見られることがわかる。

〔実施例6〕

cDNAライブラリーの構成比

cDNAライブラリーの組成を更に解析するため、無作為のcDNAの選別によって重複してクローニングされた配列グループ（グループI）と1回だけクローニングされた配列グループ（グループII）から、それぞれ7個と10個のクローンを選択し、これらのインサートをコロニー・ハイブリダイゼーション用の放射標識プローブとして使用した（図6）。各々のグループIプローブとハイブリダイズしたコロニーの出現頻度は、無作為にクローニングをした時に各プローブを含むcDNAがクローニングされる頻度とよい相関を示した。その頻度は約3.5%～約0.1%であった。このことから、ライブラリー集団のほぼ52%が173種からなる重複してクローニングされた配列グループで構成されていると推定された。一方、グループIIの中からの8プローブを試験した結果、スクリーニングされた26,400中に18のポジティブ・コロニーが識別され、ハイブリダイズしたコロニーの全コロニーに占める割合の平均値は0.007%であった。2つのプローブは、26,400個のコロニー中のいずれに対してもハイブリダイズせず、平均頻度は0.004%未満となった。従って、グループIIの10プローブとハイブリダイズするコロニーの平均出現頻度は、グループIの最低頻度より数桁低い結果となった。

【0068】

結果を図5にまとめた。3'領域HepG2 cDNAライブラリーにおける種々のcDNA種の出現頻度を示すものである。この図5において、7個のcDNAプローブ（a15からtb042）は重複してクローニングされたグループ（グループI）中の162のcDNAから、また、10個のcDNAプローブ（S155からs632）は一回だけクローニングされたグループ（グループII）中のcDNAから無作為に選ばれた。カラムA、BまたはCについて、各cDNAは放射標識し、982個（A）、8,800個（B）あるいは26,400個

(C) のコロニーのコロニー・ハイブリダイゼーションテストのプロープとして用いた。なお、NTは検査しなかったことを示す。また、この図に挙げられている17個のクローンのDDBJエントリー名は、HUM000A15、HUM000C321、HUM00TB038、HUMHM01B02、HUM0C13A04、HUMHM02D02、HUM00TB042、HUM000S155、HUM000S159、HUM000S639、HUM0005170、HUM000S154、HUM000S167、HUM000Sb45、HUM000S647、HUM000S632である。

〔実施例7〕

塩基配列決定の確度の解析

本明細書中の配列データはすべて、プラスミドインサートをPCR法により増幅し、次いでTaqポリメラーゼを使用してサイクルシーケンス法を行うことによって得られたものである。これらの配列データのうち、データベース中に極めて類似した配列が見つかったもののうち60のクローンの配列におけるデータベース中の配列との相違を調べた。その結果、クローニング部位から1～100bpにおける確度は98.7%であり、この部分でプライマー又はプローブを設計した場合、ほとんど誤りを含まない完全に近いものが得られること、また万が一誤りを含んだとしてもプライマーやプローブとして使用する場合には機能的に問題がないものが得られることが判明した。

〔実施例8〕

PCRを用いた各GSのマッピング

<cDNA配列>

cDNAライブラリーは、DMSO処理されたHL60細胞のmRNAから作製された。3'領域cDNAライブラリーの作り方や、その配列の決定の方法は実施例1～4に示した方法と同じである。

<PCRプライマー>

プライマーの設計は、コンピュータソフトウェアOLIGO4.0(ナショナルバイオサイエンス)で行われ、分子間もしくは分子内の2次構造の形成はできるかぎり除去されている。プライマーの設計に加えて、オリゴヌクレオチド配列

のローカルデータベースや合成機への転送は、ネットワークとリンクしているマッキントッシュコンピュータを使って半ば自動化されている。DNAオリゴマーは、40 nmolスケールで自動DNA合成機（モデル394、Applied Biosystems）によって合成した。合成されたオリゴマーは、これ以上の精製をしないでPCRプライマーとして使用した。

<ゲノムDNAの調整>

ヒトゲノムDNAは正常な核型を有するリンバ芽球様細胞系GM0130bから採取した。

【0069】

マウス及びチャイニーズハムスターのゲノムDNAは、Clontechから購入した。マッピングパネルに使用される単一染色体ハイブリッド細胞は、通常使用されている公知のものを用いた。即ち、第3, 4, 9, 11, 12, 13, 15及び22染色体並びにY染色体はヒト・チャイニーズハムスター単一染色体ハイブリッド細胞に含まれていて、第1, 2, 5, 6, 7, 8, 10, 11, 12, 14, 15, 16, 17, 18, 19, 20及び21染色体並びにX染色体はヒト・マウス単一染色体ハイブリッド細胞A9シリーズの中に含まれている。ハイブリッド細胞の確認は、in situハイブリダイゼーションによって行った。

<PCRによる増幅>

PCRは、標準的なプロトコール (Saiki et al., Science 230, 1350-1354, 1985) に従って行った。全量を20 μ lとし各10 pmolのプライマーを用い、Perkin-Elmer 9600サーマルサイクラーにより、94℃で30秒、アニーリング温度で60秒、72℃で90秒、を35サイクル行った。アニーリング温度はプログラムOLIGOによって算出された“optional annealing temperature”によって決定した。

<PCR産物の分析>

PCR産物は300Vで1時間、非変性8%ポリアクリルアミドゲル（アクリルアミド：ビス-アクリルアミド=19：1，厚さ1mm）で泳動し、続いて、

0. 25 μ g/ml エチジウムブロマイドを含んだ90mM Tris-ホウ酸、2mM EDTA緩衝液に15分浸漬して染色した。増幅した産物の大きさは、10bpのDNAラダー(BRL)と比較して決定した。蛍光の検出は、レーザー蛍光画像分析機(FM-BIO, HITACHI Software Engineering)を使用して行った。この画像データは、分析のためにコンピュータに転送した。

<PCR産物の分析結果>

顆粒球様細胞から得られた3'領域DNA中のGSののうち、GenBank Release 76にエントリーされている配列とマッチしなかったGS 195個を選び、次いでPCR用のプライマーを設計した。

【0070】

この195セットのプライマーセットを用いてヒトの全ゲノムDNAを鋳型としてPCR増幅を行った。195個のプライマーセットの中で、191個(98%)は、予想したサイズと5ヌクレオチド以内しか相違しない産物を生成した。結果を図6～図10にまとめた。なお、図中の記号は次の通りである。即ち、

GS ; ジーン・シグニチャー

CN ; クローン名

Chromosomal position ; 各GSがマップされた染色体番号

Sequence of primers ; プライマーの配列 (Sense ; センス鎖, Anti-sense ; アンチセンス鎖)

AT ; アニール温度

HO ; 全ヒトゲノムDNA (ヌクレオチド) を持つPCR産物の実際の塩基長

HE ; 全ヒトゲノムDNA (ヌクレオチド) を持つPCR産物の予想塩基長

MO ; マウスゲノムDNA (ヌクレオチド) を持つPCR産物の塩基長

CO ; チャイニーズハムスター・ゲノムDNA (ヌクレオチド) を持つPCR産物の塩基長

G ; 顆粒細胞様細胞(DMSO処理HL60)のcDNAライブラリーにおける1000個のクローン分析後のGSのヒット数

T ; DMSOあるいはTPAによる誘導の有る無しのHL60細胞の3つの
cDNAライブラリーから得られた全3000個のクローン分析後のG
Sの総ヒット数

疑問符号（“？”）は、PCR産物が明白なバンドを生じないことを表す。

【0071】

“M”及び“C”は、それぞれマウス又はチャイニーズハムスターのDNAを
鋳型として反応を行った場合と区別出来ないバンドが生じたことを示す。

【0072】

cDNA配列から無差別にPCRの鋳型となるサンプルを選んでも、PCRの
全般的成功率は191/195（98%）であったことから、この実験で使用し
たcDNAライブラリーは質的に信頼できるものであり、また、塩基配列分析及
びプライマー設計が適切に行われていたことが判明した。一方、cDNA配列中
のイントロンの存在によって生じるPCR失敗の可能性は、GSを用いて実験す
る場合は無視し得ると考えられる。イントロンは脊椎動物の遺伝子のpolyA
に近い3'領域にはほとんど存在しないからである（wilcox et al.
., Nucleic Acids Res. 19, 1837-1843, 1991）。このことは、ランダムプライマーによるcDNAライブラリー（Adam
s et al., Science, 252, 1651-1656, 1991）
あるいは5'領域cDNAライブラリーから得られた断片的なcDNA塩基配列
の利用と比較しても、非常に有利である。

【0073】

<GSの染色体へのマッピング>

ヒトの全DNAからのPCR産物を生成した191個のプライマー対は、単一
染色体ハイブリッド細胞パネルを使ってcDNAの部分配列がいずれの染色体に
存在するかを知るために用いられた。少なくとも119個は1つの染色体にマッ
プされることが判明した。一例として、図11に示されているGS001418
は第3番染色体にマップされた。いくつかのクローンについては、余分な産物が
得られ、それらのうち幾つかは同じ染色体に、一方、他のものは別の染色体に割
り当てられた。一例としてGS001457のパターンが図12に示されている

。62個(33%)のクローンが2つ以上の異なった染色体で期待通りのPCR産物を生成した。35例(18%)では、バックグラウンドの齧歯類のゲノムDNAと区別がつかない大きさのPCR産物を生成した。これらのうち21のクローンは、マウスやチャイニーズハムスターのDNAと区別のつかない産物を生成した。10のGSは、ヒトの全ゲノムDNAからの予期されたPCR産物が観察されたが、単一染色体細胞パネルDNAによる期待のPCR産物は生成しなかった。この10のケースについては、ハイブリッドセル内で小さな欠失が生じていたと考えられる。HepG2cDNAライブラリーから得られた5つのクローンについては、サザンブロット分析でも解析された。5つのクローンのうち4つはPCRの結果と一致した(GS000053, GS000120, GS000271, GS000279)。サザンブロット法で弱いシグナルによって不確実ながらY染色体に割り当てられた1つのクローン(GS000228)は、PCRによって第11染色体にマップされた。

【0074】

[実施例9]

サザンブロッティング法を用いた各GSのマッピング

<細胞株>

全ヒトゲノムDNAはヒトの正常の核型のリンバ芽球状細胞株GM0130bより単離した。マッピングパネルに用いた単一染色体を持つハイブリッド細胞は図15に示した。Koiら(Koi, M. et al., Jpn. J. Cancer Res. 80, 413-418, 1989)により記述されたようにハイブリッドA9(neo-x)-yは鳥取大医学部のM. Oshimura博士により名付けられ、3世代継代した後凍結した。染色体の欠落や再編成が細胞の集団中のこの時期に起こる可能性がある。GMシリーズは国立医科学研究所(NIGMS)の変異体細胞貯蔵センター(Camden, NJ)より得た。液体窒素中で保存後にハイブリッド細胞中で染色体が元通り保持されているかを確かめるために分裂中期にあるハイブリッド細胞細胞をビオチン化したヒト全DNAをプローブにしたin situハイブリダイゼーション(Durnam, D. M. et al., Somatic. cell Mol. Genet. 11, 57

1-577, 1985) により調べた。元通りの、あるいは転座したり断片化したヒト染色体はこの方法により容易に検出された。ハイブリッド細胞マッピングパネルにおいては、第11, 12, 15染色体は各細胞株 $\Lambda 9$ (neo-11)-1, $\Lambda 9$ (neo-12)-4, $\Lambda 9$ (neo-15)-2のもので、それらの染色体は各々ハイブリッド細胞株GM10927 Λ , GM10868, GM11418によるものもある。

【0075】

<ゲノムDNAの単離とサザンブロッティング>

高分子量DNAは細胞よりドデシル硫酸ナトリウム (SDS) とプロテネースKを用いて抽出し、続いてフェノールクロロホルムより抽出し、エタノール沈澱を行った。DNAは制限酵素EcoRI, BamHI, BglIIの内の2つを組み合わせで一晩切断し、そのうちの約5マイクログラムを0.8%アガロースゲル中で電気泳動し、ハイボンドN+メンブレン (Amersham) に0.4N水酸化ナトリウムでトランスファーした。メンブレンは2xSSC中で濯ぎ、4℃で保存した。

【0076】

150塩基対以上の長さを持つ新しい配列のクローンをプローブとして選んだ。それらのクローンのcDNAの挿入部分をPCRで増幅した。PCR産物は2%低融点アガロース (ヌーシブ: シープラーク、3:1) 中の電気泳動により分離した後切り出した。アガロースはゲルを65℃で溶かして、ベーターアガラゼI (Bio-Labs) を用い40℃1時間で消化して除いた。プローブは市販のキット (Amersham) を用いたランダムプライミングにより [α - 32 P] dCTPで標識した。ハイブリダイゼーションは65℃で6xSSC, 1xデンハルト溶液、0.5% SDS, 超音波破碎をかけて変性させた0.1mg/mlのサケ精子DNAを含む高塩濃度緩衝液中で行った。メンブレンは2xSSC, 0.1% SDS中で65℃で30分間洗った後、0.1xSSC, 0.1% SDS中で65℃で30分間洗い、フジBAS-2000イメージアナライザーを用いて解析した。

【0077】

<ゲノムDNAを用いた解析>

実施例1、実施例2に記載した3'末端を持つHepG2由来のcDNAライブラリーから公知でないGS160クローンを選別しサザンプロットのプロープとして用いた。

【0078】

ヒトの全ゲノムDNAは正常の核型を持つGM0130b細胞株より単離し、制限酵素EcoRI, BamHI, BglII単独あるいはその組合せで切断した。プロープとして用いたGSクローンは3'末端を持つcDNAであった。これらの各cDNAはポリ(A)と最も近いMboI部位(GATC)の領域を含み(Okubo, K. et al., Nature Genetics, 2, 173-179, 1992)、BamHI, BglII部位を持たない。加えて、平均の長さは270塩基対なのでcDNA部分にEcoRI部位を持つ可能性は高くない。事実、解析した160クローンのうち7クローンしかEcoRI部位を持っていなかった。

【0079】

切断したヒトのゲノムDNAをトランスファーしたメンブレンを、放射標識したGSプロープでハイブリダイズし、厳しい条件で洗った。タンパク質をコードする領域はモチーフを持つ傾向があるのに対し、cDNAの3'末端領域は一般に固有の配列を持つので、無関係のcDNA配列によるクロスハイブリダイゼーションはそのような厳しい条件下では起こりにくい。ハイブリダイゼーションの結果の例は図13から図14に示してある。クローンs503とs632(図13のa, b; junk)は固有の一本のバンドを生じたものの例である。以下に示すように、67クローンがこのクラスに属していた。バンドのパターンから、GS配列の制限酵素部位に対する相対的な位置を推定した。クローンs311(図13のc; GS000092)はEcoRI単独およびEcoRI+BamHIの切断DNAに対して単一のバンドを示したが、他の二つの制限酵素による同時切断においては2本の異なった大きさのバンドがみられた。従って、このような同時切断によって多重に存在するGSの解析が可能になった。同様の結果はクローンc13a08(図13のd; GS000055)で得られた。このクロー

ンではEcoRI単独およびEcoRI+BamHIの切断DNAでは2本のバンド、EcoRI+BglII, BamHI+BglIIでは4本のバンドがみられた。一方、クローンs479ではEcoRI単独では4本のバンドがみられたが、EcoRI+BglII, BamHI+BglIIではバンドの数が減少した(図14のe; GS000180)。これらの結果はハイブリダイズする断片の最大の数明らかにするためには、いろいろな方法でDNAを切断すべきであることを示している。我々の解析から41, 10, 7, 19個のクローンが各々2, 3, 4, 5本以上のバンドを含むことが示された。クローンs14f01とtw1-46(図14のf, g; GS000407とjunk)は各レーンに少なくとも10本以上のバンドを含んでいた。EcoRI部位は2つのGS配列に存在していないので、バンドが何本も出ることはこれらの遺伝子が重複して存在することを表していると考えられる。クローンkmb07は厳しい条件でよく洗った後でもスメアのパターンを示しており(図14のh; junk)、このプローブはこれまでに同定されていない反復配列を持っていることを示唆している。

【0080】

<染色体へのマッピング>

齧歯類の染色体に加えて単一のヒト染色体を持っている単一染色体ハイブリッド細胞のセットを集めた(図15)。13の細胞株はKoiら(Koi, M. et al., Jpn. J. Cancer Res. 80, 413-418, 1989)によって確立されたマイクロセルハイブリッドでそのほかはNIGMSより得た。ビオチン化した全ヒトDNAを用いたin situ ハイブリダイゼーションによってこれらの細胞株でのヒト染色体を調べた結果も図15に示してある。

【0081】

GSはハイブリッド細胞マッピングパネルを用いて染色体へマップした。3種類のメンブレンを調製した。各々のメンブレンはハイブリッド細胞より調製したDNAを持っており、EcoRI単独、EcoRI+BamHI, BamHI+BglIIで切断してある。これら3種類のメンブレンの中で、全ゲノムのサザ

ンプロットの結果にしたがって最大の数のバンドを生じたメンブレンを各GSプローブに用いた。ハイブリダイゼーションの結果の例は図16から図22に示してある。各レーン上の数字は各ハイブリッドセルが保持するヒト染色体の番号を、Hはヒト全染色体を示す。クローンs14g02 (GS000152; 図16) はEcoRIで切断した全ヒトDNAで一本のハイブリダイゼーションのバンドを示すが(lane H)、それに対応するバンドはヒトの第4染色体を含むハイブリッド細胞株についてのみ見られた。従ってこのGSは第4染色体上に位置する。

【0082】

クローンs650 (GS000041; 図17) は、EcoRI+BamHIで切断したメンブレン上で特有の7.5kbのバンドを示し、12番染色体上に割り当てられた。しかしながら、EcoRI単独で切断したDNAではヒト特異的断片とげっし類とのクロスハイブリダイズした断片が重なったために、レーン3, 4, 9, 13, 22にみられる単一ではあるが短い断片(1.3kb)は、チャイニーズハムスター中の相同なDNA配列を表し、他のレーンの3.3kbのバンドはマウス中の相同なDNAを表す。

【0083】

クローンhm01e01 (GS000181; 図18) はEcoRI単独で切断した全ヒトDNAで2本のバンドを示し、それに対応するバンドはレーン1と2で見られた。従って、この遺伝子ファミリーの二つのメンバーがこの2本の染色体上に位置している。

【0084】

図19はクローンc13a08 (GS000055) がBamHI+BglIIあるいはEcoRI+BglIIで切断した全DNAに対して4本のバンドを含むことを示している。一方、EcoRI単独あるいはEcoRI+BamHIで切断したヒトDNAでは2本しかバンドはみられない。従って、BamHIとBglIIとで切断したDNAのパネルをこのクローンに用いた。2本のバンド(12.3kb, 7.5kb)がレーン7に見られ、5.2kbのバンドはレーン2、3.2kbのバンドはレーン17に見られた。チャイニーズハムスター

DNAとクロスハイブリダイズする2本のバンド(6.0 kb, 3.8 kb)はレーン3, 4, 9, 13, 22にみられ、マウスのDNAとクロスハイブリダイズする単一のバンド(3.5 kb)は他のレーンに見られた。

【0085】

クローンs479 (GS000180; 図20)はEcoRIで切断した全ヒトDNAに対し4本のバンドを示した。EcoRIで切断したDNAのパネルを用いたハイブリダイゼーションの結果、10.5 kbのバンドがレーン7, 19に、8.5 kbのバンドがレーン8に、7.8 kbのバンドがレーン11, 12に、3.5 kbのバンドがレーン11に見られた。従って、ヒト特異的遺伝子は第7, 8, 11, 12, 19染色体中に分散している。この中で、10.5 kbと7.8 kbのバンドは2つの大きさの重なったDNA断片よりなる。レーンHにみられるように、これらの重複した断片のバンドは通常バンドよりも濃い。レーンH中及びレーン11中の3.5 kbのバンドも濃いことから、このバンドも重複した断片からなることを示唆している。

【0086】

クローンs173 (GS000094)はEcoRIで切断した全DNAで5本のバンドを示す(図21)。4本のそれに対応した断片は4.5 kbのバンドの一つをレーン1に含んでいた。もう一つの4.5 kbのバンドはレーン4でみられ、レーンH中のバンドが重複していることを示している。さらに、濃い3.1 kbのバンドがレーン17でみられた。

【0087】

クローンhm01g02 (junk; 図22)は全DNAと単一染色体とのハイブリッドで多数のバンドがみられた。このクローンは多重関連遺伝子ファミリーを表しているに違いない。また、このクローンは齧歯類の相同遺伝子と保存された配列をもち多数のバンドを生じる。大部分のヒト特異的及び齧歯類のバンドは重複するので、染色体のマッピングはできなかった。制限酵素の組合せを変えても重複した断片の解析はできなかった。

【0088】

160種類のGSについての全ゲノムDNA解析及び染色体へのマッピングの

結果を図23～26に要約した。4種類の異なった切断を行ったヒトDNAを用いた全ゲノムDNA解析から、67クローンが1本のバンドのグループに、41クローンが2本のバンドのグループに、10クローンが3本のバンドのグループに、7クローンが4本のバンドのグループに、19クローンは5本以上のバンドのグループに分類された。9クローンは今回のハイブリダイゼーションの条件ではバンドがみられなかった。

【0089】

2本のバンドのグループ中のクローンの割当から、そのうち15クローンにおいて2つの遺伝子が異なった染色体上に位置しており、クローンs317を含む遺伝子は同一染色体上に位置することが示された。3本のバンドのグループのクローンs308(GS000412)とs401(GS000224)は、2本の断片が同一染色体上に位置しており、クローンhm05g02(GS000209)とs17a10(GS000294)は異なった染色体上に位置することを示した。4本以上のバンドがみられるクローンは染色体中で比較的分散した分布を示した。

【0090】

以下、本願発明に係るGSの配列を記した配列表を示すが、この配列表において、クローン名「HUMGS.」は、GSナンバーを表わす。

【0091】

【配列表1】

配列番号： 1
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00001
 配列：
 GATCTTCAAA CAAGCATCAG CGTTTCCAG GGCTTCCCAG AAGTCTGTGC GACTAGCCCG 60
 TGTCTATCAA AAGTTATTAG AGAGGATGAA GCATTAGCTT 100

配列番号： 2
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00002
 配列：
 GATCTTAAA ATACACACTC AAATCAAGAA ACTTAAGGT ACCTTTNTTC CCAAATTTCA 60
 TACCTATCAT CTTAAGTAGG GACTTCTGTC TTCACAACAN 100

配列番号： 3
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00003
 配列：
 GATCTAACTG GGTACCTGAG ATATTTNACA GCTGGACCTA GTTTCACAAT CTGTTGTCTC 60
 CAGCTCTGCA TATGTCTGGC CAGGGGGCTT CTAGGAAGTA 100

配列番号： 4
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00004
 配列：
 GATCTGCCAG GCTGGGGTGT TTTGGGTATC TGCTGTTTAC AGCTCTCCAC TGTAAATCCGA 60
 ATACTTTGCC AGTGCCTAA TCTCTTTGGA GATAAAATTC 100

配列番号： 5
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00005
 配列：
 GATCAAGCTC AAGAATAAGC TGAAATATGG CCAGACTATC AGGCCCATTT NTCTCCCCTG 60
 CACCGAGGGA ACAACTCGAG CTTTGAGGCT TCCTCCAAT 100

配列番号： 6
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00006
 配列：
 GATCTCTGCT ATTTTANCCC CCCAAATAAG TTATTTGTCC TTTAAGGTTG GTTACNNATA 60
 ATACCCCTCA GTAAGATTCC AGTATTAATT TCTGGGCAGT 100

【0092】

【配列表2】

配列番号： 7
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00007
 配列：
 GATCAAACCA AAGGAAAAGT GTTGCTAGAG AAAATTGGGG AAAAGGTGAA AAAGAAAAAA 60
 TGGTAGTAAT TGAGCAGAAA AAAATTAATT TATATATGTA 100

配列番号： 8
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00008
 配列：
 GATCGCTTCC TAGAAATAAG CAACACCTCT CCCAAAAAGC AGCCCACAAG GCAGGGGCCA 60
 GCAGCCCAGC CATCACTCAT CTTNAGGAA ATNAGTTGGT 100

配列番号： 9
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00009
 配列：
 GATCTTCANN NGTTAAGCAC TTGCTCTNAA GATTAAAAATT CCTTTTCTTT TTAAGGTAA 60
 GGGTGTGTAC GTATGGCAGT GATGTCTATG TTGAGATTAA 100

配列番号： 10
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00010
 配列：
 GATCAGGGGA GACCCCAACT GCCAGATATA TTTTAATGTA CAAAACTGAA ACCAGATGAA 60
 ATAATGTCTT GTCACGTGAA ATATTTAAGT ATATAGTATA 100

配列番号： 11
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00011
 配列：
 GATCAACAAA AGATAAACAA ATTTGCACGG AATACAAGTA GAATCACAGA GCTGAAGGAA 60
 GAAATAGAAG TAAAAAAGAA ACAACTCCAA AACCTAGAAG 100

【0093】

【配列表3】

配列の長さ: 12
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00012
 配列:
 GATCGACAGA CCTGAAGCCA TCAGTGAAGA GAGGTTGCCA GAGATGTTTG GTTTATATGG 60
 TCAGACAACA GGAAAGGGGA GTATATCTCT GAAAGAACTG 100

配列番号: 13
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00013
 配列:
 GATCTAATGG AAGCAAGCCA ACTGTGTAGC ATGGACTCGA AAGCAAATAT TGTACATGGT 60
 CTATCAGTCT TCGAAATCTG TCTTATAATA GCAATGAAAC 100

配列番号: 14
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00014
 配列:
 GATCTTCCAA AGCACTATTT GTTGTAAATA CTTTTCTAAA TGTAGTGCCT TTAAGGAAA 60
 AATGAACACA GGAAGTGAC TTGCTACAA ATAATGTTGC 100

配列番号: 15
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00015
 配列:
 GATCGTNCTG CAGTGGGAGC GTGTGACTGC GGAAGTTGTG AAGCCACGGG AACTCGGAG 60
 CCTAGAGCAG CAGCTCAGC GTTCTATGGG AAGCGGTCTC 100

配列番号: 16
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00016
 配列:
 GATCAGCCCA GAGGAATGCT GAGAAATCAC CTGGAGGAGG GAGCAGAAAG AGAAGGTTTT 60
 TAAGGAGGGG CTTCTGAATA CTTGGGAGAT ACGGAACGGA 100

配列番号: 17
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00017
 配列:
 GATCAAAACA GTCTCACCAG CACCATATCC ACATTCTAGC CCATGGAAAG GGTAAGAAA 60
 AGAAAGTGGA AGATATTAGT TTCCATTTAA GGAAGTGACA 100

【0094】

【配列表4】

配列番号： 18
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00018
 配列：
 GATCTTACCC GTGACAAAAT GTGTTCCATG GTCAAAAAAT GGCAGACAAT GATTGANGCT 60
 CACGTTGATG TCAAGACTAC CGATGGTTAC TTGCTTCGTC 100

配列番号： 19
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00019
 配列：
 GATCGCCGTT CTGGTAAAAA GCTGGAAGAT GGCCCTAAAT TCTTGAAGTC TGCTGATGCT 60
 GCCATTGTTG ATATGGTTCC TGGCAAGCCC ATGTGTGTTG 100

配列番号： 20
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00020
 配列：
 GATCAGCAGG GTTCTTTGTA AATAGTATTT TGAGACACTA AGATGTTTCT ACTGCTACGG 60
 AATGTATTTT AAACACATAT CGTTTCTTTT TCTTGGAAAA 100

配列番号： 21
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00021
 配列：
 GATCTGGTAC GAGTGTGTGA AAACATCCCC ATTGTGTTGT GTGGCAACAA AGNGGATATT 60
 AAGGACAGGA ANATGAAGGC GAAATCCATT GTCTTCCACC 100

配列番号： 22
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00023
 配列：
 GATCGATACA TGCAAATTTA ATGTAGTAAC TCACITTTCC ATATATTTT AATGTATATT 60
 TCTATTTATG AATACCAATT TATAAAAAAT AATTACACAG 100

配列番号： 23
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00025
 配列：
 GATCTTCCAA AGCACTATTT GTTGTAAATA CTTTNCATAA TGTAGTGCCT TTAAGGAAA 60
 AATNAACACA GGAAGTGAC TTTNCTACAA ATAATGTTGC 100

【0095】

【配列表5】

配列番号： 24

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00026

配列：

GATCTCTATC CAGTTGGACA CTTAATTGCT TTCTTCATTC AGAAAGATAG TCATGTTTAC 60
TGGTATATTT GGTCACTCTT AGAACCTGTC CTTACATAT 100

配列番号： 25

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00028

配列：

GATCCTGGAA TATGTCGAGG TTATATTACC AGGTATTTTT ATAACAATCN GACAAAACAG 60
TGTGAACGTT TCAAGTATGG TGGATGCCTG GGCAATATGA 100

配列番号： 26

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00029

配列：

GATCTACACT TGGATGGATG CAACTTTGAA AGAACTGACA AGTTTAGTAA AAGAAGTCTA 60
CCCAGAAGCT AGAAAGAAGG GCACTCACTT CAATTTTNC 100

配列番号： 27

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00030

配列：

GATCAAGGTA TAATGGAAAA ATATACCTAT TCTTGAAGTA GTTTATTATN GTTTTCAAAT 60
TGATTTATAC CATTATTAAC CTGATGTGGT CTGCTTAAAA 100

配列番号： 28

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00031

配列：

GATCAGAATG CCCCTCCACT CATGAGACTC TTCATTTTGT CCACTTTGAC AGGAAAAGTG 60
GGAATGTATC CAGAGCTCTC AAAAGAAACA AAAAAGGCCA 100

【0096】

【配列表6】

配列番号： 29
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00033
 配列：
 GATCAAAATG GTTGGTGAAC CTCCACATGT CCAGTTCTGT TGCCAAACTT TCCATTTCAGA 60
 GTATTTGGTG GAGTTTGAAT TTGAGCAAAC TAAATGCCTT 100

配列番号： 30
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00034
 配列：
 GATCAGCGAG GCCGACAAGA AGAAGGTGCT GGACAAGTGT CAAGAGGTCA TCTCGTGGCT 60
 GGACGCCAAC ACCTTGGCCG AGAAGGACGA GTTTAAGCAC 100

配列番号： 31
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00036
 配列：
 GATCATCATT CTTCTGACTC TAGATGGGAC ACTTGACAGT GACTTGAAC ATTTGCATAT 60
 TCAGGAATGC ATGAGATTTC AAGAGAGCCT ACAGTATGAA 100

配列番号： 32
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00037
 配列：
 GATCTAAATT GTTACATTTT ACCATTTTCAT TCCGAAGTTG GTTTTACTTT ATTAAATGAA 60
 GATTTAGTTT TCATATCCTA TACATAGCTG TATAGATTTT 100

配列番号： 33
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00038
 配列：
 GATCAGCCAG GCACAGAATC TCCAGAACAA CCTAGAGAGT GAATGCTAAT TTGTAGAGCG 60
 AACTTCCATT TGGCCCATNA TTTGTAAGTG TCTAACTGCT 100

配列番号： 34
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00039
 配列：
 GATCGTGAAG CCCAATGGCG AGAAGCCGGA CGAGTTCGAG TCCGGCATCT CCCAGGCTCT 60
 TCTGGAGCTG GAGATGAACT CGGACCTCAA GCCTCAGCTC 100

【0097】

【配列表7】

配列番号：35

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00040

配列：

GATCAGAAAC TCACCCTAAA TCTNAACGGG TGCCGCTATA ATTNNGTNACA TCTGGCAAGA 60
TTTCCCTTTA TGTATATATT TAAACAATCC GCTTGGACAC 100

配列番号：36

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00041

配列：

GATCTGTAAG TAACTTCACA TTAATAAATG AAATATTTTT TAATTTAAAG CTTACTCTGT 60
CCATTTATCC ACAGGAAAGT GTTATTTTTA AAGNNAGGTT 100

配列番号：37

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00042

配列：

GATCTGGAAA GAGCTGTTTT GGATGAATGC AGTATAAAT GTAAAAACCC TGCTAAATGA 60
CTTATTGATT AAGTATATCT ATCTATATAT ACATATACAC 100

配列番号：38

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00043

配列：

GATCGAAAGG CACTCCATGA GCTAAACTG GAAGAGTGG AAGGCAGACT ACAAGTTACT 60
GAGCACCTCC CTGAGAAAAT TGAAAGTAGT TTACAGGAAG 100

配列番号：39

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00044

配列：

GATCGATAAA GAATTGGCTA GTGGTGAATA CTTTTGAAG GCAAATCAGA AGAAGCGGCA 60
GAAAATGGAA GCAATAAAGG CTAAACAAGC AGAAGCCATC 100

【0098】

【配列表8】

配列番号： 40
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00045
 配列：
 GATCTTATGG ATGCTGAGCA TGTTCGAC TGGTGCTAAT GTCTAATATA ATNTTATATT 60
 TACACACATA CGTGCTACCC AGAGATTAAT TTAGTCCATA 100

配列番号： 41
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00046
 配列：
 GATCTGTGCT GTAGAAAAAC ATTAACCCCTT GTTCAAAAAA GAAATGGATA ANCTTGGCCT 60
 TTCTAAGTGG TAAGAATGAC CTGTCACAT AATATACTGT 100

配列番号： 42
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00047
 配列：
 GATCATTGAC ATGGCATTAA ACTGTAATAA ACTTGCCCTG GGGGCCCTTT TTTAAAAAAC 60
 AAAAACCACA AAAATTCCCA AACCATACTT GCTAAAAATT 100

配列番号： 43
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00048
 配列：
 GATCACTGTA AANNACCTCC CTNTGGCCG CTCTGTGGAT GAGACTTTGA GACTAGTTCA 60
 GGCCTTCCAG TTCACTGACA AACATGGGGA AGTGTGCCCA 100

配列番号： 44
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00049
 配列：
 GATCAGTTTT CHTTGTAACA CTGGGTTTAA TCTGAATGGC GCTGATTCTN CCAAGTGCAC 60
 TGAGGAAGGA AAATGGAGCC CGGAGCTCC TGCTGTNCT 100

配列番号： 45
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00050
 配列：
 GATCCACCAG CTGAGAATTC GTCCGCTCCC GAGGCTGAGC AGGCGGGGC TGAGTAAATN 60
 CCGGCTTACC ATCTCTACCA TCATCCGGTT TAGTCATCCA 100

【0099】

【配列表9】

配列番号： 46
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00051
 配列：
 GATCTGTAAG TAACTTCACA TTAATAAATG AAATATTTTT TAATTAAAG CTTACTCTGT 60
 CCATTTATCC ACAGGAAAGT GTTATTNTNA AAGGAAGGTT 100

配列番号： 47
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00053
 配列：
 GATCTCTAAG GAACTCCTGT TGCTAAATAT GAAGAGTATG GAACATTCAT ATAGTCTCTG 60
 TGAAGCATGG GGGGAGGGAA GACATTTCTT TTTCTTATAG 100

配列番号： 48
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00055
 配列：
 GATCACCATT AGCAAATGGA AATNACATTT GAAAGCCATT AGACTTATAG GTGATGCAAG 60
 CATCTAAGAG AGAGGTTAAT CACACTATAG AGGCATAAGT 100

配列番号： 49
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00056
 配列：
 GATCAAATCT GCACTGTGTC TACATATAGG AAAGGTCCTG GTGTGTGCTA ATGTTCCCAA 60
 TGCAGGACTT GAGGAAGAGC TCTGTTATAT GTTTCCATTT 100

配列番号： 50
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00057
 配列：
 GATCAAANCT GCACTGTGTC TACANATAGG AAAGGTCCTG GTGTGTGCTA ANGTTCCCAA 60
 TGCAGGACTT GAGGAAGAGC TCTGTTATAT GTTTCCATTT 100

【0100】

【配列表10】

配列番号：51
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00060
 配列：
 GATCTCATGG TCCGGAATGA CACCCCTGT GGAACCACCA TTGGACCTAT CTTGGCTTCT 60
 CGGCTGGGGC TCGGGGTGCT GGATTAGGC AGCCCCAAC 100

配列番号：52
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00061
 配列：
 GATCTTCCTC TAATTGACAG CCTCATTAGG GGTCTTACAA AATATGGAAC AGTGTGAGAA 60
 AAAACCAGAG AACTCGGCAG AGTCTAACAC AGAGGAAACC 100

配列番号：53
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00062
 配列：
 GATCTAGCAT ATTTCACTAT TCTGTGGATG AATACATAGT TTGTGGGGAA AACAAACGTT 60
 CAGCTAGGGG CAAAAAGCAT GACTGCTTTT CCCTGTCTGG 100

配列番号：54
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00064
 配列：
 GATCTATCAC CCAACATCG ACGAAAAGGG GCAGGTCTGT CTGCCAGTAA TNAGTGCCGA 60
 AAACCTGGAAG CCAGCAACCA AAACCGACCA AGTAATCCAG 100

配列番号：55
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00065
 配列：
 GATCAGCTGG CCAACTCAGC CAATCCGCAC ATTTAGCTCT CCAACTACCA TACAACGTGC 60
 TTGGTTTAGG TCGGAGCGCA AATNTNCTTG ACCATCTCTA 100

配列番号：56
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00066
 配列：
 GATCAGTTNC GTGTCCGCG GAGCAGGCCT TGCTGAGTGA AGACACTGGN ACTAGCTGGG 60
 TCCTGGGGTG ACTTGGAGGC TTTGGGCCTA AAAGGCCAGC 100

【0101】

【配列表 1 1】

配列番号： 57

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00067

配列：

GATCGTTGGG GAACCCAGC CCCTTGAAC TTGGAAGACC CGTGTTCCT GGACCGCGAA 60
TNAGTGTGTT GGGCATCAGT GTTTCTGCA AGGGTTGTGA 100

配列番号： 58

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00068

配列：

GATCAGAGAC TGCAGAGGTG GAGTGAGAAG TCTCCGCTGC TCGGGCCCTC CTGGGGAGCC 60
CCCGCTCCAG GGCTCGCTCC AGGACCTTCT TCACAAGATG 100

配列番号： 59

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00069

配列：

GATCTTTGAT AGTNGAGAAA ATTATGCAAA GTTCCTCAGA AGTNGGTTAT NATGCTATGG 60
CTGGNGATTT TGTGAATATG GTGGAAAAAG GAATCATTGA 100

配列番号： 60

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00070

配列：

GATCACTGAG CAGTTTTCCC AGAGCTCCAT GCGAAGGCAA GCTCTCCCTC CCAATGGGAG 60
CCCCACTGTC ACTAACTGTA AACTCAGGCT CAGGCTTCAN 100

配列番号： 61

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00071

配列：

GATCTTCGGT GGCCTCATGT AAACGTGGCA GCCAGCCTCT TCTAGAACCC TAGCCCAGGG 60
ACTGGAGCAG GAAAGGGACC TTCAAAGTGA AGACTGCCTT 100

【0102】

【配列表12】

配列番号： 62
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00072
 配列：
 GATCAGACAC TTCAAGGTCT AGGCTAGACA TGGCAGAGAT GAGGAGGTTT GGCACAGAAA 60
 ACATAGCCAC CATTTTTTCC AAGCCTGGGC ATGGGTGGGG 100

配列番号： 63
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00073
 配列：
 GATCCGTCAC TCTTCCTGT GGTAACTCCT AGACTGGGAG CTCAGGTACT CTTTATGTC 60
 TCTTGTATG TCTTTAGCAG AGTTCTTGAC ATGTGGTAGG 100

配列番号： 64
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00074
 配列：
 GATCTTTTTC CATCCAGCAG TGGAGTTTAC TACTTAAGAG TTTGTNCCCT TAAACCAGAC 60
 TCCCTGGATT AATGCTGTGT ACCCTGGGC AAGGTGCCTG 100

配列番号： 65
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00075
 配列：
 GATCTGTGAA TCTTGGCTGG GACTTCCTCT GAGTGATGCC TGAGGGTCAG CTCCTCTAGA 60
 CATTGACTGC AAGAGAATCT CTGCAACCTC CTATATAAAA 100

配列番号： 66
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00076
 配列：
 GATCCTGGAG GTCTTTTCTA GTCTGAGCTT CTTTAGCTAG GCTAAACAC CTTGGCTTGT 60
 TATTGCCTCT ACTTTGATTC TNATAATGCT CACTTGGTCC 100

配列番号： 67
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00077
 配列：
 GATCCATCGC AGAGTCCTAA AGAAGAACCC ACTGAAAAAC TTGAGAATCA TGTGAAGCT 60
 AAACCCATAT GCAAAGACCA TGGCCCGGAA CACCATTCTT 100

【0103】

【配列表13】

配列番号： 68

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00078

配列：

GATCTACAAA GGCCATGGGA AAAATTCAGA GAGTTAGGAA GGAAAAACCA ATAGCTTTAA 60
AACCTGTGTG CCATTTTAAG AGTTACTTAA TGTTCGTAA 100

配列番号： 69

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00079

配列：

GATCAACAGT TCTAGTACTC TTCTTTGTCA GTATATCAAC CTACAGCTAT TGAATGCAAA 60
GCCACAAGAG TGTTTAATGG GGACAGTGGG CACTCTCCTG 100

配列番号： 70

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00080

配列：

GATCTTAGTT GATATTTTGG GCTTGGGGCA GTGAGGGCTT AAGACACCCC AAGTGGTTTG 60
GNAAGNAGG AGGGGAGTGG TGGGTTTATA GGGGGAGGAG 100

配列番号： 71

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00081

配列：

GATCTGCCTG CCCACCAACT GGTGATGGAA GGTACAACT GGCACITCAA TGAGACGGTG 60
CTCACTGTGT GGTCGGCACC AACTACTGCT ACCGTGTGGG 100

配列番号： 72

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00082

配列：

GATCTTTCTG GGAACACAGC CCNGCTGGCG GCTAACCTGC TGTTCGAGAT GCTATGTGCT 60
CTCCCCAAAG TGACAACCGT CTGAGTCTTG TGCTCTTCAA 100

【0104】

【配列表14】

配列番号： 73
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00083
 配列：
 GATCAGAATC ATTAAAAAAT ATTTTGTGTT AGTAAGTTG AAGATTTCNN GCTTTNAGGC 60
 CTTTCCTATT TTGTCCCAT TATTTTNC A GGCAATCTT 100

配列番号： 74
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00084
 配列：
 GATCTCCCN CTCTAGGGGT CAGGCTCCAT TAGGATTTC CCCTTCCAN CTCTTCCTAC 60
 CCAACCACTC AAATNAATCT TTCTTTACCT GAGACCAGT 100

配列番号： 75
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00085
 配列：
 GATCGTGACG CTGAATAAAT GTCTTTTTT TAATGTGCTG TGTAAGTTA GTCTACTCTT 60
 AAGCCATCTT GGTAATTTC CCCAACAGTG TGAAGTTAGA 100

配列番号： 76
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00086
 配列：
 GATCACATTG TAAACTATG GATGGTCTGA TAAGGCTTT ACTGACCCCA CTGACTTCAG 60
 AGTTATACTC TGTTCGNAC ATCATAATGC TGGTTTTCT 100

配列番号： 77
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00087
 配列：
 GATCAAACTA GCTCAGGCCA AACTTTAAGT TCATACCTGA GCTAAGAAGG ATAATTGTCT 60
 TTTGGTAACT AGGTCTACAG GTTNCATTT TTCTGTGTTA 100

配列番号： 78
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00088
 配列：
 GATCTACCGA CTCATTGTG AGAATATTT TCACAGATTA TCTTTGGGCC TTTTCATTAG 60
 AAAGCTGTTT GTTGTCCCC CTGTTGGTAC ATTTGGTTAC 100

【0105】

【配列表15】

配列番号： 79
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00089
 配列：
 GATCGGCAAG CCNCNCACTG TCCCTTGCAA GGTGACAGGC CGCTGCGGCT CTGTNCTGGT 60
 ACGCCTCATC CCTGCACCCA GGGGCACTGG CATCGTCTCC 100

配列番号： 80
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00090
 配列：
 GATCAGAAGA AACACTCCAA AAATTGAGAT GAAATGTTGG TGCAGCCAGT TATAAGTAAT 60
 ATAGTTAACA AGCAAAAAAA GTGCTGCCAC CTTTTATGAT 100

配列番号： 81
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00091
 配列：
 GATCCCCGCA ACTCGCTTGT CCTTGGGTCA CCCTGCATTC CATAGCCATG TGCTTGTCCC 60
 TGTGCTCCCA CGGTTCCCAG GGGCCAGGCT GGGAGCCAC 100

配列番号： 82
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00092
 配列：
 GATCTTCCTT TTTCTNTGA ATGNGCTCTG TTGNCTTTTT CTCTTTTTTC TCATGTGTTT 60
 TTCCCTCCAC CTCCACCCCT TTCTTTCTTT CTCTCTCTGA 100

配列番号： 83
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00093
 配列：
 GATCAGACTG TGGCATTGTA AATGTCAACA TTCCAACAAG TGGGGCTGAG ATTGCAGGTG 60
 CCTTTGGAGG AGAAAAGCAC ACTGGTGGTG GCAGGGAGTC 100

【0106】

【配列表 16】

配列番号 : 84
 配列の長さ : 100
 配列の型 : 核酸
 トポロジー : 直鎖状
 クローン名 : HUMGS00094
 配列 :
 GATCGATGGT TGACAATCCA GAGTGGTGAA CAGCCCTACA AGATGGCTGG TCGATGCCAT 60
 GCTTTTGAAG AAGAATGGAT AGAATGTGCA CATGGAATNG 100

配列番号 : 85
 配列の長さ : 100
 配列の型 : 核酸
 トポロジー : 直鎖状
 クローン名 : HUMGS00095
 配列 :
 GATCTGGGCA CTGTACTTNA GCCTGGGCGA CAGAGAGACC CATCTCAAAH AAAAAATTGG 60
 AACCTGAGAA GGGGGTCTG GGGTCCCCGG GGCCACCGT 100

配列番号 : 86
 配列の長さ : 100
 配列の型 : 核酸
 トポロジー : 直鎖状
 クローン名 : HUMGS00096
 配列 :
 GATCGAAAGA TTTATACCCA GACAAGCACA CCTAAGCAGC TGCTGCAGAA ATTCAAAGTT 60
 CAAGGTGAAC CTGTCTCAA CATTCACAGA AAACACACAG 100

配列番号 : 87
 配列の長さ : 100
 配列の型 : 核酸
 トポロジー : 直鎖状
 クローン名 : HUMGS00097
 配列 :
 GATCACTTTC ACTNTCAATT ATTTGCCAGG NCTCACAGAA CTCAGAAAAG CTCAGANCA 60
 TCATGGTTAC TATTTAGTAA AGCAAAAAGA CACAAATNAA 100

配列番号 : 88
 配列の長さ : 100
 配列の型 : 核酸
 トポロジー : 直鎖状
 クローン名 : HUMGS00098
 配列 :
 GATCAGTCTG GCTGGTGGTT TAACAGGTGT CACTCTGCAA ACCTGAATGG TGTATACTAC 60
 AGCGGCCCTT ACACGGCTAA AACAGACAAT GGGATTGTCT 100

配列番号 : 89
 配列の長さ : 100
 配列の型 : 核酸
 トポロジー : 直鎖状
 クローン名 : HUMGS00099
 配列 :
 GATCCAGAAA TACTTAACAC GTGAATATTT TGCTAAAAAA GCATATATAA CTATTTNAAA 60
 TATCCATTTA TCTTTTGTAT ATCTAAGACT CATCCTGATT 100

【0107】

【配列表 17】

配列番号： 90

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00100

配列：

GATCAACCCA CAGAACAAAG CGGATTTCCA AGGCATCTCC CCAGAGCGAG CCTTTGCTGA 60
TTTTCTCTTT GCCAGCACCA TCCTGCACCT TGTGTGTCATG 100

配列番号： 91

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00101

配列：

GATCTTTCTN AATGTGTATT GATTGGTCTT TTCAGCTACT CTGAACAGAT TACTAAGGCC 60
ATCTCCTCAT CTCTAAGGGA GAAAAATAGT CTGTAGATGA 100

配列番号： 92

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00102

配列：

GATCCGAGGA GGCAGAACAA GTCCACGGAG TCCCNNGCAG GCCAACGTGC AGCGGCTGAA 60
GGAGTACCGC TCCAACTCA TCCTCTTCCC CAGGAAGCCC 100

配列番号： 93

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00103

配列：

GATCTGTGCC AAGCTCAGGG TGTAGCGCTG CAAACGATGA AGCAAGAGTT TCTCATTAAC 60
CTTGTGAAGC AAAAGCCACA AATAACAGAG GAACAACTTG 100

配列番号： 94

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00104

配列：

GATCTTTTCC CCTGGCCAAA GGGAAGTTGT ATTAGTCTGT GACATCTTGT GATGCTGTTT 60
ATCTTGGTTT GACATTGGAG ATACGCTAGT AACTGTGATA 100

【0108】

【配列表 18】

配列番号： 95

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00105

配列：

GATCTTTGAT AGTTTGGTG AACTCTCTAA AATACATTCA CTGTGGGTCC GACGCAATTT 60
ATAAAAATNA TGTACTCAAG AAGGGAGACC TGTTCGTTTC 100

配列番号： 96

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00106

配列：

GATCTAAGAG ACTCAAGAGC TGGGTTTCTT TCAGCACTCT GTACTGTCCC AAATAGCAAA 60
CAAAATNACTT TGTAGCCAGA TTTCTGAATG GAAATNAGAA 100

配列番号： 97

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00107

配列：

GATCCATACT TGGATGATAT TGATGATGAG ATGGACCCAG AGATAGAAGA AGCTTATGAA 60
AAGTTTTGTT TCGAATCAGA GCGTAANGNA NAACAGTAAA 100

配列番号： 98

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00108

配列：

GATCTTTGCT GGCAAGCAGC TCGAAGATGG ACGTACTTTG TCTGACTACA ATATTCAAAA 60
GGAGTCTACT CTTTCATCTT TGTGAGACT TCGTGGTGGT 100

配列番号： 99

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00109

配列：

GATCCTCATG AATGACTATC CTAATTTTAA GTATGCAGTT CTNTTTTTGC TGGGTTTATT 60
CGTGCTGGTT CATCGNGAGT NAGANGCCTG CCTTGCTGTT 100

【0109】

【配列表 19】

配列番号： 100
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00110
 配列：
 GATCAAGAAA AGCAACTTAT GGAAACAAC TACAGAATTTA CAAAAAAGGA TACTCAAACC 60
 AAAAGTATTA TTTCAGAGAC CAGTAATAAA ATTGACGCTG 100

配列番号： 101
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00111
 配列：
 GATCTGAAGA GCGTCCTGGG TCAACTGGGC ATCACTAAGG TCTTCAGCAA TGGGGCTGAC 60
 CTCTCCGGG NCACAGAGCA GGCACCCCTG AAGCTCTCCA 100

配列番号： 102
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00113
 配列：
 GATCTTTGAA ACCTTGCTCC CGTTAACTTA CTAGTCACAT TGACCAATGT TTTATAGAAA 60
 TGCCTAGAAT TTTCAGACTA ATNGTAGTTA TCCATTAACA 100

配列番号： 103
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00114
 配列：
 GATCTGTGCA GGGTATTAAC ATGTCAGGGC TGAGTGTCTT GGGATTTCTC TAGAGGCTGG 60
 CAAGAACCAG TTGTTTTTGT CTTGCGGGTC TGTCAGGGTT 100

配列番号： 104
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00115
 配列：
 GATCTGTCTC TGCTGTTTAA CTTTATTGGA TTAATCAGCT GGTTCAACT CTACTGCGAA 60
 ACAAAAATAG CTCCTTAAAA GTACTGTCTT CCTTCAGTGG 100

配列番号： 105
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00116
 配列：
 GATCTCGGAT GACCAAACCA GCCTTCGGAG CGTTCTCTGT CCTACTTCTN ACTTTACTTG 60
 TGCTGTGACC ATGTTTATNA TAATCTCAAA CGAGAAAAAA 100

【0110】

【配列表20】

配列番号： 106
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00117
 配列：
 GATCTTAGTA ACTATGNATG AAGATGGTGC TTGGCCTGTN CTTCTTGATG AATTTGTTGA 60
 GTGGCAAAAA GTCCGTCAGA CATCATAGCA AGAACTATGT 100

配列番号： 107
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00118
 配列：
 GATCCCCGAA ATTGGTGGGC TTGACCTCCT GGCAAATTGC TCGCTCTTTC CACTTGCTGT 60
 TCAGGACCAC TAAATGCTGA AATGTGGATG CATAACGAAA 100

配列番号： 108
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00119
 配列：
 GATCTTCAAT ATGAAGACAT GAGCTTTTCT CGCAGGAAAT TTTCTTTTTC ACAGAACTGG 60
 TGTGAGGAAT CACTGAAGGG CTAACCGTGA TAGTCCTTGC 100

配列番号： 109
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00120
 配列：
 GATCAGCAGG GAGTTNATTT GAGGACATCA GTCACCTTNG GGGTTGCCAT GTACAATGAG 60
 ATTTATAATC ATGATACTCT TCGGTGGTAG TTTCAAAAGA 100

配列番号： 110
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00121
 配列：
 GATCTGTCTC TGGGGTCCCN CATAACAGAGA AATGCATCTT GCTGAACAAG TGACCAATAA 60
 TCTTAAAGAA CTTGCACAGC AAGTAACTCC AGGTGATATC 100

【0111】

【配列表21】

配列番号： 111
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00122
 配列：
 GATCACTNGA TATTTTAGTC ATTCTGCTTC TCATCTAAAT ATTTCCATAT NCTGTATTAG 60
 GAGAAAATNA CCCTCCCAGC ACCAGCCCCC CTCTCAANCC 100

配列番号： 112
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00123
 配列：
 GATCAAGGGA CGGCTGAACA GACTTCCCCG TGCTGGTGTG GGTGACATGG TGATGGCCAC 60
 AGTCAAGAAA GGCAAACCAG AGCTCAGAAA AAAGGTACAT 100

配列番号： 113
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00124
 配列：
 GATCCTCCCT ATCAAGCACT AAAAAAGTTG AACCATTATA CTTTATATCT GTAATGATAC 60
 TGATTATGAA ATGTCCCTC AAATCATTG CAGCAGATAA 100

配列番号： 114
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00125
 配列：
 GATCTCTGTT TTGTTGTTGA AAATTCATTT GTATACITTT GTTTTATCT AGGACTTCAT 60
 GTTTTTTNAAGCACTGGCA GCCAGGAACA AAAATCAGGA 100

配列番号： 115
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00127
 配列：
 GATCACATTA TNATAAATAA ATGAAAAAAT GATTTAATCT GTAATAAACT GGTTTATTGT 60
 GCAGTGACTG TAATATACTA GAGTTATAAT AAATTGTTTA 100

配列番号： 116
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00128
 配列：
 GATCTTGAAC CTGGTGCTCC ATCCATGGNA GCNHAAGCC TTTGCATCCC CTTCAAACCA 60
 CTCTGTGAAC TGCAGCCTGC AGCCAAATNT GTCTGTGGCA 100

【0112】

【配列表22】

配列番号： 117
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00129
 配列：
 GATCAAGTCG TGCTCCTGGC AGGCGCGCCC CTGGAGGATG AGGCCACTCT GGGCCAGTGC 60
 GNGGTGGAGG CCCTGACTAC CCTGGAAGTA GCAGGCCGCA 100

配列番号： 118
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00130
 配列：
 GATCTCCAC AATTAATTTA TCTTTTGACA AAGGGGATAA AGAGTTTCAG TTTAGCTCCT 60
 TTTGATTGTA TATNATTTTT TCCTTTTTNA TTGTGAAAAG 100

配列番号： 119
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00131
 配列：
 GATCTGGGCT CCAAGCCAGG AAAGGTGAAC AGAAACCACA AGTNTCCAGC CCTCGGTGCT 60
 GGAGTGGACG TTAATTGTNA GCCACCAGAC TGTCCTGGCA 100

配列番号： 120
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00132
 配列：
 GATCCTAAGG CAATAAAAGA ATAAGGAGAT TTGGAAAACC ATTGTCTGTA ATCTCTGAAG 60
 AAAAGTGGAC ATTAGGGGAG TCAGTTGAAA AGCAAAGCTA 100

配列番号： 121
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00133
 配列：
 GATCTTCCCA CAACACCACA GGACTGCAGG GTGCACAACT CCCCTGCCAA GGAAAACCAT 60
 GCAGTCTCC CCTCCCTGGT CTCCTGCTTC AGCTCTGTAC 100

【0113】

【配列表23】

配列番号：122
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00134
 配列：
 GATCCCCCT CTCAGGGCG ATGAGGATGC GTCTCGCATG GAAGAAGTCG ATTAGGTTAG 60
 GAGTTCATAG TTGAAAACT TGTGCCCTTG TATAGTGTCC 100

配列番号：123
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00135
 配列：
 GATCTTCATG CCCTGGGTTC TGCCCGCAGC GACCCCATC TCTGTAACIT CCTGGAGACT 60
 CACITCCTAG ATGAGGAAGT GAAGCTTATC AAGAAGATGG 100

配列番号：124
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00136
 配列：
 GATCTGAGCT GAATTGGAAG ACTATTAATA AGTTATGTTT GGAAGTTTAA ACTTCAATGA 60
 AGTAATTATT TGCTGTGAAA GAAACAAACA TTGAATTACT 100

配列番号：125
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00137
 配列：
 GATCAAAAAA CATGAGGNAG AAGAAGCCAA AGCTGAGCGT GAGAAGAAGA HNAAGAAGAC 60
 AGAAGAAGAA GGATAAATAG AATCAGAGAT TTTATTACTC 100

配列番号：126
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00138
 配列：
 GATCACCATT TGAGATACGC GGCTTAACGC ACATGTGAGT GTAGCTTGCT ACATGAAAAAT 60
 CCTAGGCTCT AGGGCATGTA AAACATGAAT ACAGAATACT 100

配列番号：127
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00139
 配列：
 GATCTGGGCT GCAGGAGCTG GGGCCACCCA CAGCCCCCTT ACCGACCTGG TGTGGAAGGC 60
 ACAGAACACC TGGGGCTGCG GGAACAGCCT CGGTACGGCT 100

【0114】

【配列表 24】

配列番号： 128

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS00140

配列：

GATCAAGCAG ATTCCACGAA TCCTNCGGAC CAGGTTTAAA TANGGCAGGA AAGTTCCTT 60
CCCTGCTCAC ACACAACGAA AACATGGTGG CCAAAGTGGA 100

配列番号： 129

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS00141

配列：

GATCAGTTGT AATCAGAATA CAACTGNGTC TTGTAGTTGT AATATGTTCT ATCTTAACCA 60
CCACTTTTCGT ACCAGGAACC TGCTCAGGTT TGTTCCTCTAG 100

配列番号： 130

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS00142

配列：

GATCTAGTTA AAGTTATTCA ACAGGAGTCT TACACATATA AAGACCCAAT TACAGAATTT 60
GTTGAATGTT TATATGTTAA CTTTGACTTT GATGGGGCTC 100

配列番号： 131

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS00143

配列：

GATCAAAGAA CTCTGACTGC AGAACTGCCG CTCTCAGTGG ACAGGGCATC TGTNACCCTG 60
AGACCTGTGG CAGACACGTC TTGTTTTTCAT TTGATTTTTG 100

配列番号： 132

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS00144

配列：

GATCTCTGTA GATATTCTGT TTTATTTTGG TCATCTTTAG AAGTTATCAG GAATGTGTTT 60
AAAACAAGAA GAGAACTTTT CTAAGGAATG ATACATAGAA 100

【0115】

【配列表25】

配列番号: 133
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00145
 配列:
 GATCTGTGAC CTTACCCCCA AACCTGTNCT CTCTGAAACA TGTGCTGTGT CCACTCAGGG 60
 TTAAATGGAT TAAGGGCGGT GCAAGATGTG CTTTGTAAAA 100

配列番号: 134
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00146
 配列:
 GATCGAGGTT GTTTGCAACG ACCGTCTGGG GAAGAAGGTC CGCNTTAAAT GCAACACGGA 60
 TGATACCATC GGGGACCTTA AGAAGCTGAT TGCAGCCCAA 100

配列番号: 135
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00147
 配列:
 GATCAGGTCT GTAAATGTGT ACTAAAAAAA TNAGACTTTA TTTATAAACA AAATAGTTTA 60
 TTTAAAGAGA AGGTCTCTTC CTTATTGATA TCATGGTATG 100

配列番号: 136
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00148
 配列:
 GATCGAACCA CTGCACTCCA GCCTNGGTGA CAGAGAGAGA CACTGCCTTN GAAAAAAAAA 60
 GAATCTCACT CACTATCTAG AGAGGATTGT CAGANTATTG 100

配列番号: 137
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00149
 配列:
 GATCATGANC TCTGAAAAAA AGAGAAACCT TATCTTTNCT TTGTGGTTCC TTTAAACACA 60
 CTCACACACA CTTGGTCAGA GATGCTGTGC TTCTTGAAG 100

配列番号: 138
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00150
 配列:
 GATCNACGCT GTGCCTTGGC AGGGCACAAT GACCTTGTGC AAATCCACCT GTCAGGACGC 60
 CTAGGGGTCT GTACCGGGCT GGCCTGTGCC TATNACCTCT 100

【0116】

【配列表26】

配列番号：139

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00151

配列：

GATCAAGNNG CCCTGGAGGC GGTGGGCGGC ACCGTGGTTC TGGAGTAGCC TCCAGCTCGG 60
AGGACTTGTN TNCAGGGGTC CTGGGCCCGG GNCAAGGTCC 100

配列番号：140

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00152

配列：

GATCTCAGCT TTTGGTTTCC CATGATACCA TCTCTAGGGG TAGCAGCTGG CTATAATAAC 60
TAATGTCTGG ATTATCCTAA CTCTTCTGTT TGTNCTTTCA 100

配列番号：141

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00153

配列：

GATCCATTCT CGGAATTCAC AGAATTTTNA TAACATCTNA CTCTCAGGGG GCATGAAGTG 60
CATAATCTTC CCTAGATTAC AAAAAACATA TAGATGACGG 100

配列番号：142

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00154

配列：

GATCAGAGGC ACAAGTNCAG AGGCTGTGGT CATGCGGAAC ACTCTGTTAT TTAAGATGGC 60
TATCCAGATA ATCCTGAACA CTGTGTATTT ATTTAATTTA 100

配列番号：143

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00155

配列：

GATCAAGTTT AAATGACTGT NCTGCCCTT TCACATCAAA GAACTACTGA CAACGAAGGC 60
CGGGCCTGCC TTTCCCATCT GTCTATCTAT CTGGCTGGCA 100

【0117】

【配列表27】

配列番号：144
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00156
 配列：
 GATCTCTGGC AGTGGAGGAA GTCTCTTTAA GAAATAGTT TAAACAATTT GTTAAAAAAT 60
 TTNCCGTCTT ATTTCATTTC TGTAACAGTT GATATCTGGC 100

配列番号：145
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00157
 配列：
 GATCATGAAG GAACACATAG CACCAAGAGA GGCCATGCTA AATCTCGCCC TGTCAGANNH 60
 NTCCACACTT CTCCTTTGGG GAAGNCTTCC CTGTCCCCCT 100

配列番号：146
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00158
 配列：
 GATCATTGAA CGAGACAGAA AGCGACCATC CTGGTTCACC CAGAATTGAC ACCAAAAGATG 60
 TTAAAAGGAT AACTTCACAG TAAATCATTT CTCCTGAAAT 100

配列番号：147
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00159
 配列：
 GATCTTCATT TTATTGCATT AGTTCATGTA GATGGGCATC TCTATGAATT AGATGGGCGG 60
 AAGCATTTCC AATNAACCAT GGTGAACTA GTGATGAAAC 100

配列番号：148
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00160
 配列：
 GATCTTACTG CTTGTNACTT GAATCCCGTG ATTGTNATAC ATCTCTGGTA TAAGCAACAT 60
 TTGATTTTTC AAGTGTGTAG ACCATCTCTT CATATTTNCA 100

配列番号：149
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00161
 配列：
 GATCTCTGAT TACCAGCCTG ACATCAACAA ATCCCCTCAG TTACAACGTA TAGGTAAAC 60
 AAAGCTTTTA AAAGCTCATG TGGTATGACC TCAAGGTTGC 100

【0118】

【配列表28】

配列番号：150

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00162

配列：

GATCTTGGAC AGCGTGGGTA TNGAGGCGGA CGACGACCGG CTCAACAAGG TTATCAGTGA 60
GCTGAATGGA AAAACATTG AAGACGTCAT TGCCCAGGGT 100

配列番号：151

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00163

配列：

GATCAATGCC CTCATTAAAG CAGCCGGNGT AAATNTTGAG CCTTTTGGC CTGGCTTATT 60
TGCAAAGGCC CTGGNCAACG TCAACATTGG GAGCCTCATC 100

配列番号：152

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00164

配列：

GATCCAGAAT CCACGGGGTC TGGAGCATAA GCTTTATCTC AAGTNTCAAT TGANCTGCCT 60
CCTCTTGTA GGCAGGGACA ACTGGGAGGA TGAGCCCCAA 100

配列番号：153

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00165

配列：

GATCATCAAC AAAGAAAGTC TGAGAAATTG TCCCAGGAATA AAGGGGCCTA AGGAGACATA 60
ACATCTAAAT GTAATGTAGT ATCCTGGATG GACTCCTGCA 100

配列番号：154

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00166

配列：

GATCTGGCCA TCTACGAGCC AAAGACTTCA AATCTTTGGC TGCCTTGGCC AGTAGGAGGC 60
GACACGAAGG ATTTNCTGCT GCCTTGGGGG ATGGGAAGGA 100

【0119】

【配列表29】

配列番号：155
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00167
 配列：
 GATCCCCTGC CCCCTGTCCC CTGCCTCTTT TCCCAATTCC CTTCTTATG CTGGACTTTT 60
 AAAGCTTAAA AAAAATCCGA TTGAATATAA ATGCCTAATT 100

配列番号：156
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00168
 配列：
 GATCACCACG GTTTTCAGCC ATGCTCAGAC AGTGGTTCTT TGTGTAGGT GTTCAACAGT 60
 GTTGTGCCAG CCTACAGGAG GAAAGGCCAG ACTCACAGAA 100

配列番号：157
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00169
 配列：
 GATCACATAC AGGGGAAAAG CCCTATGNA TGTAAACACAT GCAGGAAAAC CTTCTCTCAA 60
 AAGTCAAAATC TCATTGTACA TCAGAGAACA CACATAGGAG 100

配列番号：158
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00170
 配列：
 GATCCACCAA CTTTGGCCTC CCAAAGTGT CAGATTACAG GTGTGAGCTG CTACCATGCC 60
 TAGCCCCAGC TTCTACTGCT TGANGGCTCT CTTTGGCATC 100

配列番号：159
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00171
 配列：
 GATCTGTCCC TGTGGTGGTG TCTAAGAATC GGACACCTTG GTTTTGTGT TAGATTGAGC 60
 TGGGCAGCTG CAATCAGCTA CTTAATATGC AAATTAGGCA 100

配列番号：160
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00172
 配列：
 GATCTTCAGA TAAATTCTGC CATTTHATT TCACTTCCTG AAAGTNAGGC TCGGCTTGTA 60
 AAAAGTTGTT AAACAACATG CTAATGTGA AATGTCAACC 100

【0120】

【配列表30】

配列番号： 161
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00173
 配列：
 GATCTACTTT GGAAAAACAA AGGATATCGT CAATGGGCTG AGGTCTGTNC AGACTTTTGC 60
 AGACAAATCA AAACAAGAAG CTCTGAAGAA TGACCTGGTG 100

配列番号： 162
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00174
 配列：
 GATCTACTGG ACTTTTTTTTT TGCAGGAAGT GCATTCTCTG GTCCTTCCCT ATTTNCTGTC 60
 CTGGATGTCA GTGCAGTGCA CTGCTACTGT TTNATCCACT 100

配列番号： 163
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00175
 配列：
 GATCTGAATA AAGCAAATCT GCATAAATGG TAACCAGTAG CTCTACTTTN ATTTTTNATG 60
 TTGCTTAACT GTTTTATTTG AAGGAAACCT GTGTGATTAA 100

配列番号： 164
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00176
 配列：
 GATCTCTCTA GCTTTGTCAAT AGTTATGTGA TTTTCCTTTG TAGCTACTTT TGCAGGATAA 60
 TAATTTTATA GAAAAGGAAC AGTTGCATTT AGCTTCTTTC 100

配列番号： 165
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00177
 配列：
 GATCTCCTTC ATCCCTCTCC AGAAGAGGAG AAGAGGAAAC ACAAGAAGAA ACGCCTGGTG 60
 CAGAGCCCCA ATTCCTACTT CATNNATGTN AAATGCCCAG 100

【0121】

【配列表31】

配列番号: 166
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00178
 配列:
 GATCTCGGTA AAAATCTACC ATTCCCTACA TATTTCTCTG ATGGAGATGA AGAGGAACTG 60
 CCAGAAGATT TGTATGATGA AAACGTGTGT CAGCCCGGTG 100

配列番号: 167
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00179
 配列:
 GATCCCCACC CCATGTGTTT TAAAAAGGCA GTAGCCTTTG CAGGGACCTG TCTGTCCCAA 60
 CTGTTTGAAC AGTGTGCTCC TCAGATTCTG TGTTCAGAAG 100

配列番号: 168
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00180
 配列:
 GATCTGTAAA ATGTGATTTT TTAATTCCAC TTATAATACT TGTGATTGGG CAGGTTTGTG 60
 GAAATTCAAT TATGATGAAA AACCTATCTT TTTTGTAAATG 100

配列番号: 169
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00181
 配列:
 GATCAAAAAA CCATCTCCAC ATTTAAAAGA GATGTAAGGT GTATTCATAG GGATGGTGGC 60
 TCAACAAATC AAGCAACTG GAATCAAGGG GAGGGGGAAG 100

配列番号: 170
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00182
 配列:
 GATCTTGGCT GTATTTAATG GCATAGGCTG ACTTTTGCAG ATGGAGGAAN TTCTTGATTA 60
 ATGTTGAAAA AAAACCTTG ATTATACTCT GTTGGACAAA 100

配列番号: 171
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00183
 配列:
 GATCCACATG AACGCACGCC TGAGATTTGG CCATCACTAT GTTTTGGGTG GATTGCCTAG 60
 GAAAGCAAGT CATATGGCCA TTGATAGTTC TCATGTAATT 100

【0122】

【配列表32】

配列番号： 172

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00184

配列：

GATCTGGANG GGACACGTCA TGCCTTGGGC CTAGAATACC CTGATGNAA AAGAGAAGAN 60
AAAGGGAGGC CATATCTACA ACACAGCCTC TCGGCACTGC 100

配列番号： 173

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00185

配列：

GATCGAGCTC GCCTATGAGC AAGTGGNAAN GGCCTCAAAT AAGCCNTCC TGGGACTCCC 60
TCAACCCCT CCATTTTTTC CACAAAGGCC CTGGTGGTTT 100

配列番号： 174

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00186

配列：

GATCTGAGGC AAGCTGGACA GGAGAGGTGG ATATTTNTTG ATGGAAGAAT TCAAGTTTAT 60
AATCAATTCC CACTTAGCAC CTACTGTGTG CTAGGAAGTT 100

配列番号： 175

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00187

配列：

GATCCCTACC CTTNCCGTTG GTCTCTNTCG CTGACTCGAG GCACCTAACA TCCATTACACA 60
CCCAACACAG GCCAGCGACT TCTGGGGCTC AGCCACAGAC 100

配列番号： 176

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00188

配列：

GATCGGGTTC TAAAGGAAAG GGTGGAGAGA TTCAACCAGT TAGCGTGAAA GTTGGAGATA 60
AAGTTCTTCT CCCAGAATAT GGAGGCACCA AAGTAGTTCT 100

【0123】

【配列表33】

配列番号：177
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00189
 配列：
 GATCAAGGCG CGGACGTATC TACGACCACA TCAACGAGGG GAAGCTGTGG AAACACATCA 60
 NGCACAANTA TGACAACAAG TAGTTCCTTG GNGGCCCTAT 100

配列番号：178
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00190
 配列：
 GATCAGAACA TGAAATGCCC TCCTAAATGT CAGCTGTTGT CACACAGTAG CTCCAACACT 60
 TTGAGCATTI TTAAGGGAGT GGCCTCATT CACTAGAGAC 100

配列番号：179
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00191
 配列：
 GATCAGAGTT TGAAATGAAA TGTITGTCAG GGTGTTGGAA AAATTTTGGT GAGTTCTGCA 60
 CATTTCCCTT GGTTCAGGCT GGGCATGGAC CAGCCTTCAG 100

配列番号：180
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00192
 配列：
 GATCAAAATA ACCCTCGTAA AAATATATGT ANGGGGTACA CAAAGTAAGC CTCTTTATGA 60
 AACAATTGAG GATAATNATG TGAAGGTTT TAATGATGAT 100

配列番号：181
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00193
 配列：
 GATCAGGCCC AGGAAGGGCA CAGGGGCTGA GCACTACAGA AGTCACATGG GTTCTCAGGG 60
 TATGCCAGGG GCAGAAACAG TACCGGCTCT CTGTCACTCA 100

配列番号：182
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00194
 配列：
 GATCTACATT AATATCAAGT CTTGACTCCC TACTTCCCCT CATTCTCAC AGGACAGAAG 60
 CAGAGTGGGT GGTGCTTATG TTTGACAGAA GGCATTAGGT 100

【0124】

【配列表34】

配列番号： 183

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00195

配列：

GATCTCTCCC CCGTGAAGGA GTTGAGCACA TTAGCAACAA TGTACATTAA TTTTGGATTT 60
TCATTTTCAT GTTTTATTTT GTAAATATTA TCTGATGTTT 100

配列番号： 184

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00196

配列：

GATCAAAACN GATTTACGGT GGGGGAGGAA TNTGAGCTGG AGACAATNAC AGGGGAGAAA 60
GTCAAGACAG TGGTTCAGTT GGAAGGTGAC AATAAACTGG 100

配列番号： 185

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00197

配列：

GATCCAGATG ACCGTGGTNG TTGGGGTATA TCTCCTCGAG GAGCTGGTTA CACCTTTGGG 60
CAAGATATTT CTGAGACATT TAATCATGCC AATGGNCTCA 100

配列番号： 186

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00198

配列：

GATCTGAGAT TTCCGTGTTT GGCTGAACCT GGGAGACCAG CTGGGCCTCC AAGTAGGATA 60
ACCCCTCACT GAGCACCACA TTCTCTAGCT TCTTGTTGAG 100

配列番号： 187

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00199

配列：

GATCGGTTTT TGTTCCTGC TTACCATATG ATTGTAAATT GTTTTATGTA TTAATCAGTT 60
AATGCTAATT AATTTTGTCT GATGTCATAT GTTAAAGAGC 100

【0125】

【配列表35】

配列番号：188
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00200
 配列：
 GATCCTGACA CTGACATGAA GGCAAGCCTT GATTCGTAT GAACGTTGCT GAAGTGGTAA 60
 TTGAGGAAAA CAGTTCCCCA GATTGTTAAG AGTTCAGTGA 100

配列番号：189
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00201
 配列：
 GATCAAGGAN GAAAGANTGA CTTCAAATAT GCCTTGTAG TGTAATGTG ACTTNTNGAA 60
 CTGTATGAGT ATTTAAGAT TATTGAGTA AAGTAAGTTT 100

配列番号：190
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00202
 配列：
 GATCACTTTT TTTAGAGTGA AGAAAGAACA ANCTTGTITT TTGTGTTTT TAAAGGAATA 60
 TAAAATAATG AAGGATGTAT AATTGATGCC AAATAAGCTT 100

配列番号：191
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00203
 配列：
 GATCTGAAAA GCTCACTTTA AACTCATACT ACATTCTGTA CGAGTATTIN ACGTTAACAT 60
 AATTGAAAAAG TACAAGGTCC AAGCTGGCTT TCAATNATG 100

配列番号：192
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00204
 配列：
 GATCTGCCAC GAGGGCAGCA GCCAAGAGGA CTTGCTCTCT CCATGTGAAT GTACAGGGAC 60
 CTTGGGGACA ATTCATCGGA GCTGCCCTGA GCACTGGCTG 100

配列番号：193
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00205
 配列：
 GATCTCTGAG CTGCCCAGCA TAGTCCAAGA CCTAGCCAAT GGCAACATCA CATGGGCTGA 60
 TGTGGAGGCC AGGTATCCTC TGTTTGAAGG GCAAGAGACT 100

【0126】

【配列表36】

配列番号： 194
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00206
 配列：
 GATCTACATG AGANGTATAG TGGCTCTACC CCCTGAAAGA GGGTGGATGC AGCTGCTTGT 60
 TTTTCTNNGG GTGACTGTCA TTGGTAATAC GGACACAGTG 100

配列番号： 195
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00207
 配列：
 GATCTGACAT TTGACATGAA CACAAAGTTG CTAGATGCTC TTGTTGACTT CCAGCAGATG 60
 GGATGGGGGA AACACAGCAG TTCTTGCTAA AGTCCTTTGT 100

配列番号： 196
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00208
 配列：
 GATCATTCTC TAGCAGTNTN CTCCTCACCT CAGCTGAGCT CCTTTGAAAA GTAATTCAAG 60
 GGACTATGTC ACTCAGCCTC ATTTGCTGGA CCAAATCTGG 100

配列番号： 197
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00209
 配列：
 GATCCCAGAG AGGGAAGAGA ACCAGGGGCC CTTTTCTCTT TNAGAATTTN CTTTAAATCA 60
 GCCCACCTTT TGA CTCCCCG CCCGCCCAA TCCATTATNT 100

配列番号： 198
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00210
 配列：
 GATCCAAAAC ACTACTCAGC TCTCTTGCAC TGAGGAAATT TTTCCCCCTA CATTGACTCC 60
 TGGCCTACAT CAGCCAAACT TAACCTTGGT GGGGTTTGA 100

【0127】

【配列表37】

配列番号：199
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00211
 配列：
 GATCTAAAAA AAATTCAGAA GAAATATGAT GAAAGGAAAA AGAATGCCAA AATCAGCAGT 60
 CTCCTGGAGG AGCAGTTCCA GCAGGGCAAG CTTCTTGCGT 100

配列番号：200
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00212
 配列：
 GATCGGCGGC GCGCAGAACC GCTCCTACAG CAAGCTGCTG TCGGGCCTGC TGGCCGAGCG 60
 CCTGCGCATC AGCCCGGACA GGTCTACAT CAACTATNAC 100

配列番号：201
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00213
 配列：
 GATCCTGTAG TGTTCCTGGA GAAGCTAGAG CCTGATTGTA GGCTACTACT CATCAATTAA 60
 CTTCTACAGT GGAGACTACT TCTGGGACTG GAATATAAAA 100

配列番号：202
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00215
 配列：
 GATCTGCCCTT AAAGAAAAGA AAATTTTAGA AAGAAATATT GTTGCTCAGT GTTGTTAATA 60
 TAGCTCAAGA ATTGAGTTTA TATTGTCAGT ATGCTATAAA 100

配列番号：203
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00216
 配列：
 GATCAACCTG AGCGTGGAGA ATGCCTGGGG CATTTAACGC TGGCTCATTG ACATCTGCAT 60
 GAAGCTGGAG GAGGGCAAAAT ACCTCATCCT CAAGGACCCC 100

配列番号：204
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00217
 配列：
 GATCTGAACT ATTTGCTTTC TCTTCAAGAT AAGTTGTATT TTACCATGGA AAAATACAGT 60
 ATCTAACATT ACCATTACAG TTAAATGAAG TTTCTCATA 100

【0128】

【配列表 38】

配列番号： 205
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00218
 配列：
 GATCCCCACT GGAGCAGCCT CTGCAAAAGG GAGCCCATGT AGTGGCCAGG GGCTGTCCAA 60
 ACTCCAGCTT CTTCCCCTGG GAAAAAACC AAAGAACCAA 100

配列番号： 206
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00219
 配列：
 GATCCAAATN AGGAAAGACG GCGCCACTAC AATGGAGAAG CATATNAGGA TGATGAACAT 60
 CATCCAGAG GTGGTGTTC A GTGCAGACC TCTTAATGGG 100

配列番号： 207
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00220
 配列：
 GATCTAAAGA GACACTTAGA GACTCTTGGG GACCTCAGAT TTCCACCNCT CCACAGCATT 60
 CTGCCTACAC AGTTCCCCTC ATTTTNCCTA GTTACTCGGA 100

配列番号： 208
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00221
 配列：
 GATCTGGAAT TGGACATTTT TCTGTCAGAG CACAGAGGAG GCTCATATCA CCTCTTCCCT 60
 CTCCTACTTG GCCCAGCTGC TTGGAGGACC GACCCCATGG 100

配列番号： 209
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00222
 配列：
 GATCTGCCGT CTGTCACCTC TCTCCAAGTT GAGACAGGGG CCTGGATTTT AGCCCTTCCT 60
 GCCGAGAAAT CTTNTAAATT TCAACCTACC TTTAAAAATA 100

【0129】

【配列表39】

配列番号: 210

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00223

配列:

GATCGAGACA CGTGATGGGA AGCTGGTGTC TGAGTCCATN ACGTCCTHCC AAGTGAACAG 60
CTCGGGCAGC CCTCCCAGCC TACCCCTCCT GCGCTGACCC 100

配列番号: 211

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00224

配列:

GATCGATTCT TGTATATTAG ATTTTATCTC TTTCTGTATC TATAGGTAAA TCTCAAGGGT 60
AAAATGTTAG GTGTTGACAT TGAGAACCCCT GAAACCCCAT 100

配列番号: 212

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00225

配列:

GATCACANTT AATGATTCAG TATAATGTTT GAGGCCAGAC AAGATATATA TTGTGCCTCT 60
TACAGCCTTT GGNHCNNTTG TTTCCATTTT TTAATATCT 100

配列番号: 213

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00226

配列:

GATCATAGAA ATATATGTAA AGTATTCAAT TTTCAATCAT TTTCAAATNA CTGTTATAAA 60
TTGTTTTTGC TGAGTTGTAA TACTTTTACG ATACAATGTA 100

配列番号: 214

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00227

配列:

GATCTCAGCN TTGCAAACAC ANTTNCTACA TAGATACTAC TAGGTATNNT TTAGATATGT 60
AAAGAAAGAA ATCACACCAT TAATAATGGT AAGATTGGTT 100

配列番号: 215

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00228

配列:

GATCAAAACA AACAAATCCAG ATGTATAAGT ACTAGGCAGA AGCCAATTTT AAAATTTTCT 60
TGAATAATCC ATGAAAGGAA TAATTCAAT ACAGATAAAC 100

【0130】

【配列表40】

配列番号：216

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00229

配列：

GATCTGACAA GTTAGCAATC CAGATGTATA AGTACTAGGC AGAAGCCAAT TTTAAAATTT 60
CCTTGAATAA TCCATGAAAG GAATAATTCA AATACAGATA 100

配列番号：217

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00230

配列：

GATCGGCAAG CCCACACTG TCCCTTGCAA GCCAAGGCCA CCTTTNATGC CATTCTAAG 60
ACCTACAGCT ACCTGACCCC CGACCTCTGG AAGGAGACTG 100

配列番号：218

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00231

配列：

GATCAGATTG GGTCCCTGCTC CTCTCAACCT TGAAGTCCCC ACGTATGAGT TCACCAGTGA 60
CGATATGGTG ATTGTTGGTT AAGAGACTTG GACTCAAGTC 100

配列番号：219

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00232

配列：

GATCGCCAGT GGAAGAAGAT TAGTGCAATC ATTGAGAAGA GGAAGAAGAT GGAAGCTGAT 60
GGGGTTGAAG TCAAAAGACC AAAATACTAA TCACTAGTTA 100

配列番号：220

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00233

配列：

GATCGTAGAT GTTAACCAAA TCTACAAAAT CCACTACTCC CCCGTTATCA ACGGGATACG 60
TTCCAAGACC CCCAGTGGAT GCCTGAAACT GGCTAATGCT 100

【0131】

【配列表41】

配列番号：221
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00234
 配列：
 GATCTTCTCC AGATTGGCAG AAAGTTGATA TAGGTGGACT TTTTACAGG TCAGTTGAGG 60
 CAAAAACTA TGGGTTTTT CAGGTGAACC TCCCCATT 100

配列番号：222
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00235
 配列：
 GATCTTCGTG ATACTGTACA TAGCTGTTT AAATGCCAGA ATGACTTCTN ACATTCCAAG 60
 TTTTTCACAA AATATATTT ATCTGTGATT AGCCATTG 100

配列番号：223
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00236
 配列：
 GATCCAAAHN ATGACTTCAG AAAAACTTG AAAGTAACAG CAGTGCCTAC ACTACTTAAG 60
 TATGGAACAC CTCAAAACT GGTAGAATCT GAGTGTCTTC 100

配列番号：224
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00237
 配列：
 GATCAGAGGT GAAGGGACAG AGAGAGGAGA GGAGGAAGAT TGAGCTGGGG GCAACAGCCA 60
 AGCTCACCTG GGCAGGTCTC TGCCACCTCC TTGCTCTGTG 100

配列番号：225
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00238
 配列：
 GATCAGCTTT GCTCCTGAAA TTGCATCCGA AGAAGAAAGA AAGGGGATGG TGGCTGCGTG 60
 GTCCAGAGG CTGCAGACCA TCTGGAAGGA AGAGCCCATC 100

配列番号：226
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00239
 配列：
 GATCAGTGTA GAACTGGTCA TAGAGGAAGA GCTAGAAATC CAGTAGCATG ATTTTAAAAAT 60
 AACCTGTCTT TTTTTTAAT GTAAACAGT AAATNCCAGT 100

【0132】

【配列表42】

配列番号：227

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00240

配列：

GATCTAATAA CAGGTTGACA TAAGAAATAT TTGTCTCAAA AATCAATGTA TTTAATAGTT 60
GACAGTTACA AATCTCATCA TTGAAAGATT TAATTTTAGT 100

配列番号：228

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00241

配列：

GATCACCGTG ACATCCGAGG TGCCTTTCTC CAAAAGGTAT TTGAAATATC TCACCAAAAA 60
ATATTTGAAG AAGAATAATC TACGTGACTG GTTGCGCGTA 100

配列番号：229

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00242

配列：

GATCTTCACT TAANCTAAGT CTGTGAATTA CTTTTATATT ATTTTGAAAN ACTCCTTGCA 60
GTATATTGGC ATGATACAGT AAAAGCANTT TCCACAGATT 100

配列番号：230

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00243

配列：

GATCGCCACC TACCGCCGCC TGCTGGAAGA TGGCGAGGAC TTTAATCTTG GTGATGCCTT 60
GGACAGCAGC AACTCCATGC AAACCATCCA AAAGACCACC 100

配列番号：231

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00244

配列：

GATCAGCAAG CAGGAGTATG NCGAGTCCGG CCCCTCCATC GTCCACCGCA NAATNCTTCT 60
AGGCGGACTA TGAATTAGTT GCGTTACACC NNTTCTTGAC 100

【0133】

【配列表43】

配列番号：232
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00245
 配列：
 GATCTGCCCA AAGAGGTGTT GGCTGAGCTT NAGGCCCTGG AGAGACGTGT GCACAAAATG 60
 TNACCTGAGG CCCTAGTCTA GCAAGAGGAC ATAGCACCTT 100

配列番号：233
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00246
 配列：
 GATCAGCCCC AGATTTGACG TGCAACTCAA AGACCTGGAA AAATGGCAGA ATAATCTGCT 60
 TCCATCCCCG CAGTTTGGTT TCATTGTACT GACAACCTCA 100

配列番号：234
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00247
 配列：
 GATCTGCCGAC CATTCTCTGA CAACACAAGC TGGCCTTGGC AGTTTCGGTG CATAGAAAAT 60
 CAGGTGCTAC AGCTCGAGAG GGCAGAGCCA CAGTCCCTGG 100

配列番号：235
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00248
 配列：
 GATCCAAAGA CAGACCACAG ACTGGGAAAA GTTGAAGAT GAACACTTGA GGAATTCAGC 60
 TTCTCACCTA CTTAGTACAG TTGGGAACCA TACACTTCTG 100

配列番号：236
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00249
 配列：
 GATCTAAAGA TTTCTCTATC CAATGAATCT AACAAAGTCA ATGGAATTG AACTCTAGAA 60
 TTGCTCTAG AAAACATAGC TTCTTACTGA ACTTGAACAT 100

配列番号：237
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00250
 配列：
 GATCAATAAG CATGTCAGAC TGATTAATGT CTAATGTGAA AATTGGTAG TAAATTTNCA 60
 TTTGATATTA CATATAAATA TCTCAATATA AATAATTTNA 100

【0134】

【配列表44】

配列番号： 238
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00251
 配列：
 GATCTCTATG AATGTCAGAG CCCTAACTTT CAGGCTTTGC ATTTTGTATA TGGGAAGAAA 60
 TATGACAATC CTAGGTAATT AAACCATAGA CCCAAAGCCC 100

配列番号： 239
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00252
 配列：
 GATCTCCGTT CCGCTCCCAG CGGCTCCAGT GTAAATTCCC CTTCCCCCTG GGGAAATGCA 60
 CTACCTTGTT TTGGGGGGTT TAGGGGTGTT TTTGTTTTTC 100

配列番号： 240
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00253
 配列：
 GATCAGAATT GGCAGCACAN AGAAAACGCC CTCTCCTGAC TTGTATTGTG GCAGTCTGAA 60
 CGCCCCAGA AAATTGTGCC AAAGAGTTTA CGAAAAATA 100

配列番号： 241
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00254
 配列：
 GATCATCTTT CCTNTTCCAG AGAAGTGGGC TGGATGTCTC CATCTCTGTC TCAACTTTAC 60
 GTGTACTGAG CTGCAACNTC TTACTTCCCT ACTGAAAATA 100

配列番号： 242
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00255
 配列：
 GATCAGACGT TTTACAAATN CATGAAGCGA ATTGCTGCTT GTAAGGAGCA GATTTTAAGG 60
 TATTCCTGGA GTGGAGAGCC ACTCTTTTAA ACCTGCCCTA 100

【0135】

【配列表45】

配列番号： 243
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00256
 配列：
 GATCTCTCTG AGTCCTGGCA ACATCCAGCA AAACACTGCT TTATTCTCCA AAGAATATTG 60
 GGAGCTCTCA ATCCTCGGTG ATATGGGAAA GAGAACTGAG 100

配列番号： 244
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00257
 配列：
 GATCCCATGG ACATTTGGGG AAAGGGCTCC TTGGGCTGCT GGTGAACCTC TGTGGCCACC 60
 ACCTCCTGCT CTGACCTCC CTGGGAGGTG CTATCAGTCT 100

配列番号： 245
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00258
 配列：
 GATCTTTTAA GTTTCCTTCC CTACCCAGTC CCCATTTTCT GGTAAGGTTT CTAGGAGGTC 60
 TGTTAGGTGT ACATCCTGCA GCTTATTGGC TTAAATGTA 100

配列番号： 246
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00259
 配列：
 GATCACTAAT CAATAATCTG ATATTTAACA AAATATGGAC AGGCCACTTA TGCTCAGTTT 60
 TACCTTAGTT ATTCCTTGGT ATCCACAGGC CCAAGTCCCT 100

配列番号： 247
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00260
 配列：
 GATCAACTTA ATTCCTTTTC TTTATCTTCC NTCCCTCACT TCCCTTTTCT CCCACCTCT 60
 TTTCCAAGCT GTTTCGCTTT GCAATATATT ACTGHNATAAT 100

配列番号： 248
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00261
 配列：
 GATCTCAGAA CAATCAGATG CAAAGCTGAA AGAGATTGTA ACAAATTTCT NTGGCTGGAT 60
 TTGAAGCTTA AACTCCTGTG GATTCACATC ANATACCACT 100

【0136】

【配列表46】

配列番号： 249

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00262

配列：

GATCCATCTG CCTTGTGGC TGCTGCCCCT GTGGCTGCTG CCACCACAGC TGCTCCTGCT 60
CCTGCTGCAN CCCAGCTAAG GTTGAAGCCA AGGAAGAGTC 100

配列番号： 250

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00263

配列：

GATCCCATTG GAAGGAATGC TCTACCTCAC AGAACTCTGA ACCCTACAGA AATATGGGCC 60
TGCTGCCATT TCCTGAAGAC CGGGGCATCG GGGTGGGGTG 100

配列番号： 251

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00264

配列：

GATCCTCAAC TATTGAAAT NATGGACTGG TGGCCCTGGT ACAGAACCAT GACTGGCTGC 60
TGAATTCTGA AAACCAGGAC TTGGTTCAAC ATTTAAATTT 100

配列番号： 252

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00265

配列：

GATCTGTGGG AGGAATGGCA AGAGAAGCAA CCGGACCCTG AGAGAAGAGT GTTAAGGAAC 60
CTGCCCATGT GGTAGCTTG ACCTTTCTGT TGGGCATGAC 100

配列番号： 253

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00266

配列：

GATCAAATAT CACTAAATAC TTTAAATTGT TTCACTTAA GAGTCTAATC TGGGCCGTTT 60
TCAATTCATA GTAGTATATG TGTAATCTAA GCTCTTCAGA 100

【0137】

【配列表47】

配列番号： 254
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00267
 配列：
 GATCACCTTG GTGTTCTTG TTTGGAAGAT TATTTCTCT GAATTTCTGG GCTTGGTCTT 60
 CCAGTTGGCA TTTGCCTGAA GTTGTATTGA AACAATTTAA 100

配列番号： 255
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00268
 配列：
 GATCCAAGAA AACGCCAC TGCCTTAACC TTAAGTGTTC TTCCTGGCGC TAAAAAGAGC 60
 TGTATTTTTT AAAGTGCTGG GGCAACAAA GNANCCCCAA 100

配列番号： 256
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00269
 配列：
 GATCTTCTAA AAAAGGAACA GAAATGGTG TGAATGGAAC ATTAAGTCTCA AATGTAGCAG 60
 ACTCTCCCGG GAATAAAAAA GAGAAATCTT CATAATGAAT 100

配列番号： 257
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00270
 配列：
 GATCTAGGCA AAGAAGAATA CAAATNAAAC CCCNTTCTTT CTCGTTTCCN GTCCAACAAC 60
 TCTGTAGAGC TCTCTGCACC CGTACCCCT TTCCACCTTT 100

配列番号： 258
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00271
 配列：
 GATCTAAGAT GATTATTTTG TAAAGACTT TCTAGTGTAC AAGACACCAT TGTGTCCAAC 60
 TGTATATAGC TGCCAATTAG TTTTCTTTGT TTTTACTTTG 100

配列番号： 259
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00272
 配列：
 GATCTGCCAG CAGTGTCTT GCAATATGAG GAAGACAGT ACAGCCACAT TATGGCTCTC 60
 ATTGAACAGT ACGCAGCACC CCTGCCCCCA GCCGTCTTTC 100

【0138】

【配列表48】

配列番号： 260
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00273
 配列：
 GATCTATCAC CTGTCATCAT AACTGGCTTC TGCTTGTCAT CCACACAACA CCAGGACTTA 60
 AGACAAATGG GACTGATGTC ATCTTGAGCT CTTCAATTTAT 100

配列番号： 261
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00274
 配列：
 GATCTCACCA GGAGAAATGA ATATGTGAGG TGATGGATGT AACTAGCTTG ATTGTGGTAA 60
 TCAATTTTCG AATGTGTACA TATATCAAAA CATCACATTG 100

配列番号： 262
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00275
 配列：
 GATCAGATTT TNCATTTTTN AATGTTCCGT GTTTTCTTAA GTAGCATGTA TGACATTTAT 60
 AATNTTAAAA AATNTTTTAA AATATGTGTA TGATACATAT 100

配列番号： 263
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00276
 配列：
 GATCTCTGTC TTGAGTTTCT CCTTCCCAT CAGCTGAAGC ACTCTTCAGA GACTACGTCC 60
 GCAGACACTG ATGCTGAGGC CTCCCTGGAG GAAGGAGGGT 100

配列番号： 264
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00277
 配列：
 GATCAAGAAG GCTGGAACGG AACTGGTTAA CTTCTTGAGC TATTCGTGG AACTTGGAAC 60
 ACAGCCTGCC ACCCAGTGAA GTGTCCAGAC CATTGTCTTC 100

【0139】

【配列表49】

配列番号：265
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00278
 配列：
 GATCTGAGTC AGTCGGAATT TGTGAAACAG GGTAGCAAAC AAGATATTTT ACTTCCATGT 60
 ATACAATAAT TTTTTTAAAN NNTGCAATTT GCGTTGCAGC 100

配列番号：266
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00279
 配列：
 GATCTAGTGT AATGGAAGAC CTTTGAGAAC CTGGGTGTAT TAACTTTGTG TATATAGTGT 60
 AAATATCCC ACTGTACTGT TAGAGGCCAA CAATTCTAGT 100

配列番号：267
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00280
 配列：
 GATCCCTGGG ACCAACC GCA TCCTCAGCTT CTCCCCGAG AAATGCTGGA GCAGGCTGTT 60
 CAGACCGAC TTGCCATCAA AACACATACA CCCAGAAAGA 100

配列番号：268
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00281
 配列：
 GATCTGTAA AAAAGAAATC TGTTCACA GATGACCGTG TACAATACCG TGTGGTGAAA 60
 ATGAATTCAG ACTTATTAAA TGATGAACCT GTTAAATCTT 100

配列番号：269
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00282
 配列：
 GATCCTCGTC TTACAGCGAA TGGTTTCAAG ATAAAAATTGA TACCAGGAGT TTCAATTACT 60
 GAAAAATTACT TGGAAATAGA AGGAATGGCT AATTGTNTCC 100

配列番号：270
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00283
 配列：
 GATCTTTTGT ACTTTAGGAC ATTAATTTGT ACAACTTTTG TATATATAAA AGCTTAGGAA 60
 CTTTCTGTTT AGCAGGAAGG CAACACATTC CTACACTTTT 100

【0140】

【配列表50】

配列番号：271

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00284

配列：

GATCCTGAGA ACTTGGGAAT TCCTTGTAAC TGGAGCTCGG AGCTGCACCG AGGGCAACCA 60
GGACAGCTGT GTGTNCAGAC CTCATGTNTT GGGTTCTCTC 100

配列番号：272

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00285

配列：

GATCAGAAAA AGAAAGAAGC CAAAGAGAAA GGTACCTGGG TTCAACTAAA GCGCCANCCT 60
GCTCCACCCA GAGAAGCACA CTTTGTGAGA ACCAATGGGA 100

配列番号：273

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00286

配列：

GATCAAGATA TTAAAATNTC GGATTTATCT TTCCCCATAT CCAAGTACCA ATNCTGTTGT 60
AAACAACGTG TATAGTGCCT AAAATTGTAT GAAAATCCTT 100

配列番号：274

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00287

配列：

GATCTTGTGT ATTGAGCTTA TTGTTGAAAG GGATTTTGA AGGACAGAAC AATNACTCCA 60
TGATGAATCT CCCTTTCTCT GCCTTCTGAG CACCGTCTT 100

配列番号：275

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00288

配列：

GATCTGATTT GCTAGTTCTT CCTTGTGAGA GTTATAAACT GAGAGTGACG TCACTTCAGC 60
CAGAACATAT TCTCCATACT CTGCATATAA TTTGTGGCTG 100

【0141】

【配列表51】

配列番号： 276
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00289
 配列：
 GATCTAAAAT GTCAGCATCA TGC AAAAGTGC ACGATATATA GTGAATTNG CTCTAAAAGA 60
 GCATGAACAA GTCTTTCTAA TGTITTGTAC AGTGCCTGCC 100

配列番号： 277
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00290
 配列：
 GATCTGGCAC TGTGGGTTC TGCATGAAGA CAGTGGCTGG CGGTGCCTGG ACGTACAATA 60
 CCACITCCCC TGTCACGGTA AAGTCCGCCA TCAGAAGACT 100

配列番号： 278
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00291
 配列：
 GATCTGATT GCTAGTTCTT CCTTGTAGAG TTATAAATGG AAAGATTACA CTATCTGGAT 60
 TAATAGTTTC TTCATACTCT GCATATAATT TGTGGCTGCA 100

配列番号： 279
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00292
 配列：
 GATCAAAGAC ATCCTCATCC AGTATGACCG GACCCGTCTG GTAGCTGACC CTCGTGCTG 60
 CGAGTCCAAA AAGTTTGGAG GCCCTGGTGC CCGCGCTCGC 100

配列番号： 280
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00293
 配列：
 GATCGGGNTA CTACAAAGTT CTGGGAAAGG GAAAGCTCCC AAAGCAGCCT NGTCATCGTG 60
 AAGGCCAAAT NCTTCAGCAG AAGAGCTGAG GAGAAGATTA 100

配列番号： 281
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00294
 配列：
 GATCCAGCCA GAGGATGCCA CGCCAGCCCA GCGCTACCAG GCTGCCCAAG GGGGGCGGGC 60
 CTGGGAAGAG CCCTACACGG GGCAGCACCT AGGATGGGGC 100

【0142】

【配列表52】

配列番号：282

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00295

配列：

GATCCCATTA ACTCGATGCT GAGTATCTAC ATGGATACAT TAAATATATT TATGCGAGTT 60
GCAACTATGC TGGCAACTGG AGGCAACAGA AAGAAATGAA 100

配列番号：283

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00296

配列：

GATCCAAATC CTCATCTTAC TTTCCCGACC TTAAGGATGT AGCTGCTGCT TGTCTGTTC 60
AAGTTGCTGG AGCAGGGGTC ATGTGAGGCC AGGCCTGTAG 100

配列番号：284

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00297

配列：

GATCAAAGTG GCTGCAGCAG AGTTAGCTGT CTAGCGCCTA GCAAGGTGCC TTTGTACCTC 60
AGGTGTTTA GGTGTGAGAT GTTTCAGTGA ACCAAAGTTC 100

配列番号：285

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00298

配列：

GATCACATGA TTTTGTCT CAGTTCTATT AATGTTCTTG GATTCTGTTT AATGTTCTGT 60
TCACATTGCA GAAAAAGCAT TTGACAAAAT AATTCAGTA 100

配列番号：286

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00299

配列：

GATCTTGAAT TATTTATAAA CTGGAAAGTG GTTTGATTAT TGTGAGTCAA AACTCTAAGT 60
GGTAAAAAT TAGTATGAAT TTTTAGCTT CTAAATGAAT 100

【0143】

【配列表53】

配列番号：287
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00300
 配列：
 GATCCCAAAT ATGAAGTCAT CGAAAAACCC CAGGCCTGAA GAAATAAAGT AAAAATNAAT 60
 CTGTAATTT GTCACGGATT AGTTGTACAA CTAGTTAGAA 100

配列番号：288
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00301
 配列：
 GATCTCTGAG TGAGAGGGAA ANAGGTCAGA TTTATACAAC TGAGCGCCAG AGGGGAAAAAT 60
 GCACCTTGT GGAGTGAGAA ATGTTCTGAA ACTGAATTAC 100

配列番号：289
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00302
 配列：
 GATCACCTGT TTGAAACCAT CTCCTAAGCC ATGCTGAATG CTGTGGACCG GGATGCAGTN 60
 TCAGGCATGG GAGTCATTGT CCACATCATC GAGAAGGACA 100

配列番号：290
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00303
 配列：
 GATCGGAGAT GCTTTGTAAT CTA CTGTCCTA GCTGGAACA GCTCATGTTA CGCGGAAAAA 60
 ACTACAAGTA ATGTTCAAAT CTATTTTGGG TCATTTTAT 100

配列番号：291
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00304
 配列：
 GATCITTTGCT GGGAAACAGC TGTGAAGATG GACGCACCCT GTCTGACTAC AACATCCAGA 60
 AAGAGTCCAC TCTGCACTG GTCCTGCGCT TGAGGGGGGG 100

配列番号：292
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS00305
 配列：
 GATCCGCAAG ACCAAGTACC GCCCCGACCT GCGCATGGCA GCCATCCGCA GGCCAGCCTC 60
 ATCCTGCGCA NCAGAAGCCT GTAATNGTGA AGAGGAAGCG 100

【0144】

【配列表54】

配列番号： 293
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00306

配列：
GATCTCAAAA CACAGTGAGA GGTCTGAAGG CTGGCTTCTG AAGAATCCCT GATGTCTTAT 60
TGGAACAACC ACTGAGCTAC GGAGAGCTCT GCTGTGATCG 100

配列番号： 294
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00307

配列：
GATCTGAATT CTTTATGTAT ATTTGTAGCT ATATTTTATA CAAAGTGCTT TAAGTGTGGA 60
GAGTCAATTA AACACCTTTA CTCTTAGAAA TACGGATTCC 100

配列番号： 295
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00308

配列：
GATCATTTCCT TCTGTAGCTC AGGAGAGCAC CCCTCCACCC CATTGCTCG CAGTATCCNA 60
GAATCTTTGT GCTCTCGCTG CAGTTCCCTT TGGGTTCCAT 100

配列番号： 296
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00309

配列：
GATCTTGTAG AAAATTTTGA TGAGGCATCA AAGAATGAAG CTAATAAAA GTTTGGTTTT 60
TGGAAGCTGG CATGGACTAG ATTTAACAAA TCAGCTATGT 100

配列番号： 297
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00310

配列：
GATCAGATTA CCAGGAACAT CAGGAGTGGG TTCCTGCCCC AACCAAACCG CATTGCTGTG 60
GATTTTTTTA TTCAACTTAA TTGGCTATTC CAAAGATTTT 100

【0145】

【配列表55】

配列番号：298
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00311
 配列：
 GATCCCATAG ACCAGAGCCC ACCTTTTGA TAACTTAGT AAAGTCTTGG AGACTAGAAG 60
 CAAGATAGTT TGTGACACAT AAGCTTCCA AAAACTAGAA 100

配列番号：299
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00312
 配列：
 GATCCACCAA GCACGCCTAT GAATACAAAG TAACTATGA TTTTNATTGT GAAATTTTCA 60
 TAGATGAAA ATTGAATATN CTGTCCATTT CATTITACAA 100

配列番号：300
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00313
 配列：
 GATCCCAGCA AGCATAATGT CCTGTCTTCT AAGATGTGCA TCAAGCCTGG TACATACTGA 60
 AAACCCTATA ACGTCCTGGA TAATTTTGT TTGATTATTC 100

配列番号：301
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00314
 配列：
 GATCGGTGAC ATCGTCAAGA TGGGCGAGTG CCGGCCTCTG AGCAAGACAG TCGCCTTCAA 60
 CGTGCTCAAG GTCACCAAGG CTGCCGGCAC CAAGAAGCAG 100

配列番号：302
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00315
 配列：
 GATCGTTTCC AGATGAGAAT TCACAAGCGA CTCATTGACT TGCACAGTCC TTCTGAGATN 60
 TGTTAAGCAG ATTACTTCCA TCAGTATTGA GCCAGGAGTT 100

配列番号：303
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00316
 配列：
 GATCTGCTGG TGGAACTGGT GGATATGGTA GCAGAAGGTT CTAAAAACAG CAGAAAAGGG 60
 TTGAATGAGA ACCCTACTTG CCTAAATNAG GAATGTCTTT 100

【0146】

【配列表56】

配列番号： 304
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00317
 配列：
 GATCCGAGTG TGATTTGAAT TCTGTGATAT TTTCACACTG GTAAATGTGA CCTCTATTTT 60
 ACTTACTGCT ATAAATAGGT TTATATTATT GATTCACTTA 100

配列番号： 305
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00318
 配列：
 GATCTATGTT CCTCGATGTA GAGGGGTTGG TAGCAGACAG GTGGTTACAT TAGAATAGTC 60
 ACACAAACTG TTCAGTGTTG CAGGAACCTT TTCTTGGGGG 100

配列番号： 306
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00320
 配列：
 GATCTTTGTT TTGTGTTTAA CCATAATGGT TGTGTA CTGA ACCACTTCAT ATTTGTAATA 60
 TATAATATAT ATATATNNGN TNCCCTNAAG ACTCAGCCTC 100

配列番号： 307
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00322
 配列：
 GATCTAGCTC TGAATGTATG TTTCCTGACG TTTTACATTT CCACCTTCCT ATTCCATTCA 60
 TTAAGCTAGC CAACAATCCA CCATCCTTTA AAGAAAATCC 100

配列番号： 308
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00323
 配列：
 GATCCTAGCA TATGTAAAT TCAAATTAAT GTAAAACAGA TTAACAACAA CAAAGAAACT 60
 GTCTATTTGA GTGAAGTCAT GCTTCTATT ATAATTTGGC 100

【0147】

【配列表57】

配列番号：309
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00325
 配列：
 GATCAGATGG TTTTACTATT GTGGCAGAAG CGAGAAACT TTGTTTATTG AAAAAAAAAAG 60
 AAAAAAGAAAG CAAGAAAAAA AGATACTATG GGGTCAAGTG 100

配列番号：310
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00326
 配列：
 GATCGTGTAG GTCCTGTTTG TATGCGTTTG CTAATGGTAG CTAAATAACC AGTTTTTGT 60
 GTAAATGCAC CAATTCTGAA GGCACTTTAT GTACTACATG 100

配列番号：311
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00327
 配列：
 GATCGCTCAC AATNTTTCCT CCAAGAACCG CAAAGCCATC CTGGAAGAG CTGCCCCAAT 60
 GGCCATCANA GTCACCAACC CCAATNCCAG GCTGCGCAGT 100

配列番号：312
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00328
 配列：
 GATCGGGAAT GGTCTGTGTG TTATCAGCTG CGACTGGTTC ACTGCGNCTT AGACAAGCCT 60
 CATGGGGACT GGGGATTCTG GCCAGTGTA TTTCTGTCAA 100

配列番号：313
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00329
 配列：
 GATCAGACAG AATAATATT TCTAGTTATT ATGTGTAAGA TGAGTTGCTA TTTTCCAT 60
 GCTCATTCTG ATACAACTAT TTNCGTGTG AAATATCTAC 100

配列番号：314
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00330
 配列：
 GATCCCCGCC CTGGGGTCTG GTCCTCGCCC ATCCTGCAGG GATTGCCAC CGTCTTCCAG 60
 ACACCCACCC TGAGGGGGGC ACCAGGTTTA GTGCTGCTGC 100

【0148】

【配列表 58】

配列番号： 315

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00331

配列：

GATCGAGTCA AGATGAGTTA GTGGAGCTGG GCTTGGCCAG GGAGTCTGGG GACAAGGAAG 60
CAGATTTTCC TGATTCTGGC TCTAGCTTCC CTGCCAAGAT 100

配列番号： 316

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00332

配列：

GATCATGCTG CTGTGATACT GAGTTTTCTA AACAGCATAA GGAAGACTTG CTCCTGTGTC 60
CTATGAAAGA GTATAGTTTT GGAGGGGAGA AGTGGGACAA 100

配列番号： 317

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00333

配列：

GATCTCAGTT TCCTGGCTTT TCCTCCCTCA GCCCCCTCTC ACCCCCTTGC TGTCTGTGT 60
AGTGATTTGG TGAGAAATCG TTGCTGCACC CTTCCCCCAG 100

配列番号： 318

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00334

配列：

GATCATTGAA TGTGAGACCC TTCTAACATG ATTTGAGAAG CTGTACAAGT ATAGGCAGAG 60
TTATTTTCCN GTTTACATTT TTTTTTTGTT TTGGGGAAAA 100

配列番号： 319

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00335

配列：

GATCCGCCGT CACTGGGGTG GCAATGTCCT GGGTCCTAAG TCTGTGGCTC GTATCGCCAA 60
GCTCGAAAAG GCAAAGGCTA AAGAACTTGC CACTAAACTG 100

【0149】

【配列表59】

配列番号：320
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00336
 配列：
 GATCACCTCT GAGACCCACC TTGCTCATAA AAAAAATGCC CATGTTGGTC CTCTGCCCTG 60
 GACCTGTGAC ATTCTGGACT ATTTCTGTGT TTATNTGTGG 100

配列番号：321
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00337
 配列：
 GATCATATTT AATGAATTAT AGTATAATGC TTGCAGGCCC AGTACAAGCA TATATATNGT 60
 GCCTCTTACA GCCTTTGGAA TACATTGTTT CCATITTTTA 100

配列番号：322
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00338
 配列：
 GATCTTGGAC ACTTACAGAT TGAGCTGTAT GAATTCAGCG GGTCTCACTC CAGAGGGTCA 60
 GAACGTTTGC TTTAGTTTTT TCATCTGTTT TGTTCCTTGA 100

配列番号：323
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00339
 配列：
 GATCAAAGCT AGAAAATGNA GATTCCTTAG CCTGGATTTC CTTCTAACAT GTTATCAAAT 60
 CTGGGTATCT TTCCAGGCTT CCCTGACTTG CTTTAGTTTT 100

配列番号：324
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00340
 配列：
 GATCTCCTTA TATAGCAGCC AAAATCAATG AAGCTAAAGA TTTACTAGAA GGTCAAGCTA 60
 AAAAATGAAG TAAATGTATG ATGAATTTTA AGTTCGTATT 100

配列番号：325
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00341
 配列：
 GATCTGAAAA NATGTAGAGA AGATGAGTTG AGGACAGCTT TTCTAAGGCA ATGTNATGTC 60
 TTTCTTTTCT NATTTCTCTT TCTCTGCGTT GTNAGTTTTN 100

【0150】

【配列表60】

配列番号： 326

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00342

配列：

GATCTTGTTT ACAAGTAATC TGTGACAGT GCCAATAAAT NATAAAAAAA AAATTAACAT 60
GTCACAATGT AACGGATGAC CATATGCACA ATTCCATGAA 100

配列番号： 327

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00343

配列：

GATCTATTGA NAGCCCTCTC TCNCATTCTG TAATGAGTAC AGCAGAGACC TTCCTGCTTT 60
TAACTGGGGA CTCCAGATTT TCCCCAAACT TGCTTCTGTT 100

配列番号： 328

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00344

配列：

GATCATCCTA ACAATGTGGG GCTGTTAGGT TTTACCTTTG ANCTTTTATA GCACTGCAGA 60
AACCTTTAAA AAAAAAATGN TNNATGAATT TTTCTTTCC 100

配列番号： 329

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00346

配列：

GATCATGCTG CCCTGGGACC CAACTGGTAA GATTGGCCCT AAGAAGCCCC TGCCTGACCA 60
CGTGAGCATT GTGGAACCCA AAGATGAGAT ACTGCCACC 100

配列番号： 330

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00347

配列：

GATCTCTAGT ATAACACTCA GGCTACTGAG GTATTTTAGA GCAACAAGCT GGGTTACTTT 60
CAGAGCAACC AGCTTGACTG GAACTGAGAG TAAATTGGGA 100

【0151】

【配列表61】

配列番号： 331
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00348
 配列：
 GATCTAGGGA AGACAACGTA GTCACCCTCG GTGCTTCCTC TGTCTCCTCT TTCTCCCTGG 60
 CCTGTGGTTG TCCCCAGCC TCTGCCACCC TCCACCTCCT 100

配列番号： 332
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00349
 配列：
 GATCTCTAAT ATTTTAAAGC CCAAGCCCTT TGGACACTGC AGCTCTTTTC AGTTTTTGCT 60
 TATACACAAT TCATTCTTTG CAGCTAATTA AGCCGAAGAA 100

配列番号： 333
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00350
 配列：
 GATCAAATTC TAATGGAATT GAGCNGGTTT CTTATCCTAA ATGTTTCCTC CCTTTTNACA 60
 ATCTCTGTCC AGCACCTCTT GGTAAATAA TGTATGCTGT 100

配列番号： 334
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00351
 配列：
 GATCTTAAAG CAGAATGCCN TTTNCTTTT TTGCTTCAGT TGTAAGAAG AGGGAATACA 60
 TGATAAAGTA ACTGGTTTGA TTTCTCGTTC ATTGTACACT 100

配列番号： 335
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00352
 配列：
 GATCCAAGAG GAAGAATCCA GCTGCCTATG AAAATAACAA ATHAGCAACG CATCCGGATG 60
 ACGGTTCCCT GTCTCTGAAA GACCTTTCTC TGGAAGAGGA 100

配列番号： 336
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00353
 配列：
 GATCTACTTT GTTTCAGCAA AACAGCATT TTTGTTATGT TAATNATGGT TAATTTCCAT 60
 TTTATTGGTT TTATGTTTAT TTTAATTGT AAATGTTTTA 100

【0152】

【配列表62】

配列番号： 337
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00354
 配列：
 GATCAAAATG CTA AACATG ATGATTAAGT GCACACCGTG TGCCATAGAA TGGCACATGT 60
 CATTGCCAC TTCTGTGTAG ACATGGTTCT GGTTTAACTA 100

配列番号： 338
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00355
 配列：
 GATCTTTGTT CTAGGCAGCT GGGAATAGAC ATGGTACTTA CCTTAGAGTT TTCCAATTTA 60
 TCTCAATTTT ATATGGCTTG TGATTCATTT NCTTAATCCA 100

配列番号： 339
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00356
 配列：
 GATCCTTACG GAAAAGGAAC AGATTGTNCC TAAACCAGAN GAGGAGGTTG CCCAGANGAA 60
 AAAGATATCC CAGANGAAAC TGAAGAAACA AAAACTTATG 100

配列番号： 340
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00357
 配列：
 GATCTTTGCA GTNAATTTCT AGGAGCTGTT TATGTTTGA GGTAATTGGT CCTTTGTCCA 60
 TATATATNAG ATGTAAGTCT TATTTTCCAG TTTATCTTTT 100

配列番号： 341
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00358
 配列：
 GATCCAATTA ACATGTGGGG TTCTTGGTNT GGGTCTGGGG AGCTGAAGGA TTTNATGGAG 60
 CTGGTGCTTT GGAGGAATCT TAAGGGAAG NAGTAGAAGC 100

【0153】

【配列表63】

配列番号：342
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00359
 配列：
 GATCGCATCT NTAAACAGG TACAAGTTGA CATGAGGTTA GTTTAATTGT ACACCATGAT 60
 ATTGGTGGTA TTTATGCTGT TAAGTCCAAA CCTTATCTG 100

配列番号：343
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00360
 配列：
 GATCAGTGTG GAAGAAAGTG CAAAAGGAAC TTTTATATAT TTGACAGTGT AGGAAATTGT 60
 CTATTCCTGA TATAATTACT GTAGTACTCT TGCCTAAGGC 100

配列番号：344
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00361
 配列：
 GATCTNGAAA ATNATCATTG AACATATTAA TGGTTATTTT TTTTCTTGG ATTTCCAGAA 60
 AAGCCTCTTA ATTTTATGCT TTCTCATCGA AGTAATGTAC 100

配列番号：345
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00362
 配列：
 GATCAGTTTT TTCACCTGGA AGCATTGTGT TCTACTTTGA TATGACTGTT TTTCGGACAG 60
 TTTATTTGTT GAGAGTGTGA CAAAAGTTA CATGTTTGCA 100

配列番号：346
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00363
 配列：
 GATCTGAAGT TTTTATCTGC AGAGGCAAGA AAAATATTTA ACATTGTGAC TTGACTGTGG 60
 AAGATGATGG TTGCATGTTT CTAGTTTGTA TATGTTTCCA 100

配列番号：347
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00364
 配列：
 GATCAAAAGC TTATTCATCT GTTTTTCTTT TTCGTTGGTG TAAAGCCAAC ACCCTGTCTA 60
 AAAACATAA ATTTCTTTAA TCATTTTGCC TCTTTTCTCT 100

【0154】

【配列表64】

配列番号： 348

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00365

配列：

GATCTTAAAC CTATGATTCA GTAACCTCTT ACCATATAAA AACGATAATT GCTTTATTTG 60
GAAAAGAATT TAGGAATACT AAGGACAATT ATTTTATAG 100

配列番号： 349

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00366

配列：

GATCCGTGGC AGGGCTGCTG AGGCCTGTGG GTGGGACACC ANNTGCGAAA CCCTCATCCA 60
GTTTTCTCTC CATCTCTTTT CTTTGTACAA TCCCATTTCC 100

配列番号： 350

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00367

配列：

GATCCAGTGA CATTGTGAGT GAAGACGCAA ACAGGTTTTG AQTCTGCGAT GGCCGATGAC 60
CTTTTCTGTA GGCTTACCAG AAAAGTACAT NCAACAGTTC 100

配列番号： 351

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00368

配列：

GATCAAGAAT CTTTTGTGAA ATTATAGAAA TTTACTATGT AAATGCTTGA TGGAATTTTT 60
TCCTGCTAGT GTAGCTTCTG AAAGGTGCTT TCTCCATTTA 100

配列番号： 352

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00369

配列：

GATCCAGCTT GCCAGGGACT TAGGTTTATC CTGTTTTGTT TGCTACTGGT TACAAATTCT 60
ATTTTCTGTA CAATTAGTCA GACTAAAGTT TTCCTGTGT 100

【0155】

【配列表65】

配列番号: 353
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00370
 配列:
 GATCTCCGTA AACACATTTT TTTCTTAGT CTATCTCTTG TACAAACGAT GTGCTTTGAA 60
 GATGTTAGTG TATAACAATT GATGTTTGT TTCTGTTGA 100

配列番号: 354
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00372
 配列:
 GATCTACAAT NGGAGTTGTG AGTNGCAATC TTACATGGCT ACGHCTTTCG TTTGATAGCC 60
 AGTCATGGTN ACCACATGAG AACCATATGC TGAGATGCAA 100

配列番号: 355
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00373
 配列:
 GATCTTAAGC GTGCTTGAG TTCCATGCAA ATTCAATTCT GTTGATAATG TGTCCATAAT 60
 CAAATCATCA TCTTGCAATG CAAGGGCTAC CCCATAATTA 100

配列番号: 356
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00374
 配列:
 GATCTCGTTC CGCCGGTTCC CCTTGGCCGC CAGTTCCGTT CTCCTCACGG GCCGAACGGA 60
 ACAAGGGGTC CAGCTTGCGG GGGACCCCTC CCAGCCCAT 100

配列番号: 357
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00375
 配列:
 GATCAAGCGT GCTTTCCTTA TCCGAGGAGC AGAAAAATCGT TGTGAAAGTG TTGAAGGCAC 60
 AAGCACAGAG TCAGAAAGCT AAATAAAAAA ATGAAACTTT 100

配列番号: 358
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00376
 配列:
 GATCAAGTTC CCGCTGCCCC ACCGGGTNCT GCGCCGTCA6 CACAAGCCAC GNTTCACCAC 60
 CAAGAGGCCC AACACCTTCT TCTAGGTGCA GGGCCCTCTT 100

【0156】

【配列表66】

配列番号：359

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00377

配列：

GATCAAGGAT ATTTGAAATC ACTACTGTGT TTTNCTGCGT ATCTGGGGCG GGGGCAGGTT 60
GGGGGGCACA AAGTTAACAT ATTCTTGGTT AACCATGGTT 100

配列番号：360

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00378

配列：

GATCTCTAAT GAAAAAGGGA TGTCTTTTTG TTTATAGTCA TGTGGCAAGA TGAGAGTAAA 60
ACCAGAGAGC AAACCTCTAT AAGTGTGAG TATATGTATA 100

配列番号：361

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00379

配列：

GATCAGCTCT GAGGTGCACT TCTTCACATA CTGTACATAC CTGTGACCAC TCTTGGGAGT 60
GCTGCAGTCT TTAATCATGC TGTTTAAACT GTTGTGGCAC 100

配列番号：362

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00380

配列：

GATCNGGGCT GGATTGACGG ATGTCACCCC CNATCCCCCTC GTGACATGCA CGTCNGCAGG 60
AATGGGGGGT CTGCNGTGGT CGCCNGTCGT GTGAACAAGA 100

配列番号：363

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00381

配列：

GATCTAGAAG AATATGTCAA ACTATAAACT GCTTGTNATT GTNAATGACT TTGTNCTTTG 60
CTTGTNTTTT TCAATTTCTT ATAATGCACA TACTAACTTT 100

【0157】

【配列表67】

配列番号：364
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00382
 配列：
 GATCTTCTAT GTAACAGTTG AAATNTGGA GTGACGTCAC TTACCTGTCT AACGTGGTGT 60
 GCGNGAGAAT TTACAAGTCC TTTATTGNA GAATAATTGT 100

配列番号：365
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00383
 配列：
 GATCAAGAAT TTGGGTGGGA GAAAAGAAAG TGGGTTATCA AGGGTGATNN GAAATTTTCT 60
 GCAGCATTAA AGCTGCGGCT TAATAAGAAT AAGTAATAAT 100

配列番号：366
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00384
 配列：
 GATCTGAAAC TAATAGTAGG AGTTTCCCA GAAGTCATTT TCAGCCTTAA TTCTCATCAT 60
 GTATAAATTA CCATAAATNA TGCATGINTG TTTACTTTAG 100

配列番号：367
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00385
 配列：
 GATCTGAAAA GCGCTCTNCA CTGCTTTATC TCATGATGCT TGCTTGTAAG ACTTGATTNN 60
 AGTTTTTCAT NKCTCAAATA GGAATACTAC CTTTGAATTC 100

配列番号：368
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00386
 配列：
 GATCTGCCAG GNTGGGTGGT TCTACTGCTT TCTCAATTT TAAGAACCTT TTTTTTTTCT 60
 NAAAGAGTTC TGCTGAATTA TTTGACAATA TTTGNAAGTA 100

配列番号：369
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00387
 配列：
 GATCACAGTG TCAGAGACGC GTCCTCTTTC TTGGGGAAGT TGAGGAGTGC CCTTCAGAGC 60
 CAGTAGCAGG CAGGGGTGGG TAGGCACCTT CCTTCCTGTT 100

【0158】

【配列表68】

配列番号： 370

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00388

配列：

GATCCCAGGA GACACCAGGG CCAGAGTGAC CACAGCAGGG CAGGCATCAT CGTGTGTGTG 60
TGTGTGTGGA TGTGTGTGTG TGGGTTTTNT AAAGAATTCT 100

配列番号： 371

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00389

配列：

GATCTACAAA TGGGAAGCTT GTGAGTGGCC CATCTTTGTT GGCCTACGAA CTTTGGTTTG 60
ATGCCAGTCA GGTGCCACAT GAGAACCCTT GCTGAGATGC 100

配列番号： 372

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00390

配列：

GATCAGCTAT TAAATTTATA TAAAACATAG GCATGTTTGT ACTAATGAAA CGTACTGTCA 60
ACCTCTATCA CATTGTTAAA TTAACACTTT TGGTGGTAAC 100

配列番号： 373

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00391

配列：

GATCTTTTTA ATNATAATTT NNCATGTATT TGTTTCCTAG GAGCAAGTGT TCCNTGCTGC 60
CAGTTCTTTC CTCTTTTAGG CGTGGTCGAG AAAAAGCAGA 100

配列番号： 374

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00392

配列：

GATCTAAAAT TTATTGTGGT GATGTTTGCA TAACAGTGCA AATATACTGA AAACCACTGA 60
ATTTTACACT TTAAATCAGT GGCTTCTGTG GTATGTTATC 100

【0159】

【配列表69】

配列番号： 375
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00393
 配列：
 GATCTGGTAT TAGGAAATTA CTTTCACAGT AAATATCAAA GAAAAAAGAT TAAGGGTCTC 60
 TTTGCCATGC TTTTCATCAT ATGCACCAAA TGTAATTTT 100

配列番号： 376
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00394
 配列：
 GATCTGAAAA AGAACACTGT GCGAGATTGT ATTCTGCTT ATCCTTTCCA AGTTAGTAGG 60
 CAGATTGGAA CTATAGAATT TATCCGTGAT AATAATAAAG 100

配列番号： 377
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00395
 配列：
 GATCTAAAGA GAAACTGTAG ATTGTTTTCC TGACAGCAAA AGACTAATGT GACAAAATGA 60
 AGTCATTGTA AAGAAGCGAT GCAACTTGTC AAATATTTAA 100

配列番号： 378
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00396
 配列：
 GATCACAACT GAAAGATAAC AAGAGATTTA AGTTTTAAGG GCATTTAATC AGGAGGAAAG 60
 GTTTGGAAAA CTAACTCAGG TGTATTTNTT GTTTAAGCAG 100

配列番号： 379
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00397
 配列：
 GATCTGTGTT AGAATGAGTG CTTTCCCTTC CTAAGTATGT GATTGTGGAT TAGGAATTCC 60
 TGACCGAGTG ATTTTGGCC AGTGGTTGGG TTTAAATTC 100

配列番号： 380
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00398
 配列：
 GATCGCCGCC CTGCTGGCCA CCTGCGNTGG NGCTGGCNCCT CGTGGTCGTC CGCCTGAGAA 60
 AGTTTTCTCC CTCCTGAAGC GAATAAAGGG GCCGCNCGCC 100

【0160】

【配列表70】

配列番号： 381
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00399
 配列：
 GATCAGGCC GGTGCCTGCA GACCTGGTGC TCCCTCGGGC AGGGCTGGGT GCCGCACCGC 60
 CTGCTGGCTT TTCTGGCAGC TCCTCTGTAT CAGAACCAAT 100

配列番号： 382
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00400
 配列：
 GATCAGGCAG TCCTTNAGGA TAGACAGATA TACACACCAC ACACACACAC CACATACACC 60
 ACACACACAC GTCCCCATCC ACTNACCCAC AACTACACA 100

配列番号： 383
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00401
 配列：
 GATCTNATTT GTAACCCACT GAGAGGACAG AGAGAAATAA GTGCCCTCTC CCACCCTCTN 60
 CCTACTGGTC TCTCTATGCC TCTCTACAGT CTCGTCTCTT 100

配列番号： 384
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00402
 配列：
 GATCTTAATA TATTTGAAAA AAACCTTCATT CTCGTGAGTC ATTTAAATGT GTACAATGTA 60
 CACACTTGGT ACTTAGAGTT TCTGTTTGAT TCTTTTTTAA 100

配列番号： 385
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00403
 配列：
 GATCTCAGTT CTGCGTTTAT TGTAAGTTGA TAAAAACATC TGGAAGAAAA TAACTAAAAAC 60
 TGTGTTGCATC TTTGTATGTA TTTATTACTT GATGTAATAA 100

【0161】

【配列表 7 1】

配列番号： 386
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00404
 配列：
 GATCACCTTT TCAGAAATTT AGATGTGAAC ACCAAAAGAA GCATTNCTC AACAAAAATT 60
 AATAGCTGGT TCTATTTTTT TAAACCTAG AAAAAATAAA 100

配列番号： 387
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00405
 配列：
 GATCAATAGG GAGAGAAAAT CCACATTCTT GGGCTGAACG CGGGCCTCTG AACTGCTTA 60
 CACTGCACTC TGACCCTGTA GTACAGCAAT AACCGTCTAA 100

配列番号： 388
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00406
 配列：
 GATCTTTATT ATGGAAANCA TTTCAAGTTT ACTCCTTCTG TTTTAAGTTT TGTAGCAGTG 60
 TACCCACGCT GGGTATTACN NCCNAAATAA TCTGTNAGTG 100

配列番号： 389
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00407
 配列：
 GATCGANCTG CGCAANTGNG NAAGCTGCAG AGGACATCGC GTACCANCTC TCACGCTCTC 60
 GGAACATCAC CTACCTGCCA GCGGGGCAGT CCGTGCTCCT 100

配列番号： 390
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00408
 配列：
 GATCTCTCAA AAAACAAAGA ATTACATGAG TTAGTACATG AAAAAATTAT GGGAAACTAC 60
 ATGAAATATA CTGTTACGTT CAATAAACAT TAGCTTCTGT 100

配列番号： 391
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00409
 配列：
 GATCTCTTCC CCCAACTTCC TAACACTTAT TAATTTATGA AACTGTTTTT CTCAGCGCAG 60
 TTTTGTTTTG TGTGTCCATT GGATTACAAA CTTTATTAAT 100

【0 1 6 2】

【配列表72】

配列番号： 392
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00410
 配列：
 GATCTCTCTC TTCTCGCGCG CGCACTCTCT CTTCAACACT CCCCTGCGTA CCCCAGTTCT 60
 AGCAAACACC AATTGATTGA CTGAGAATCT GATAAAGCAA 100

配列番号： 393
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00411
 配列：
 GATCTATAAA AAGTNAGCAA CTGATGTGTT TGANAAGCAT CCTTGTCTTT ATATCCTAAT 60
 GTTTGGATGT NTCTTTCCTA AAGTNTCACA AAAATNAGTG 100

配列番号： 394
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00412
 配列：
 GATCCTAGGA AGAGAGAACA GAGTGGCTCA CAAGCCCCAA CACAGTNAGC AGCAGATGAC 60
 AGGCACNCTN AGACCACACT NTAGGCCACC CATGGGNCCA 100

配列番号： 395
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00413
 配列：
 GATCACCACN TAAGTCAGAA AAATGTATTT TTAAATGTTT CTTGAAGTGC CTTTTGAACA 60
 TTTTAAACA GCGGATTTAA ATAATGCATA AANTAAATTG 100

配列番号： 396
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00414
 配列：
 GATCACCTTA GTTTGATTCT ATTTTTTAGC TTGCAAAAAG TGACTTATAT TCCAAAGAAA 60
 TTAAATGTT GAAATCCAAA TCCTAGAAAT AAAATNAGTT 100

【0163】

【配列表73】

配列番号：397
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00415
 配列：
 GATCGTNACG CTGGCATCTA TAGATAACGG CTCTCCAGAC CTGAGCTTTC CGCGTCANAA 60
 TGTAGGAATN GTTTTTCCTG CAGAGAATAA AAGGACCACG 100

配列番号：398
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00416
 配列：
 GATCTTATTG AAGGACATCT TACAGCTTCC CAATGAGAGG CCAGGAAGTG TGAACATACT 60
 GATAGAAAAA GACTATATTT TATCCCTCAT AAAATGTTTT 100

配列番号：399
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00417
 配列：
 GATCACTGAG TGTACAGAAG AGAGAAATTC AAACAAAATA TTGCTGTTCT TCAGTTTTGT 60
 TTGTGGAATT TAAATNACT CAAATTTAAA ATAAATNACT 100

配列番号：400
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00418
 配列：
 GATCTAAGAG TTTACCTGGC TACAGAAAGA AGATGCCAGA TGACACTTAA GACCTACTTG 60
 TGATATTAA ATGATGCAAT AAAAGACCTA TTGATTTGGA 100

配列番号：401
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00419
 配列：
 GATCATTCTG AACTGTACAT ATTTATGTNG CGAGAGGCCAA AGGGCAAGTT TTGGATTTTC 60
 CTTCTTCCAA GTTTGTTTTT AAACGACAAA TAAAAAAGA 100

配列番号：402
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00420
 配列：
 GATCTGAATC TNTGACTTAT TGATTATGGA ACCTGTCAAG TAGTTTTNAA CTCTCCCACT 60
 GAGGATAATT AACATGCTC AGCCTGAGCC ACCTCTAAGT 100

【0164】

【配列表 74】

配列番号： 403

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS00421

配列：

GATCGTTCTT CATGGGGGTA AGAAAAGCTG GTCTGGAGTT GCTGAATGTT GCATTAATTG 60
TGCTGTTTGC TTGTAGTTGA ATAAAAATAG AAACCTGAAT 100

配列番号： 404

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS00422

配列：

GATCCCCCTCA AAAGGCAGGA NTGCTGCCCT CTNCCATGGT GCGCGTNCCT CTTTGCTGTN 60
TATGTNAACC ACCCATGTAA GGGAATAAAC CTGGCACTAG 100

配列番号： 405

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS00423

配列：

GATCANCTCT AAGGTGCAAC TNCCTCCACA TACTGTACAT ACCTGTNACC ACTCTTGAA 60
GTCCTGCAGT CTTTAATCAT NCTGTTTAAAN CTGTTGTGGC 100

配列番号： 406

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS00424

配列：

GATCTGGAAC TTGAAGATGC CATTATACA GCCACTTAAC CTAAAGGGAA AGCTTTGAAG 60
GGCAAATGAC AGAGGGTAAC ATAGGAGGTN GGATNCTNAA 100

配列番号： 407

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS00425

配列：

GATCTTTGAT ATATCATAGT CATTAAAAGA CNTTTTCGTA TTTGTATTGA TAATGTATTA 60
AAAGTNGTTT GTNCTTAATA AAAGACTTCT TTAANCATCT 100

【0165】

【配列表75】

配列番号：408
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00426
 配列：
 GATCCCCGGC CTCAGTCCCT ACTCTGCTTT GGGATAGTGT GAGCTTCATT TTGTACACGT 60
 GTGACTTCGT CCAGTTACAA ACCCAATAAA CTCTGTAGAG 100

配列番号：409
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00427
 配列：
 GATCACCTGC AGCTGGCCAC ACCACAGGCC CCCGNTGCCT GCAGCACTAC TCMGTNCCTN 60
 AAACACCTGG CTTGCTAGGA GGCTCCAATA AAGCTAACCC 100

配列番号：410
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00428
 配列：
 GATCCTCAGA ACTTCTCTGG GACAATTTCA GTTCTAATAA TGTCTTAAA TTTTATTTCC 60
 AGCTCTGTT CTTTGGAAAA TTTCCATTGT ATGTGCATTT 100

配列番号：411
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00429
 配列：
 GATCAGCAAC ATTTGCTGAG CTTGTTTTN AAGCTAATGT GTATTCTKAC TAATNTNCCT 60
 ATCAAGAATG GATTTGTAAT ATATNCTGTC TATTTCTAAT 100

配列番号：412
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00430
 配列：
 GATCTGTAAG CACAGTCTTA TTTNCTTTTG TTGTCCAGAA TACTTATAAT TCTTGAGCCT 60
 CCCAGAAATT GGAAGCTAAA TAAAGCAACT CAAGTTTCCT 100

配列番号：413
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00431
 配列：
 GATCAGCATC ATTGGAACAT GGGGACGAGT GACGGCAGGA GGACCACGAG GAAATACCCT 60
 CAAAATAAC TTGTTTACAA CAAAATAAAG TATTCCTAC 100

【0166】

【配列表76】

配列番号： 414
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00433
 配列：
 GATCTATCAC TCTCGTNCTT GTAGCTCCCA GCCGAGGACG TCGGATGTAA TCGTCCTTNC 60
 TGCTTTGCCA CCCATTCCC GTCAATAAAG TGGTTTGAAC 100

配列番号： 415
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00434
 配列：
 GATCAAACCT TTCTGGCCTG TTATGATTCT NAACATTTGA CTTGAACCAC AAGTGAATCT 60
 TTCTCCTGGT GACTCAAATA AAAGTATAAT TTNACCTGC 100

配列番号： 416
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00435
 配列：
 GATCAACACA AAGCACAATG NATTACNCGN AATTCAGTAT TTTCAAATTT ACATATTTAA 60
 AGTCATGCAA GCTGTAACCT CCCNGTCAA ATTACTNGCT 100

配列番号： 417
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00436
 配列：
 GATCATAAAG NNCTATCAAG GAGTTCTATC AAGGCATCCA TGTCAGTGGT GCTATGCTGG 60
 TTACAACTTG AGATTTTGA AATAAAAAAT TTGTCATAAA 100

配列番号： 418
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00437
 配列：
 GATCAACAGG CTTATTAGAA GAATGAACTA AGGTGTCTAC CATGATTATN TTTCTAAGCT 60
 GCTTGGTTAA TAAACAGTAC CTGCTCTCAA ATTGAAAAAG 100

【0167】

【配列表77】

配列番号: 419
 配列の長さ: 96
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00438
 配列:
 GATCTTGTGC TGTGTCAAAG TAACAGACTA GAACCTTCTT TCAAGTACCT GAATTGAAAT 60
 GAAACTCATT TTGAATAATA AAANCTCTAG AAACCT 96

配列番号: 420
 配列の長さ: 99
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00439
 配列:
 GATCTGTAAT AGCATATTGT AGATGCACTT TGCAGCAGTT GGAAAAGAAA GTGTTGTGTG 60
 ATTTGATTGA AATAAACTA AATGTGTTGT CCTCCTAAA 99

配列番号: 421
 配列の長さ: 95
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00440
 配列:
 GATCCCTGTG CCAGGAGCCA ACCTGGTCTT CCCGAGGGTC AGTGCCCCAG TGAAGACAGA 60
 AGCGAGAGAA TAAAGTTCCC TGTAGGTCCT CTGTC 95

配列番号: 422
 配列の長さ: 97
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00441
 配列:
 GATCCTCCCA TCCGNGTTGT GAGCACAGGC ATTTGTGTCT GGTCTGTCTT CCTGTGTGAT 60
 TNGCTGGCA TTTCCGGTAT TAAATNATA AAATAAA 97

配列番号: 423
 配列の長さ: 92
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00442
 配列:
 GATCCTGCAT ATCTCAAGGA CCCTAAAGTT TGTAACATCA GATATCGGGA ATAAATTCTA 60
 TCACGTTACC ACTAATAAAC TTATTTTACA GT 92

配列番号: 424
 配列の長さ: 92
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00443
 配列:
 GATCTGTATT TTGCAATATT TTCTTCATAT GTGGCTTGTC TTTTGGTTCT CTTAACAAGG 60
 TCTCTTCCAG AGTATAAACT GTAAATATTA AG 92

【0168】

【配列表78】

配列番号： 425

配列の長さ：98

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00444

配列：

GATCTGGACA GAATCGCCGG ACAGGTGGCA GCTGCAACAA GAAGCATTAG AACAAACCAT 60
GCTGGGTAA TAAATTGCCT CATTGTAAT CCTGGAAG 98

配列番号： 426

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00445

配列：

GATCTATTCT GAGTATTTTT TAGAGAGTTA ATATTTATAT TTTTAGTAAT TTTCTGGTAG 60
AAGGAAATTG CACAATAAAA TNATTTGGTT TGGTTTGAAA 100

配列番号： 427

配列の長さ：93

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00446

配列：

GATCGTTGGC ACCATAGCCT TATGGCCAAC AGGTGGTNTG TGGTGAAAGG GCGGTGGAGT 60
TTCAATATCA ATAAACCACC TGATATCAAT AAA 93

配列番号： 428

配列の長さ：94

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00447

配列：

GATCTGTGTT TNCCCTGACG AATGGAATTT ATCCTCACAA ATTGGTGTTC TAAATGTNTT 60
AAGAACCTAA TTAAATAGCT GACTACAAAA CAAA 94

配列番号： 429

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00448

配列：

GATCCCAAAC CTTACGGCCA AGTTTCTTCT AGTATGATGG AAAGTTTCTT TTTTCTTTGC 60
TCTGAATAAA ACTGAACTGT GGGTTCTCTA TAAGTGGCAT 100

【0169】

【配列表79】

配列番号：430
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00450
 配列：
 GATCTACCA CTGCACTCCA GCCTGGGCAA CAGAGCGAGA CTCTGTCTCA ACAACAACA 60
 CAAAAAGTCC TGAACATGAT TGTGGAAGTG TGTGCTCTT 100

配列番号：431
 配列の長さ：87
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00451
 配列：
 GATCTGGTCC ATGAGGCTGC CCAGAGAAAG CACTGCTTCT NTATGTCTCT TGTGGTATTG 60
 GAACAATAAA CCCGTACAAC CTGCAAA 87

配列番号：432
 配列の長さ：93
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00453
 配列：
 GATCATACTT GAAAGTGAAC TTTAACATTG AAAAATCGTA CAGTCATTC AAGAATAAGA 60
 AAATAAAATT TTCTCTTTGT CTGAACCTGC AAA 93

配列番号：433
 配列の長さ：85
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00454
 配列：
 GATCCCATGT GCTCTCACAC CATGTTTTG TACAGAACTG ATGGTTGAAT CTTGTTCTC 60
 TTGAATAAAA CAGAAGAAAA TGAAA 85

配列番号：434
 配列の長さ：85
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00455
 配列：
 GATCTATTAA AGAAGTAATT GGCCTTTCTG AGCTGATTTT TCCATCTTTT ANAACTNNTC 60
 TTTATTAATAA AATTGTACTT GGAAA 85

配列番号：435
 配列の長さ：91
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00456
 配列：
 GATCTCATTC CATGGGAAAA AAAAAAATCC TGTCTTNTTC ANAAATTGAC AATGTAAATA 60
 AATTNAAATA TGGTTCACIG TTA CTCTTAA A 91

【0170】

【配列表 80】

配列番号： 436
 配列の長さ： 84
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00457
 配列：
 GATCTGAGAA ACAGGTGTGA CAAGAGCATG AACCANAGGT GCACCTGGGG CAGTTCCTA 60
 ATAAACTGG TTTGTACAGT CAAA 84

配列番号： 437
 配列の長さ： 82
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00458
 配列：
 GATCATGAGA GTGCCTGTCC CTTGTGAGCA CTATGAAAGT GTTAGCTGTT CTTTACCAGA 60
 ATAAATGCAT TTCTATATCT TC 82

配列番号： 438
 配列の長さ： 82
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00459
 配列：
 GATCACCGAC TGAAAATATT GTTTTACAAT AGTTCTGTGG GGCTGTTTTT TTGTTATTAA 60
 ACAAATAATT TAGATGGTGA AA 82

配列番号： 439
 配列の長さ： 79
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00460
 配列：
 GATCTTGATG GATTTNCATA CGATTGTAAA TGNAGCTATA TTAAAGTCTA TTAAAGGAAG 60
 CCCTTCTTGT TTGAGGGAG 79

配列番号： 440
 配列の長さ： 86
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00461
 配列：
 GATCTATGCT TGTTTGTITT TGTAATCCAT ATCATAGTTG CTTTCTTTAA TTGTTCCCTC 60
 TGAATAAACA GTTTATTTAA GATAAA 86

【0171】

【配列表81】

配列番号: 441
 配列の長さ: 78
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00462
 配列:
 GATCCAGTCA CTGACTCTGT CTGGTGTGA CAGAGGATTT ATTTAAGCTA TTATTTTAAT 60
 AAAGAACTTT GTACATTT 78

配列番号: 442
 配列の長さ: 85
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00463
 配列:
 GATCTACATA CAAACAAATG CAACCAACTA TCCAAGTCGT TATACCAACG TAAACCCCC 60
 AATAAACCGT TGAACATGTG ACAA 85

配列番号: 443
 配列の長さ: 86
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00464
 配列:
 GATCTGCTTT TACTTTGTAA TTTGTAGTTC TCAAAAGACT TTTTTTAAA AAAATAAAGN 60
 CCATACTTAC ACTTAGGCTT TATAAA 86

配列番号: 444
 配列の長さ: 83
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00465
 配列:
 GATCATTTCTG AGTGTGCGAG TGTGTGTGCA CATGTTACAA AGGCANCTGC CATGTTAATA 60
 AAATATTCAA TTTGAAATCC AAA 83

配列番号: 445
 配列の長さ: 77
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00466
 配列:
 GATCCAAACT GTCTTTTTTT TGTATCTGTT ATTTAAAGCC CAGTGGATAT TTCAATNAAA 60
 AAAAAATCT AAAGATG 77

配列番号: 446
 配列の長さ: 80
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00467
 配列:
 GATCTGACCA CCTCTGCCCT GTCCACCAGG ATAAGTGACA CCTAGGACCC AGGAAATAAA 60
 TGCCGATGAT TTGTGTGAAA 80

【0172】

【配列表82】

配列番号： 447

配列の長さ：73

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00468

配列：

GATCTTACAG GGAGAGAGAT TGGGTGCAAT TTGCCTCTTT CTTTGAATAA AAAGCTCTTT 60
GCTCACCTC AAA 73

配列番号： 448

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00469

配列：

GATCAAAAGT CTACATAACT AATACTCACA GCTGAGCTAT GTAGTATGCT ATGATTAAAT 60
TTACTTATGT AACTTTTATT GTCTTTGGCA TTAACAGTGT 100

配列番号： 449

配列の長さ：75

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00470

配列：

GATCCAGGCG CCACGCTGGC GGTTCGTGAG TGTCGAGGCA CCACTAAATA TAGCTGTCTG 60
CCGTCCACTC ATAAA 75

配列番号： 450

配列の長さ：72

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00471

配列：

GATCAGATTG TTAAGCTTTT CTGTTTTATT TCTTTTGAGA ACCTTTGAAT AAAAAACATC 60
TGAAATTTTA AA 72

配列番号： 451

配列の長さ：73

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00473

配列：

GATCTCTTTG TAGCCATCCT GTTAAATTTG TAAACAATCT AATTAAATGG CATCAGCACT 60
TTAACCAATG AAA 73

【0173】

【配列表 83】

配列番号: 452
 配列の長さ: 68
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00474
 配列:
 GATCATGTCT GAATTATGTA TGAAAAATTAT TCTATGTTTT TATAATAAAA ATAATATATC 60
 AGACATCG 68

配列番号: 453
 配列の長さ: 68
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00475
 配列:
 GATCTCTACC CACCCCATGC CTCTCCCNAG TCTTGGATAC TAATAAAATG ATAAGCATTG 60
 TGGTTCTC 68

配列番号: 454
 配列の長さ: 67
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00477
 配列:
 GATCGTAATG TAAATTTCTT TTACCATGTA CAAGAATTAT TAAATACAG GTACTTGACC 60
 ACATTCT 67

配列番号: 455
 配列の長さ: 70
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00478
 配列:
 GATCGGGCCC GGGGGCCTGA GCCTGGGACC CCACCCCGTG TTAATGAAAA ATNAGTTTTG 60
 GCAGCGCAAA 70

配列番号: 456
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00479
 配列:
 GATCCTTTGA GAATGACTTA CACTGGAAAT GCGAACATTT GCAGTAAAAA AATATATATA 60
 TATCT 65

配列番号: 457
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00480
 配列:
 GATCATGCAT TTAGATTTAT ATTTTNNCCA NAAAATACAA GGTATAATA AAAC TAAGAN 60
 CTACC 65

【0174】

【配列表84】

配列番号： 458
 配列の長さ： 70
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00481
 配列：
 GATCTCTATT GTAATCTCTA TTGGAGATTA CAATGATTAA ATCAATAAAT AACTGAAACT 60
 TGAANATAAA 70

配列番号： 459
 配列の長さ： 64
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00482
 配列：
 GATCACTATT TTGCATCAGT AAAATGATTT TTTTAAACC AATAATCAT CAATTATTAG 60
 AAAT 64

配列番号： 460
 配列の長さ： 63
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00483
 配列：
 GATCACAGTT GCGTCATTGT GTATTAAATA CTTGGAATAA ATCAAGCAGG TCTCAACGCC 60
 AAA 63

配列番号： 461
 配列の長さ： 68
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00484
 配列：
 GATCATTAAAT TGTAAGCGC TTTGTAAAT TCACATTTAC AAAATAATAA AGTCAGTTCA 60
 AACCTAAA 68

配列番号： 462
 配列の長さ： 62
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS00485
 配列：
 GATCTGTGTC TGAGTCATCT TTGTATCTTG CCTAGCACCT ATCAATAAAT ACTTCTTGAA 60
 TG 62

【0175】

【配列表85】

配列番号: 463
 配列の長さ: 61
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00486
 配列:
 GATCATGGGA ATATGCAGAA TTTCCAATGT ATTTTAAAT ACAAATAAAA TTGTAATTTA 60
 G 61

配列番号: 464
 配列の長さ: 61
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00487
 配列:
 GATCTAACAC TAACTGTATT GTTTTGTAC ATCAAATAAA CATCTTCTGT GGACCAGGAA 60
 A 61

配列番号: 465
 配列の長さ: 61
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00488
 配列:
 GATCTCGGCT CACTGCAATC TCTGCCTCCC GGGTTTCAAG CTTGTCCAGG NNNATCTCAA 60
 A 61

配列番号: 466
 配列の長さ: 61
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00489
 配列:
 GATCAACCTG AGTTTAAAA TACCTTTAAT AAATATNAGT NGAAAAAATG TCTACTTNAA 60
 A 61

配列番号: 467
 配列の長さ: 60
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00491
 配列:
 GATCAAACAC CCCACCCTCA CAAAAATGGC CACGTTGCAA TAAAAATTGT GGCATATTAC 60

配列番号: 468
 配列の長さ: 86
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00493
 配列:
 GATCTTTATT TTCCCTTTGT ATTCATTTTA AGCATCTAAA TAAATTGCTG TATTGTGCTT 60
 AATGTAAATA TTTCCTTTAT TACAAA 86

【0176】

【配列表86】

配列番号： 469
 配列の長さ：66
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00494
 配列：
 GATCTCTACT ACTGTTGATT TTGCCCTCGG AGCAAACCTGA ATAAAGCAAC AAGATGAAAA 60
 CTGAAA 66

配列番号： 470
 配列の長さ：70
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00495
 配列：
 GATCAAACCTA GAACTCATAT GCCATACTAG ATATGGTTGT CAATAAACTT ATGACGTGAA 60
 AAAAAAGAAA 70

配列番号： 471
 配列の長さ：56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00496
 配列：
 GATCCAAAAA GTGCGCGATG CGAGTAGTCA AGTCGTACTC CGCCATCTTG CCAAAG 56

配列番号： 472
 配列の長さ：65
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00497
 配列：
 GATCTAAAGC TCTTTCGATT TTATACTGAT TAAATCAGTA CTGCAGTATT TGATTAACCA 60
 AGAAA 65

配列番号： 473
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00498
 配列：
 GATCTAAGGC AAGAGTTTCA GATTTACTGT TGGAATAGA CCCAACTCTT CATG 54

【0177】

【配列表 87】

配列番号： 474
 配列の長さ： 56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00500
 配列：
 GATCATAAAT ATTAATGGNG AAAACACTGT AGTAATAAAT TTCNATATGC CAGAAA 56

配列番号： 475
 配列の長さ： 52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00503
 配列：
 GATCTGTTCA GTGTCACCTCT GTACCCTCAA CATATATCCC TTGTGCGATA AA 52

配列番号： 476
 配列の長さ： 54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00504
 配列：
 GATCCCCGGT NGGTTTTGTG CTCAAAATAA AAAGCCTCAG TGACCCATGA GAAA 54

配列番号： 477
 配列の長さ： 57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00505
 配列：
 GATCATCCGG TTATAGAGCA TAATTTGCCA ATAAAGCTTT TGGAAGCGGG AAAGAAA 57

配列番号： 478
 配列の長さ： 54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00506
 配列：
 GATCCAGTGT TGGAATTCTT TGGTGTAAT AAACGTTTGG TTTTATTTAT CAAA 54

配列番号： 479
 配列の長さ： 51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00507
 配列：
 GATCTCATTT ATTGCCACAG ATGCACAAAA TAAATAACCC AAAATCACAA A 51

【0178】

【配列表88】

配列番号：480
 配列の長さ：80
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00510
 配列：
 GATCATATAT TTTGACAAAA TATATTTATA ACTACGTATT AAAAGAAAAA AATAAAATGA 60
 GTCATTATTT TAAAGGTAAA 80

配列番号：481
 配列の長さ：77
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00511
 配列：
 GATCCAAAAC TTTAATGTTG CACHTGTATT CCAAATAAAG GGTAAAAACA GAACCAAAGT 60
 TATAACTCCA ACACAAA 77

配列番号：482
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00532
 配列：
 GATCAAAAAG AAGGCTTAGA ATTCTGCAGT TAAGCTGAGG TTAAACTAA AAANTGTTTC 60
 CTTGGGTCAG TGGTTTNNAG GTCCAGTAGC TAGGCTTTTT 100

配列番号：483
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00533
 配列：
 GATCAACCTG GAGCTCTACG CCTCCTACGT TTACCTGTCC ATGTCTTACT ACTTTNACCG 60
 CGATGATGTG GCTTTNAAGA ACTTTGCCAA ATACTTTCTT 100

配列番号：484
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00534
 配列：
 GATCAAGAAA GTGGGGGGAA AAAAAACAAA CGTTAAAACC TCAATCCTCA GTAGGAAGGT 60
 AGATTACATT ACGTGAAATT ATAGGTAATC TATGTATGTC 100

配列番号：485
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00535
 配列：
 GATCTGTCAG CTGCTTAATT AATTGAAACT TCTCTGTCAT TGATGTTGCA TITCCAAGGA 60
 GATAATCTCC TTCTTGGTGC CTAATTTTCT AGATGATAAT 100

【0179】

【配列表89】

配列番号： 486

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00536

配列：

GATCCTGAGC NTGGTGCTGT GCTGTGGCAT CCGGAACAGC TCCGTGTACT GAGGCCCCGC 60
AGCTCTGGCC ACAGGGACCT CTGCAGTGCC CCCTAAGTGA 100

配列番号： 487

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00537

配列：

GATCTACTGT CTTTGTTCAG AGGTCAAATA AAAACCTAGT CTCCTTTTAT TCTACTTTCT 60
ATTCTTAGCT AGAATGAAAC TCAGCATATA TACACTTCTG 100

配列番号： 488

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00538

配列：

GATCTTAATT TTGAAATTGA CATGAAAGTG TCATATCAGT AATCTGTGAA CCACCAGTCC 60
TTGGTACCTA TCAGAGGGTC AAAAATCAGG ATTAATATA 100

配列番号： 489

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00539

配列：

GATCATGCTT TTNGTGCCTG TCACCAGGTC TCCCAAGTGC ACTCATCCAG GTCAGTGCTC 60
AGATGTGTTT AAGGAGACCC TATATTCAGG GAAGTTGCGT 100

配列番号： 490

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00540

配列：

GATCTTCTGG CTCTACCACC ACAAGATATT ATCCTTGAT CTNATGTGTT CTTTGAACCA 60
GAAGATTTTA AAGACATTTT GGCTACAATA TATTTNTTAA 100

【0180】

【配列表90】

配列番号：491
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00541
 配列：
 GATCTGCAGC TCTCAGAGGA CGACTGAGGC AGCCCATCTG GGGGGCCTGT AGGGGCTGCC 60
 GGGCTGGTGG CCAGTNTTTC CACCTCCCTG GCAGTCAGGC 100

配列番号：492
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00542
 配列：
 GATCCTTACA TCTGCCCAT TCTGTGGTTAG TCAATGGCTT GCAATAAATG TGCAAACCTGC 60
 ATCTATAGGA AACATTTTTG TGATTACGGA ATACTTTAGT 100

配列番号：493
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00543
 配列：
 GATCCACTAC CGGAAGAAGA AACAGCTCAT NAGGCTACGG AAACAGGCCG AGAAGAACGT 60
 NGAGAAGAAA ATTGACAAAT ACACAGAGGT CCTCAAGACC 100

配列番号：494
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00544
 配列：
 GATCITAAAA ACTAATTCT AAGATGATTI CATCTTCTCA TAGTATAGAG TTTACTTTGT 60
 ACACGTTTGA AACCAACTAC TGTAGAAGAT GAGGAATCTA 100

配列番号：495
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00545
 配列：
 GATCTACCCC GGACACGGGA GGGGCTACGC CAGGNCAGAC GGGAAAGGTTT TCCAGTTTCT 60
 TAATGCGAAA TGGGAGTCGG CTTTCCTTTC CAAGAGGAAT 100

配列番号：496
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00546
 配列：
 GATCAAGCTG ACAGACCCNN CTCTGCTCTG ACCTGGAGGT CTCCACTCTG GTCAGCAAGT 60
 ATCCAGACAT CAGGGATGAC CACATCGGTG CGCTNCTGGC 100

【0181】

【配列表 9 1】

配列番号： 497

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00547

配列：

GATCCAAGAA ACAATTTCTG ATAATTGTGT GGTGATTTTN TCAAAAACAT CCTGTTCTTA 60
CTGTACAATG GCAAAAAAGC TTTTCCATGA CATGAATGTT 100

配列番号： 498

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00548

配列：

GATCTTGACG AGGCTGCGGT GTCTGCTGCT ATTCTCCGAG CTTCGCAATG CCGCCTAAGG 60
ACGACAAGAA GAAGAAGGAC GCTGGAAAGT CGGCCAAGAA 100

配列番号： 499

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00549

配列：

GATCCTCTGN CACGGGATAA ATTTNCAGGN GAAGAGTGAG GTTGTCATGG CCTCAGCTAT 60
GCTTCCNGGC TCTCCCTCAA GAGTGCAACC TTGGCTAGAG 100

配列番号： 500

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00551

配列：

GATCCCCAGC TGCCACTGAA TCTGGCTGCC CTTCAGGCCC ACCTGGCCCA GGAGAACCGT 60
GTGGTGGCCT TCTTCAGCCT GGCTCTACTG CTTGCCCCAC 100

【0182】

【配列表92】

配列番号：501
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00552
 配列：
 GATCTAAGCT CCAGGCACGC CTGAAGATGT GTTGCTACTC TNACATCCCG AGTTTCTGTC 60
 CACACATTGC ATGCACAGCG CCCACACAT TGGATACTGT 100

配列番号：502
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00553
 配列：
 GATCAACCAA TTTTNCATAA AGTTCAGTCG AAAGCTTTTA AGTATAGCTT CCTCCCTTGA 60
 AAAAAAATGT AAACATATGAC TGCTGAGTGA TAAACACTG 100

配列番号：503
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00554
 配列：
 GATCCCAAAA TTCCACTTTT CAACACAGAT GTGGACAACC TAGAAGGGAA GACACCACCA 60
 GTTTTTNCCT CTAAGGCAA ATACAGGGCT CTGAAAATGG 100

配列番号：504
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00555
 配列：
 GATCCAGCAG AGAAGGATGA AAAGGGCATG CCTGTGACAG CTCGTGTGGT GTTTGTTTTT 60
 GGTCTGATA AGAAGCTGAA GCTGTCTATC CTCTACCCAG 100

配列番号：505
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00556
 配列：
 GATCCAGATG CAGAGGCCAG GATGTGGGCC CAGCCCTGTG CCAGGAGGCT GGCTGGAATA 60
 AAGGTACAGA TAGAGGCCTC ACCCCCTCTG GGACCACTGG 100

【0183】

【配列表 93】

配列番号：506
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00557
 配列：
 GATCAAAGTT GGCAAGGTGC GGA CTGAGA CATGGCGGC TACAGACCAC AACCGACTTC 60
 ATCAAGTCTG TCATCGGTCA CCTGCAGACT AAAGGGAGCT 100

配列番号：507
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00558
 配列：
 GATCCAATTC AGGTTAGGCT TGTTGATTT TTTTTCAG AAAATGTATT CCATAAAGTT 60
 TGTACTTAGA CCAGACGGGT GTACTAAGAA TCATTCATGA 100

配列番号：508
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00560
 配列：
 GATCAAACAG GTTCAAAGTA AAACGTAAA TTTCACATT NTTTTAAAGA ACTCTTAAAG 60
 TGTAAACAGTT ACGCCATACT TCATAAGTGG TAAAGAAAGG 100

配列番号：509
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00561
 配列：
 GATCCTAAAT GTGTTGCTGA AATCAGGCAG CCCGAGCCTC TGGTCTCTCC AGAGAGCCCG 60
 TTTTCACATT TGTATATTC TCAGCACTCA CCCGAAACTG 100

配列番号：510
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00562
 配列：
 GATCCTCACC CTCCTGAGGC CCAGTGGGGA AGAATGAACA TGGCTTCATC CAGGTAACT 60
 NATGCTGCCA TTTGCCCAGC CTCCTCCATC CCAGCCCTGT 100

配列番号：511
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00564
 配列：
 GATCTGATTC AGAAGGGCGT CATCCAACAC AAAGAGAAAT GCAACCAATG AAGAATCAAG 60
 CCAGTGGGC AGGGCAGAGG GACCTTTGAT AGGCTACGAT 100

【0184】

【配列表 94】

配列番号: 512

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00565

配列:

GATCTTCTTT ATAATTCTAC TTTGAGTGCT GTCTCCATGT TTGATGTATC TGAGCAGGTT 60
GCTCCACAGG TAGCTCTAGG AGGGCTGGCA ACTTAGAGGT 100

配列番号: 513

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00567

配列:

GATCCCANAC TGGTCNTTGA ACAGACAGAA GGANGTAAAG GNTGGAAACT ACAGCCAGGT 60
GTGTACTGAA ATNAGGGCAG GATTAGAGGA AGGGTGGAGG 100

配列番号: 514

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00568

配列:

GATCTNAGGG TGAACCACTT CATTCTGCAG GTTTCTCCCT CCCACCTTAA AGAAGTTCCC 60
CTTATGTGGG TTGCCTGGTG AATGGCCTTC CTTCCCGCCA 100

配列番号: 515

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00569

配列:

GATCAACAG TTTCTGGAGT GTGCCCAGAA CCAGGGTGAC ATCAAGCTCT GTGAGGGTTT 60
CAATGAGGTG CTGCANCAGT GCCGACTTGC AAACGGATTG 100

配列番号: 516

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00571

配列:

GATCATGAGA AGGAATGGAA ACTAGGCCGG TGCATTTTAC GGTTCCTGA GATTCTGCAA 60
AAGATTTTAG ATGACTTATT TCTCCACACT CTCTGTGATT 100

【0185】

【配列表 95】

配列番号： 517
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00572
 配列：
 GATCCAATCA GATGCAGACA ATGTGGATAC AGAATAATGT ACAAGAAAAG GACTAAAAGA 60
 TTGGNCGTTT TTATGCTCG ATGAATGCTG GGAATTCAGA 100

配列番号： 518
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00573
 配列：
 GATCAGAGCA AAACATGCAG AGCCCTTAGC AGAAACCCAC TTTAATGCAT TTTGTTTATA 60
 TCCCTAAAGT TCCTTAAAAA TATGTGACAA TGCATCAGGA 100

配列番号： 519
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00574
 配列：
 GATCCAAAAT CATACTGTCA AGACCATCAA ACAAACAAA GAAGCTTAAG TGAACCTAAGC 60
 ACAGGGAAAA GTTGTTTTTT CACTCGTTCA TTTTGTATC 100

配列番号： 520
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00575
 配列：
 GATCCCCCTG GAAGAGGGAC TCCAATGGGC ATGCCCCCTC CGGGAATGCG GCCTCCTCCC 60
 CCTGGNATGC NAGGCNTTCT TTNACCCTTG GCCACAGAGT 100

配列番号： 521
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00576
 配列：
 GATCTGCCGTG GGGCTGGTGG TGTTTGGTGT CCTGCTCATC ATCCTGATTG TNCTGCTGGT 60
 CGTCTTTTCT CCTCAGAGCA GTGACAGCAG TAGTGCCCCA 100

配列番号： 522
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00577
 配列：
 GATCACACCA GTTCAGAGAG CTACACTTTA TGGGTAAACAG TTTACCTGT NATACAGTTC 60
 CCTAGAACAT TTTCCAAAAA GTAGTGAAGT GCAAAGTGCT 100

【0186】

【配列表 96】

配列番号： 523

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00578

配列：

GATCCATGTA CTGTCATGTT TTTTTCAGG AACAAGCACA TCATGATTGA TTTGGGGACT 60
GGCAACAACA ACAAGATTAA CTGGGCCATG GAGGACAAGC 100

配列番号： 524

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00579

配列：

GATCTCACCG TGGGTCCGAT TAGCCTTTNC TCTGCCTTGC TTGCTTGAGC TTCAGCGNAA 60
TTCGAAATGG CTGGCGGTAA GGCTGGAAG GACTCCGGAA 100

配列番号： 525

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00580

配列：

GATCAGAGAG ATTAGGATTG TATTTTGACA TAGGATTTGG AACCCATCTA AATGTTGAAG 60
TTECCTGAGA CAGCTCTCCA GCTGCTNNGC CTGCGCCAGG 100

配列番号： 526

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00581

配列：

GATCTGGTCG CTGCCCCAGG GGGACTGATG GGCAGNGTCG CCCCTGTGGC TGGACTGTNA 60
CCATCCCTGA TGGGGCCTGA CCGCGGGAGC TGAGGAAGCG 100

配列番号： 527

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00582

配列：

GATCTNTGGG ACGTCAGCTG CTGAGAGGAG CAAGCGGTAG TACCACCCCT TAGTTGAGGG 60
AGTCAGCACA GTCCTTTCTG CAGCTTCTAA CCCAGGACCA 100

【0187】

【配列表 97】

配列番号: 528
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00583
 配列:
 GATCAAGAAC AATGCCTCCA CTGACTATNA CCTATCTGAC AAGAGCATCA ACCCTCTGGN 60
 TGGCITTTTC CACTATGGTG AAGTGACCAA TGACTTTTTC 100

配列番号: 529
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00584
 配列:
 GATCTCCAAG CNAACTCAGC CTCCANCCAA NCTCCCTGTG GGTCCCTAGCC ACAAGCTCTC 60
 CAACAATTAC TATTGCACTC GCAATGGCCG CCGGGAATCT 100

配列番号: 530
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00585
 配列:
 GATCAAGAGG AAAGAGAAGC TAACAACCAG AACCCTGGA CATTGAGCG AATAGCCACT 60
 GCCAACATGC TGGGCATACG GAAAGTACTG AGCCCATATN 100

配列番号: 531
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00586
 配列:
 GATCTATGGG TTGACTAATT AAACAATAAT TCAAGTAGAG TGTCCCAGAA AAAAACCCT 60
 TGGGCTCCCT GTTTGGAGTC TGGCTGGCTC TGAGCATTCG 100

配列番号: 532
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00589
 配列:
 GATCCGCGGG CTTCCACTNC ACCATCGGAT GTTGGCCACT CAGACTGAGG GGGAGCTCAG 60
 AGTGACCCAA ATTCTCAAAG AAAAGTTTCC ACGAGCTACA 100

配列番号: 533
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00590
 配列:
 GATCGGGTTT GGCCCCAGC CCCGCTCAGC CCAGTCCCTC TTCCTCTGCC GGGAGGGTGT 60
 TTTCAACTCC AAACCCAGA GAGGGGTTGT AGATTGGGTC 100

【0188】

【配列表98】

配列番号： 534

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00591

配列：

GATCAATCAC CTTCTGCTGC TTGGATGGGT GGATTTGGTG CTCAGCCTCC CCAAGGACAA 60
GCTCCTCCCC CTGTAATACC TCCTCCTAAC CAAGCCGGAT 100

配列番号： 535

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00592

配列：

GATCAAGCCT TTCTTTTATT CCTCTCTGA AAAGTATTCC AACGTGATAT TCCTTGAAGT 60
AGATGTGGAT GACTGTCAGG ATGTTGCTTC AGAGTGTGAA 100

配列番号： 536

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00593

配列：

GATCCAGAAT ACCCTGACCT CGCCCCAGTT CCAGCAGGCC CTGGGCATGT NCAGCGCAGC 60
TTTGGCCTCG GGGCAGCTGG GCCCCCTCAT GTGCCAGTNC 100

配列番号： 537

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00594

配列：

GATCCTGAAG AGATTGAAAA AGAAGAGCAG GCTGCTGCTG AGAAGGCAGT GACCAAGGAG 60
GAATTTGAGG GTGAATGGAC TGCTCCCGCT CCTGAGTTCA 100

配列番号： 538

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00595

配列：

GATCCGGTNT TGGTGCCAAT GTCTCCAAC TCACTTTTGC TCCTAGCAGC ATTATATTTT 60
ACCTGGGACA TGCTGCTATG CTGGGACTCA TGTATGTCTA 100

【0189】

【配列表 99】

配列番号: 539
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00596
 配列:
 GATCTTGTAG CCTAGATAGG ATAGTNTGAC CTTCTAGCAT AGTCTTTTTC GCAAATNATT 60
 TGTGTTTTCA GTGTGTGGG AACCTGTCCT GGGGGCTGGG 100

配列番号: 540
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00597
 配列:
 GATCCTATGG CCATGACCCA GAAGTATGAG GNGCATGTNC GGGAGAGCAG GCTCAAGTAG 60
 AGAAGGAGGA CTCAGTGAC ATGGTGGCTG AGCACGCTGC 100

配列番号: 541
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00598
 配列:
 GATCGTGTTC ATGGTGAATC CAAGTTGGGA GGAAATGAAA TAGTATCTTC NTTGAAAGGA 60
 ATATTGACTC TTTTGTCTAC TACATAAAAG AAAGATACTC 100

配列番号: 542
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00599
 配列:
 GATCCGTGAC AAGCGCACAG GCAAGACCAA GGGCTACGGC TTCGTCAGCT TCAAGGACCC 60
 CAGCGACTAC GTGCGGCCA TCGTGAGAT GAATGGGAAG 100

配列番号: 543
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00600
 配列:
 GATCGAACGG ACTGTGAATC CGCTCTTGT CGGAAGCTGA GCAAGCTGTG GCTTTTTTCC 60
 AACTCCGTGT GACGTTTCTG AGTGTAGTGT GGTAGGACCC 100

配列番号: 544
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00601
 配列:
 GATCCTCGGG TGTTCTTCCC ATCAGATAAA ATAGTTCACT ACAGACAGAT GTTTTATCT 60
 ACTGAACCTAC AAAGAGTAGA AGAGCTTAT GATTCAATTAT 100

【0190】

【配列表100】

配列番号： 545

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00602

配列：

GATCATCATC CGAGTGCAGA CCACGCCGGA CTACAGCCCC CAGGAAGCCT TTACCAACGC 60
CATCACCGAC CTCATCAGTG AGCTGTCCCT GCTGGAGGAG 100

配列番号： 546

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00603

配列：

GATCGTTATG AATATCAAAT GTCCATTTCT ATNGTAATGA ATTCAGTGGG ACCATCACAC 60
AAAAGCACAC AAAGACCTCC TCCTCCACAG GGGAGACAGA 100

配列番号： 547

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00604

配列：

GATCCTGAAA TCTACTAGAG ACACCCCTAA GCCATGAATG AACTACATCC AAATACCTGA 60
NTTTTGGAA TCTGTTTCAT GGATTTTCA TCTTCTACCG 100

配列番号： 548

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00606

配列：

GATCTTTTTT ANATAAANNT TATGTATTGT GGCATAATCC TTTTTTTGAG CTCTACAGAG 60
AACAGTCTTT TGGTAATAGT GGCAGGTATT TATTCCTTCT 100

配列番号： 549

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00607

配列：

GATCGGTGTG CCCCCTGCG AGGGGCCCC CATGGGGCTG NTGGCCCNCT CGCAGTCAGG 60
ACATCCCAAC CCCTGGNTGG GACTGAACCA CCCAGAGCGG 100

【0191】

【配列表101】

配列番号： 550
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00608
 配列：
 GATCCAGACT GTAAGATGTT GTTTTAGGGG CTAAAGGGGA GAAACTGAAA GTNTTTTACT 60
 CTTTTCTAA AGTGTGGTC TTTCTAATGT AGCTATTTTN 100

配列番号： 551
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00609
 配列：
 GATCACTAGA TTTATGGAGG AATTNGTCAC AAATNACTTN TAGAAAAATG CTGTCATATA 60
 GTTCATITCA TCATTTTCTG TTGCAGGAAG CCACTCCACC 100

配列番号： 552
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00610
 配列：
 GATCACCGTG TGCTCAGGCC AGGTGTGAAT CCTGAGGTCC ATGGAGGTGC AGAGATGAGA 60
 TTACTCCTAT TCACGTTGAA GTGATTTGCT TTGTTAACAA 100

配列番号： 553
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00611
 配列：
 GATCCCNCGG ACCTGAGACT TANNCTTCCA GCCAGTGTGA ATCATTGTAT TTTGTCTCAT 60
 AATCACAGCA CXCCTGCATG ACACAACAAC GTGCAGCATT 100

配列番号： 554
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00612
 配列：
 GATCTTGAAG AGACCGCTGG CAGCACCAGT ATTCCCAAGA GGAAGAAGTC TACACCCAAG 60
 GAGGAAACAG TTAATNACCC TNAGGAGGCA GCCACAGAAG 100

配列番号： 555
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00614
 配列：
 GATCCACCTA GCCTCAGCCT CCCAAAGTGC CGCCGGGATT ACAGGCGTNA ACACCATGAC 60
 TGCCCTTCAT TATCTCTNTT TTAATAATGA AAAAGTTTAT 100

【0192】

【配列表102】

配列番号： 556
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00615
 配列：
 GATCCTCACC GTGGAGGACC ATTATNATNA AGGTGGCATT GGTGAGGCTG TGTCCAGTGC 60
 AGTAGTGGGC GAGCCTGGCA TCACTGTCAC CCACCTGGCA 100

配列番号： 557
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00616
 配列：
 GATCCCCTCT CTGAAGAGAA AGGAGGAAAG AAAAGAAAAA AACAGAAACA GAAGCTCCTG 60
 TTCAGCACCT CAGTCGTCCA CACCAAGTGA CACTACTGGN 100

配列番号： 558
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00617
 配列：
 GATCCCTACT TGGNAGTTAA CCCTAACTAC TTGCTCGAAG ATTGAGATAG TGAAGTAAC 60
 TGACCAGAGC TGAGGAAGT TGGCACAGCA CCTCGTGGCC 100

配列番号： 559
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00618
 配列：
 GATCTTAGCT AGTTCATCAC TTCCTCAGGG AAACATTCCC TAATTTCTGT CACAGAGTAA 60
 GACCCGTTGT TATACGTCTC ACCTGACCAT GTACCTCTAC 100

配列番号： 560
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00619
 配列：
 GATCTGGGGG CCACCACCCT GTGCCGGTGG CCTCTGGGCT GCCTCCCGTG GTGTNAGGGC 60
 GGGGCTGGTG CTCATGGCAC TTCCTCCTTG CTCCACCCC 100

【0193】

【配列表103】

配列番号: 561
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00620
 配列:
 GATCCNGTGC TGAAGAGAA ACCAAGAAA AAGATGACAT TCCAGAAGAA GACAAAGGAA 60
 ATGTAAACA ATGTGAAATC AATTATGTAA AGAAATTTCA 100

配列番号: 562
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00621
 配列:
 GATCTTCCTG AAGTNTCTCC CCGTTTNGTG CAGCTGGCCA TACCCAGGT GGACATNATG 60
 AGTCAGGCTG ACTTAATTNC TCATGAGCAG ACCATCCCAG 100

配列番号: 563
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00622
 配列:
 GATCACTTGT CCTATTACCC TATACCTAGC ACTTGTGACA CCACCCCTAA ATCACITTGA 60
 GCCTGGGAAA TAAGCCCCCT CAACTACCAT TCCTTCTTTA 100

配列番号: 564
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00623
 配列:
 GATCTGCTTC TCCAGTTTTT GAGGAGCCAG CCAGGGGTCC AGCACAGCCC TACCCCGCCC 60
 CAGTATCATG CGATGGTCCC CCACACCGGT TCCCTGAACC 100

配列番号: 565
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00624
 配列:
 GATCAGATTT TGCTAAATGG AAATAATATA ACAATGCTGG TTCCTGGAGG AGAAGGACCT 60
 GAAGTGTGAA TGAGTTTCCT TGACTTACAC TAGATTTTGT 100

配列番号: 566
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00625
 配列:
 GATCTATTTG TAGATTAGGA TTAATAATGGA TTTAATCCAT TTTTAAGGCT GTGTGAATTT 60
 TTCTAAACAA GAACCATTTG CAATATGGAT TTCTTAGAGA 100

【0194】

【配列表104】

配列番号： 567
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00626
 配列：
 GATCTGGAAC TTTGCACATG TCACTACTGG GGAGGTGTTT CTGCTCTAGC TTCCACGATG 60
 AGGCGCCCTC TTTACCTATC CTCTCAATCA CTACTCTTCT 100

配列番号： 568
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00627
 配列：
 GATCTNAGGA GCTTTAGGGA GAAGACTTGG TGGGGCTGGA GCACACCTTG GGNCTCANTG 60
 GTTCTGTGT CCCNGTGGTG CCANTCCTTC TGGGCAGTGC 100

配列番号： 569
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00628
 配列：
 GATCTGCCAT AAGAAAATCT AGTTCAACTC TAATTTTATG TAGTAAATAA ATTGGCAGGT 60
 AATTGTTTTT ACAAAGAATC CACCTGACTT CCCCTAATGC 100

配列番号： 570
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00629
 配列：
 GATCGACTAC AGAGTACTTN TTTCTTATGA TGATTGGTGT AGAAATGTGT GATTTGGGTG 60
 GGCTTTTACA TCTTGCCTAC CATTGCATGA AACATTGGGG 100

配列番号： 571
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00630
 配列：
 GATCTTGCTC CTTCAGACTC TGACCTGAGT GGAGACCTTT CCACCAGACA CAGCTCGGGC 60
 CTGTGTAATT GTAGGAGAAG AACTCAGCA GTGATTGCCA 100

【0195】

【配列表105】

配列番号: 572
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00631
 配列:
 GATCTTTNGC TAGGTGGATG ACTAGTNATA TTCAAAAGCCT TTTCTCAAAG CCCTTTCAGT 60
 TACAACCACC CCACTATGGA ATCAGTATTT AGTTATACAT 100

配列番号: 573
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00632
 配列:
 GATCTTGATA TTCTGTACAA GTTGATGTAA TACCCTGATG CGTTTTAGAG GACTTGGCAT 60
 AAAATNAAAG NTGGCAAAG GCCCTTGAGG GGCTTGGGGA 100

配列番号: 574
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00633
 配列:
 GATCCTGACA AGAAGAAAAT GNAGCTCAAA GTCAAAAATT CTCGTGAAAA ACGNAGTTTG 60
 GCCTCTCATC TCAGTGGATA TATCCCTCCC ANAAGGANAC 100

配列番号: 575
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00634
 配列:
 GATCANGCTG GCTGCAAAGA AGGGACTGGA CCCATACAAT GTACTGGCCC CAAAGGGAGC 60
 TTCAGGCACC AGGGAAGACC CTAATTTAGT CCCCTCCATC 100

配列番号: 576
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00635
 配列:
 GATCACCCCTT GTAATGTGTT ACGGGTCCAT TTTTCCTGGA ATCGTTTAAAT CTAAAGCAGT 60
 TTCCCTGTT TTGGAGATTT TTAGTTAAT TTTAATTTTG 100

配列番号: 577
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00636
 配列:
 GATCTAACCA TTTTCATACT CTTAACTGAT TGAAACAGAT TCAAAGAAGT ATCGAGTGCT 60
 ATGCATTGAA ACTTGTTTTT AAATGTTAGA TGGCACTATG 100

【0196】

【配列表106】

配列番号： 578

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00637

配列：

GATCTNTGGT GGCAATGNCT GACCAGTAGA CTGGTGGCTC ACTTCTNCCC ACCTGCCGGC 60
AACACCACTG CCAGGAAAAG GCCAAAAGAA TGTNTGTTTC 100

配列番号： 579

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00638

配列：

GATCTACTGG CGAGCGATGA AAATGTTGCA GGGAGAGTCA GCAGAGGCAT TTGTAGCTAA 60
ACATGCTATG CATCAGACTG GCCATTTATG AAGATGAAGA 100

配列番号： 580

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00639

配列：

GATCATTGCA TTTTCCTGTA TTTTCTAAAA TGGCTCCAAT TTTGTNTTTT AAGCTTCAGC 60
TTAAGAGGAA GTTTATGTTT TAATTCTTGA CTGAGAATAC 100

配列番号： 581

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00640

配列：

GATCTTTTGA AGGGCAAAAC TACAAGTAAC GAGTTTTATA TAATTAATTT AAATTTNTNA 60
CAGGTTTTCA TGTTCAGGAT AAACCATACT TCCACCTTGG 100

配列番号： 582

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00641

配列：

GATCTGCCCTG TCCCTTTTTT CCCTGGGGTT TGACACACAG GCTCCTCTCA GCATGAGGTG 60
GAGCAGTGAC CAGGTGGAGC AGTGACCAGG ACGCCTCTGG 100

【0197】

【配列表107】

配列番号：583
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00642
 配列：
 GATCTGGGAC GTGGTTCGGC GGANAGTCCC CAGCCCGGCC CCCTGCCTGG GACCACCAGG 60
 CCCCCAGGAG AAGCCGCCTG AGCCACAACC TTGCGGCATG 100

配列番号：584
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00643
 配列：
 GATCAGGGCC CACTGATGAT GGTGAAGAAG AGATGGAAGA AGACACAGTC ACAAACGGGT 60
 CCTGAGCAGT GAGGCAGATG TATAATAATA GGCCCTCTTG 100

配列番号：585
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00644
 配列：
 GATCCGAGTC GTCCGGAAAT CCATTTCGCC GTNTTCTCAC AGTTATTAAC CAGACTCAGA 60
 AAGAAAACCT CAGGAAATTC TACAAGGGCA AGAAGTACAA 100

配列番号：586
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00645
 配列：
 GATCAGGACC CACCTNCAGT NCTTCTGAAA GTGTGACAGT GTCCAGCCGG TTCTGCAGCA 60
 CTAGGGGAGG GGGCAGATGG TGGTTGCATG GGCTTCCTGG 100

配列番号：587
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00646
 配列：
 GATCTACTTA CTCAAGTCTN ATGAATNCTG NGCCITTCAT CACATTCCTA GCCCCTCTC 60
 ATCATTACTG CAGAAGGGTG TTGTGATGAC CAGTNTTATA 100

配列番号：588
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00647
 配列：
 GATCGCCATC ATGAACGACA CCGTAACTAT CCGCACTAGA AAGTTCATGA CCAACCGACT 60
 ACTTCAGAGG AAACAAATGG TCATTGATGT CCTTCACCCC 100

【0198】

【配列表108】

配列番号： 589

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00648

配列：

GATCTGAATT TTTTCCTCCT TTTGGTTTTA TTTTGTGGT TTATTTTGTG TTTTCTTTTC 60
TCCTTTTTTG GGGGTATTCA GAGTGGGCTG GGCCCCTGGG 100

配列番号： 590

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00649

配列：

GATCTATACC AATTAAACAT TTTCATAGTT CTGCCTATTG TCCTTCCCTG AGGCTCCATT 60
GCTGCTTGGT GGCCATTCTC TGCCTTTTTA CAGTCACCTG 100

配列番号： 591

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00650

配列：

GATCCCAGAC TGGTTCTTGA ACAGACAGAA GGATGTAAAG NATGGAATAAT ACAGCCAGGT 60
CCTAGCCAAT GGTCTGGACA ACAAGCTCCG TGAAGACCTG 100

配列番号： 592

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00651

配列：

GATCTHCCAC GTCTCCATCT CAGTACACAA TCATTTAATA TTNCCCTGTC TTACCCCTAT 60
TCAAGCAACT AGAGGCCAGA AAATGGGCAA ATTATCACTA 100

配列番号： 593

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00652

配列：

GATCTTATGG ATAAACTCA GAAAGTGAAG GTGAAGAAAG AAACGGTGAA CTCCCCAGCT 60
ATTTATAAAT TTCAGAGTCG TCGAAAACGT TGACGTGTTA 100

【0199】

【配列表109】

配列番号：594
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00653
 配列：
 GATCAAGTGG CTTTTCCTGG GACCTGCCCC GCTTTNAGAA TCNTTCTCA TCCACCTCT 60
 GGCACCCAGC CTCTNAGGA AGGAGGGATG GGGCATAGT 100

配列番号：595
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00654
 配列：
 GATCGTCAAA TCTTTTNC AA ATTTAATNTA TATGTGTATA TAAGGNAGTA TTCAGTGAAT 60
 ACTTGAGANA TGTACAAATC CTTTCATCCAT ACCTGTGCAT 100

配列番号：596
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00656
 配列：
 GATCAAAAAT AAAATGTTAT TTTTAAAGTT TCNTTTGAG ATTTTNCCTA AGTTTTGCTA 60
 GATATTCTTA AGTTTTAGTG ACCTCAGTTT GGGAAATTAAG 100

配列番号：597
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00657
 配列：
 GATCTAGATT CTACATGTTA CCATTGCTTT ATTCTTGTC TTTCTGTATT TAAACCTTG 60
 GCTGTACTAA GCAAATNCAA GGNTATAATT TAGCTAATAG 100

配列番号：598
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00658
 配列：
 GATCTGGGGC CAGCTACCG CTCACGTCCC CGTCATCGAC AACTCCACCC TATACATCAG 60
 TAGAGCATGC ACCATTTTGA ACGTGACATT TNCGGTAAAG 100

配列番号：599
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00659
 配列：
 GATCTTTTAA AAAGATGATG CAGTTCTGTA TTTATTGTGC TGTGTCTGGT CCTAAGTGGA 60
 GCCAATTAAN CAGGTTTCAT ATGTATTTT CCAGTGTGTA 100

【0200】

【配列表 1 1 0】

配列番号： 600

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00661

配列：

GATCCATCCA AAAACAAGGA CTGCAGCCTA AATTCCAAAT ACCAGAGACT NAAATNTTCA 60
GCCTTGCTAA GGGAACATCT CGATGTTTGA ACCTTTGTTG 100

配列番号： 601

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00662

配列：

GATCCCTTTA TGAACCTTG TGAATAGATG AATGTTNTGGA GATGGCGACT AGTGGACAAC 60
AGAACAATAT TGAATGGTG GTAATACGAG GAAATAGTAT 100

配列番号： 602

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00663

配列：

GATCNNGGCT AAGCCAGCCA GCCCNCCCCG GCCAGGNAAA AAGGGGCTGC AGGTGTCCTG 60
TCTCCAGCC TCATCTGGCC GGCCTCCCCA AACATTTGCC 100

配列番号： 603

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00664

配列：

GATCCAGAA TTCAACCTGT ATTTATAAAT GTATAATGTA TTTAGCTACT TTTTGGTTTA 60
AATGAACCTG TTGGGTTAGC TTGGTAAATG TTATAATTTT 100

配列番号： 604

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00665

配列：

GATCATTAGT TGAATCGGTA TCATCTTCAC CAAATAAAGA AAGTAATGAA GAAGAGCAAG 60
TGTGGCACTT CCTTGGCAAG TGATTGAAAC ATCTGAAATT 100

【0 2 0 1】

【配列表 1 1 1】

配列番号： 605
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00666
 配列：
 GATCCTTCTT CCTTTCAC TGCGTGCC TCANNAGGTG CAGAGATTCT TAGAAGAGGA 60
 GGTGTATCCC CTGTTAAAC CATATGAAAG CGTGATGAAG 100

配列番号： 606
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00667
 配列：
 GATCCTTCAG TTACATACAA TTTGTTTAAT GAAATGTCAT GGCTCTGTTT ATATTTTNT 60
 NTTGTNCTTC CAATTGGTAT ATACAACCTT CAGAGCCTCT 100

配列番号： 607
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00668
 配列：
 GATCCAGGGT GTGTGTGAGT TGAGGGTGGG TGGAGGGGTT TGCAGTGTGG GAATGTGGCC 60
 CTGCAGTTGA CCTGAGCTGC TTCACATGGT TGTCCATTCT 100

配列番号： 608
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00669
 配列：
 GATCAGAATT TCACCAGGGA GTAAAATTAC CTGAAAACGT AAGANGTTTT AAACAGCTTT 60
 TCACACAAAT TAGATGCAAC TGTTCCCATG TCTGAGTACT 100

配列番号： 609
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00670
 配列：
 GATCGAGGTG GAGAAGCCCT TTGCCATCGC CAAGNAGTAG GGCACAGGGA CATCTTTCTT 60
 TNAGTGACCG TCTGTGCAGG CCCTGTAGTC CGCCACAGGG 100

配列番号： 610
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00671
 配列：
 GATCGGAATG GTGGAGAACT TCAACCAGGC ACTCAAGGAA ATTGGGGATG TGGAGAACTG 60
 GGCTCGGAGC ATCGAGCTGG ACATGCGCAC CATTGCCACT 100

【0 2 0 2】

【配列表 1 1 2】

配列番号： 611
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00672
 配列：
 GATCCCCCTT CCGTAAAAGC GTGTAACAAG GGTGTAAATA TTTATAATTT TTAATACCTG 60
 TTGTGAGACC CGAGGGGCGG CGGCGCGGTT TTTNATGGTG 100

配列番号： 612
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00673
 配列：
 GATCTTTCCC ATNTCTACCT AAGTCAGCTT TCATCTTTGT GGATGGTGTC TCCTTTACTA 60
 AATAAGAAAA TAACAAAGCC CTTATTCTCT TTTTTNTTG 100

配列番号： 613
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00674
 配列：
 GATCCGGGTG GATGCACAGC CCGTCAAGGT CTATGCTGAC GNCTCCCTGG TCTTCCCCCT 60
 GCTTGTGGCT GAAACCTTTG CCCAGAAGAT GGATGCCTTC 100

配列番号： 614
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00675
 配列：
 GATCTCTACC ATTTAATTAA GAAAGCAGTT GCTGTTTGAA AGCATCTTGA GAGGAACAGA 60
 AAGGATAAGG ATGCTAAATT CCGTCTGATT CTAATAGAGA 100

配列番号： 615
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00676
 配列：
 GATCTAAAT GTCACATTCA GATTTNAGG AAGAAAATCT TCATTACAGT GGAGCACAAA 60
 TTTCCATAC AAGACATCAT TGAGGNAGCA TGCTGTCCCC 100

【0 2 0 3】

【配列表113】

配列番号： 616
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00677
 配列：
 GATCTTCTGA GGTGAGGAGT TTGAGACCAG CCTGACCAAC ATGGAGAAAC CCAGTCTCTA 60
 CTGAAAATAC AAAATTAGCC GGGCATGGTG GTGCACGCNT 100

配列番号： 617
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00678
 配列：
 GATCTGTGAA GGCTTCCCTG ACCNNTGCCC AGGAAGAGTT CACTGGTCGC TCTGTTGTGC 60
 CCCACAGCAC TTTGTTATAC CTCTGCCACA CACTTCACGC 100

配列番号： 618
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00679
 配列：
 GATCAGCTCC TTGACCTCTG AGGGGCAGGN GTGCTTCCTG GTGTGTGTAT TAGAATCCCT 60
 TCCTGCCTTG TTTTATGGCA GTGAAATGCC TCTTGGTCCT 100

配列番号： 619
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00680
 配列：
 GATCGCAACA ATNAGCCATC CACATNCGTT TTTTACGGTC ACACCCAAGT AATTGAAAAG 60
 ACACCTCTCC ACTTATCCCC TCCNTAATAT GGCTCTNCGC 100

配列番号： 620
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00681
 配列：
 GATCCAAATA AACAGACCCC GTCTGGCAAG AAATGCATTG CAGCCAAAAA AATTAACAG 60
 TCGGTGGGAA AAAAAAGCAT GTCCTTTCCA ACTGGAAAGT 100

配列番号： 621
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00682
 配列：
 GATCCATAGT CAGAAAAGTT ACTGCAGCTT AAACAGGAAA CCCTTCTTGT TCAGGACTGT 60
 CATAGCCACA GTTTCAAAA AGTGCAGCTA TTGATTAATG 100

【0204】

【配列表 1 1 4】

配列番号： 622

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00683

配列：

GATCAAAGAA AGAAGGCATA CGCNGATTTC TACAGAACT ATGATGTCAT GAAAGATTTT 60
NAGGAGATGA GGAAGGCTGG TATCTTTCAG AGTGTAAGT 100

配列番号： 623

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00684

配列：

GATCTGCACC TGAGCCAAAG AAACCTGAGG AAAATCCAGC TTCTAAGTTC AGTTCTGCAA 60
GCAAGTATGC TGCTCTCTCT GTTGATGGTG AAGATGAAAA 100

配列番号： 624

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00685

配列：

GATCTGTTCC TTGGCAGTGG ACTCAGAAAG CCAACATGTG GCTCCTCCCA GCCCATAACC 60
AGTATTTTTC CTGCTTCTAA ATACAAATNG GTTGGTTTTA 100

配列番号： 625

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00686

配列：

GATCCGCCCT CGAATGGACA CATTACCACT GAAGGGGCAT TTNTNGTCAA TGTAGGTGCC 60
CTCAATAGCC TCCTTGGGTG TTTGAAGCC CAGACCGATG 100

配列番号： 626

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00687

配列：

GATCCCCAAG CCTGGCAAGG GAATTTNTTC AACTCCCTGC CCCCAGCCC TCCTTATCAA 60
AGGACACCAT TTTGGCAAGC TCTATCACC AAGAGCCAAA 100

【0 2 0 5】

【配列表115】

配列番号： 627
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00689
 配列：
 GATCCATCAT CCGCAATGTA AAAGGCCCGG TGGCGGAGGG CGACGTGCTC ACCCTTTTGG 60
 AGTCAGAGCG AGAAGCCCGG AGGTGCGCT GAGCTTGGCT 100

配列番号： 628
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00690
 配列：
 GATCCTCCTG CCTNGGCCTC CAAAAGTGCT GGGATTACAT GCATACCTGA NCTACTGAGC 60
 ACTTTNATCT TGAATGAGTG TTGGATTTTG TCAAATGCTT 100

配列番号： 629
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00691
 配列：
 GATCTATGAA ATCTGTGTAG GTTTTAAATA TTTTAAAAAT TATAATACAA ATCATCAGTG 60
 CTTTATAGTAC TTCAGTGTTT AAAGAAATAC CATGAAATTT 100

配列番号： 630
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00692
 配列：
 GATCCCATTT AGAAACGGCA TTCAC TTCAG AAGGTACTTT TTAAGTCTC AGTTTTTGAC 60
 TATTTTAAAT AGTTTGCTGA AAACCTCTGA TAACACTTGC 100

配列番号： 631
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00693
 配列：
 GATCCGGAGG GAAATGTGTT AGAGGGTCTG GAAAATTCAG TGCTTTTGAG TTACTTGTTT 60
 TTATTAAGAAA TTTCCTCACA AAAGAGAGTC CTCAAGTTGT 100

配列番号： 632
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00694
 配列：
 GATCCAATCA TATTTNCTGT AGGGTGGAGG AGGTTCAGA CCATCCCGCT CTGTTATATC 60
 GAAGACCACA ATGGAAGACA AAGGCTTCTA AAGTATACCC 100

【0206】

【配列表 116】

配列番号： 633

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00695

配列：

GATCCATTGT ATCAGTACCT CACAATCAGA GTTGGCAAAT GATGGATGAG TGATTCAAGC 60
AGTGCACCCG GTGGAAGCTG AAATCCATCT GTGAATGGAA 100

配列番号： 634

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00696

配列：

GATCACCTGA GGTCAAGAGT TCGANACCAG CCTGGCCAAC AGGGTGAACC CCGTCTCTAC 60
TAAAAGTACA AAAATTAGCT GGGCGTGGTG GCGGACGCTG 100

配列番号： 635

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00697

配列：

GATCTGTAA TTTCTATCT AATAAATGCC TTNAATTGTN CTCATAATNA AGAATAAGTA 60
GGTATCCCTC CATGCCCTTC TGTAATAAAT ATCTGGAAAA 100

配列番号： 636

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00698

配列：

GATCAGAGTA ATTCTTTTGT ACATTGAAAT NAGGGGCTTG GTTTAAAAAA AGACCTTTCC 60
CTCTCCCTGC CCCTAGAACA ACCAGTATTA GAAGGTGCCA 100

配列番号： 637

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00699

配列：

GATCCTTGGT GTACTGAGCA GTTCTTTTGG GGCTTTTTCT TTCTGGGAAG CGGGAGGGAA 60
AGGAGCAAGG TGTATCCTG CTCTTCATTT GTATTTTGGT 100

【0207】

【配列表 1 1 7】

配列番号: 638
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00700
 配列:
 GATCTTCTGG ACAAACTTCT GCGATACGAC CATCAACAGA GACTGACTGC CAAANAGGCC 60
 ATGGAGCACC CATACTTCTA CCCTGTGGTG AAGGAGCAGT 100

配列番号: 639
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00701
 配列:
 GATCCACCCA GTTCTTTAGG CAACCACTGA TAGCATTTTC TTAAGTATTC TTCCAGATAT 60
 CGTCTATGCA TATGTAAAAG TATCTGNCTT TCTCCNTTTA 100

配列番号: 640
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00702
 配列:
 GATCACTCGT TTAAGTCCTT AGTTGTATGT NATCTCTTCT CTAGCAGGAA TTGGCAAAC 60
 TTTTGTATAA GGGGTAGAAA GTGAAGATTT TAAGGCTTTG 100

配列番号: 641
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00703
 配列:
 GATCATCAAA CCAGTCCACA AGCACAGGGA GATGCGTGGG CTGACATCTG CAGGCCGAAA 60
 GAGCCGTGGC CTTGGAAGG GCCACAAGTT CCACCACACT 100

配列番号: 642
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00704
 配列:
 GATCCACATN TCAAAGAAGT GGGGCTTCAC CAAGTTCAAT NCTGATGAAT TTGAAGACAT 60
 GGTGGCTGAA AANCGGCTCA TCCCAGATGG CTGTGGGGTC 100

配列番号: 643
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00705
 配列:
 GATCCTCTCT CGACTNGCCA TACATTTCTT TCACAGCATT TACATAGTCC ATGATAGTTT 60
 ACTTGTGGGA TTATTTGGTT AATCTTTGCC TTAAACACCA 100

【0 2 0 8】

【配列表 118】

配列番号： 644

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00706

配列：

GATCTGGTTT CTTAGCAAAT TTCCCAGTAG GATGTCATGT AAGTNCCTTC CCCCTCTTAG 60
AGATTGAAGG CTGTAAGAGT CCAGATGGTG GAGCCAGGCT 100

配列番号： 645

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00707

配列：

GATCATTGTA GATGANCTGA AGCAAGANGT TATCAGTACC AGCAGCAAGG CAGAACCACC 60
CCAGTGCACC TCCCTGGCCT GGNCTGCTGA TGGCCAGACT 100

配列番号： 646

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00708

配列：

GATCAAACCA AGGCCAGGC TGCAGCCCCA GCTTCAGTTC CAGCTCAGGC TCCCAAACGT 60
ACCCAGGCC CTACAAAGGC TTCAGAGTAG ATATCTCTGC 100

配列番号： 647

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00710

配列：

GATCGAGAAC CACATCCTCA AGCTCTTCGA GAGCAACCTG GTGCCCCGCTA AACCCTGAGT 60
GAAGGCCGCC TGCCGGGGAC TCAGACACTC AGGGAACAAA 100

配列番号： 648

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00711

配列：

GATCTGGTTT TATTCCTGTA ATTCAGCCAC CTGATTTTGT GAGGGGGGGG AATAATATGT 60
GGTTTTTGTA CAAACATGTT TCTCAGTGT TTGTNATTTT 100

【0209】

【配列表119】

配列番号：649
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00712
 配列：
 GATCTGTACA TTGTAACAACA CCATTCAAGT GTCAGAATCA TTATTTTCCA CCACTTATCA 60
 TGGTGCTTGA CAAGTCTTCC CAATAAATAC TGAATGAACA 100

配列番号：650
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00713
 配列：
 GATCTATGTG GTGAAAATGC ACAGGAGCTT GGTAGACTGC GGGGGAAGA GAGAGCTCCT 60
 TTCGCCATGT TTTACCAGT TGCTGTTATA ACCTCTTAGG 100

配列番号：651
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00714
 配列：
 GATCTATGAA TGAAGGAGG GCAGACCACA TTGCTTTTNA CATCCATTTC CCTCCTTCC 60
 CATGGGCAGA GGACCAGGCT GTAGGAAATC TAGTTATTTA 100

配列番号：652
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00715
 配列：
 GATCTACATC TTTTCTAAA GAAAAGTGA GCTTGCCTCC AGTTCAATTC ACAAGAGCAT 60
 TTTCCCTCCC ATGCCACCT TTTCTTGTGG CTGTCGCTAG 100

配列番号：653
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00716
 配列：
 GATCTNCCGC AAGTGCCTAT GCTCGCHTC ACCCTCGTCC TGTCAACTNC CGCAAGAAGA 60
 AGTGTGGTCA CACCAACAAC CTGCGTCCCA AGAAGAAGGT 100

配列番号：654
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00717
 配列：
 GATCCAGAAG GGGTTTGGTC TGGGACTTCC TTGCTCTCCC TCTTCTCAAG TGCCTTAATA 60
 GTAGGGTAAG TTGTTAAGAG TGGGGNAGAG CAGGCTGGCA 100

【0210】

【配列表120】

配列番号： 655

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00718

配列：

GATCTTTTGT CCTCACTGCT TTCTAATGGG GAGGGCTGAG GGTTCCTGT CCCACAGCA 60
GGTATGTTGG GNTCTGCCCC AGCCCCACAC TTGCTCTGAA 100

配列番号： 656

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00719

配列：

GATCCTCGTT TTCTGGGTTT TGGTGATGTT GGAGGAGTAC CCCCCAGCCC ACCGCCCCGA 60
TTCCTTTTTG CTCTGGTTT GGAGCTCCGG ACCAGGACCT 100

配列番号： 657

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00720

配列：

GATCTGTTAT CTAGCTGAGT TCATTTTCATC TCTCCCTTTT TTATATCAAG TTTGAATTTG 60
GGATAATTTT NCTATATTAG GTACAATTTA TCTAAACTGA 100

配列番号： 658

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00721

配列：

GATCTTAAAC ATCGGTCAGA TGAGTCATAC ATTGGGTTAT TTTTATATA CATGTATACA 60
CAAAATATTT CAAATTGAAA GCAACATCTT AATGGATTCA 100

配列番号： 659

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00722

配列：

GATCTGGACT GTCCTGGCAT CGAACTCTCC CTCTGTGTGT AATTGGAGGA GACCACAAGC 60
TGTTGTTTTG GGTGACTGAA GTATAAAGTG TTTNCTGTAC 100

【0211】

【配列表121】

配列番号: 660
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00723
 配列:
 GATCACC GCC GCGAGTAAAA AAGGCTCCAG CCCAGAAGGT TCCTGCCCAG AAAGCCACAG 60
 GCCAGAAAGC AGCGCCTGCT CCAAAAGCTC AGAAGGGTCA 100

配列番号: 661
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00725
 配列:
 GATCTGCAGT TTAAGTTGCC ATGCTGCTAG GAAATTGTCC TTTTNCCTTC TAGCTGTAA 60
 CCTACTTCCT GGA AAAAGTA GTAGCTCTCT GTAGCATTAT 100

配列番号: 662
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00726
 配列:
 GATCTGGTTT CTAGCAAATT CCCAGTAGGA TGTCATGTAA GTCCTTCCCC CTCTTAGAGA 60
 TTGAAGNTGT AAGAGCCAGA TGGTGGAGCA GGCTGTCTGG 100

配列番号: 663
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00727
 配列:
 GATCTGCCTG CCTCAGCCTC TCAAAGTGTT GAGATTACAG GCGTGAGCAN CCGCTCCCTG 60
 CCCAACACAT ATACCATCTG AAAATGTTAG AATTCTGAGT 100

配列番号: 664
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00728
 配列:
 GATCCTCCAT TGGAGTGGCC CAAATCTTTC CATCTAGGGC AAGTCCTGAA AGGCCCAAGG 60
 CCCCCTCCCC AGTCTGGCCT TGGCCNCCAG CCTGGAGAAG 100

配列番号: 665
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00729
 配列:
 GATCGTNTTT GTTTTGT TAAAGAAAGG TGAGATTGGC TTGGTTCTTC ATGAGCACAT 60
 TTNATATAGC ICTTTTCCTG TTTTNCCTTG CTCATTTCGT 100

【0212】

【配列表 1 2 2】

配列番号： 666

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00730

配列：

GATCTCAAAC TCCAGGCTCA GAACTGTGAA GACTGTTTCC AGCCTGGCTG TGAGCCAAGA 60
CCTGGTTTCT GGTGGACCCT GAGGACAAAG TGTGATAAAA 100

配列番号： 667

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00731

配列：

GATCTAATGT ACTGTAACCT TATCAGTGAA AGGTAAAATC TCAAATAACA AGTACAAACA 60
TTGAACAATT ACCTATAAAG ATTTNTAAAA GTAAAATTTT 100

配列番号： 668

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00732

配列：

GATCAAGAAA ATAAGGACAA CGTGAAGTTT AAAGTTCGAT GCAGCAGATA CCTTTACACC 60
CTGGTCATCA CTGACAAAGA GAAGGCAGAG AACTGAAGC 100

配列番号： 669

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00733

配列：

GATCATATTT TATACATGTG TAATAGATAA AAATAAACCA GATTGCAAAT CCTTTTTTAA 60
AATCCTAAAC CATGTACCAA GTTTTTGGTC CAAATTATGT 100

配列番号： 670

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00734

配列：

GATCTTCACA CTAATGATGA GTGTGTGGCT ACATACAAAG GAGTTCCCTT TGAGGTGAAA 60
GGGAAGGGAG TATGTAAGGG CTCAAACCAT GAGCAACAAG 100

【0 2 1 3】

【配列表 1 2 3】

配列番号： 671
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00735
 配列：
 GATCTGAATC TNCCGGGGCC CCAGCCCACT CCACCCTGCC AGCAGCTTCC AGCCAGTCCC 60
 CACAGCCTCA TCAGCTCTCT TCACCGTTTT TTGATACTAT 100

配列番号： 672
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00736
 配列：
 GATCTGAACC CAAGGGTCTG AGGCCAGGGC CGACTGCCGT AAGATGGGTG CTGAGAAGTG 60
 AGTCAGGGCA GGGCAGCTGG TATCGAGGTG CCCCATGGNA 100

配列番号： 673
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00737
 配列：
 GATCTGTAAG TAATCATTGC CAGTNTGACT TTTGTTCAAC AAAAGGATTG TACTGTATTA 60
 AGAACCGATG AAAAAATTN TCCTGTAACA TTTTTTTAAG 100

配列番号： 674
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00738
 配列：
 GATCCCAGAA AAGTTCTAAT TTTCATTAGC AATTAATAAA GCTATACATG CAGAAATGAA 60
 TACAACAGAA CACTGCTCTT TTGATTTTA TTGTACTTT 100

配列番号： 675
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00739
 配列：
 GATCTATCCA AGGTTTTGAC ATGTATCGAG AGTTTATTCC TTTTATTGTC TGAATAGTAT 60
 TAATATTCTA TAGTATGGAT GTAACATAGT GTGTTTAAAC 100

配列番号： 676
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00740
 配列：
 GATCAAATGC CAGTGTCAAT TTGTACTTAA GTTCCAAAGT AGGAACATTN TATACTTTTT 60
 NCTGTATTGT AATAGGTAGT TTTGTATGAA ATCTTTTCTC 100

【0 2 1 4】

【配列表 124】

配列番号: 677

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS00741

配列:

GATCCAAGAA ACCAGGGCCA TGACCAGGTC CACTGTGGAG CAGCCATCTA TCTACCTGAC 60
TCCTGAGCCA GGCTGCCGTG GTGTCATTTT TGTATCCGT 100

配列番号: 678

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS00742

配列:

GATCTGCAAG TCCCGGAGAG CAACAGCACA GCTCTGCCTG ACGCTCTCAT TAAAATCTAT 60
GCAGCCAAGC TCGGCACTTT GTAGCAGCCG GCCTTGCGAA 100

配列番号: 679

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS00743

配列:

GATCCGGAAA TATGGCCTCA ATATGTGCCG CCAGTGTTC CGTCAGTACG CGAAGGATAT 60
CGGTTTCATT AAGTTGGACT AAATGCTCTT CCTTCAGAGG 100

配列番号: 680

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS00745

配列:

GATCTATTCA GATGGTTCTG ATGAAGTGAA ACGNGCCATG AACAAATCCT TTATCANNGT 60
CGGGTGGTAC AGTTTTGAGT ACCAACTGGT CTGATGTAGG 100

配列番号: 681

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS00746

配列:

GATCAAAACC AGTTTGATT GGGAACTCTC CCCTTTCCAA ATGAAATAGA GATGCAGTAC 60
TTAACTTTCC TTGGTGTTG TAGATATTGC CTTGTGTATT 100

【0215】

【配列表125】

配列番号： 682
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00747
 配列：
 GATCCTAGCA TCCCTTTTCA CATGGTTTCT CCATGTATAT AACAGAATCA AGAAACAAAT 60
 TTNAATTAAA CAATCTGTAA CAGAATCAAG AAACAAATAC 100

配列番号： 683
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00748
 配列：
 GATCCAAATA ATTTATTTAA TGACTGGTCT CAGAACTGA ACTCATTAAAT GTCTCTGGTT 60
 AACAAACTA CGCATCTCAT AGCCAAAGAG GAGATGATAC 100

配列番号： 684
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00749
 配列：
 GATCTTATGA GAAGAGGAAG GAGAGANGTC TCTNCCTATG CTCACACACA AAGGAAAGTC 60
 CACATGAGGA CACAAGGAGA AGCCAAGAGN GCCCTTACCA 100

配列番号： 685
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00750
 配列：
 GATCCAGAGA AAGCCAAAGC TCTTAGTAAA CACTTGCCAT CGTCAGTNTN ATGTCTCTAA 60
 AAGTAGATGT TGAGGCTCTT NAAAATNCTC CTGGTGCTAC 100

配列番号： 686
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00751
 配列：
 GATCCAATCC ATTCAGCAGT CCATTGAAAG GCTCTTAGTC TAAACCTGTG GCCTCTGCCA 60
 CGTGCTCCCT GCCAGCTTCC CCCCTGAGGT TGTGTATCAT 100

配列番号： 687
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00752
 配列：
 GATCAAATTT AAATTTCATT TTGGGGGGTA TTTTGCTACT GTAATGGGGT CATCAAATNA 60
 TTAATCTGAA AANAGCAACC CAGAATGTAA AAAAGAAAAA 100

【0216】

【配列表126】

配列番号： 688

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00753

配列：

GATCGGAACA GCTCCTTACT CTGAGGAAGT TGATTCTTAT TTGATGGTGG TATTGTGACC 60
ACTGAATTCA CTCCAGTCAA CAGATTCAGA ATGAGAATGG 100

配列番号： 689

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00754

配列：

GATCCAGACA GCCATCAGGG AAAGCTTGTN TTTAACCGAA CTGTCACACT GAAGGAAGAC 60
CCAGGAAAGG TGTGAGCTGG AAGCACTGAA CCTACCTCAT 100

配列番号： 690

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00755

配列：

GATCTTTCCA TTGGAAATAA CTGGAAGTGA AGAGGTTTTG TPGCTTGTAC AGTGTGAGAT 60
GAGGAACACC ACTATCTTAA TTTTGTGATA CACTGCATTT 100

配列番号： 691

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00757

配列：

GATCCATCGT NATGTCTTAT TTAAGGGGAA CGTGTGGNCT ATTTAGGCTT TATGGCCCTG 60
AAGTAGGAAC CAGATGTCGG ATACAGTTCA CTTTAGCTAC 100

配列番号： 692

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00758

配列：

GATCTGCTAC TAAACAGAGT TCAAAAACCTT TCCAGAGTAA TTAATATGTA AAGCCANGTA 60
ACTAACAAAN GATTTGCTTT AGAGATAATT ATTTGGAATT 100

【0217】

【配列表127】

配列番号：693
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00759
 配列：
 GATCCTGACA CTAAGGAAAT GCTGAAGCTT TTGGACTTCG GCAGTCTGTC CAACCTTCAG 60
 GTCACCTCAGC CTACAGTTGG GATGAATTTC AAAACGCCTC 100

配列番号：694
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00760
 配列：
 GATCAGCGAT GAAGAGGAAG AAGATGATGA TTGAAGTATG AAATATGAAA ACATTTTATA 60
 TATTTNATTG TACAGTTATA AATATGTAAA CATGAGTTAT 100

配列番号：695
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00761
 配列：
 GATCTATTTC GTCTTTCTCA TGTCCCCCAC TGGTCTGTAC CCCAGGGAGC GGGTGCTTGT 60
 ACTGTGTGAA TCCAGTGTTC ACATTCACAC TTAATGACTT 100

配列番号：696
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00762
 配列：
 GATCGACTCT ATCATCCAAC GCTCCGAGGA CAGCCCATGT CCCCACCCCH GNGACCCGGA 60
 CCCGGCCAGC AGGACCCACT GAGANGGGCT CCCCCGGNCT 100

配列番号：697
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00763
 配列：
 GATCAAGAAA TAAACATAAA CATCTCAGAA TGCTCCTTCA TTACCAGAGT CACTACCTGA 60
 TTATGTCTTA ATGGGTTACA TAATGACAGA GGGTATCTCA 100

配列番号：698
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00764
 配列：
 GATCCAGATT CTCACCTAAT GGGGTTTATA TGGACITTTCT TCTCATAAAT GGCCTGCCGT 60
 CTCCTTTCCT TTGAAGAGGA TATGGGGATT CTGCTCTCTT 100

【0218】

【配列表128】

配列番号： 699

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00765

配列：

GATCGACTCT ATCATCCAAC GCTCCGAGGA CAACCCNTGT CCCCACCCCC GGGACCCGGA 60
CCCGGCCAGC AGGACCCACT GAGAAGGGCT GCCCGGNTCA 100

配列番号： 700

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00766

配列：

GATCTGATGG TCTAAATACT GGAGTTTCCG GACACAAGCT CTCCCTTTGC CTGCCACCAT 60
CCATGCAAGA TGTGACTTGC TCCTCTTTGC TTTCTGCCAT 100

配列番号： 701

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00768

配列：

GATCCGCCCA CCTCAGCCTC CTAAAGTGCT GGGATTACAG CTGTNAGCCA CCCTGCCCCG 60
CCACTTTTGT ATGATTCTA ATGTATTNT AATTACCTA 100

配列番号： 702

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00769

配列：

GATCCGTAGC GGCATGTTCT GGCTGCGCTT CTAGGCGGGA AGCCTATGTA AGCAAGAGGG 60
CAGGGCCGGG GTTTGTG6TC CCCCCCCCAC CACAAACACA 100

配列番号： 703

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00770

配列：

GATCTCCCTG CCCCCACCCC AGTTCCCCAA CCCACTCCCT TCCAACAACA ACCAGCTCCA 60
ACTGACTCTG GTCTTGGGAG GTGAGGCTTC CCAACCACGG 100

【0219】

【配列表129】

配列番号：704
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00771
配列：
GATCTTTTNN TTTTTTTTAA GTCTCACAAG ACATGGGGCA TCTCCACAAA TTTAAGTTCC 60
TGTCCTTTTG GAAATTTGTT TCTATGTGTA CAGTTTGTCA 100

配列番号：705
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00772
配列：
GATCTACCTA TCTTCAGGAT GGAACCTTGG GGAAAAATAA AATTGAGGGG AAGTAAAAAG 60
TATGTAACAC TTCCAGTTGT GAGCCAAGAT TGTAAACCAGA 100

配列番号：706
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00773
配列：
GATCCTCTCA CCTCAGATTT CCAAAGTGTT GGATTATAGG TGTAAGCCAC TGAGCCCACT 60
TTGAATGCTT TTTTATATAT TTTTGGCCA TTTGTATGTC 100

配列番号：707
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00774
配列：
GATCTGGCCG TNAGCCGCGA NCCGCTGNGA ACTCCACTCG GGGAACTCCT TTCCAAGCTG 60
ACCTCAGTTT TCTCACAAGA ACCCAGTTAG CTGATGTTTT 100

配列番号：708
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00775
配列：
GATCAAATTT GTGCAGTACT TTGTGCATTG TGGATTTTAA AAGTTTTTTA TTATGCATTA 60
TATCAAATCT ACCACTGTAT GAGTGGAAAT TAAGACTTTA 100

配列番号：709
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00777
配列：
GATCAGAGCT TATACTTAAT TAAGGTTTTA TACACACCAG TTCCCCAGTA AATNCAAATT 60
TAACAAGAAA ATCAGACATG TCATATGTNC AAAATGCTCA 100

【0220】

【配列表130】

配列番号： 710

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00778

配列：

GATCTGTTTG TTCCCTGAGC TTTTAAATA CCCTGTGAAA ATTTTNTTTC CTCCTTGGT 60
CATCATGCAT CTAATTGTGG GGAAATGTTT GTCAAACCAA 100

配列番号： 711

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00779

配列：

GATCTTTTGA CAGAAGCAGC TCTTTCCCGA ACACTTGTGG CGTCTGGNAC GGCCCCACCC 60
NTCCCCCACC ACTCCCTCCC ACGGGGCTCC GGGAGACAGG 100

配列番号： 712

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00780

配列：

GATCTATCCT TTACTTGAAA GCTTTTGAAA AGTGGAAAGG TCATTTTGTG GCATTTCCCC 60
ATTTCTTGTG TTTAAAAGAC CAACAAATCT CAAGCCCTAT 100

配列番号： 713

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00781

配列：

GATCTAGTAT GCTCCTGGTC TAATGCATTT ACATTGTTTA GGTAAGTGGT TCCTAATAAA 60
AAGAATTATA AAATACCCTC AAATTAACAA TTCAATNGCA 100

配列番号： 714

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00782

配列：

GATCTANTCT GTGCTACCTG ATTAAGTCAC AGCAGGCTTA CTGANTGGCT TCATTTTACA 60
TTTAGTTGAT TTCTCCACCA AATNCATGTC ATGTATTCTC 100

【0221】

【配列表 131】

配列番号: 715
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00783
 配列:
 GATCCCCAGG GTTCTTTTGT CTTATTTATG GAGAAAAACC GGTCACTTG TCCAGCGCAC 60
 TGTGAGGCC CCCTCAGGC CAGCCTGGC CCCCCCTGG 100

配列番号: 716
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00784
 配列:
 GATCTTATAA AAGGAAATTC TAGCAGTTTT AGAAATAGGT GGGAAAACT CAAATATTCC 60
 TCCTATCTGC ACCAAAAAGT TTATTTGTGG TATATAAAT 100

配列番号: 717
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00785
 配列:
 GATCAATGAA GTGAGAAATT GTTGAGAAGG ATACAGTTG TTTTATAGTC TCCTTTGTCC 60
 AATGTGAACA TTTATTCATA TTGTTTGAT TACCCTCGTG 100

配列番号: 718
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00786
 配列:
 GATCTCCCTT CAGCAACTTA TTTTGCTTTA ATTGCTTTAA ATCTTAAGCA ATATTTTAA 60
 TTCAGTAAAC AAATCTTTC ACAAGGTACA AAATCTTGCA 100

配列番号: 719
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00787
 配列:
 GATCTAGAAG CAGAGGAATC CCAGCGCCTT TAAAAGTTG TTATGTGCTT TTTTTTAAA 60
 AAGCTCCTGT TTTTGAAAAG TAGANTTTAT GGTACAACG 100

配列番号: 720
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00788
 配列:
 GATCTATGCC TAACAGAGCC CCAGTACAAC TATTTTNCAG AATGGCTGTT ACCCTAGAAT 60
 TACTATAGCA CATATTGAGA TATAGTTGTA CTCCTAGTA 100

【0222】

【配列表132】

配列番号： 721

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00789

配列：

GATCAACCTT AAAGGAAACT GCTATCCGAA CTTGGCTATC TCACAGCAGA GCCAGTTTGA 60
CGAATGGGTA AAACCTAAGG ACATGCTGGG TCCAAAGTGA 100

配列番号： 722

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00790

配列：

GATCCGTGAT GCCACTTACC TGTGTGTTTG GTAACAACAA ACCAACATCA TGGAGGTCCC 60
TGGATTGAAA AAGGAGCCTC TCCCACTCCT CCTACCACCA 100

配列番号： 723

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00791

配列：

GATCTGGCTG AACCAGTTCC ACAAGGTTAC TGTATACATA GECTAAGTAA AAAAGGCTGT 60
GCCCACTTCA AGAATGTCAT TGTTAGACTT NGAAATNTCT 100

配列番号： 724

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00792

配列：

GATCTGGGGC AGCCACCTTG CTACCATGAA GGAAGGCCA AGACAATCAT CCACAGCTAT 60
TCCCTCCAGC ATCTGGTTCT GTACAAAAAT TAAATGCTTA 100

配列番号： 725

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00793

配列：

GATCGCCACT GTAAAGGTCC TAGAGTTGCC TGTGTTGCTC TGGAGATGGA ATTAAACCAA 60
ATAAAGAGCT TCCACTGGAG GCTTGTATTG ACCTTGTAAC 100

【0223】

【配列表133】

配列番号: 726
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00794
 配列:
 GATCTGTGCC TACNTTTTAC CACCCTCTTG ATTGGAGCTT TTGTNATGCA GCTACCATNN 60
 TTCAAAAAAA TTAAAAATTA AAAAAAAAAA ATCTGCCACT 100

配列番号: 727
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00795
 配列:
 GATCCAGGTG ACTCTGAACA TCATTAGAAG CATGCCAGAA CAGACTGGTG AAAAGTAAAC 60
 CTTTTACCT ACAAATTTT ACCTGCAAAC CTAAACCTG 100

配列番号: 728
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00796
 配列:
 GATCCAGAGC CTCCCGGCCC TTCTCCGGTG TCCTGTACCA ACTCTTCTAT TTAAGAGAAC 60
 CTCAGATGAT GTACCTGAGC CTCAGGGTTT TGTTTCAGAG 100

配列番号: 729
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00797
 配列:
 GATCGGCCAC TACCTGGGCG AGTTCTCCAT CACCTACAAG CCCGTAAAGC ATGGCCGGCC 60
 CGGCATCGGG GCCACCCACT CCTCCCGCTT CATCCCTCTC 100

配列番号: 730
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00798
 配列:
 GATCAGGGTA AGGCAGTCAG GCGGGTGTC ACCACTGCCT TTCCTTCCTC TGAGCGTGAG 60
 AACACTGAAC CCAGCCACTG CCCCTGGGTC CCTGTCTCTG 100

配列番号: 731
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00799
 配列:
 GATCCGAATC GAGGCCAACG AGGCCCGGGA TGAAGGCCCN GGAGTAGGCG AGCCAGACGA 60
 CAAGGTTGAC CTCAGCTTCG GAGCCACCTC TGGATGAAC 100

【0224】

【配列表134】

配列番号：732

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00800

配列：

GATCAGCTTT ACCTATGGTG CTTTGCCTTT AACTAGAGTG TGTGATGGTA GATTATTTCA 60
NATATGTATG TAAAACTNTT TCCTGAACAA TAAGATGTAT 100

配列番号：733

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00801

配列：

GATCATGTCA TTCAATTCCA GTCACCTCTT CTGCAATCAT GACCTCTTGA TGTCTCCATG 60
GTGACCTCCT TGGGGGTCAC TGACCCTGCT TGGTGGGGTC 100

配列番号：734

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00802

配列：

GATCTTAAAC ATTGTTTTGT AGTGTATATT ACTTGTCCAT TGCTTTAAGG GGAGCAGCCT 60
GCACCTTTTT GTAGATTACT TTTGGGGGAT ATATTNNAG 100

配列番号：735

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00803

配列：

GATCATGTTA CCATATCAAG CTGAAAATGT CACCACTATC TGGAGATTTC GACGTGTTTT 60
CCTCTCTGAA TCTGTTATGA ACACGTTGGT TGGCTGGNTT 100

配列番号：736

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00804

配列：

GATCTANGTT GCCTACCTTG AATTTTTTTT TAAATATATT TGATGACATA ATTTTGTGT 60
AGTTTATTTA TCTTGACAT ATGTATTTTG AAATCTTTTA 100

【0225】

【配列表 135】

配列番号: 737
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00805
 配列:
 GATCTCACTA AAGGATTTCT ATTTGCTGTC AGTAAAAAT AAAGCCCTAA ATACATTTT 60
 ATTCTTTCTA CTGAGGGCAT TGTCTGTTTT CTTTGTAAT 100

配列番号: 738
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00806
 配列:
 GATCTTGGCA CTCTCCATGT TCTCTACAAG AAGCTGTGGT GATTGGCCCT GTGGTCTATC 60
 AGCGGAAAAC CACAGATTCT CCTTCTAGTT AGTATAGCGG 100

配列番号: 739
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00807
 配列:
 GATCCTCGAA CGGAAAGCCA AATCTCGCCA AGTAGGAAAG GAAAAGGGCA AATACAAGGA 60
 AGAAACCAT T GAGAAGATGC AGGAATAAAG TAATCTTATA 100

配列番号: 740
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00808
 配列:
 GATCAGTGGC TTTGAATGAA ATACAGATGC ATTATCCAGA ACTGAAGTTG CCCTACTTTT 60
 AACTTTGAAC TTGGCTAGTT CAAAGATAGA CTCTTCTTTT 100

配列番号: 741
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00809
 配列:
 GATCNAAACC TTTTCAATAA AAGGCAAAAC AAACCAATNT CCNAACATAG CATTACAGCC 60
 TTTAAAACCA TTCACTNCTC ATAGTGATTC ACAGAGGACA 100

配列番号: 742
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00810
 配列:
 GATCANATGC AACCNACAA CCTCGGCTGA GTCTTGAGAC TGAAAGATTA AGCCATAATG 60
 TAAACTGCCT CAAATTGGAC TTTGGGCATA AAAGAACTTT 100

【0226】

【配列表136】

配列番号： 743
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00811
 配列：
 GATCATACAC CTGCTCACAG GCGAGAACCC TCTGCAGGTC CTGGTGAACG CCATCATCAA 60
 CAGTGGTCCC CGGGAGGACT CCACACGCAT TGGGCGCGCC 100

配列番号： 744
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00813
 配列：
 GATCCAGCTG CCAGAGGATG AGTGACCACT TGCTAAGTGG GGCTCAAGAA GCACCGCCTT 60
 CCCCACCCCT TGCCTGCCAT TCTAACCTCT TCTCAGAGCA 100

配列番号： 745
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00814
 配列：
 GATCTGGATT ACNATGTAAA TTCACAGCAG TAAGATAATA TAAATTTTGT TGAATGTATT 60
 AACATCATAT GGTCTGAAAA TGTGGGTTTT NATTTGGCAC 100

配列番号： 746
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00815
 配列：
 GATCAAGAAT GAAAAAGACA TCATATGAAN NGGGAGAAAC TATTTGCACA CCATCTATCT 60
 CATGGTTTGG TTAATATTCA AACTATATNA GCAGAATGTG 100

配列番号： 747
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00816
 配列：
 GATCCAAGGG GAAACTGCAG GTCAAGGGCT GATAACGGCC ATGCAGGATG CTTGATGCTG 60
 CGTCCCCCGC TGCTTGCCGC CCCCCACCCG GCCATTTTGT 100

【0227】

【配列表137】

配列番号： 748
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00817
 配列：
 GATCCCTGAG ACTGAGGGGT TTACGGGCTG TGAATGGACC TTCAGCCCTN CCCACCCTCC 60
 CTCCCCACTG CTGCTGAGTC TGTCTGATGT TTTGGTTGTG 100

配列番号： 749
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00818
 配列：
 GATCGGGTAG CTCAAAAGAA GGCAAGCTTC CTCAGAGCTC AGGAGCGGGC TGCTGAGAGC 60
 TAAACCCAGC AATTTTCTAT GATTTTTCAT GATATAGATA 100

配列番号： 750
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00819
 配列：
 GATCAGAAAT TCTCTGCTT GAGAGATTTT TTTTGTCTT CTGTTGACTA CATAGTTTCA 60
 AATCTCTCTN TATTTCAATG TGATATATAA ATNGCTTTTA 100

配列番号： 751
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00820
 配列：
 GATCTATACC CTGTTTCCGA ATTCTGCCGT GTGTATCCCC AACCCCTTGAC CCAAGTGACA 60
 CCAACACAG TGTTTTGGAG CTCGGTATTA TATATNTTT 100

配列番号： 752
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00821
 配列：
 GATCCGTGGC TTAAGACAGG AGATTATCTC TNTACTCCAG TGGCATCTCC TTAGCCAAGA 60
 TGTGAAATTA AAATCATAGT TCGCCTCATT TAAAAATNCT 100

配列番号： 753
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00822
 配列：
 GATCCAAATC TGGTTCAAAC ATTCAAACT TCAAAGATAA TTCATCTTC AGCTAATGCT 60
 TGTGGTTCTG TTGTTCCCTT GAAAAAAAT AAAAAAGTT 100

【0228】

【配列表138】

配列番号： 754
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00823
 配列：
 GATCTTGTGT TTTAGGNTGG GCATTTTCAC TCTTCTGCCT TAAATCCCTA ACCCCATGGA 60
 GCTGACATTC TAGTGGGGCT GAGGGGAGGG GAAACATTGT 100

配列番号： 755
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00824
 配列：
 GATCTCTGGG CTGGGGACTG AATTCCTGAT GTCTGAGTCC TCAAGGTGAC TGGGGACTTG 60
 GAACCCCTAG GACCTGAACA ANCAAGACTT TAAATAAATT 100

配列番号： 756
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00825
 配列：
 GATCNTAGAA GGGCTTCCCA ACCNNATTG CAACATCCAA ATTGTCTTCA ATTNAAGGAA 60
 GGCCTTATCA GTTCATAGAT GANCTTCATT GTAAAAATAA 100

配列番号： 757
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00826
 配列：
 GATCCACTTC TGTNATTANG TAAATGGATG TNTCGTGATG CGTCTACAGT TATTTATTGT 60
 TACATCCTTT TCCAGACACT GTAGATGCTA TAATAAAAAAT 100

配列番号： 758
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00827
 配列：
 GATCAAAAAG AAACCTTGTGTT TTTCCGCAAT TGAAGGTTGT ATGTAAATCT GCTTTGTGGT 60
 GACCTGATGT AAACAGTGTC TTCTTAAAT CAAATGTAAA 100

【0229】

【配列表139】

配列番号： 759
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00828
 配列：
 GATCAGAGGA AAAATCCAGT GTGACAGAGT GCAAGTNAGA AGACCTGGCT TTTNATCCCA 60
 GCTTTGAAAC TTGGAAC TTTT TTGATTGACA AATTAATAAA 100

配列番号： 760
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00829
 配列：
 GATCTAGGCT TGAGCTTGGT TGGGATTGCT NTTTTCTTCT TCTTCTTTAT AAACGATTCT 60
 NTGTAAC TTTT TTGTATTGAC AGTTTCAAAC TTACAGTAAA 100

配列番号： 761
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00830
 配列：
 GATCAGTACA TAGCATTTGG CTCNTGAACN NAATTNTAAA CTTTCAGGTA TTTTGTACA 60
 AATAAGGGAC TGATGTTCTG TTTCTTGTA TTAGAAATAA 100

配列番号： 762
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00831
 配列：
 GATCTATCAT TACTGCAAAA ACCTGCTCTG TTGTGCTGGC TGGNAGGCC TGTGGCTGCT 60
 GGCTGAGGGT TCTGCTGTCC TGTGGCACCC CATTAAAGTG 100

配列番号： 763
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00832
 配列：
 GATCTGAAAT TAAATACTCA ACAGACTCCT CCTTTTTTAG CTGTATTTTT CAGGTACTGT 60
 GTGCTGACCG CCCCAGTGGT GTCTATTACA GGCCACTTTG 100

配列番号： 764
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00833
 配列：
 GATCCAAC TA GAAATGAATG GAAGATGATG GGAAATATGA CTTACCAAG GNGCAATGCT 60
 GGGNTTGCAA CTGTAGGGAA CACCATTAT GCAGTGGGAG 100

【0230】

【配列表140】

配列番号：765

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00834

配列：

GATCTACTAC TNGGCCTTCA GTGCGAAGAG CCACATCCAG GCCTGAGGGC GGCACCCCAG 60
CCCTGCCCTT GCTTCCTTCA ATAAACATCA CAGGACCTGG 100

配列番号：766

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00835

配列：

GATCGAAGCA ATTGANGTAT CATGGATTGG ATTGTTACTG ATTTCACTAA AGTATGTTTT 60
GCCAATTAGA TACATATATA CAAGATAAAG GAATAGGATG 100

配列番号：767

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00836

配列：

GATCTACTAT GTNATGTCAG GGCCTGCGTG GCAACTCATG CATCAATTCC AGAACCCCTGA 60
CTTCCCACNC GAAGTAGAGG AACAGGATGC CAGCACCCCTG 100

配列番号：768

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00837

配列：

GATCNTNGCN GATGTGGAAG AAACCTCTGAC TACTATAGAA ATTGTTGAAG AAACATATGA 60
AGAGATATAT AAATCAACGN AACGGAATAT TCCAATGCTC 100

配列番号：769

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00839

配列：

GATCCCCACG CCACAGCCCT TTTGTCTCTG CAAACTGCCT TCTTCGAAA GAAGAAGGTG 60
GGAGGNTGTN AATTGTTAGT TTCTGAGTTT TACCAATAA 100

【0231】

【配列表141】

配列番号： 770
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00840
 配列：
 GATCTTGATG GTGTTTCTTT CCCAAAAAT TGACTTAGAT ATTAAAAATT GGTGCTTATA 60
 AGAGAGAGTT AAAAAAAAT AGGATTGCTT CAATTAAAAAT 100

配列番号： 771
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00841
 配列：
 GATCCAGTGA CAGCAGGTGT CATGGGTCAA GCATAAATCA TATATAGCAT TTTCAGGCAT 60
 GTTCCTGCTA GTTCTTTTGA GTCTGACATT CTAATAAAAT 100

配列番号： 772
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00842
 配列：
 GATCTTTGTG AGGATTAGGA ATTAGGTTAA AAGAAATTAA GAACCATCTT CAAGCAAAAN 60
 TTAAACTTTA TTTCTNCTTA ANCAATAAAT ACACCTGANT 100

配列番号： 773
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00843
 配列：
 GATCAAAGAC CCAAAGGAAT GCAACANTTT ATCTNTTATC TACCTATNAC CTGCGAGCTG 60
 CCCACCACCC CCANGTTGTH GCGCCTTTCC AGACAGAACC 100

配列番号： 774
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00844
 配列：
 GATCCAAAAC TTAAATACAT CTATGAATTT CCTGGGGCTA TTGTGAGTAC TGTGTATGTA 60
 TTTAGCAAAT ATTTAAGACC TAGTAAGTGC TCAATAAATT 100

配列番号： 775
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00845
 配列：
 GATCGTGCCA CTGCTCTCCA GCCTGCATGA CGGGAGTNAG ACACCATCTC AAAAAATACA 60
 TATAATAATA TAAATAAAAA TATCTTTTTN GAAAAAATT 100

【0232】

【配列表142】

配列番号： 776
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00846
 配列：
 GATCNAGTAN TGNAGGGGCT GTTAGGAGCT TCCTGCAAAT CCCTGAGAGG GCAGAAGATA 60
 GCTTCTGTTA ATTCATTATT CTTCCAATAA ATGTTGATTG 100

配列番号： 777
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00847
 配列：
 GATCACCGNC CAGTAATGGG CTCAGAGCAG GTCTTCATCA TGCCTTGTC TTTTAACT 60
 GAGAAAGGAG ATTTTTGAA AAGAGTACAA TTAAGGAC 100

配列番号： 778
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00848
 配列：
 GATCTTCTTC AATATGTGAA TTTGGGCTCA CAGAATCAAA GCTATGCTT GGTAAATGC 60
 TTGCAATCTG AGCTCTTGAA CAAATAAAAT TAACTATTGT 100

配列番号： 779
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00849
 配列：
 GATCAACAAG GTTGCCACT GCTTGATTA CCAGGGACTG GTTACAACCA TTATTTCTNT 60
 TCATTTGCTT GGCTTATCTC ATATTAAAGT GAGTTGGAG 100

配列番号： 780
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00850
 配列：
 GATCCAGTTC TAAACTTTGG GATATTTTNN TTCAATTTTG AAGAGAAAAT GGTGAAGCCA 60
 TAGAAAAGTT ACCCGAGGGA AAATAAATAC AGTGATATTC 100

【0233】

【配列表143】

配列番号: 781
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00851
 配列:
 GATCTGTGTG CTCTTATCAC CAATCAGTTC AGACCTGGTT GATTTTGTAC TTTGGAAC TG 60
 TACCTTGGAT GGT TTTGTTT ATTAAGAG AAACCTGAAG 100

配列番号: 782
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00852
 配列:
 GATCACCATC TTAAATTTA CTCAAAATA AAAGCATGTA AGTACTGTT TTTCAAGAAG 60
 AAATGTGTTT CATAAAGGA TATTTATATC TCTNTGCTT 100

配列番号: 783
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00853
 配列:
 GATCCCCCTC GGAAGAGGGA CTCCAATGGG CATGTCCCCT CCGGAAATNC GGCCTCCTCC 60
 CCTTGAATG CNAGGNCCCC CTCCCCGGN AATNCGCCCA 100

配列番号: 784
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00854
 配列:
 GATCCCATCA TGAATTCATT GGAATTTGTG TTGCATGTAA GGCAATCTTT TCCNTGTTGT 60
 AAATCTTCCG TTTT TTAATG TACATATATT TTGAAAAATA 100

配列番号: 785
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00855
 配列:
 GATCATGGTG GGT CAGCTGT ACTGATTGTN ATCCTGACTT TGGCATTGGC AGCTCTTATA 60
 TNCCGACGAA TATATCTGGC AACNWTAC ATATNTAACT 100

配列番号: 786
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00856
 配列:
 GATCTTTT TA CAGTATCCAT TTATTATGTA ATNCTTNTNA GAAAAGAATC TTATAGTACA 60
 TTTTANTATA TGCAACCAAT TAAATGTAT AAATTAGTGT 100

【0234】

【配列表144】

配列番号： 787

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00857

配列：

GATCAAAATG AAGAAAATCA CAGAAATTC CTATGTGTAC TCCTCATCCC TCCTGCTGTA 60
TATTTNCTCA TTTTTCGNT AATAAATTAT GTTAATTACC 100

配列番号： 788

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00858

配列：

GATCTCCAAT GTTTTGGGA TGCTTTGAGT CTCAAAAAA ATTGATAATC AGAAAAGTAA 60
TTTTTGTTG TTTGTTTAAT GTATCCCTGT TCTGTTTTTA 100

配列番号： 789

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00859

配列：

GATCGAGGTG ACAAATANTC AGTCNTANG TCCCCACAAT GACCTCACCA NNATGGCTTT 60
GGGGAGCTCT TCACCCTAAA GATTCGGTCT GGTTCGTAA 100

配列番号： 790

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00860

配列：

GATCTGGAGG CAAGATGCCA GGCCCCCAG GTGTTCTCAG GGCAGTTCTT GGTGTCTGCT 60
TCTCAGATTG CAAGGACTGG AATNAAAACC TTTCTGGGA 100

配列番号： 791

配列の長さ：99

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00861

配列：

GATCACAGCC GAAGNNGTAA AAGGTGCTGC AATGATGTTA GCTGTGGCCA CTGTGGATTT 60
TTCGCAAGAN CATTAATAAA CTAANAACCT CATGTGAAA 99

【0235】

【配列表145】

配列番号：792
 配列の長さ：94
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00862
 配列：
 GATCAAGTGA TTTTNAATTN GGTTCACACA TTGGAAACAA GTCAGTCATT CANATATGAT 60
 TCAAATGTCT ATAAACCGAA CTGATGTAAG TAAA 94

配列番号：793
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00863
 配列：
 GATCTCTTCT TCICCTGTG GCCCCTGCCG TGTGCCCCG TCCCCGTCAC CCGCCCCGTT 60
 ACTGAAATGT ATAATCTGAC TTCCTGTACA GAAACCTGAA 100

配列番号：794
 配列の長さ：93
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00864
 配列：
 GATCTTGTTA GCAATGCTGT TTTTCTGTT AGTCGGGTTA GAGTTGGCTC TACCGGAGGT 60
 TTGTTAATAA AAGTTTGTTA AAAGTTTAAT AAA 93

配列番号：795
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00865
 配列：
 GATCTTCAAG TGAACATCTC TTGCCATCAC CTAGCTGCCT GCACCTGCCC TTCAGGGAGA 60
 TGGGGGTCAAT TAAAGGAAAC TGAACATTGA ACCCTTTAAA 100

配列番号：796
 配列の長さ：92
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00866
 配列：
 GATCAGAAAT TAAAATGTGT GATTCTTTT CTTTCTGTAA GTATGTATTG CTATGATAAA 60
 TAAAAAATGG CAGGACCATT NTTTTATNA AA 92

配列番号：797
 配列の長さ：93
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00867
 配列：
 GATCTCCAAC CAGGCCAGAG AAGATTCTCA CAGAAGGTTT TGAAGCTTAA GAAATAAAT 60
 GGTTCGTAA TAAATGGCTT CTGGTCAGAT AAA 93

【0236】

【配列表 146】

配列番号： 798

配列の長さ：90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00868

配列：

GATCTTGAT CTTGTATAA CGGATGTTAT TTGTACGAAG GGCAGTTCGT AAACAGCACT 60
TGTTCTTTTA ATAAAAGAAT GTTTTGCAAA 90

配列番号： 799

配列の長さ：90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00869

配列：

GATCTGTTTT GTACTTTTTA TACTGTTGGA TACTTATAAT CAAAACTTTT ACTAGGGTAT 60
TGAATAAATC TAGTCTTACT AGAAAATAAA 90

配列番号： 800

配列の長さ：88

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00870

配列：

GATCCATTTT ATAAAGTATG ATTTGCCCAA ACCTGTACCA TTCCGTATT TCTCCTGTAG 60
AAGTAAGAAA TAAATTTCTT TAAATAAA 88

配列番号： 801

配列の長さ：88

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00871

配列：

GATCTGGCGC TTGGGGGTAA GTGGAATGAT TTGCTAATAT TGAGAATCTG TTGTATCAAA 60
CATAATAAAC TTTTTTTCAG ATGTGAAA 88

配列番号： 802

配列の長さ：88

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00872

配列：

GATCAGGGTG TCTCCTTGTN CTTCTGAGAT GTGGAGAAGA GGCTGCTGGC TACCCTAAAA 60
GTTGAAATAA AAGATTTTTC CCTTTAAA 88

【0237】

【配列表147】

配列番号： 803
 配列の長さ：86
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00873
 配列：
 GATCCATTGA GCCCAGCAGT CCAACCTGGG CAAAATAAGT GAGAGACCCT GTATCTGAAA 60
 GTAATAATAA AAATAAAAAA TATAAA 86

配列番号： 804
 配列の長さ：86
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00874
 配列：
 GATCCTTTTT GATAATCTCA TTCCTAGAAA TTTAACCTTA ATGAAATCCC TAATAAACT 60
 CAGTGCTGTG TTATTTGTGC CTCAAA 86

配列番号： 805
 配列の長さ：87
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00875
 配列：
 GATCGAACAT TTCACCTCTC ATATTAAGTC TGGCAATGAT GACTATATGT ATTCTGCCT 60
 AAATAAATCA TCTATTAATC ATTAAAA 87

配列番号： 806
 配列の長さ：86
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00876
 配列：
 GATCTCCGAG TCAGGACGGT CGGCCAGACC CACGGGGTAA CGGGTCTAAT CGTGTAGGAA 60
 TAAAGCTGTA TTCCAGTGCT TCCAAA 86

配列番号： 807
 配列の長さ：84
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00877
 配列：
 GATCCCCGCG ATACTTCAAC GCCTTCTGAC TTCCAGGTGA TGA CTGGGCC CCAATAAAT 60
 CCCGTCITTG GGTCTCTCTG CAAA 84

配列番号： 808
 配列の長さ：84
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00878
 配列：
 GATCCCTCAA AACCTCACTA ACTGGAAGGA TGATTTTGTC TCAGTTTGTA CTCCTAAATA 60
 AAAAGTAAAC ATGACACCTC TAAA 84

【0238】

【配列表148】

配列番号： 809

配列の長さ： 84

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00879

配列：

GATCTGTGAA GAAATGAAAT AAAATGGTAT TTAGTAAGAA ATCTCTATTT TAAGAAAAAA 60
AGTAAACCT GTTATAACA CAAA 84

配列番号： 810

配列の長さ： 82

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00880

配列：

GATCGTGCCA TTGCGATATG ACCTATNCCT TATATNCTGA TATGAATATG NCTTAAATA 60
ANGTGTTCCT CACCCCTGCA AA 82

配列番号： 811

配列の長さ： 81

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00881

配列：

GATCGAANCA TTGTGATATG ANTATGCCTT ATATGCTGAT ATGANTATGC CTAAAAATA 60
AGTGTTCCTC ACCCTGCAA A 81

配列番号： 812

配列の長さ： 81

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00882

配列：

GATCTTAAGT CATACATTTN AATTGTNTAG AGGTTGTTCA ACTGAAGGAA TAAATGTCTA 60
TNAANCTAAA ACAAATGGAA A 81

配列番号： 813

配列の長さ： 78

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS00883

配列：

GATCAAGTTT GTACATAACA CTAGTGGCAT TTCTTATCAA AAGGATTGGA TAATAAAAAAT 60
AAGTTTCTAC TGGGTAAA 78

【0239】

【配列表149】

配列番号：814
 配列の長さ：78
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00884
 配列：
 GATCCCCCA GCAAGGATAN CATTCAAAGG AGCTCACATT TATGGAATGG ATGAATCAAT 60
 AAATTAAATTC ACTTAAA 78

配列番号：815
 配列の長さ：77
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00885
 配列：
 GATCCCATTT CTGATGGATG TGTCACACCT TTTCTGTCAA AATAAAATGT CTGGAGGTT 60
 ATGACTCCTT GGTGAAA 77

配列番号：816
 配列の長さ：77
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00886
 配列：
 GATCTGTGTT AATCTGAGTA ACTTATTGCC TAGCCTATAA ATAAATTCCA AAATATCCAA 60
 TTCAATTTCTT CTTGAAA 77

配列番号：817
 配列の長さ：75
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00887
 配列：
 GATCATCCTT CCTGGCAAAT AAATTCCCGT TTCTATCCAA AAGAGCAATA AAAAGTTTTT 60
 AGTGAAATGT GCAAA 75

配列番号：818
 配列の長さ：75
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00889
 配列：
 GATCTGAAGC CTGAGTGTGT GTACGTGGCG GCGTGCGTGA GGCCTGCCA CGATTAAAGA 60
 CTGAGACCGG CCAAA 75

配列番号：819
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00890
 配列：
 GATCTTTAAT ACAATATAGA AATTGTGTAA TAGTTATTAT AAATGTTAAT ACACAACTTT 60
 CAGGTAATTT TAACTGATTA TTTCTTTTGC TCTTTTAACT 100

【0240】

【配列表150】

配列番号： 820

配列の長さ：73

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00891

配列：

GATCTGGTCT CGGTGGTCCT TCCCCGCAGC AGGTGTCAGG ACCGGCCTAA TAAACATGTG 60
TGGCCTCCTC AAA 73

配列番号： 821

配列の長さ：82

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00892

配列：

GATCCAAATC CCATTACAGT TGTATAAAGA AATAAAATTT TGTACTNATA TTATTAAAAA 60
TCACATTTTT AATATTTGTA AA 82

配列番号： 822

配列の長さ：72

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00894

配列：

GATCCCCAGA GACCCCATTT GCCTCTCAAC ACTCAGACCT TCAACTGTTT TTNAATAAAT 60
CTACTTTTTA AA 72

配列番号： 823

配列の長さ：72

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00895

配列：

GATCCTACAC CCNGAGCCTC AGAGCACTGC TACTTTTTAA AATACTTCTT TCTCTTAAAA 60
GTCCTTACCA AA 72

配列番号： 824

配列の長さ：71

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00896

配列：

GATCAGATGT TAAGACTGAC ATTTCCAAGG TTGGCTACTA TGTAATAAATA AAATTACACA 60
AATTGTGCAA A 71

【0241】

【配列表151】

配列番号： 825
 配列の長さ： 71
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00897
 配列：
 GATCTGAAGT AATTGTGCTG TATTTATGTT TATTCACCAG TCTTTGATTA AATAAAAAGG 60
 AAAACCAGAA A 71

配列番号： 826
 配列の長さ： 84
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00898
 配列：
 GATCTAGCTC TCTGATTCCA TACATTCCAG ACTTCTCAGT GGATTTGTAA TAAACTATAA 60
 ATAAAAATAG CTCTCATTTA TAAA 84

配列番号： 827
 配列の長さ： 73
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00900
 配列：
 GATCATGTCT TTTCCATGTG TACCTGTAAT ATTTTCCAT CATATCTCAA AGTAAAGTCA 60
 TTAACATCAG AAA 73

配列番号： 828
 配列の長さ： 69
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00903
 配列：
 GATCTGATTA TTTACTTGT TTATTGTCTA TATGCCTTTT AAAAAAATAA ACTTGTATG 60
 CAAAAATAA 69

配列番号： 829
 配列の長さ： 69
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00904
 配列：
 GATCCAGTTG TAGCTGCCAT CAGATGCCGG ACACTCGCCC NTCAATAAAA AAATCTCTTC 60
 TAGCTGAAA 69

配列番号： 830
 配列の長さ： 72
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00905
 配列：
 GATCACTGTA AATGGTAATC AGTTGGAATT CTCCTAAATG TCTTCCAGAC ACTAGTAAAA 60
 AACGACCTGA AA 72

【0242】

【配列表 152】

配列番号： 831

配列の長さ：68

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00906

配列：

GATCTTTCTA CCTGCCTTTC CATGTCATGA GAGGAAGAAA CAAGAATGAC AAGTGTATGA 60
CTNCCAAA 68

配列番号： 832

配列の長さ：67

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00908

配列：

GATCACGTAC CTGTGCAGAA ACCGCCTCTG TGGCTGCATT TGAATAAAAA CCCGACCCAG 60
CAGCAAA 67

配列番号： 833

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00910

配列：

GATCATATTT TATGAACAGA AAGACTCAGG ACATATTAAA AAATAAACTG AACTAAAACA 60
ACTTTTGCCC CTGACTGATA GCATTTCAGA ATGTGTCTTT 100

配列番号： 834

配列の長さ：72

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00911

配列：

GATCTAAGAA GTTGTGAATG TTGTTAATCA TTTAGCCGTT GCAATAAATG TAGAGGAAAT 60
GCAGTGTGCA AA 72

配列番号： 835

配列の長さ：65

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00912

配列：

GATCACCTGA GGCCATGAGT TTNAGACCAG TCCTGGTAAC ATAGCAAGAC CTCCATCTCT 60
ACAAA 65

【0243】

【配列表153】

配列番号: 836
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00913
 配列:
 GATCCTAGAC AGCGCCTTAT CTATNATTGA GTGTCCGTGT AAATAAATTC CTACTTAGAC 60
 TAAA 65

配列番号: 837
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00914
 配列:
 GATCTGGCAA CTTTTNCTG TACAAATCTG TTTAAAAA AAAAAAGGNA CCNCATTGAT 60
 TAAA 65

配列番号: 838
 配列の長さ: 63
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00915
 配列:
 GATCCAAATT AAAACCTGGT AGAATCTAAT ACATTGACTG CAATTAAAT GTTTCCTGG 60
 AAA 63

配列番号: 839
 配列の長さ: 68
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00917
 配列:
 GATCCAGTTC TAAGTGTCAT CTTTATNAT NAAGACAATA AAATCTTGAG TTTATGCTTC 60
 ACTTAAA 68

配列番号: 840
 配列の長さ: 63
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00918
 配列:
 GATCCACGGT TGTNACCATG TATTACCACA AATTAAACA TAAAAAATTG TTTTAAGAGT 60
 AAA 63

配列番号: 841
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00919
 配列:
 GATCTACTGT CATTGATG CAATTCCTG TTACCTTGAA AAAATAAAAA TGTTAACAGG 60
 AATGCAGTGT GTCATTCTC CCNAAATAGT AAACCCACT 100

【0244】

【配列表 154】

配列番号： 842
 配列の長さ：62
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00920
 配列：
 GATCCAATTA CACACATTCG TTCACAACCTC AACACAAATT CCTATTAAAT ATTAAAAGTA 60
 AA 62

配列番号： 843
 配列の長さ：61
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00922
 配列：
 GATCTTAAAC ATAGGAAAAC CATACGTGTT CATGATAATA AAATGCTTTC TATGAAATAA 60
 A 61

配列番号： 844
 配列の長さ：56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00924
 配列：
 GATCATACCA CTGCTCTCCA GCCTGGCTAT CAGAGTGAGA CTCTGTCTCA CAGAAA 56

配列番号： 845
 配列の長さ：56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00925
 配列：
 GATCAGACAC TTAACCCTTA TAANTTAAAG TCAATAAAGC ACCTTTTTAA AGGAAA 56

配列番号： 846
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00926
 配列：
 GATCAAAGTG AACAATGTTT GGATGCAACG AGAATAAAAG AATATAAGAC ATAAA 55

配列番号： 847
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00929
 配列：
 GATCTAATTA AAAGACCTTC TGCACAGCAA AAGAACTAA CAACAGAGTA AA 52

【0245】

【配列表155】

配列番号： 848
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00930
配列：
GATCCCGGCA GAAGCTATGA AAGGGAATAA AGAGAAAAGA AGTACCCAGA AA 52

配列番号： 849
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00931
配列：
GATCTTTTAG TTTCAACTCA GCTTTTACAA TAAAANGGAT TTGTATTGCA AA 52

配列番号： 850
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00932
配列：
GATCTCTTTT CAGAAGTGC TATAGAACAA TAAAAATCTT TTACTTCTGA AA 52

配列番号： 851
配列の長さ：53
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00934
配列：
GATCCTAAAT CATGACTTAC CTGCTAATAA AAACCTATTG GAAAAGTGAG AAA 53

配列番号： 852
配列の長さ：52
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00935
配列：
GATCAAGCTG TAAAAAACH AAAAAATTAA TAAAAATTC GAGAAATANA AA 52

配列番号： 853
配列の長さ：51
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS00936
配列：
GATCAGCATT GTGACTTGGA GATAATAAAA TTTAGACTAT AAACCTTGAA A 51

【0246】

【配列表 156】

配列番号: 854

配列の長さ: 61

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00937

配列:

GATCTGAGGT. AAACTTTGAA GTAAAATAAA ANCTGTGTTT GANCATCATT TGTATTTCAA 60

A

61

配列番号: 855

配列の長さ: 59

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00938

配列:

GATCCTCCCT CCCCTAATTA AAGTCTCTTT TTGCCCCCTT GGGCTGNCAT GAGGTCAAA 59

配列番号: 856

配列の長さ: 71

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00955

配列:

GATCAGAATT TTAAATNAAA GGTITTTTCT TTAAATNATT TGTATTACTT TATTAAACT 60

CTGATATTAA A

71

配列番号: 858

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00972

配列:

GATCCGGTTC TGGGACAGCA GGGGGCCCCA CTGCACCCAG GTCATCCCTG TGCAGGGCCG 60

GGTCACCTCC CTGAGCCTCA GCCACGACCA ACTGCACCTG

100

配列番号: 859

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS00973

配列:

GATCTTGGAT GTCTATTATA GGAGAAGTAT GTCCTGCCAA TGTACAAGAA GGCAGCATTG 60

TAGGATTAAC ATTCTTGTCT ACTGTATATT ATCTTGAAG

100

【0247】

【配列表157】

配列番号： 860
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00974
 配列：
 GATCTGCTGC AGTGCTCTGA GCCCTAGGAT TCATCTTTNT TTTCACCGTA GNGNCCTTGA 60
 CTGGCATTGT ATTAGCAAAC TCATCACTAG ACATCGTACT 100

配列番号： 861
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00976
 配列：
 GATCAGANTG CCCCTCCACT CATGAGACTC TTCATTTTGT CCACTTTGAC AGGAAAAGTG 60
 GGAATGTATG CAGAGCTCTC AAAAGAAACA AAAAAGGCCA 100

配列番号： 862
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00977
 配列：
 GATCCCGGGC GCGCGGCTGC CCGAGGGGAG CAAGGACAGC TTTCAGTTC TCCTGGAGTT 60
 CGCTGAGGAG CAGCTGCGAG CCGACCATGT CTCATTTGC 100

配列番号： 863
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00978
 配列：
 GATCCCAGGG CTCCTGCCA TTTAGTGTC TTGGTGTAGT GTAACCATTT AGTGGTTGGT 60
 GGCAACAATT TTATGTACAG GTGTATATAC CTCATATTA 100

配列番号： 864
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00979
 配列：
 GATCTGGAAT TGCAGCCAC ATAAACATAA AGGAGGATGT CCCTGGTCTG TTCCATCCCC 60
 ACGGATGGTG TTGCTGCTGG GCAACAGTGT TGGCTTCTTT 100

配列番号： 865
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00980
 配列：
 GATCTAAATC AGACAGGAGT TGGTCTACAT AGTAGTAATC CATTGTNGGA ATGGAACCT 60
 TGCTATAGTA GTGACAAAGT GAAAGNAAAT TTAGGAGGCA 100

【0248】

【配列表158】

配列番号： 866
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00981
 配列：
 GATCCCACCC NGGCCTCTCC TGGAACCTCTG AACCTGCTGT GGAAGGAATT GGCCATGACC 60
 TTCACCTCTG GAGAGTAGGG TCTATGGCGA GGGAAAAGGG 100

配列番号： 867
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00982
 配列：
 GATCTACAAT TACTAATTAA AGCTGTGAAT CTNTTCCCTG CTGGAACAAA TTCAAGATGG 60
 GAAGTTATTG CTAATTACAT GAACATACAT TCTTCCTCTG 100

配列番号： 868
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00983
 配列：
 GATCTGGATT ATTTGTCTAA GTGAGAGATT GCGAATATCA AATATCTGT CTCACCTCTT 60
 CTGTGAATNA CACAGAGTAG AAATAAATTC ACTTTAAAAA 100

配列番号： 869
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00984
 配列：
 GATCCATGTC TCAGCCTCCA CCCC GCCACA CCTGTCTGTG CAGCCCACCG GCCTTACCTT 60
 CTACCCTGCC GTGGATGTCC AGGCCTTTGC CGTCCTCCCC 100

配列番号： 870
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS00985
 配列：
 GATCCTATGG TTCAGGAGGC CAGAAATTTT CACCTCTAGG AGGTGGTGGT GGCATAGGTT 60
 ATGAAGCTAA TCCTGGCGTT CCACCAGCAA CCATGAGTGG 100

【0249】

【配列表 159】

配列番号: 871
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00986
 配列:
 GATCAGCAGT CTTCTGCTGC CTTCTTAATG TTTCACCTAA GTTCCCATAG TTGCTCTCAA 60
 AAAGTTTCTT GGCCCTCGTG GGCCAGTNTG GAGGGGCTGT 100

配列番号: 872
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00987
 配列:
 GATCATTTCT ATAAAAGAAA TGGTCATTTT ACTTAGATGC CAGTCTACTT TATAAAGACA 60
 AATGGATTAT AGACTTAAAA ATAGTCATTT TTCTTATTCA 100

配列番号: 873
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00988
 配列:
 GATCAAAACT ATANGTGGCT ATGGCGGATA TGATTATACT GGGTATAACT ATGGGAACTA 60
 TGGATATGGA CAGGGATATG CAGACTACAG TGGCCAACAG 100

配列番号: 874
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00989
 配列:
 GATCTGAAGT GGTGGATTCC TTGTTTTTGC TAGTATCTCA TTTAGAGTTG AGATGGACCT 60
 TAAAACTCAT CTGTTTTTAA TCACTTTTTA ATAGATGAGT 100

配列番号: 875
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00990
 配列:
 GATCGCAAAT NCACCTAAAC AATACATTTA CAAAGCCATC TTTACATGCA TTAACGAGG 60
 GCTACAACAA TATTGTTTTA CAAATACTAG CACITTTTTT 100

配列番号: 876
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00991
 配列:
 GATCTTTTCT CAGTATGTGC TGATGTTTGG GTTGCTTGTG GAATCACAGA CACTCCTAGA 60
 GGAGAATGCT GTTCAAGGAA CAGAACGTAC TCTTGGATTA 100

【0250】

【配列表160】

配列番号： 877

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00992

配列：

GATCCTGTTG CTTCTGCAGG CCATTTTCTG AAAACCCCTG TTAGGAAGGT TGGATTTGGC 60
GTGACTTGCT TGAGCAAGAG TCCTGGGGAG AGATTTTNAG 100

配列番号： 878

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00993

配列：

GATCAGGACG GCTGGATTCA GGTGTCGTAC GAACAGTACC TGTCCATGGT CTTCACTATC 60
GTATGACCCT GGCCTCTCGT GAAGAGCAGC ACAACATGGA 100

配列番号： 879

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00994

配列：

GATCTCCGTG GCTTTGGTTT AAAAGACACA CTTGTCCACA TAGGTTTAGA GATAAGAGTT 60
GGCTGGTCAA CTTGAGCATG TTACTGACAG AGGGGGTATT 100

配列番号： 880

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00995

配列：

GATCAGAAAT ACAGATTTTG ATAGCAAAGC GACGTTAGNT NGANGCTCTT GTGAGGAAAG 60
TCATTGGCTT TATCCTCTTT AGAGTTAGAC TGTGGGGTG 100

配列番号： 881

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS00996

配列：

GATCTGCGAA AGACCAACTT TTAGGCAGTG ATACTTTTCT CCCATTCCCT GGGGTGGGGG 60
GAGTATGCAG TTGGTGCTTT CTGTAATTCC CTTGTNCTGT 100

【0251】

【配列表161】

配列番号: 882
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00997
 配列:
 GATCAGNHAA TNAAGTGCAG CAATATCATG AATTCTCAGA AGCCCTTTCA GGGAGCCAGT 60
 NAGTCATACA GTATCCACAG TTGAGTCACT TAAAGATGTC 100

配列番号: 883
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00998
 配列:
 GATCTTCTAT TAAAGTATT CCTCTTTATT AGAGAAGGAA AATTTAGTTG CTATACATCT 60
 TATATTNCA CAGTTTATTA AAGTCAGTNC CCTAAAGGTA 100

配列番号: 884
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS00999
 配列:
 GATCAGTATG AGANGCAATA CCTAATCCTA TGTTCCTATT GTATTTTNC CTAGTTGGTG 60
 TGCCTGCTCA GAAAAACATA TACTGTATGT GTATACATAC 100

配列番号: 885
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01000
 配列:
 GATCTTCCAT CCTCAATGA CTCTTTTTTC TTTATATGTT AACATATATA AAATGGCAAC 60
 TGATAGTCAA TTTTGATTTT TATTCAGGAA CTATCTGAAA 100

配列番号: 886
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01001
 配列:
 GATCTGGGCT CTGAGCACAA GTCAGGAAAC ACCAACATAT TCACACTCTC CCAGTAGGTT 60
 CCTCAGTCCG ATGGTGAATG GCTATTCGTA AATGGCTGGT 100

配列番号: 887
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01002
 配列:
 GATCTCCAGC CTCCCAGAAG CCTGCTGTGC TTTCGTCCCA CAGCTTTCTG CCCATTGTTT 60
 CTTACTAGTT TCTTGAATTG TNCTTGTGGA CTTTNCCTCA 100

【0252】

【配列表 162】

配列番号： 888

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01003

配列：

GATCGTCAGC AAGTACTGTA NCTGTAAAGG AAAATCTCTC TCTCTGGAGA ACCCACACAA 60
ACCATTGACC TGAGTCCGCA TGACAGCCAC TGGNNATNTT 100

配列番号： 889

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01004

配列：

GATCAGGATT CAGANGTGGG CATCTTCCCC GCAGACTNCC CTACTGAGCC ACCTAGCACT 60
GCCACGAACC GGTCGGGCTA GGAAAGAAGT AAAATATTTT 100

配列番号： 890

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01005

配列：

GATCTTACTC CACGNATACT TTTTGGTNTG TGAAGGCATC GGTAAAGGGC ACAAAGACAG 60
CCATGGGGAC ATTTATGTAA ATACGTCTCT AATTGCCACA 100

配列番号： 891

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01006

配列：

GATCTTGATG CTGTGGAAGT AGTTTGAGGA ACATCCTATG AGTTTCCTTA GAATGTATAA 60
AGGTTGTAGC CCATCCAAC TCAAAGAAAA AAATGACCAC 100

配列番号： 892

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01007

配列：

GATCAGCACT GCCAGTGGAG ATGGGGCTCA CTACTGCTAC CCTCATTTCA CCTGCGCTGT 60
GGACACTGAG AACATCCGCC GTGTGTTCAA CGACTGCCGT 100

【0253】

【配列表163】

配列番号：893

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01009

配列：

GATCGAGTTT NATGCATCAC AGTTAACATG TCAGCTGGCC CTCCAGGCCC CCGCCCCCAT 60
CCCGTCCACG TTGCTGTGTC GTGAGGTGCA GCGGGTCACC 100

配列番号：894

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01010

配列：

GATCAGCTAT ATACTATTTA TATACAAGTN ATAATACAGA TTTGTAACAT TAGTTTTAAA 60
AAGGGAAGT TTTGTCCTGT ATATTNNNTT ACCTTTTACA 100

配列番号：895

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01011

配列：

GATCGCAAAT ACACTAAATG TGGAGTGTAG GAACCAAAAT GAAACCTGCT GTATGGAAAC 60
TACTTTCAC TATGGTTCAT TGGTTTTGT ACCAATATTT 100

配列番号：896

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01012

配列：

GATCTAATGN CATATTCCAA AAGCTCAACA GCAACACCCA GGTAGTTTTG CTGTCAGCCA 60
CAATGCCTTC TGATGTGCTT GAGGTGACCA AGAAGTTCAT 100

配列番号：897

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01013

配列：

GATCGCAACG CCAAAGGTGA AGAACCANCT CAAGGAGACC ACTGAGGCAG CCTGCAGATA 60
CGGAGCCTTT GGCCTGCCCA THACCGTGGC CCATGTGGAT 100

配列番号：898

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01015

配列：

GATCTTGCTT CCAGGCAGCA GCTTGAATTC CCGAATCTNC CTGCAAGCNG CATACAAATG 60
CAGCGTGAGA ATCCATACAC GTAATCCATA TTCACCTTCC 100

【0254】

【配列表 164】

配列番号： 899

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01016

配列：

GATCTTACAC TCTGCTTTTG TCCAAATAAA ATGCAATAGT ATCAATATCA ATTTTCAGAAA 60
AATGGACTGA ATATGCTTTT TTGGTGATGA AATCTCATGT 100

配列番号： 900

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01017

配列：

GATCACAGCT CACTGCAGGT TCAGCCTTCT GAGTTCAAGC AATCCTTCTG TCTCAGTCTC 60
CTCAGTAGCT GGGGCTTTAG GTGGGCACTG CCACACCGTA 100

配列番号： 901

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01018

配列：

GATCGGGTTG AGGATTGGGG CTAGCTCGAT NACANTAAGG CCCCACATC GNGGGACCTG 60
CTGTGGCGCG GATTCTTAGG AACGCTGTTT TAGCCGGCCC 100

配列番号： 902

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01019

配列：

GATCAGGGGG CCAGGCCAGC AGCTCGGGGG CCACAAGGAG ATGGATAATG TGCCTGTTTT 60
TTAACACAAC AAAAAAGCCT ACCTCCAAAA TCCCCTTTTT 100

配列番号： 903

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01020

配列：

GATCCTGCAG GACTACAAAT CCCTCCAGGA TATCATTGCC ATCCTGGGTA TGGATGAACT 60
TTCTGAGGAA GACAAGTTGA CCGTGTCCCC TGCACGGAAA 100

【0255】

【配列表165】

配列番号：904
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01021
 配列：
 GATCTAAATC CTCATTTATC TCTNCTATGT CTAGTATTTT ACTGTCACTG GAGGCTCTGT 60
 GGGCTGTCAT AGTTAATTGA CCATAATTAG CAATATACTT 100

配列番号：905
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01023
 配列：
 GATCTNCTCT TTCCTCTCCT TTTCCTCATT TATTCCTAAA GGAATCTGAC CATTAAAACG 60
 NCTCTACGGC CCAAAAAAAG ACAAAAAATAA AAATTCCTTT 100

配列番号：906
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01024
 配列：
 GATCCACCTG AGCGACCTCC GGGAGTACAG GCGCTTTGAG AAGGAGAAGC TCAAGTCCCA 60
 GTGGAACAAT GATAATCCCC TTTTCAAGAG CGCCACCACG 100

配列番号：907
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01025
 配列：
 GATCCAGTAT CTTCTCTGGC TTTTATAGGA GCAGGAAAAA TGGCTCTNAN AGCAACTTTT 60
 TTTAAAAACC TGCCCTGTTG TATATACTG TGTCTGTTT 100

配列番号：908
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01026
 配列：
 GATCCGANGA CCACATCAAT GGGCGCGTGC TCTACTATGC CACCTGCAAG TAATGCTACA 60
 GCTTCCAGCC CGTTGCCCCA CTCATCTGCC GCCTTTGCTT 100

配列番号：909
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01027
 配列：
 GATCTTNCTT NTTAAGTGA TAAGACAGTC CCACAGTCCA GCCTAACTAT GGGACAGCTT 60
 TACGAGAAGG AAAAAGATGA AGATGGATTG TATATGTGG 100

【0256】

【配列表 166】

配列番号： 910

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01028

配列：

GATCTTAAGT GAAGAAGGAA GACTTGGCCT TTTGTATTGC TTGAATATTA ACTGTCTTGG 60
AAGGAAGTTA TGCTACAAGA AGTCATACTT TCATAAAATT 100

配列番号： 911

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01029

配列：

GATCAGGGAC CCTCCCCGCT TTCCTGGGCC TCTNAGTTGA ACAAAGCAGC AAAACAAAGG 60
CAGTTTTATA TGAAAGATTA GAAGCCTGGA ATAATCAGGC 100

配列番号： 912

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01030

配列：

GATCGGTTTA CAGATGAGGA AGTGGATGAG CTGTACAGAG AAGCACCTAT TGATAAAAAAG 60
GGGAATTTCA ATTACATCGA GTTCACACGC ATCCTGAAAC 100

配列番号： 913

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01032

配列：

GATCAGGGAC CATGAAAAGA AACTTGTGCT TCACCGAAGA AAAATATCTA AACATCGAAA 60
AACTTAAATA TTATGGAAAA AAAACATTGC AAAATATAAA 100

配列番号： 914

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01033

配列：

GATCCGATGG AGAAGGGGGG ACCCAGGCCA GCAGGAGACA GGACCCCCGA AGCTGAGGCC 60
TTGGGATGGA GCAGAAAGCCG GAGTGGCGGG GCACGCTGCC 100

【0257】

【配列表167】

配列番号：915

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01034

配列：

GATCTCAATG AAATTAAATT AATAACTATA TCTAGAAAA CTCCAATAT GTGAATATTA 60
AGCAACATAC TTATAAAAA TTCATAGTTC ATGGATGAAA 100

配列番号：916

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01035

配列：

GATCCCAGTG TTGCCTTAAC AGGGTGTCTG TCGTGCCGCA GTAGAGCACT GCTGCTTCCT 60
CCAACCCCAA AATTTATGTT CCTAAGTAAG TCAGGTCCCT 100

配列番号：917

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01036

配列：

GATCGGCGTG GGGGTGCTGC TCATCTTCCT TGCAAGTAC GACCTTAACA ACGNGGACAA 60
GCACGCCAAG CTGGACTTCC TCAACAACCT GCCCAGGGN 100

配列番号：918

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01037

配列：

GATCCAAGGA CCCACACTTT GTCACCTCAT ATCTCTCTCT CTCTCCCACT TTCGCTTCT 60
CTGTCTCTTC TTAGTCTCTG TTTCTCCAC TGTGCTTCG 100

配列番号：919

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01038

配列：

GATCATATGA AAAAGTAACA AGCTGTTCCN TGTCTCTGAT ACATAAAATN ATTTTAAGCA 60
TTTATCAAT CATTAAAAAT TACTGCCAGT TGTGAGTGGC 100

配列番号：920

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01039

配列：

GATCTTTCTA ATTCGAAAGC TGTGTTCTTT TTGAATACCG TGCATGGGGG TTAAGCTGAT 60
GTAAAAACAG TTTGCAATAA AAAAAATGA ATNAGCTTAA 100

【0258】

【配列表168】

配列番号： 921

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01040

配列：

GATCCAAANT TTAAGGGATA TTGCCTATTT TGGAAGAATA AAACATAAAT GTTAAACTG 60
TTGAATTACA GAGAACAGAT GTACTCTGAG ACATAATTTT 100

配列番号： 922

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01041

配列：

GATCTATAGA GAGAGATATA TACACTTTTG ATTGTTTTCT AGATGTCTAC CAATAAATGC 60
AATTTGTGAC CTGTATTAAT GATTAAAGT GGGGAAACTA 100

配列番号： 923

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01042

配列：

GATCAGATTC TAATTTGACA GGCAACCAGT CAATGAAACA GACACACCTG CACAGTTGGA 60
AATGGAGGAT GAAGATACAA TTGATGTGTT TCAGCANCAG 100

配列番号： 924

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01043

配列：

GATCGCCAGG TTCTACAAGC TGCACGAGCG GAGGTNTGAG CCCATTGCCA TGACAGTNCC 60
TCGAAAGTCG GACCTGTTCC AGGAGGACCT GTACCCACCC 100

配列番号： 925

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01044

配列：

GATCCAATAT TCAATTCATT TGTGTACTCC CACATGCAAA ATGCTAAATT ACAATGCAGA 60
CATTAAAGAAA AAGTATTGAC TGGAGGGGTT GAATTCCTTG 100

【0259】

【配列表169】

配列番号： 926
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01045
 配列：
 GATCAACATA ATGGACCACT CCTGAATGAG ACTTAATTTT GTCTTTCAA TTTACTGTCT 60
 TAAATCAGTT TATTAAATCT GAATTTTAAA ACATGCTGTT 100

配列番号： 927
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01046
 配列：
 GATCCTTACT AAGTNTTICA TGGGAGACTT CCTTCATCAC ATCTTATGTT GAAATCACTT 60
 TCTGTAGTCA AAGTATACCA AAACCAATTT ATCTGAAC TA 100

配列番号： 928
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01047
 配列：
 GATCGCTGTT TCCAGAACGG GGAGGAGTAT CTCATTGTGA AACAGACTCT AGAGTGGTTC 60
 TATTTGGTCT TCAGTGTGTT AGCCTCATTA GTTCATATTT 100

配列番号： 929
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01048
 配列：
 GATCACACTG ACCTGGCAGC GGGATGCCGA GGACCAAACT CAGGACACCG AGCTTGTGGA 60
 GACCAGACCA GCAGGAGATA GAACCTTCCA GAAGTGGGCA 100

配列番号： 930
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01049
 配列：
 GATCCAGGCT GTCATGTGAT TTATGGTGGC ATGTGTTGTG TATTTGTTGG CTACTTGTCT 60
 CTTGAAATCT AGAATTATTT CACGCAGAAT TGTCAC TCTT 100

配列番号： 931
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01051
 配列：
 GATCCAGTGT TCCTCCAGAA ATCAGATATA CAGATTACTT TGTGATTGTN AGTGGAACTT 60
 CTACCCGACA CTTACATGCC ATGGCCTTCT ACGTTGTGAA 100

【0260】

【配列表 170】

配列番号： 932

配列の長さ：95

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01052

配列：

GATCAGTGCT TATGTTATGA TTGTTGATAA CTAACCAAAG TAGATGCCTG CAGAGACTTT 60
AAAATGTAAA ATAAAGATGT ATGCTGCCTG TCAAA 95

配列番号： 933

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01053

配列：

GATCCGAGGC TGGGAAGAAG GGGTTGCCCA GATGAGTGTG GGTCAGAGAG CCAAACCTGAC 60
TATATCTCCA GATTATGCCT ATGGTGCCAC TGGGCACCCA 100

配列番号： 934

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01054

配列：

GATCTTAAGC AGTAATCTGT CAGTGTGTTGT ATTTGTATTG TCTGCAATTT TACTGTGAAA 60
AAAAATTTGT TTTCAACAAT TGGTGTGATT TTCTTGATGT 100

配列番号： 935

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01055

配列：

GATCTATGTT ACATTTACCA CACTGAAGTT TTTTTTGTG TTTTTTGTTT GTTTTTAAAG 60
AATCACCTC ATTGTTGAAA GTAAATGTAC TCTTAGGGTG 100

配列番号： 936

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01057

配列：

GATCANGTGT AAATGTGACC TTGTACAGTT TACTAAAATT ACTGATATTT TTCACTACAT 60
TGAGACAGTT ACTGTGAGAA TAGGACACAA ACACCAGCTA 100

【0261】

【配列表171】

配列番号：937

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01061

配列：

GATCTGCAGA AGGTATCTGG TGATGCAGAG ACTCTTTCCC CGCATCCNTC ACATGAAAGA 60
CCCCATCGGT GACAGCTTCC AAAACGACAA GCTGGTGGTC 100

配列番号：938

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01062

配列：

GATCCCAAC AATGTCAAGA CAGCCGTCTG TGACATCCCA CCTCGTGGCC TCAAGATGGC 60
AGTCACCTTC ATTGGCAATA GCACAGCCAT CCAGGAGCTC 100

配列番号：939

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01063

配列：

GATCTGCCGA CCTTGCTATA GATGCCATGT TACCAATGAT TTCCTGTGGT GGGGGCTTGC 60
CATTNTTAC TCTCTATTT ACCAACTTCT GGCCTAGGCA 100

配列番号：940

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01064

配列：

GATCCGTGGA TTTTGGTGC AATTCCCCTT TTATTTCTTG TCTGAAGAAA GCCTACTGCC 60
TTCTGTTGGG ACCAAAGAGG CCATAGTGCC CATGGAGGTT 100

配列番号：941

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01065

配列：

GATCCACAGG CTTTTGTACT CAACGCTGAC AACACCCTA AGAGGTAGGT ATCATTATAT 60
CAACCATTTT ATGAATAAGA AAACAACAGC ACAGAGAGAT 100

配列番号：942

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01066

配列：

GATCACCTTA AGTCAAATNA TTTNCCTTTA ATCTTTNATG TATTTATTCA CTTTGGGAAG 60
CTAGGAATGA GCAACACAAA TTTTACTCTG AAGTCAGAAG 100

【0262】

【配列表 172】

配列番号： 943

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01067

配列：

GATCCTGTTT TTTTCAGCAGG TGAAAAATAA AACGCANTCA AATTTTCATGG TTTTAATTTT 60
 NAACTCAGAA GCACTCAAAA ATGCAAAATG TGATAATGGG 100

配列番号： 944

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01068

配列：

GATCAGGCAG CCTCCTGATG CCAGANCACC TCAGGCAGAG CCTACTCAGC TGTACCTGTN 60
 TGCCTGGACT GTCCCCTGTC CCCGCATCTC CCCTGGGACC 100

配列番号： 945

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01069

配列：

GATCTTTCCC AAGATTGTAA CTGAAAACCTG CTGTCTCTTG TTTTNTTCGT TTTGGGGGTG 60
 GTGGTGCTGG CTGGGCCATG CTGTGTAAGT GATGTGTGTC 100

配列番号： 946

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01070

配列：

GATCAGAGGG AAAGAATGAC CAACCNHGCA ATAAGTGTAC TAAACTCTAC GCTCTGGTTA 60
 ATGTAATGTA CTCTCCTGGA CTGAATGCAG TGTATAATTN 100

配列番号： 947

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01071

配列：

GATCTCACGC TGCCTCTGTG GTTCCCTCCC TCATTTTTTCC TGGACGTGAT AGCTCTGCCT 60
 ATTNCAGGAC AATAATGGCT ATTCTAAACG CTAAGGAAAA 100

【0263】

【配列表 173】

配列番号： 948
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01072
 配列：
 GATCCACACA CGTTGGTCTT TTAACCGTGC TGACCAGAAA AAAAAACAGG TTAAGAAGAG 60
 CCGGGTGGCA GCTGACAGAG GAAGCCGCTC AAATACCTTC 100

配列番号： 949
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01073
 配列：
 GATCTCAAGA TTTCTAAATT GTCAAGATTT ACATGGCATT GTGGTGAAC TAGTTAACAC 60
 TTAGAGCTTT TGGTATGTAA TAACTATTTG CTATGGACTG 100

配列番号： 950
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01074
 配列：
 GATCCACT AAGTCCTGCA TTCCTGTAA AGCCACTTGG GTCATAAGAA GGGAGTAAAA 60
 AATGAAGTCT GACTAGNAAC CTATTGCAGA GGCCAAGTAC 100

配列番号： 951
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01075
 配列：
 GATCAGANAA AAAGTCCATA TGGACTGTGG ATACCTATCT AAAAGAAGAA AACTGATGGC 60
 TAAGTTTGCA TGAAAACTGC ACTTATTGC AAGTNAGTGT 100

配列番号： 952
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01076
 配列：
 GATCTTCTAG CTACCATNCA TTTTCTTCAC TGTTACAAA AGATGAGTGT GAAATTCAGT 60
 GAATGCTGTT ACTAATCCTG TTACGAGATG AATCTCATTT 100

配列番号： 953
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01077
 配列：
 GATCTCTCCA TGTACCCTGC AGGGGGCTTG GTACTGTGAA ATNAGTAACT TAATCCTGAC 60
 AACCGTAGTG CAAGGTATGG CCCATCTCCT GTACGCTTGG 100

【0264】

【配列表 174】

配列番号：954

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01078

配列：

GATCCGAACA CCTCCAGATT CCGGCTTCTA CATGGNHCAG ACGGGGACGC ACAGGCCACC 60
TTCCTTCTGG CAGGGACTCT TATTTATTCC CATTGCTCTA 100

配列番号：955

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01079

配列：

GATCTGAGTC CAGAGTTGGC CACTTTGTGT GGGTCCTCAC AAGCAAAGAG AGCACTAAAC 60
TTGACATTGG GGGTCCACCA CTCCAACTTT NCTTTCTGAA 100

配列番号：956

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01080

配列：

GATCTGCATC AGTTGTAAAG GGGAATTGGT ATATTCACAG ACTGTAGACT TTCAGCAGCA 60
ATCTCAGAAG CTTACAAATA GATTTCCATG AAGATATTTN 100

配列番号：957

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01081

配列：

GATCAAAGCA TGCAATAAGC AATACAAAAT ACCAAGCCTT ATACTTAAAA GAAGTTTAAC 60
ATATTGGTTA ATATACTGGT TAATATACTG GTTAAACATA 100

配列番号：958

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01082

配列：

GATCAGGCCC TGGGCCCCC TGCATCTTTT ATAGCAGTGG GTGTCCAGTC CAGGACACTG 60
GTGCTTTTTT ATACAAGAGA ACGAGCCAGA GTTCACTCCT 100

【0265】

【配列表 175】

配列番号： 959
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01083
 配列：
 GATCTAGTAG AAAC TAAGGG ATGGGAAAA CCTTTTCATT TTTCATCTNC TTCCAACAA 60
 TATGAATTTT TTAGTTTCA AACTATACTC AGGAAAGCTG 100

配列番号： 960
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01084
 配列：
 GATCAAGCCA CCACGTGCCC TACGATGGCC TAACAGGAGT GCCCATTGGC AGATTACACA 60
 TGTAAATATG ACCTCAGACA AAAAGGAACC AGAGGCCCAA 100

配列番号： 961
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01085
 配列：
 GATCTTCTNC ACACACCCCA TCACCCAGAT AATTTACAGT TCTGTTAACA GTGAGGTTGA 60
 TAAAGTATTA CTGATAAAAA ATTATCTAAG GAAAAAACA 100

配列番号： 962
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01086
 配列：
 GATCAAAGCA AAGAGCGCCT TTCCATGTAT CTCATGAAAG CTGACCTGAT GCCTTTCTCTG 60
 TATTGGAATA TATGCTAAG GGGTTACTGG GGAGGACCAG 100

配列番号： 963
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01087
 配列：
 GATCAGAACC TCCAAATACT GCCATGAGAA ACTAGAGGGC AGGTCTTCAT AAAAGCCCTT 60
 TGAACCCCTT TCCTGCCCTG TGTTAGGAGA TAGGGATATT 100

配列番号： 964
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01088
 配列：
 GATCTGGGGA GGGCTAGCCC AAAACCTCCC GCATCGGGCA GGCACCCCTT GAAGTACTTC 60
 CTTACAGGGT TCCCTTTTGT NAGGGTGTCT AGTAGCCTCA 100

【0266】

【配列表 176】

配列番号： 965

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01089

配列：

GATCCGAGCT CTGGAGCGTG GATACCGGAN GACTCGCCCA GAGAACTGNC CAGAGGAGCT 60
CTACAACATC ATGATGCGCT GCTGGAAAA CCGTCCGGAG 100

配列番号： 966

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01090

配列：

GATCGAGCCA CTGCACTCCT GGGGCAACAG AGCAAGACTT CGTCTCAAAA TAAATAAATA 60
AATAAAGTGG CTCTTGGGGA AAAGCAATTT AATGTACCAC 100

配列番号： 967

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01091

配列：

GATCCTGAAG GTGAAATGAA ACCAGGAAGA AAAGGTATTT CTTTAAATCC AGAACAATGG 60
AGCCAGCTGA AGGAACAGAT TTCTGACATT GATGATGCAG 100

配列番号： 968

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01092

配列：

GATCTGGGGC CGNCCTTACG GGGCAGGGCT CAGTCCTGAC GCTTGCCACC TGCTCCTACC 60
CGGCCAGGAT GGCTGAGGGC GGAGTCTATT TTACGCGTCG 100

配列番号： 969

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01093

配列：

GATCGAGGGG CGGGGGTCAG CTATGCAGCC CATCACGTGT GTTTTTCATC TGGGATGAAA 60
AAGCCTGGTT CTCITTTGAA ATGCTTGATT GTACTTATTG 100

【0267】

【配列表 177】

配列番号: 970
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01094
 配列:
 GATCCAGGCC AAGGCACTGG CTGTNAGTGG CAGAGTTTGG CTGTAACCTT TGGCCCTAAC 60
 ACGAGGAACT CGTTTNAAGG GGGCAGCGTA GATTGTNTNA 100

配列番号: 971
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01095
 配列:
 GATCCAATTT GTAGCTTCCT GCCTGGCTTC AGAGAGCCCA GCAACCTTCT AGGCCTGCTT 60
 TCCAGACTTC TGAGATAGCC TGGGATGAGC AATCCTGTTA 100

配列番号: 972
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01096
 配列:
 GATCGGCCCT ACTAGNTGCA GAGACCCCGC AGAGCTGCA T GACTACCAG ATTTATTTTT 60
 TAAACCAGAA AATGTTTAA ATTTATAATT CCATATTTAT 100

配列番号: 973
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01097
 配列:
 GATCCAAGAC TGGCTGACTT CATTGAAAT GGTGGAATCT GCTGTGTAAT AAAGTGGTTC 60
 AACCATGATT AGGAAGTAA ATTTAGTAGA AGAGGGAAAA 100

配列番号: 974
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01098
 配列:
 GATCTCCACC ACCATCTCCC CTCTACTTCT CATTCCCTAA CTCTCTGCTG AATATGGGGT 60
 TGGTGTTC TCATATAAT TACCTACAAG TCATCATAAT 100

配列番号: 975
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01099
 配列:
 GATCTTCCAC AAAACATCTA GCCATCTAAA ATGGAGAGAT GAATCATTCT ACCTATACAA 60
 ACAAGCTAGC TATTAGAGG TGGTTGGGGT ATGCTACTCA 100

【0268】

【配列表178】

配列番号： 976

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01100

配列：

GATCAGATTT TTGGGTCATG TCTGTTGTAT TTTCAGTAAT GTGATTTTCAG ATGGTCATCT 60
GGATTCTCCC ACTTCTCTAC TCCATTATTT CTCTACTTTT 100

配列番号： 977

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01101

配列：

GATCCAACAA TTTTNAAGAG CTCTCTCTTA ATCTCTGACA TAATGAGTCT GAAACAAAGA 60
AAAGTTACCT TACCGTGTCT TTACTTCCTT TCTTCTGGGC 100

配列番号： 978

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01102

配列：

GATCATANAA NGGCCATCTG GGCCCAGCTN GTGTACAGCG AGGGNGGGCA GCCCCCTCCA 60
CTCCACTCTG CTTCCACAAA GTCGGCTCCC GAGAGCTCGA 100

配列番号： 979

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01103

配列：

GATCCAAACA ATATCTTCAA GGCATTCTTT GCGGCTCCTG GCGGCTTCAN CTTTGANGCA 60
TCTGGTCCAG GGAATTNNTT TTTNCAATTT GGCTAATGAA 100

配列番号： 980

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01104

配列：

GATCAGAGGC TGGGGCCAAC TGGAACCATT GGCAGCTGCA CGCTCATTAC TACCCTCCGC 60
TCCTGCGCTC TGCCACTGTC CGGAAATTCA TGGTTGGCTA 100

【0269】

【配列表 179】

配列番号: 981
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01105
 配列:
 GATCAAGGGG GTTGGGAGGG GGGAAAGAGA CCAGCCTTGG TCCCTAAGCC TCCACNNAAC 60
 GTCTTCTTAA TCCNCACCTT TTCTTACTCC CAAAAAAGAA 100

配列番号: 982
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01106
 配列:
 GATCCTTAGGC AAAATACCAG NTGATGAAGG CATCTGATGC CTCATCTGT TCAGTCATCT 60
 CCAAAAACAG TAAAAATAAC CACTTTTTGT TGGGCAATAT 100

配列番号: 983
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01107
 配列:
 GATCAGAGCT TGAACACAGG CTTATTTTAA AAANNANAAA TATTTTAAAC ATGGGTTTCC 60
 TTATTGAAAA ATCAGTGTAT TAGTCATAAA ACACCATCAT 100

配列番号: 984
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01108
 配列:
 GATCCAGAAC ACITCAAGAA CTCGTCAAAC AGCTCGATAA GCCTTTTTNA CTGTNTACAT 60
 CTGTACCGGG AATAACATTC CTAGGCTGAA ATTTCCACAA 100

配列番号: 985
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01109
 配列:
 GATCCTCATG TACTCAGAGG CACTTCCCTC CTAAGTCAAA GACCATCCTC ACTGACTATG 60
 TGCCAACGCC TCGTTTCAGG CTTGTNACTC AACAAAGGCC 100

配列番号: 986
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01110
 配列:
 GATCAGAGTG GGTAAAGCTG ACCAGGAACA CCCATTTAAC CCCTTTTNCI TTTTGCTTTC 60
 ATTTTATAA AGGAAAAGAG GACCTGTCAG ATAGGCAGCC 100

【0270】

【配列表 180】

配列番号： 987

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01111

配列：

GATCACGTGG GTGTCAGTAT CTTTAACGGC CTTCAATTCTT GGTTGTNAGA TTTTATTTGA 60
TATGCCCACT CACCCTCGAC GAATCTGCCC GCTTTGGGCT 100

配列番号： 988

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01112

配列：

GATCTGCTTG GAGTTTTCTG CCCCCACCC CAAACTTCTG TCGAGGAGCA AGGCTTGCCA 60
GCAAGTCAGA AGGATTTGAA CCGAGCAGCC AATCTTTCCA 100

配列番号： 989

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01115

配列：

GATCAGAAAC CAACCATGAA TGAACCCCTG GCTCCTTCAC CACCCCCACG ATTGGTATGA 60
TGCTGCCGGC ACAGNTGGGA TACACACGGC TCCCCCAGGC 100

配列番号： 990

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01116

配列：

GATCAGAAAT AAGATTGACT TGGGTGTTAT ATTTATCTC TCTCCAGACT CTAGGTATAT 60
TTCCAACCTT ATATATCACA GTATTTAAAA AGACATGTTT 100

配列番号： 991

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01117

配列：

GATCTGGTTC GGCTGCTGTC GGATGAGCAC GTAGCGCTCA TGGTGCGGCA GGCTCGTGGC 60
CTCCCCCTCC AGAAGCGCCT CTTCCCCCTGG AAGCTGCACA 100

【0271】

【配列表181】

配列番号：992
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01118
 配列：
 GATCTATGTA TTATTAGAAA AATGAAGTAT TTCTGACATG GAACAAAGAA AGTGGAAACT 60
 GGTACTTAAT GGGGGAAGCA AAATTAGCTG GGAATAAAC 100

配列番号：993
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01119
 配列：
 GATCTCAGGA ATTTTGTAG GGGATTGAAG CCAGANCTAG TTGCGTCCCA GGGACCAAGA 60
 GAAAGAAGCA GATATCCAAA GGGTGCAGCC CCTTTTGAAA 100

配列番号：994
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01120
 配列：
 GATCCTTTCC GACACACATG TCTGAAGACT TATTTTCAAA GNCAGCACAT TTTTGGAAAC 60
 TAATCTCTTT TCCGTAATAT TTCCTTTATT TCAATGATTC 100

配列番号：995
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01122
 配列：
 GATCCAAAGT GTTAAAAATG CTGAAGTCAT GTCAAGTACT GTCTGGAGGG TTTTITTAAG 60
 AAAAGGCATT TGGCATTAA CTGTCTCTTG TTTTATTTT 100

配列番号：996
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01123
 配列：
 GATCGGCCAG CCCCCACCTA CAGCAACATG GAGGAGGTGG ATTAGCAGGT CCCTGGCTGA 60
 TGGGGGGGAC TGGGTNTGGG ACACCCACAC AGNGCHCCAC 100

配列番号：997
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01126
 配列：
 GATCTTCTTT ATATTCTACT TGAGTGCTGT CTCCATGTTG ATGTATCTNA GCAGGTTGTC 60
 CACAGGTAGT CTAGGAGGGT GGCAACTTAG AGGTGGGGAG 100

【0272】

【配列表182】

配列番号： 998

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01127

配列：

GATCTGNCGT GCCCACCAC TGGTGATGGA AGGTTACAAG TGGCACTTCA ATGAGACGGT 60
GCTCACTGTG TGGTCGGCAC CCAACNACTG CTACCGCTGT 100

配列番号： 999

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01128

配列：

GATCGGACTG AACAGGAATC CTCGGGGGGT GAACAGCCAT TCCTTCGTGA CCTGTGCACG 60
NCTTCTGCAA CCCTGGAGCT CTGCTCGGCT AGTCTGACTC 100

配列番号： 1000

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01129

配列：

GATCCTCCTC AGAACTACC GGACTTGTTT TCTGTATTGG TGTGTTTTGT ATCTTGCTTG 60
AACTTCCTGT TCTTCTTGGT ATACTTTAAC ATTATNATNA 100

【0273】

【配列表183】

配列番号: 1001

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01130

配列:

GATCAAGAAA TCAGGATGGC CATTATTTA ATATCCATTC ATTTCAITTT AGTGGGACTA 60
TTAACTTGTC ACCAAGCAGG ACTCTATTTC AAACAAAATT 100

配列番号: 1002

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01131

配列:

GATCCGGGCC TTGCGTGCAG CCTCCCAACC ATGGGCTGGG TTTNGTGCTT ACTGTATGTT 60
GGCGACTTGG NHAGGGCAGG AGACGCAGCG TGGAGCCTAC 100

配列番号: 1003

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01132

配列:

GATCTGAATG ATGATGGAAA CATGCAGACA GCCTCTCAGT CTTACTATTT AATGTTGTAG 60
CTGGGAAAAA ACCCAGAGAG GTTAACTGAT ATACTGGGTT 100

配列番号: 1004

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01133

配列:

GATCTTTATA TTTNATACTC TAAANTCGTA CAAGCCAATC TNCATTTTCA CTAGTGGAAA 60
CTGTATAGCT GGTCACTTTT CCAGGACCCT TTTATCAAGA 100

配列番号: 1005

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01134

配列:

GATCTTGTGT CTTAGAGAAG CCCCCATACC TGGTAGAGCA TGTACCATCT TACATGCTTA 60
AATAACTCCA CATTTATTTG TGTATATNAC TCTGTGTTAT 100

配列番号: 1006

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01135

配列:

GATCCCCAGT GTTGGAGGTG GCACCTAAGT GCCAGGTGTT TGGGNCATGG GGATGGATTC 60
CTCACAACCG GCTCGGTGGC CTCCTGCGAG TAACGAGTGA 100

【0274】

【配列表 184】

配列番号： 1007

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01136

配列：

GATCACTTTC AATTGAAGTC AGGGTATTGT GCATAATAGA AAGTATTGGA CTGAGATATT 60
TGGTTACCAT GGAGGCCAAT GCTTTTTTCA TCTTATTAAT 100

配列番号： 1008

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01137

配列：

GATCTTAGAA ACCTCTGCAC AGAAGCTGCT TTGCTGGCTC TGCAAGAAAA TGGACTAGAC 60
GCAACTACAG TNAACAAGA GCACTTTCTA AAATCACTTA 100

配列番号： 1009

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01138

配列：

GATCTCAGAA CAACCTTTCT TGTTAGTAAC ATATTTTGG CAATACATAN CAACCTGGGC 60
CTGGTGATA ACCAACAAGA TGGGGAAGAA AAGNATTGAG 100

配列番号： 1010

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01139

配列：

GATCTGACCT GGTGAGATTA TTTCTGATGA CCTCATCAAA AAATAAACAA TTCCCAATGT 60
TCCAGGTGAG GGCTTTGAAA GGCCTTCCAA ACAGCTCCGT 100

配列番号： 1011

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01140

配列：

GATCCTNCNA GTTAGCCTAG TACTGCTGTA CTGGCCTGTA TGTACATGGG GTCCTTCAAC 60
TGAGGCCTTG CAAGTNAAGC TGGCTGTGCC ATGTTTGTAG 100

【0275】

【配列表185】

配列番号：1012
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01141
 配列：
 GATCTTTCTG TCTTCTGGGT TCCATTTTTT AAATGTTTAA AAATATGTTG ACATGGTACT 60
 TCAGTTCCTA ACCAATGACT TGGGATGAT GCAAACAATT 100

配列番号：1013
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01142
 配列：
 GATCTGGGGG CTCGAGACTC TGAAGGCAGG GACCCTCTGA CCATCGCCAT GGAAACAGCC 60
 AACGCTGACA TCGTCACCCT GCTACGACTG GCAAAGATGA 100

配列番号：1014
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01143
 配列：
 GATCCCTTGC NTGCCCCCTCC CTGTGGCAGG GCTAACTGCC TGGCCCTCCT GGCTCGCAGC 60
 CAGCCAGNCC CCTGGCAGCA GGTTCTCCTC AGGGCTTGGN 100

配列番号：1015
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01144
 配列：
 GATCTGAGGN CAGGANTTAA ACCACAGAAT GTATNTGCCT GTAAAGCACA GCGGAAGAAA 60
 CGACTCATTG GAACTACACC TGTTACATAC CATTCCGTAA 100

配列番号：1016
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01145
 配列：
 GATCAGAAAA AACAGAAGCC AAATCTGGGG TCATCTTTNT NTTTAAAGCT GAAGTGGGAC 60
 TGTCTGGCAC TCTGTGATT TATNCGTTCC AGCATCTGGA 100

配列番号：1017
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01147
 配列：
 GATCCACAAT AGTGGCATGA GGCAGGCGAC TGTNTGTNAC CTCTATGTCC GCAGAGTCCA 60
 GCACGCTAAC AGCTGGGACA TAAAAGCAGT GGAGAGGGCT 100

【0276】

【配列表186】

配列番号: 1018
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01148
 配列:
 GATCTGGCAG TTGAAAATTG TGGGAAAGAG AATTTGTATG GGCACGTGTAT CTATGAAATA 60
 CCTCATAACT TACGTTTACA TGTTCCTA ACTTTTNGTA 100

配列番号: 1019
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01149
 配列:
 GATCTCCCTT GGTCTTCCAT GGGATGGTTA GTGTGGAGGG GAGATATAGA TTGTCCGGCC 60
 GNTTTGTGAT TCCATGGGAT TGATTCAGTC TTCTGGATT 100

配列番号: 1020
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01150
 配列:
 GATCTGGAGT TACCTGAGGC CATAGCTGCC CTATTCACCTT CTAAGGGCCC TGTTCGAGA 60
 TTGTTTGTTC TAATTTATTT TAAGCTAGGT AAGGCTGGGG 100

配列番号: 1021
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01151
 配列:
 GATCCATGGG GCGCAATGA AGCTTGGAGA TACATGGGTG GCTTTGCAAA GAGTGTTC 60
 TTTTCTGATG TATTCTTTAA AGGATTCAAA TCGGGATTG 100

配列番号: 1022
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01152
 配列:
 GATCGGTCCA CGAAAGTTAG CCCATATGTA TATCTTGAAT AGTATAGGGG AGGGTATTCA 60
 TAAAGTCCTT ATGTGGTTTT AACTAAGTGA AATTATGGAC 100

配列番号: 1023
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01153
 配列:
 GATCTCAGCA GTGGGGCAGG AGGGTGCCTG ATTCGGGGA GTCCTGACCC GAGCCTGTTG 60
 TCAGAGTTGG GAGGGGCTCT GAGCACTGTT GGGCAGGCCG 100

【0277】

【配列表 187】

配列番号： 1024

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01154

配列：

GATCAACAAG AAATGTTATG AAATGGCCTC CCACCTTCGG CGTTCCTCAGT ACTGACCTCG 60
TCTGTCCCTT CCCCTTCACC GCTCCCCACA GCTTTCACC 100

配列番号： 1025

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01155

配列：

GATCTAAAGC AGGTNGTGT GTTTACATGT TTCTACACAT TTCATCCTTT AAAAAGTTGT 60
TGAGAGAGGT TGTATTTACC TTCCAAGGT TGGAAAGCAG 100

配列番号： 1026

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01156

配列：

GATCAGAAAT NAAGTGCAGC AATATCATGA ATTCTNAGAA GNCCTTAAGG GAGCCAGTNA 60
GTCATACAGT ATCCACAGTT GANTCACTTA AAGATGTCAG 100

配列番号： 1027

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01157

配列：

GATCTAATAC TACTGTCAGT TTTAATGTGC ACTGTGTTTT ATACAGTATC TTTTTTGT 60
CACTTNGGAA ATTTTACTA AAAATTGCAA AAAATAAAGT 100

配列番号： 1028

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01158

配列：

GATCCTCTAC CACAGACATT AATAGCTGAG CAGGAGCCAC ATGGATTGAT TGTATCCACT 60
CACCATTGAC GATGGCATTG AGCGTANTAG CTTATTTCCA 100

【0278】

【配列表188】

配列番号: 1029
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01159
 配列:
 GATCCTTNGG CTCAGAATCT CGAGAACCGC CTGCTCCTAA CAATTCAGCA AGTCAGGGGC 60
 TTCCTCTCTG TTAGTCCCCA AATCCTTACT TATTTAAAA 100

配列番号: 1030
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01160
 配列:
 GATCTGNCTT ATCCGAGCTT GTTATTGGGG AGCCATAAGA GTCAGTTATC CAGAACACAG 60
 TTTTGCATAA GCTTCTTTAT GATTCAGTAA TGCAGGTGAG 100

配列番号: 1031
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01161
 配列:
 GATCAAAATC CTGTACAATA CTATAAATAT ATATTNATNT TTTCACAGTC ACCAAGTGTA 60
 TTGTAATGTA TACTTGAAAA ATGTTATAAC TTATCAAGTA 100

配列番号: 1032
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01162
 配列:
 GATCTATGGA AACTGCGAA TGTAAATGTAG GATTCTGTCA GAGCTCCTAC AGAGCACAGT 60
 TGCCTTTAGT TTCCTTTAAA GATGTAAAAA TATTGTATAA 100

配列番号: 1033
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01163
 配列:
 GATCGAGCCA TTGAAAGCTC ATTACCAGTA GGACATAATT TTTGGCTCTC CCTATTACAC 60
 ACCAGTGCAC AGTTTGACAC AGTGGCCTCA GGTTCACAGT 100

配列番号: 1034
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01164
 配列:
 GATCCACATC CTCTACAGGT CGGGGACCAA AGGCTGATTC TTGGAGATTT AACACCCAC 60
 AGGCAATGGG TTTATAGACA TTATGTGAGT TTCCTGCTAT 100

【0279】

【配列表 189】

配列番号: 1035

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01165

配列:

GATCCACTTT GTTGGTTGTT GTTGCAGAAG ACTGAACTGT TTTGGAATAN TTAACAATTA 60
CAGAAACAGT CAAGTGT TTTT CCAATGTGGT TGTCCGGTTT 100

配列番号: 1036

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01166

配列:

GATCTTCCTG TTTGTGGATA AGACAGTCCC ACAGTCCAGC CTAACATGG GACANCTTTA 60
CGAGAAGGAA AAAGATGAAG ATGGATTCTA ATATGTGGCC 100

配列番号: 1037

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01167

配列:

GATCTACAGT GCTGATGAGA AGAGAGCCCT TGCATCCTTT AACCAAGAAG AGAGACGAAA 60
GAGAGAGAAC AAGATTCTGG CCAGTTTTCG AGAAATGGTT 100

配列番号: 1038

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01168

配列:

GATCCTGCTG AAATACATCT GCAGCTGACA ATGAGAGAAG AAACAGAAAA TGTCATGTGA 60
TGTCTCTCCC CAAAGTCATC ATGGGTTTTG GATTTGTTTT 100

配列番号: 1039

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01169

配列:

GATCCAGAAC ATGGGAAGTT AGGGAAAATG TGTGATTTTG TGTTTTGAAT TACTGTCAGA 60
ATTACATACA CAATTACAAC AAACTTTTTT TAAAAGACAT 100

【0280】

【配列表190】

配列番号: 1040
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01170
 配列:
 GATCCTAGTC CCCTGCCCTC TGGCACAGCT GCTTCCTGCA AGANAGCAAG TTTTGGTCT 60
 CCCTGAGAAG CCATGTCCCT CGTCTGTNT CTGCCTGTC 100

配列番号: 1041
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01171
 配列:
 GATCTTCAAG AAGTGAAGA GACCGAAAT CAGACAGGAA AGACAAAAGG CGTTAATGGA 60
 AGAAGCCAGG CTTTCTTAGC CATTCTTTC AGCAGAAGAT 100

配列番号: 1042
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01172
 配列:
 GATCAGCGGT TCTTTTGGCA GCAAAGCCTG CATCTGTGTT GACTTGCAAG ATTTTGCCTT 60
 TATTCAGGCA AAAACTGGTC AAAATGCTTA CTACATGATT 100

配列番号: 1043
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01173
 配列:
 GATCCCAATT CCACATAAGC ACTTTTGGAA GAAAACAGCC AAAGTTGGCC TAAAATTGGC 60
 GCTGGAATTT GGNCTGGGAA AAATCTGTG GTTATTTCTT 100

配列番号: 1044
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01174
 配列:
 GATCTCAAGT GACCCGCCCTG TCTCGACCTC CCAAAGTGCT ATGATTACAG GCATGAGCCA 60
 CTGCACCCAG CCAAACATGA CTTTTCATC CAGAGTAAAT 100

配列番号: 1045
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01175
 配列:
 GATCGGGAAC TCCTGCTTCT CCTTGCCTCG AAATGGACCC CAACTGCTCC TGCTCGCCTG 60
 TTGGTCCTG TGCCTGTGCC GGCTCCTGCA AATGCAAAGA 100

【0281】

【配列表191】

配列番号： 1046

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01176

配列：

GATCTTGGAA AGCACTAGAA ACTAAACATC TTCACCAGGT GCTGAAGAAA AGTGTCTTCG 60
TTTAAATTGC CAAGCAGGGA TGTGGACATT TGGATGGTGA 100

配列番号： 1047

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01177

配列：

GATCACCTTG TAGTCTTTAA ATTCTTGGTC CCTGAGGCCA AGTCCACAAC TTGCCTTCTA 60
GTCACCTTGCC TGCCCGCAGT GGTGGTGGAT GTGTTAGCTG 100

配列番号： 1048

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01178

配列：

GATCCACCCT CCTGTAAATA TGAACAAAT ATCTGAATGA AATCCACCCT AGGAGACGGA 60
GCAAACTAAA CTTGTGGTTT TNCATTTAAC TTTTGACTAC 100

配列番号： 1049

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01179

配列：

GATCTTCAAG TATTTCNAC TTTCGAGTAC AGCTAATTGG ATAATCTCAA ACCCTTTAGT 60
GAAAATATCT TAAATGCATT GAGAATATTT CCTAATTACC 100

配列番号： 1050

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01180

配列：

GATCTGCACA CGCATAATAA TCAGCATTGA GGGCAACAAA ATGCCATTGT GACCTTGCCT 60
GGAATGTGTC CCCATCTCTA CTCTAAGAAA TGGCGAATGG 100

【0282】

【配列表192】

配列番号: 1051
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01181
 配列:
 GATCGCACCA CTGCACTCCA GCCTGGGNAA CACAGTGAGA CCCTCTCTCA AAATAAATAC 60
 AGNCAGGCAT AGTGGCTCAT GCCTGTAATC CCNGCATTTC 100

配列番号: 1052
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01182
 配列:
 GATCTCTCCT GGAGTATGAA GACCTCCAAG GACTCACTTT CCCTCCCTTC TGATGCCAGA 60
 GCAGACCAAG CTGTCACACT CCAGTCTCAT GCTGAAGTCT 100

配列番号: 1053
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01183
 配列:
 GATCAATAAA TNATACCAA TATATGTTTA CAGTATGATT TAAAGTCTGA TTCAGACCAG 60
 GGACTCTATT TTAAGTTCAA CTGAAATAAC ACTGGCTTTT 100

配列番号: 1054
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01184
 配列:
 GATCATACCG GTAAAGCAGG AATGACAAAG CTTGCTTTTC TGGTATGTC TAGGTGTATT 60
 GTGACTTTNA CTGTTATATT AATTGCCAAT ATAAGTAAAT 100

配列番号: 1055
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01186
 配列:
 GATCTGGAAG CAGTTGAAAA CGAGACAATA TAGCCGGAGA CGCCTTATAT GATGATGCAG 60
 TATCGACTAC ATTAATGAAA GTAATGCCAA ATNCAACAAG 100

配列番号: 1056
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01187
 配列:
 GATCCGGGGG ACCCCTTTGC CCTTCCCTCG GCTCCAGGCC CTACAGACTT GCTGTGTGAC 60
 CTCAGGCCAG TGTGCCGACC TCTCTGGGCC TCAGTTTTCC 100

【0283】

【配列表193】

配列番号：1057

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01188

配列：

GATCGAAGTG ACAAAGTGTG TTTTCANTCA CAGTGGAGGC TACATCAAGC AAGGGGAGGT 60
CCAGCCCTCT TGCAAGTGTG GTGAGAGGCT CTACTAGCAA 100

配列番号：1058

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01189

配列：

GATCCTCGCA GCTTCTACGA GCGGGGTGTC GCAGTCTTGT GCACAGAGTA AACTTTTCTA 60
GCTGCCCTT TCTGTAATAG TGAAAGTTGG TATTAAACAT 100

配列番号：1059

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01191

配列：

GATCCTTTTC ATACCTNATT TGGAATTGCT GGATTGTAAC TTTTGGNAGA AGAACAGATT 60
AAACCTGTTA ATCCTGTCTT TTGCATGCCT GAAGAAGTGC 100

配列番号：1060

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01192

配列：

GATCAATGAC AGAGCCTTCT GGAGGACATT CCAAGACAGT ATACAGTCCT GTGGTCTCCT 60
TGGAATCCG TCTAGTTAAC ATTTCAAGGG CAATACCGTG 100

配列番号：1061

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01193

配列：

GATCACAGCA TAAAAGAATC ATAAGATAAA ACATCAAACCT ACCCAGCAAC CTGAGAAGCA 60
CAGACTGTTA AAGCCTCCAC CGTGTGAGAA ACTAAATTAG 100

【0284】

【配列表 194】

配列番号： 1062
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01194
 配列：
 GATCCAACCC GAATAAGATT AGAAGCTTTC CATCAGTAAA AGGATGTTTT CTTTTTTCAC 60
 ACAGTAAAAA TTCTTATCAT TCAAGGATAT TGAACCACA 100

配列番号： 1063
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01195
 配列：
 GATCCTGAGG ATTACAGCTG TGAATTTTT GTCCAAGCTT CAAATAATTT TGAAGAAAT 60
 TTTCCCATAT GAAAAAGGA GAGAACACTG GCATCTGTTG 100

配列番号： 1064
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01196
 配列：
 GATCTGTGTA TGCTGTTGGG TCGGAGTGCC AGTNACTGCT TTGGAAGTCT GNGTTCTGGG 60
 GCTGCAGAAT GACAAACGTG TCATGGGATT AAAACCAATC 100

配列番号： 1065
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01197
 配列：
 GATCGACCTT NTCTGTTTTN TTTTGTTTTN NTTTCTNTTT CCTGGCCATG AGGACAAAAA 60
 TTACTGAGTG GCCCTTAAAG AGGGAAGTTT GTTTCAGCT 100

配列番号： 1066
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01198
 配列：
 GATCGACCAC ATCCTGGATG CCCTGTAGCC CCTGCCCGCA TCCTCCAGGG GGCCCAAGGT 60
 GCCTGCACTT TNCTGTGGCA GGCAGATTGG GTGGTAGTGG 100

配列番号： 1067
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01199
 配列：
 GATCCCGCTC TGTNTTTC CAGTTTGTGC TATTCTNATT ACATTATCGA CTAGTCTGAA 60
 GCAGAGCTGA TATCTCTTA CCTGGGGAGT CAGCTTACC 100

【0285】

【配列表195】

配列番号：1068

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01200

配列：

GATCTGTATA TGGTAAACAG GGGTTTAACC ACATGTGGTT AACATGGATT AATGTGGGAN 60
TTTGGCTTCA AGAACACAAC CTTAGGACCT TGGNCCCCAA 100

配列番号：1069

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01201

配列：

GATCTAGTTC CCCTGGA AAA GCTGCTGTAT TTTTAATTTT TAATGGAATG TAGCTTTTNN 60
AATCCTGTCA CTGGCATCAA CAAAAGGAAT TATACCATGA 100

配列番号：1070

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01202

配列：

GATCCTGTTT CTNGCTCTGA GTNCTAGCTA GCCAGCTGTN TTCACACTGT AAACATTTCAT 60
CAAGCTGTAC ATTTGGTGCA CTTTTCTGTG TCATACCACA 100

配列番号：1071

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01203

配列：

GATCCNTCAA CGGATACTAG AAAATGAAAA AGACTTGGAA GAAGCTGAGG AATATAAAGA 60
AGCACGTTTA GTACTGGATT CAGTGAAGTT AGAAGCCTGA 100

【0286】

【配列表 196】

配列番号: 1072
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01204
 配列:
 GATCTCACCT CTTCTCAGG ATGGGGAGCT CACTCCGAGA ACAGGAGAAA TCAACATTGC 60
 AGTAACAAGG TAGAATGGTT TTGAAGAAGA AAAAACCTGC 100

配列番号: 1073
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01205
 配列:
 GATCCAAGTT CCTAGACCTC ATGGCTGTCC CCTCCACCA GTCACCTCCA CTGCACAAC 60
 CGGGCGGGGG TGTGACACCT CTCCCCACC NCCGACTCCG 100

配列番号: 1074
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01207
 配列:
 GATCTATCCA TCCAATGTTG TCATTATATT TGA CTGTGGT TCAACAGTAT TCGGTTGTCA 60
 GACTAGGAAA GTTAAACGAA CAAATGGTT TTAGTTTTGC 100

配列番号: 1075
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01208
 配列:
 GATCTGGTTG GCATTTTCTC CCTGATGATG GGAGCGTCAT TCTTTTGTCT TCATGCTTAC 60
 TTGTGTGATA TAACATACAT CTGTNAAAGA AAATCACTTC 100

配列番号: 1076
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01209
 配列:
 GATCGATTAA GGAAGGTGGT TATGGCTGGG TGGTTCAGGG GTTTTTTTGG GTTNTTTTT 60
 TTTTTTCTTT GTCTTTTNA CCTAAAGCTG TTTAAGTTGA 100

配列番号: 1077
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01210
 配列:
 GATCCTCTTT GTTGTGTCAA AGCACCAGTT TTCCTAGGCC AAAGAAGTCT CTNCCCCATG 60
 TAAGNCCTAT GCCTTNAAT ATCATGCACC ATGACCCACA 100

【0287】

【配列表 197】

配列番号： 1078

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01211

配列：

GATCTAGAAG GTGAAGAATT TTTTATGTA TATATAGACA TATCTATATA AATNGTCTGG 60
CTGAGGCAGG GCCTTCANCT ATCATTTGGT TAATAAATAC 100

配列番号： 1079

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01212

配列：

GATCCTAGTG ATTTTCAGCCC ATGCATTAAG CAGGAAACAA TAATAAATTT GTAGAATTCA 60
TATTTTTCTA AAGGGAAGTT AAAAAGTGGT GCTACATGTT 100

配列番号： 1080

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01213

配列：

GATCCAAGTT ATACATGAAT AGAAAAAGAT GGTGTTAAAT TTGTGTGTAG GCTGGGAATT 60
CTTGCTGAAG GAATTGGAGA AAACCTGTTG CTGCAAAATT 100

配列番号： 1081

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01214

配列：

GATCTTCAAT TCCTTGAGTC TGAGCTTGTG GGTGGAATTC TAAATTTGTA TCATAATCTG 60
TCTTTTGTGA AACATTTTGA AAATATGTAT ATATAATATT 100

【0288】

【配列表198】

配列番号：1082

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01215

配列：

GATCGTGCCA TTGCACTCCA GCCTGGGTGA CAAGAGCAAA ACTCCATCCC CCCTGCCCAA 60
 AAAAAAAAAATN AATTTTCACA GAAAATTAAT AGCATAGGTA 100

配列番号：1083

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01216

配列：

GATCAAAGAT TGTAATAATA ATTTTGTAAG TGTAAAGCAA AAAGTTATTT TTATATTATA 60
 TACAGTCTAA TTGTTTCATCC TAATTGTTCC TGTTTTCATC 100

配列番号：1084

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01217

配列：

GATCTCCATG TAGTCCATAT AAACCTGCAG AGTGATTTTC CAGAGTGCTC GATACTGTTA 60
 ATTACATCTC CATTAGGGCT GNAAGAATG ACCTACGTTT 100

【0289】

【配列表199】

配列番号： 1085
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01218
 配列：
 GATCCTGTAA GTTGTCATCA AAATATGATT TAGAAATATT GGCCAAGGTG TTGCTTTAAC 60
 TGAGGAGAAA AGAAAGCACA CTGCCTAAAT GTGTAAAAGA 100

配列番号： 1086
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01219
 配列：
 GATCGACAGC AGTCATCCTT AAGGGACTTT CAGAACTGAG ACAGGGCCTT CTCCAGAAGC 60
 AAAAGGAGTT GGAAAGTAGT CTCCTGCCCT TTAGCTGAAA 100

配列番号： 1087
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01220
 配列：
 GATCGTGCCT GTGAATAACC ACTGCACTCC AGCCTGGGCA ACATAGTAAG TAAGACCTTG 60
 TCTCTAAAA AAAATACATT CTGAAGAAAG TTCTACTTAT 100

配列番号： 1088
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01221
 配列：
 GATCCCGAGA CTGTGTCTCT CTTGGCTGAA NACACTNAGG TGCTCCCATC TGTCGCTGGC 60
 CCATGANCTG GGATGGTCTT CCAGCTGCCC ACAAGGTCCG 100

配列番号： 1089
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01222
 配列：
 GATCCAAATT TCCTTTTGAT ATTATTTTAC TTCTGCCTGA AACATTTTCT TTAACATTTT 60
 TTATAGTGT TTTTACTGG TGATGATTTT TTTCAGGTTC 100

配列番号： 1090
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01223
 配列：
 GATCTGCGGT GAAGCCAAGC CGCAAGGTTA CAAGGCATCC TCACCAGGGG CCCCCTGCTG 60
 TGCTCCACAG TGCCCTGCGG CATGTCTATG CTCAGGACC 100

【0290】

【配列表200】

配列番号： 1091

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01224

配列：

GATCCAAATG GATTACCAGT GTGCTACAGA CTTCTTATTA TAGAACAGCA TTCTATTCTA 60
CATCAAAAAT AGTTTGTGTA AGTTAGTTTT GGTACCATC 100

配列番号： 1092

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01225

配列：

GATCGCTTCA CATNTATAAA AAAAATAANA ATACCCGGGC AAGCTTTCTT TGAAGNTGCT 60
ACAGCATTAA ATATCGAGAA TTTTGGGTGG GAGAGAGCAG 100

配列番号： 1093

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01226

配列：

GATCGCCGCC CAGGGTTTCA CGGTCGCAGC CATCTTGCTG ACGTCTGNCT GNCAGTGCTA 60
TGAAGTCTCG ACCCTAAGCC CAGGGTCTGG CCTTGAAAGC 100

配列番号： 1094

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01227

配列：

GATCTAAGAA GANACTAGCC TTGTGGAGTA TATAGATGCT TTTCATTATA CACACAAAAA 60
TCCCTGAGGG ACATTTTGAG GCATGAATAT AAAACATTTT 100

配列番号： 1095

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01228

配列：

GATCCTTAAT GTTTTGATTN TTGTTTTCTG AAATTGGATT TTATTTTATT TTATCTTATA 60
ATNNCAGTTC ATCTAAATTG TGTGTTCTGT ACATGTGATG 100

【0291】

【配列表201】

配列番号：1096

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01229

配列：

GATCTTTAAA CTCTGGCTTC TTCCTCCTCA ATCTTGACAG AAAAAGGGTG CAGACGTCTG 60
GTCAAAGAG TTGGATATCA AACTGATGG TGCAGTTAAC 100

配列番号：1097

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01230

配列：

GATCCATCCC ATTCACCCAG TGACTTCTTT TTNCCCAGGC CGGGACTTTT TGCATCAGTC 60
ACGTTAACCA GATGACTTTH CCTGTNACCA AACCTCATGC 100

配列番号：1098

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01231

配列：

GATCGCATTT TTGTAAAAGA ACCATGTGTG TTTATATGTG TTTATATATA TACTTGTGTA 60
TGCAAAGGTA AAAGTCTGAA AGGATATATG CTAAGTGTTC 100

配列番号：1099

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01232

配列：

GATCTGCCCTT GAAATTTAAA AATCTAAATA GCTCTTAGTT GAACAGGGGA GATATAAACA 60
AAGTTTGCAA AATTCCTAAA ACACGATGAT AATAAACATC 100

配列番号：1100

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01233

配列：

GATCTCATGG GCTTTCCTGG AGGAAAGTTT TTTTGTTCG TTTTTTTTAA AGACTTGAAA 60
CTTGTAACIG AGATGCTGTA GTTTTTTGCC ATCTGTAGTG 100

配列番号：1101

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01235

配列：

GATCATTAAG ATCAACGTTA TCTAAGACAG CTGTATCACA TTTTGGGAT ACATCATGGT 60
ACAGTCAGAA GCATATAAAA TTATGGTTCT GCTTGTACAG 100

【0292】

【配列表202】

配列番号: 1102

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01236

配列:

GATCCCAACA AAGATACAAG TGA AACGCA GAAGGTCAA GNGATGAGAA CAAGGACGAC 60
TATACAATCC CAGATGAGTA TAGAATTGGA CCATATCAGC 100

配列番号: 1103

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01237

配列:

GATCACTGNC AAAGTGGGAG CACTAAGGGG TGGGTGGGGA AGTGAATGT TAGGCGATGA 60
ATTCTGAGC ACCTTGTTTT TNTCCAAGG TTCGTAGCTC 100

配列番号: 1104

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01238

配列:

GATCTCCATG CGGTCCCTGG AAGTACCCAT TGAACATGC GTATTTGTGT ATAGCAGAAC 60
TCTGAAATAA TATTCTGACA GCAGTTATCT CTGAGGAATT 100

配列番号: 1105

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01239

配列:

GATCCTGTCA GGGNGTCCCC CATGCCTGGA AGAGGAGCTG GTGGCTGCCA GCCCTNGGGC 60
CCGGCACAGG CCTGGNCCTT CCCCTTCCCT CAAGCCAGGG 100

配列番号: 1106

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01240

配列:

GATCCCGGGA GCCTTGCCGC ACTGCCTTGT GGGTGGCTTG GCGCTCGTAA TTGCTTCCTG 60
TGAACGCCTC CCAAGGACGA GCCCAGTGTA GTTGTGTGGC 100

【0293】

【配列表203】

配列番号: 1107

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01241

配列:

GATCTGCAGC AGCCGAAAAT GCGTTHTGGT AAACCTGGCC TCAAATTCAT ACTACCATAA 60
CTGTTTTTAT ATATTGCCAC TAATTTTGAC TGGATTAAAT 100

配列番号: 1108

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01242

配列:

GATCTTAGGN NITNACTTNT TTTGATTTGT TTTGTTTTTG AAAGAAGAAA AAAATACAAT 60
TAACAAGCCT CTTTTGTAAA TGGGTTTCCT TTCTATGTAT 100

配列番号: 1109

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01243

配列:

GATCCAGCCC TGAGCATCAC CCAAGTGCCT GATGCCTCAG GTGACAGAAG GCAGGACGTT 60
CCATGCCGAG GCTGCCCCCT CACCCAGAAG TCTGAGCCCA 100

配列番号: 1110

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01244

配列:

GATCTTCCCT AAAGAGCAGN GGACCAATA NGAAGAGGAA AATTTCTACC TTGAACCGTA 60
TCTGAAAGAG GTTATTCGGC AAAGAAAAGA AAGAGAAGAA 100

配列番号: 1111

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01245

配列:

GATCCCAGGT CCCAAGGAGT GACAGGGGCT TCCTCCCACC TTCTGTCTT GTCCAGTCAT 60
GTAAATAATG TGCTATTTCT CTCCCGAGT CTTTTTTTTT 100

配列番号: 1112

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01246

配列:

GATCCTGGTG CTGGACAACG CTGCCATTGT CTGCAACTTT GGCAGTGAGC TCAGCCTGGT 60
GTATGTGCCC TCTGTGCTGG AGAAGCTGGA CTGAGCGCAG 100

【0294】

【配列表204】

配列番号： 1113

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01247

配列：

GATCTGGGCA GTTAGATAGT GCTCTGTGCC TAAGGTGAAG CCACACTAGG GTGAAGCCTC 60
ACTTCCCTGT TTGAGCAATG CAGTGCCTGC TGCCCGTGTG 100

配列番号： 1114

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01248

配列：

GATCTGGCTT CCATTTGGCC CCCTCATTTT CCAAATGTTT AAATGTATTG GATTTGGATT 60
CTCAATGTAT AAGTTGCCTT ATCTGTAAAT GTCTATCTTC 100

配列番号： 1115

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01249

配列：

GATCCATTTN TCCNTGTAAC TNGGAGAAAG GCCAGTCCCT GTAACGGGGC AGCCCTCTCT 60
TTCCCTCGGT CAGCTCGTGT NAATCCTGGN ACCTCTTCCG 100

配列番号： 1116

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01250

配列：

GATCTGAAGA AATGATGGAA TGGGGAGTGT AGAGAAATGA GAGTCTGTAT GATTCTGGAA 60
CAGAGACATC AGAAGGAAAG ACTGGTGAAA AGATGTATCT 100

配列番号： 1117

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01251

配列：

GATCCGCAGT CGAAAAAGAA CAAGCCACAG AAACGGGCTC GTCGTGCCAG GACACAGCAG 60
TGTCTTTCAA AAAATCAAAA CCAGAAGNTT TATCANCAGC 100

【0295】

【配列表205】

配列番号: 1118

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01252

配列:

GATCTATGTC CGGTGTGGGT TTTTGTCTC TCGAGTTTTG TCTCTAATAA AGGCCTTTT 60
TGTTCAAAT TACATACGCT TTTTACTGCA CAATTTTTGT 100

配列番号: 1119

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01253

配列:

GATCAATGAA ATGCACATAA ATNAACTGGT TCCATCAAGA CTGTGCACCC AGGCCTTACA 60
GTCCAACCTT TTTCTGTGTC TGGCTAATAT TAAAACTAG 100

配列番号: 1120

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01254

配列:

GATCTACCGG GGGCTATTAG TTTCAATGTA GTGATGAACA CAACTATAT TTTGAGTTCT 60
CTGCAGCAAG TGAATGTGG TATGAAAATA TCTGATATT 100

配列番号: 1121

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01256

配列:

GATCTGGAGC ATTTGAGCAA GTTTATAGAA GAACATGCCA CAAACTGAG CAGGACCAAG 60
GAAGAGCTTT GAAGGCCTGA GGTCTGCGNA AGGTGGGAG 100

配列番号: 1122

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01257

配列:

GATCAGCGCT GAGGACGGNC TCAAGCATGA GTATTTCCGC NAGACCCGNN NCCCCATCGA 60
CCCCCTCATG TTCCCACGT GGCCCGCCAA GAGCGAGCAG 100

配列番号: 1123

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01258

配列:

GATCTGTTGA CTTCCCTGGG TAGGACACTG CCACCTCTGG GCTCAGGTCC TNATGCCTCC 60
AAATGGCATC TAGAGTTTGA GCAGCCTTCT TGGCTGCAAG 100

【0296】

【配列表206】

配列番号： 1124

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01259

配列：

GATCATNATT TTTNCTGCGT AGTTGACAGA CTTAGCATAT TAGTTTTTNN TACTCCTACA 60
AGTGTAATTT GAAAAATCTT TATATTAAAA AAGTAAACTG 100

配列番号： 1125

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01260

配列：

GATCACAATT NGCTTCATGA ATCAAGGTGT GGAAATGGTT ATATATGGAT TGATTTAGAN 60
AATGGTTACC AGTACAGTCA AAAAAGAGAA AATGAAAAAA 100

配列番号： 1126

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01261

配列：

GATCCCCCGN TCAGCNCNA AAGTGCTGGG ATACAGGCAT GAGCACCACG TCCGNCTAGA 60
CTTTACCTTT CTAAGAAAT TGTTTACTGG ATTTATAAGA 100

配列番号： 1127

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01262

配列：

GATCACAGGT CTTCCCTGTG AACTTTGGTT TCTTTCTATA AATGTGTGTG GTTTTCAGCG 60
CTCAACTCCT GTCTTCAAAT GGTAGTAAGT NCTACTTCTA 100

配列番号： 1128

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01263

配列：

GATCTTCTAT GCAGTTCTGC CATGCCGTCCT GTTGGTCTCT CTGTGTTTNT TGTTACTTGG 60
GTGCAATAGC AACTTCCCTA CCCCCTGCAT TCCATCTTTN 100

【0297】

【配列表207】

配列番号: 1129
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01264
 配列:
 GATCTAAGTT AGTCCAAAAG CTAAATGATT TAAAGTCAAG TTGTAATGCT AGGCATAAGC 60
 ACTCTATAAT ACATTAAATT ATAGGCCGAG CAATTAGGGA 100

配列番号: 1130
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01265
 配列:
 GATCTGGCCA GTTGTACTTT TAGCTCCCAG AGGGAGAGTT GGTGGTATTA TGAGTTGAGT 60
 AAAAACCATC CAGGGGAACT TGAGGGAGCA GTCTGTTGCC 100

配列番号: 1131
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01266
 配列:
 GATCCTCAGG ACGCAGGTCA CATTACCTG TGGGCAGAGG GACAGGTCAG ACACCCAGGC 60
 CCACCCAGA GACCTCCAT GAACTGTGCT CCCAGCCTTC 100

配列番号: 1132
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01267
 配列:
 GATCAGGAGG CATCATGAG GCCAGGAGCT CTGCCCCGTA CCTGTATCCC ACGTACTCTA 60
 TCTTCCATTC CTCGCCCTGC CCCCAGAGGC CAGGAGCTCT 100

配列番号: 1133
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01268
 配列:
 GATCGATGCC ACGTTCGTAA GGTCTAAGT CCTTCTTGGC TCCTNATGTG GTCCCTCTCC 60
 TCGGAAGAAC TGCCAGCCA CGGGTTTTNA ACCCACCTGT 100

配列番号: 1134
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01269
 配列:
 GATCCCTGGC TGGAATGTCA TACCATTGAC CCATTTGAAG AGTTAAAGCT GGATTGACT 60
 GCTCTATTCT ACCAGGAATA TTGTTAGGGT AGCCTTTTAC 100

【0298】

【配列表208】

配列番号：1135

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01270

配列：

GATCTACAGT CATGCTTTAG CATGGCTATG GAGCTAATTA TCAAGCTTAA AGGGTAACTT 60
TGGGAGGACT CCTCCCTTCA CTCCTAGTCT CCCTTGAAG 100

配列番号：1136

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01272

配列：

GATCCAAAAT TTATAGCATT CTTCTACCAC CACAGGGGCT CATATGACAT TAACAGACAA 60
GACACTTTTC AGAAAGACAG GTTGTTCITT TGGGCCACAT 100

配列番号：1137

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01273

配列：

GATCAGGGCT GAGGGTAAGG AAAAGAAGAG ACTAGGAAAG CTGGGCCCAA AACTGGAGAC 60
TGTTTGTNTT TCCTGGAGAT GCAGAACTGG GCCCGTGGAG 100

配列番号：1138

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01274

配列：

GATCCTTACT ACTGGAATTA CCGGGTTAAA AGGAAATGCT TACCACTAAG ATGTCAGTAT 60
TCTCCTCATG GATATTTTCA ATCTCAATGT TGCCAGTCTA 100

配列番号：1139

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01276

配列：

GATCCGCTTG GTGACGGGCG TCTTCCCAGA TGCTGGCGTC ACCGCTAGAC CAAGGAGCCC 60
TCTGGTGGCC CTGTCCAGGC ATAACAGAAG GCTCGCACTC 100

【0299】

【配列表209】

配列番号：1140
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01277
 配列：
 GATCAGGATT GTCCTACAGT TGTAAATAAG ANTAGGTCCT GTTATTTTGG ACATCTNTTT 60
 ACAAATGCAT TGTATTAGGG TGTGAATATT CTGAACCATC 100

配列番号：1141
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01278
 配列：
 GATCTGAAAT TTGTGTATNC TAAAGTAATT TNGTTTTATG TATTGGAAGT TCACTTAAAA 60
 ACTGGAATA TTTCTAGAA GGGTACCACA CAAAAGGAAT 100

配列番号：1142
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01279
 配列：
 GATCTTAAAT GTTATATTGA TAACCATGCT CAGCAATGAG CTATTAGATT CATTTTGGGA 60
 AATCTCCATA ATTTCAATTT GTAAACTTTG TTAAGACCTG 100

配列番号：1143
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01280
 配列：
 GATCTTTACC AAATTCCTGA CTCAGAGTTC CTCCCATTTN CTTCTGACTC TCATTTTATT 60
 CTTACCTCTC ATTTTATTCT TATGATGTTT ACCATTTCTN 100

配列番号：1144
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01281
 配列：
 GATCTGACTT AAAAACCAC CAGCATGCTC AATCCCTTGT NATCCTTATG GAATCTGTAT 60
 GTTAACTCTC TGGGTGTTCA GGCTTCTATT TGACTGCTGT 100

配列番号：1145
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01282
 配列：
 GATCCAATAG GAGACACCAG TTCCTTGACT GANCCATGCC CCCACCTAAG TNACAAAATG 60
 AGGGAAGTGG GGAGTTAGAT TTCAGAGTCC AGGCCCTAG 100

【0300】

【配列表 210】

配列番号: 1146

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01283

配列:

GATCCATCCG ATGGCCTACC AGCTGCAGCT CCAAGCCGCC AGCAACTTCA AGAGCCCAGT 60
CAAGACGATT CGCTGATTCC CTCCCCACC TGTCCTGCAG 100

配列番号: 1147

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01284

配列:

GATCGCACAT CCCTGCGCCC CCATGCCCCC ATGCCCTCT GAGTCACACA GGACAGAGGA 60
GGCAGAGCTT CTGCCCCTG TTATCTTAC TTTCTTTGTC 100

配列番号: 1148

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01285

配列:

GATCAGACCC AGAGAAAAGT AGTTGTCAGT CATAGCACAC ATCGGACATT TGGAAAACAG 60
CAGTGGCAAC AACTGTATGA CACACTTAAT GCCTGGAAAC 100

配列番号: 1149

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01286

配列:

GATCTTGGGG CCTGTTTTCC CATGGGATTC AAGAGGGACA GCCCCAGCTT TTTTGTITT 60
TAAGCTTAGG AATCGCCTTT ATGGAAAGG CTATGTGGGA 100

配列番号: 1150

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01287

配列:

GATCTAGAGA CAAAGGATAC TCAATGAGGA GCTTTTTTCC CCTTTGGAA CAGGTAAAT 60
GCTTTTCCTT ATTAATATAA TTATAAACA GTATTTTATG 100

【0301】

【配列表211】

配列番号：1151

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01288

配列：

GATCTGTGAA ATGCTATCTC TCCTGANGCA ATACTGTTGA CCAGAAAGGA CACTCCATAT 60
TGTGAAACCG GCCTAATTTT TCTGACTGAT ATGGAAACGA 100

配列番号：1152

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01289

配列：

GATCCCTGGA CACTTACGTA CAATGCTTCG TACTGCTGTA TGACAGCCGG GCCAGCCGCC 60
AGCNTACAAG GNTTGTNCGA CGCAGCCTCA GCCCTGTTT 100

配列番号：1153

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01290

配列：

GATCTCGGTG CTTCTTCCTG TGCTGTGGTT TACCCCAAAC CTTTAGGTTG TTTATTCATT 60
CAGATTAGAT AGACTGGAGC CATAAAGTTA ATTTGCACCT 100

配列番号：1154

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01291

配列：

GATCAAGAGG GAGTTCATGC AACACCTGAG AATCTGATTA ATGCACTGAA TAACTCTGGA 60
TTAAGTGACC TTGCAGAAAG TCTAACTAAT GACAATGAGA 100

配列番号：1155

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01292

配列：

GATCCCCAGC TGTTTATGCA TAGATAATCT CTCCATTCCC GTGGAACGTT TTTCTGTTC 60
TTAAGACGTG ATTTTGCTGT AGAAGATGGC ACTTATAACC 100

配列番号：1156

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01293

配列：

GATCCTATCC AGTTGAGGAA TGCTTGCAAT GCTCATTGAA GGGATTGCT TTGGGACTTT 60
GTCATCTTCC AGAAAGGAAA CATATTGTAT ATTTGGCCCA 100

【0302】

【配列表 2 1 2】

配列番号： 1157

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01294

配列：

GATCATAGTC AGAAAGTACT GCAGTTAACA GGAACCTTCT TGTTTCAGGCT GTCATAGCCA 60
CAGTTGCAAA AAGTGCAGTA TTGATTAATG CAATNAGTGC 100

配列番号： 1158

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01295

配列：

GATCTGAAGA AAGCTTTTGG TGCTTGTCCT CACAACCACC TCAGTCCTCC CTCCCTGTCC 60
TCCCCTGTCT CCTTTCCTCC TCCTGGGTTT ATGTTGTAAT 100

配列番号： 1159

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01296

配列：

GATCATAGCT TGTTTTATTT TGTGCTATAA AATTAACAGT ATTAAATGAC TTATATTCTT 60
AGAATACATC GAGTGTCTTT TCTTAACAGA TTAGTGCCTT 100

配列番号： 1160

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01297

配列：

GATCATAGTG TTTTGTAATC ATTTAATGTC TGCAGCCAAA TTTTAAAGGG TAATTTAGAC 60
CTAATACTGC TCTTGCTGTG TCTTATTAAG TTAAAATTAA 100

配列番号： 1161

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01298

配列：

GATCAAAGTT TAATTGCTTC ATTTTGTGTT AAAAAGGGAT ACTGATGTCA GAAAATCTGT 60
AATATGTTTT ATTCAAAAGA TGTAATAAT GTATACAGAC 100

【0303】

【配列表213】

配列番号: 1162
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01299
 配列:
 GATCCCTCTC CTCGCCTGCC TTCTGGAAGA CTTCAGAAGA TTGAGCCTCA CTGGTGCCAG 60
 GAAGCCAAAG CTTACTTTGT AGAACTGACA CTAAACTACC 100

配列番号: 1163
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01300
 配列:
 GATCCCAAAG CCACGCTCAT CCAATCCTGG NGAATCATTT ATTTTGAATA TAGACCATTG 60
 AATAGGTGAA AAATGGAAAA GTCACCTTTT GTACATTTGC 100

配列番号: 1164
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01301
 配列:
 GATCCAAACT AATAAGAATA AGCTGTACAG GAACTAGTGC TCAATATACA TTGTATAAAT 60
 TTGTGGAAAT CTCTGGATG TNAATTGTTA CTTCAAGTGG 100

配列番号: 1165
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01302
 配列:
 GATCGCAGTG GAAGAAGATT AGTGCATCAT TGAGAGAGGA GAAGTGGAGT GTGGGGTGAG 60
 CAAAAGCCAA AATACTAATC ACTAGTACAC CAGAGATGCT 100

配列番号: 1166
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01303
 配列:
 GATCTTGTG AGGCATTTAG CTGCCATGCA CCTGTCCCC TTTAATACTG GGCATTTTAA 60
 AGCCATCTCA AGAGGCATCT TCTACATGTT TTGTACGCAT 100

配列番号: 1167
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01304
 配列:
 GATCTCATTT CAATTTCTTT ATTAGAGGGC CTTATTGATG TGTCTAAGT CTTTCCAGAA 60
 AAAAATATC CAGTGATTTA TATCCTGATT TCAACCAGTC 100

【0304】

【配列表 214】

配列番号： 1168

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01305

配列：

GATCTGGTCT GTTCCTGCGT CTGCGGANGG CCCTTGTCTC CCAGCTATCT ATAACCTTAG 60
CTAGAGTGTC GCCTTGTGGG TTCCTGTTGC TGAGACTTCC 100

配列番号： 1169

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01306

配列：

GATCCTTGGT GTGTAGTTCA GTCTTGCAGT ATACAAGCTT TTGTGTATAA ATGTTTTATG 60
ATATGATTCC CTGTATTTTG CAGGGGTTTT TTTCTCTTTT 100

配列番号： 1170

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01307

配列：

GATCCTGTAT ATGTGTGTTT TGGGGGAGCT ATGATAAGTT TTATGGCAAA CGGTTGGTAT 60
TGTTAACTTT TTATTGTCAT CAAAAGTTCA TAAAAGTCCT 100

配列番号： 1171

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01308

配列：

GATCCGCCCA TGTNAGCCTC CCAAAGTGCT AGGGTTACAG GCATGAGCTA CCATGCCTGG 60
CAACAGCTTT CATATTTGTA AGTTTTTTTT CCTAGGTAAC 100

配列番号： 1172

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01309

配列：

GATCTNGGAC TCTNCCTCTC ACGACTGCGC CTTAGTCACT CAGACATACG GCGCANTGCA 60
GGAAAAGCCT ACACAGACGA CCTGGGTGCT GTGGGTGGCG 100

【0305】

【配列表215】

配列番号: 1173
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01310
 配列:
 GATCACTNCA GGCCAGGNGT CCAAGACCAG CACGNCCAAC ATGGCAAAAC CCAGTCTGTA 60
 CTAATAATAG AAAAATTAGC TGGGCGTGGT GCGGTGTGCC 100

配列番号: 1174
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01311
 配列:
 GATCCTTACC GTCCTAGAGA GCAGACGCTT TCTGAAACT ACTTGCTCCA AAAGACCCTC 60
 TGAGTTAAGC TTTCAGCTGT ATCATTAGAC TTGTATTTAG 100

配列番号: 1175
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01312
 配列:
 GATCTGAACA AAGTCTGCAT TTGTTAATA GTGTGGTACC AATGTTGGTT TCATAGTTTT 60
 GGCCATTGTG CTGTGTATTT ATAAGATGCT AACATTAGGG 100

配列番号: 1176
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01313
 配列:
 GATCCAGCCA CCACTCTGAA ACTCATCACA TCTTCATTGA CAGGGAGGGA GCCCAGGACA 60
 TATGTGTGGC TCATTGACCA GAAGGCTTTC TTAGTCCCAA 100

配列番号: 1177
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01314
 配列:
 GATCTGCCTG CCTATNAGAG CTTTGAGAAG CTCGCGCACA TGCTACTGTT GCCTATCCAG 60
 GAGTGTCTG AAGGCTTTGG GCTGGCCTAA TAAGGCCCTG 100

配列番号: 1178
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01315
 配列:
 GATCTAAAGT GACCTTGATG GACAGTGGAA GAAATCACAA CATGGAATTC CTCGAATAAC 60
 AATTTATTGA CTTTAAATAA TTTTGTCTAA TGCTACATAT 100

【0306】

【配列表 216】

配列番号： 1179

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01316

配列：

GATCTGTGAC AGCAGCAGCT TCATGTTGTA TTTTTTTTAC TGAAATTGTA AAATATCCAT 60
CTTAAAGACA TCAACTATTC TAAAANTTGT TTACAGGATA 100

配列番号： 1180

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01317

配列：

GATCCAAGCT GTATATACCA TATATAAACA TTTTACATGA ATCATTAGT TTTTAAATTC 60
ATTTACTAAT GCTATAAAAT TTCCTATATT ACCCCAGTAA 100

配列番号： 1181

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01318

配列：

GATCTTCAGG NTTCTACAAA TAGGGTAATT GTAAATTTAA AGCATTAGCA TTTATTGGTG 60
AATAATGTAT ATATCCCCAT TCCAAGAAAT ATAAGTNAGT 100

配列番号： 1182

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01319

配列：

GATCCCCTGA CCTGCATTAC CTGGGTAACC ATTTCAATTT TTAATTTAAT TTCATTTTTT 60
AATTTTGGTG TACAAGCTGT AACATTTTCAT CTTTCAAAGT 100

配列番号： 1183

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01320

配列：

GATCAGAGCT GCTGAGTTCA GGATGCCTGN GNGTGGTTAG GGTAGCTTCT TACATGGATG 60
TCAGGAGAGC TGCTGCCCTT GGCGTGAGTG CGTATTTCAGG 100

【0307】

【配列表 217】

配列番号: 1184

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01321

配列:

GATCAGTGCT CTCTATTGAT GTTCTTGCTG GTCTCCAGAC ACATTCCTGT TGCATTAAGA 60
CTTGAAAGAC TTGTAGATGT GTGATGTTCA GGCACAGGAT 100

配列番号: 1185

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01322

配列:

GATCTCAGCC ATAAAGTGCC AGTTTGCTTA GTTCTCACTG TCTCCTGGTC TGTGCTGCCC 60
TGCTCTGGGG ATGCACGGCG GCAGGGTGGG GGAGGGAGGT 100

配列番号: 1186

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01323

配列:

GATCAAAATG AAACAAATAT ACCTTATCCT AAAGAGCTCA TAACAAATAA GTTACCTCCA 60
CTCTATAAAC TCAGACCTAC TTTTGAAGA TAACTGCTTT 100

配列番号: 1187

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01324

配列:

GATCGCTCTT GTGTTTTTGC ACTATTAATT AACTTCAAGT GCAATTTTGG CAGGCAGGCC 60
AAGGGTCTCA ACAGGCTATT TGAATGAGT TCTCTTTTAA 100

配列番号: 1188

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01325

配列:

GATCAGCTGA AGGTTTATGG GTTTAAGTG CTTGTGGCTC ACTGAAGCTT AAGTTAGGAT 60
TTCNTTGCAA TGAGTAGAAT TTCCCTTCTT TCCCTTGTCA 100

配列番号: 1189

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01326

配列:

GATCCCAGGG TGCAAAGTGG CATTGAGACA GCAGCAACAG CTCAAGAGAT ATCTCCTGCC 60
TACTTGCCCC TCCTTCCAGG CCGGCTCTAA GAGAAAGGCC 100

【0308】

【配列表218】

配列番号： 1190

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01327

配列：

GATCTTTTT TGGATATTTA TACTTTTAGA TATATAGTAC CTTTAAGTAG CAGTATGGGA 60
CAAGGCTTGT AAATGTTTG TCTAATGTTT TATTGTCACC 100

配列番号： 1191

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01328

配列：

GATCTGGACA GCTGTCCCTC CACTACAGAA ACCTCACAGA ACACAGCAAA GNATAAGTGC 60
AAGANGGCTG CTTCCAGCTC CAAAGCACCT AAGANTGGAG 100

配列番号： 1192

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01329

配列：

GATCTAGGGA GTTACCTAGC AGACCTTCCG GACTGACGTG ATGCTACAGG GGTCCCCTCT 60
TTCTTGTCA TTGAGCTATT TTACAGTTCT GTGAATTGTA 100

配列番号： 1193

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01330

配列：

GATCATAGCT ACTACTTCAT TGCAACCTTT ATTACTGACC ACATCAGACT TCATGCTAAA 60
TACCTGAATG CATGAAAAAA CTCCAAATAA GAGAATCTCT 100

配列番号： 1194

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01331

配列：

GATCCGGCTG CACACCAGGT GCGGAGGCTG AGCCATCCCT GCTGGACTCC CTACCGCAGA 60
CGGAGTCANG NACGCAGCCG CAGCCNCNTT CCTTCACACC 100

【0309】

【配列表219】

配列番号：1195
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01332
 配列：
 GATCTCTTGG TGAACCTCTGT GTTCTCTATA TTAGATTGCT GTTTATATGT AAGAATTTTA 60
 TTGCTTATGT GGCATACAAT ATTTATAACT ATAAACTTTA 100

配列番号：1196
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01333
 配列：
 GATCTTCCCC ATTGTCCACT CAAGTCGTGG CCTGGGGAAC ACAGACGGAG CTGTCCCCAG 60
 TGTCTCCCGT CCCTCAGCCC CTGGCCTGGC TGAGTTTGGC 100

配列番号：1197
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01334
 配列：
 GATCTTCGGC CTCATTCTAA TACCTGTCTT TTGGACAGTC TTTTTCCTTT GGTGCTCTCT 60
 TGCCTTTAGC TACCTTCTCT AATATGTATG CTACCATCAC 100

配列番号：1198
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01335
 配列：
 GATCATGTGT GCACAATACT TGTGGCCAC AAAATTTTAC AATGACTGCT GAGGAATCAT 60
 TCTTTTGGC TGTAATAATAT AACAAAGGGC ATCATTAAGT 100

配列番号：1199
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01336
 配列：
 GATCCTGTGT CCTAAATTAA TATACACCAG TGGTTCCTCC TCCCTGGTAA AGACTAATGC 60
 TCAGATGCTG TTTACGGATA TTTATATTCT AGTCTCACTC 100

配列番号：1200
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01337
 配列：
 GATCAGTGCC TTGATGCCAA CTAAGGAAAT TTGTTTAGCA TTGAATCTCT GAAGCCTCTA 60
 TGAAAGGAAT AGCATGATGT GCTGTTAGAA TCAGATGTTA 100

【0310】

【配列表220】

配列番号：1201

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01338

配列：

GATCAAATTT TTGTAATTT TTTTAAGAAG AGATGGCTTA TTAACAGGGA AGAAGCTTGT 60
NATATTCAG TTGTAAGAAT AGCCTTAGTG TTTAGATTTT 100

配列番号：1202

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01339

配列：

GATCCCAGCC AGGCCCTGGA GGTCTGACAG CCCCTCCCTC CCAGAGCTGG TTCCTCCCTG 60
GGAGGGCAAC TTCAGGGCTG GCCACCCCCC GTGTTCCCA 100

配列番号：1203

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01340

配列：

GATCTGAATG ATACTGTCTG CTGTGTCTTT TTTCCATGAG AAATCACTGT TGCAAATTGC 60
CTATAAATTG ACTCTACTAA AATAACAATG TTTCACTCTG 100

配列番号：1204

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01341

配列：

GATCAGGGGG GAAATGGAAT GAGTGAGGCG GGCCAGGGAG CCGCTCAGCT CCAATCTTTG 60
TCACTGTGTG AAATGTGGAC TTGCTATGAC CTGACTGTCC 100

配列番号：1205

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01342

配列：

GATCACTTAA TTCCTTTCTT ATCTTCCCCC TCACTTCCCT TTCTCCCACC CTCTTTTCCA 60
AGCTGTTTCG TTTGAATATA TTAAGGGAAT GAGTTGCAGG 100

【0311】

【配列表221】

配列番号: 1206
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01343
 配列:
 GATCTTTTTA ATGACAGTAC AGACTGAGAT TTGAAGGAAA CATGCACAAA TCTGTAAAAC 60
 ATAGACCTTC GCTTTATTTT TGTAAGTATC ACCTGCCACC 100

配列番号: 1207
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01344
 配列:
 GATCTTCAGG TATTTTAAAT TTTAGTTACA TCAATTAATG TAAATNAATC CAAATGCTAA 60
 TTTTGTGGT GCAAGAAGTT TCTTATGTAA ATNCAGGGTA 100

配列番号: 1208
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01345
 配列:
 GATCTAAACA CGAGGAAACA TTATTCATTG GAAAAGTGCA TGGTGTGTAT TTNAGGGATT 60
 ATNAGCTTCT TTCAAGGGCT AAGGCTGCAG AGATATTTCC 100

配列番号: 1209
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01346
 配列:
 GATCGCCCGC CCCAGCCCGG GGCCGCTCAG GTCTGCTTGG AGGATGCCTC CCCCAGGAGG 60
 GCAGTGAGGG ATGCCGCAAC CTCGACTTCT CAGCCTCCTG 100

配列番号: 1210
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01347
 配列:
 GATCTCTGCT CAGCTTCCCT TGGGTTTAAG GCCTGCCCTA GCCAGGGCTC CCTCCTGCTT 60
 CCAGTACCCT CTCATGGCAT AGGCTGCAAC CCAGCAGAGG 100

配列番号: 1211
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01348
 配列:
 GATCCCCTTT GGTTTTACTA CCCAAATCTA AATAGATACT TTTGATAATA GATAACTGCT 60
 CTTTACTAA GACATAGTCT CTACCTATAG AAATGTATTT 100

【0312】

【配列表222】

配列番号：1212

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01349

配列：

GATCTCATTG TCCCTTTTAA TCCTGAGTTA CCATCAGTGC TAATGTTCTT CTTTGGGTA 60
TAGTTCTCCA GGAGAACTTG TCCTATATTT NTTTGTGTGT 100

配列番号：1213

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01350

配列：

GATCTGCTTT TNCTATTTCT CCCAACCAAA TCCTCTTAAA GACCCTTTGC TATGTAGTCT 60
CATGGTCTAG CATGCATCTT GTAGAAACA GGCATNCTGG 100

配列番号：1214

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01351

配列：

GATCTGAATA GAGAAATGCT TACAGATAAT CATTAGCCCA CATACCAGTA ACTTATACTT 60
AAAGATGGGA TGGAGTTGTA AAGTGCTTTT ATAATACAAT 100

配列番号：1215

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01352

配列：

GATCCTTGGG GGCCAGGGTG AAGGGTATTT TACGGGAACT CTATAAAGCA GGAAGAAGCA 60
AGTTTATTCT TTAGACCAGT AGCTCTCAAC CATGATGTGG 100

配列番号：1216

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01353

配列：

GATCAAAATT GAAGACACAT TCAGAGGTTT GATTGGTTGA GATTAAGTGG TGTGGTGGTT 60
GGTGTATGTA TGTNNATTT TNATGTCCTT GTATGTAGTT 100

【0313】

【配列表223】

配列番号：1217
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01354
 配列：
 GATCCGTCAG TCTTGGGTGG AATGATTGTN CGCATTGGCG AGAAATATGT TGACATGTCT 60
 GTCAAGCCAA GATTCAGAA GCTGGGCAGGG CTATGCCGGA 100

配列番号：1218
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01355
 配列：
 GATCATGTGA TATTCTATAT CAGACAAACT ATTTTNTTTT GACCTTTCTT CCCCTCCATC 60
 CAGTATTTTC GTTGATTTCA TTTTCTCCCC TCTCTTCCCC 100

配列番号：1219
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01356
 配列：
 GATCAAAGAT TCTCCCCATC TCACAGACAA GGAACTNAG GCCAGAGGGA GCAGAGAATT 60
 GCTCATGGCT CCANAAGTGG TGGCAAGTTT CTCTGGACTC 100

配列番号：1220
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01357
 配列：
 GATCTATAAA ATGGAAGGTG ACCAATGTCA CTGCTTCTAA AATACTGTCC TAAACAACCC 60
 AGAAGATTTT ATTTCAAGTC ATGAATAGCT GTTCTAAATC 100

配列番号：1221
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01358
 配列：
 GATCCAAGAC CAGGGNGGTT GGGACGGCCT CCTNTCTAC TTTGGGACGC CCACGTGGCA 60
 GACCGTGACC ATCTTTTGG CCGGAGTNCI CACCGCCTCA 100

配列番号：1222
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01359
 配列：
 GATCTGAGAT GTTCCTTAAC ATGTAGCCAT GTAATTAGAA CTCACAAGGG GCATTGAAAT 60
 NTTTTCTTT TTCAATAGT CTGGGGCTAT TTAATTATTT 100

【0314】

【配列表 224】

配列番号： 1223

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01360

配列：

GATCTGGCAT CCNCAGGCTG CAGCTTTATT AGCTTATAAC TTA CTCTCTCT CTATCTTTAC 60
CAGCAGGCTC TGTATTGTTG ATATTTGCAA CTNGNTTTC 100

配列番号： 1224

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01361

配列：

GATCAAAGAG GTTATCTCTG CCAGTCACAA GTGTGGCTGG TGTCACTCTG GGTCTGACTG 60
GAGCCCTCCT GGACTGTTTC TTAAATTCA AAAGCCCTGC 100

配列番号： 1225

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01362

配列：

GATCAAAACA ATTACCTAAT TGCAAAAGAG AAAGTGAAT GGAACATAGT CTCANATTCT 60
NCTAATGTGT ATCTCACAAT GTCATGTAAT GTAAAGNAAA 100

配列番号： 1226

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01363

配列：

GATCTGTGCT GGGGAACAAA GCTTTTGCAG TACCTTATAT TGTAGTTAAA ATTTTATTTA 60
ACATATCCTT CAGTGAGCTC ATTCACACT GTAGCCTCTT 100

配列番号： 1227

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01364

配列：

GATCAGGATA ATAATCTGCT TAGTAAGAGA AACAAATTGA ATTTTAGAAG GAAATTGCCT 60
TACCATTTGC AAATTAAGGT AATTAAAATA CAGTGAATT 100

【0315】

【配列表225】

配列番号: 1228
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01365
 配列:
 GATCTGAGCA GGCAAAGCTC AAAAGAGAGT TTGGAGGHTA AAAATAATTT ATTTTTCAG 60
 TAGTGTGCTT TGAAATGTGT AAATNTTATT NNTAATGTAT 100

配列番号: 1229
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01366
 配列:
 GATCAACATG ATGGTGA CTG GGA AAAAATT ACTTCAAGTA ACATGCTTAG CTTTCCCTCC 60
 TTAATGTGAA AAATCAAGG CTTACTGACA TAGGAACAAC 100

配列番号: 1230
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01367
 配列:
 GATCCANATT TAGTTTTATA AGCTTTTCCC TGTTTTTAGT TTTGTTTTGG GTTTTTTGGC 60
 TCATGAATTT TATTTCTGTT TGTGATAAG AAATGTAAGA 100

配列番号: 1231
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01368
 配列:
 GATCGNCTCT GAACCATCCC HTTCTGCTG CCCGGAGCTG GGGAGCTCG CTGTGGAGCG 60
 TCTCGCACGT GGCAGGCAGG CAGAGAACTT GCTGCACCTT 100

配列番号: 1232
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01369
 配列:
 GATCTTAAGA GCAGACTTAA AGTAGCTTGG TAGGCCTTAA TGTTCAATTT GATTTATTTT 60
 AAATCTTTAC ATTCAGAAAT NAGATACTGT ATTATCAGAC 100

配列番号: 1233
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01370
 配列:
 GATCCAAAAA TGGTAGCCAC TCACCCTTCA CAAACTGAAG TCCATGGACC ACGGAAGTCG 60
 AGAATTAATG TACACCTGTA TCATGTGTAG GAAACCAGAA 100

【0316】

【配列表 226】

配列番号： 1234

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01371

配列：

GATCAGCATG AGGACAGAAG GCAGGAGACT TTGGTCAGTT ACCTGGGAAT TCTGGGCTGC 60
CAGGAACTG ATTTGGGCCT CTGTCAGTTT CTTTTCCNTG 100

配列番号： 1235

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01372

配列：

GATCACAGTG GCCACGNCCA GGCCACAGTC ATGGTGGCCA CGTCCACAGC CACTAATCAG 60
NAGNCCAGGC CACCCTGCCT CTACCCAACC AGGGCCCCGN 100

配列番号： 1236

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01373

配列：

GATCTTTAAT CTCATGAAGT ACGACAGCTA CAGCCGCTTC TAAAGTCTG ACTTGTTTTT 60
AAACACAAG CGAACCGAGG AAGAGGAAGA AGATTTCCT 100

配列番号： 1237

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01374

配列：

GATCTGGAAG AGGCTTGTA CCTGAAGTTC TGTGTGGTGG CAGTACTGTG GCCCACCAGT 60
GTAATCTCCC TGGATTAAAG CATTCTNAAA ANCTTAGGCT 100

配列番号： 1238

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01375

配列：

GATCTGATGG TTTTAAAAAG AGGAGTTTCC CTGCTCAAGC TCTCTCTCTT TGCCTGCTGC 60
CATCCATGTA AGATGTGACT TGCTCCTCCT TGCCATCTGC 100

【0317】

【配列表227】

配列番号: 1239
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01377
 配列:
 GATCCATGGT GTTAGAAGCC AGGGAACAG TTAACAGGG AGGGATACTG GGGAGGGCA 60
 TCCTGGAGTG CTGGTCTACC TCATCTGGGT GTTGATTTCA 100

配列番号: 1240
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01378
 配列:
 GATCCATCAC AAAGCGAAGT CATGGGAGAG CCACACTTGA TGGTGAATA TAACTTGGT 60
 TTACTGTAAT AGTGTGCTGT TCATGGAAAC CGAGGGCTGC 100

配列番号: 1241
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01379
 配列:
 GATCTGGGAT GGAATATGGT TTTCTTGATT CCTTTTCAGC CTTTATTTCT CTCTCTCAGG 60
 ACTACTACTT TTTAATTACT TTTCACTTAA TTTCCCAATA 100

配列番号: 1242
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01380
 配列:
 GATCTAGAGA ACATAACAAA TGAACCTCTA GAAATTTGAA AGAAAAAAAAA AACTTAGCT 60
 GTAAGTGCTT TGACCTATTT TTTTAAAAA AAAAAAACCC 100

配列番号: 1243
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01381
 配列:
 GATCAAGCCA TCGGAGCTGC TAGACTTCTG TCTGGACTTT CCAGAGACCA GTATTCCCTT 60
 TTGCTGCCTC TAAAAGGCCT GTCCCTGCAG ACATGAGAGA 100

配列番号: 1244
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01382
 配列:
 GATCTTTTGT NTTCCAGTCT TCTCTTAGTG TCCTGCTCCT AGGTTTCCCT CTCTTCTGGT 60
 TCTTCTCCCA GGTATTCTCT TCCCAGGCCT CTCTGCCCAC 100

【0318】

【配列表228】

配列番号：1245

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01383

配列：

GATCCTCCAG CCCACCACCA CATAGTAATC ACTGACACTG TGGGGTGTCT CAGCTGGGGT 60
TCTGCTGTGT GTGTGTGTAT TTNACAAAAT ATGTATGGTT 100

配列番号：1246

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01384

配列：

GATCCATCAG TAATGTAGCT AGCTGTAGAG CTGCAACTT AATAGCAGCA GCTGCCCAAT 60
GCCATGTNAA GTAACAACT GGTTTTGGT TTTTTTTTC 100

配列番号：1247

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01385

配列：

GATCTGGGGT TGGGTCATGA CACCAGCTAC CAATTTNAGA ATATTATTCC TNGGTTTCTT 60
TATGAAAAAT GGGTGCTAGT GGTAATTCCT TNGTGGCTTA 100

配列番号：1248

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01386

配列：

GATCAAAACC CAGCAGAGTG CAAGCAGCAG TGAAGCAGGA TGGTCTACCT TCTGCTTCCC 60
TGAAAGGAT GAATTACAT CATTGACAA GCCTATTTTC 100

配列番号：1249

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01387

配列：

GATCTGTCTG TGTGTGTTATA TATTCCTTTA TGCATACTTA AAGTTAAAGG GTTTTATCCA 60
CTGTCAATTC AATTGGATAA CATTGTGTCA AGTTTTTTT 100

【0319】

【配列表229】

配列番号：1250

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01388

配列：

GATCCTATTT TGGGCTGGG GTGGGTATAC CTGNGGCTGG TCTTAGGAGG GTGCTAGGCT 60
GCAGACTGCC TTGTACTCCC TGGACACCCT CAAATGGGGT 100

配列番号：1251

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01389

配列：

GATCAAAGGN CAAAAGACCA AAAATCAGCG GGCTGAGGAT GGAGCACAGC CATGAACCTG 60
CTCAGGACAA GACGCACCCA TGCTTCTCAG GGTCAAGGCT 100

配列番号：1252

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01390

配列：

GATCTGCTCA GTAATATAAT TTGCCATTTT TATTAGAAAT TTAATTTCTT CATGTGATGT 60
CATGAAACTG TACATACTGC AGTGTGAATT TTTTGT TTTT 100

配列番号：1253

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01391

配列：

GATCTGGATT TGCTTACCT TGTAATATT ATCTAGGGGA AAAAGTGCAA ATTGCTCCAT 60
GTCTTCTCT CCTTATGTA ACATCTCCTG AGGGTGT TTA 100

配列番号：1254

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01392

配列：

GATCGTCAAA AAGAGAACCA AGAAATTCAT CCGGCACCAG TCAGACCGAT ATGTCAAAAT 60
CAAGCGTAAC TGGTGGAAAC CCAGAGGCAT TGACAACAGG 100

配列番号：1255

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01393

配列：

GATCTGGAAG TGAACACAG TTTATGTACA GGGAAAAGGA TTTTATTATC CTTAGGAATG 60
TCATCCAAGA CGTAGAGCTT GAATGTGACG TTATTTAAAA 100

【0320】

【配列表230】

配列番号：1256

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01394

配列：

GATCTCAATG CCAATCCTCC ATTCTTCCTC TCCAGATATT TTTGGGAGTG ACAAACATTC 60
TCTCATCCTA CTTAGCCTAC CTAGATTTCT CATGACGAGT 100

配列番号：1257

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01395

配列：

GATCTGAAAA TCGACCTCAA CTCAAGGGTG GTCAGCTCAA TGCTACACAG AGCACGGACT 60
TTTGGATTCT TTGCAGTACT TTGAATTTAT TTTTCTACCT 100

配列番号：1258

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01396

配列：

GATCTGCATG ACCTATAATC TTTGAACCAC TTTTCGTACCT CATGTTTTTA TCCAGCACTC 60
TTATTGTAAT ATGTACTAGT CTGTGAACAA TGTCAAATAA 100

配列番号：1259

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01397

配列：

GATCTTGGAA TTCTTGTTG GATTTCACAC GTTTTTAAAA TTAATCATGT CAGCCCAATG 60
CAGCTGTGTC ATTGCCACCT AGTGGTAAAA CTAACATTAC 100

配列番号：1260

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01398

配列：

GATCCCTCTG AGAGTTGATG AGGATGTGTA ACAAGTATTT NCTTCTATNG TGCCTGCCAG 60
GGCTGAAGCT GCCTGGTATC CAGGAGGGGA ATGCTGGTAT 100

【0321】

【配列表231】

配列番号：1261
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01400
 配列：
 GATCCTATTC TTGTA AAAAT ATTTGTATGT ATGCACAGAA ATCTGCAAAG ATGTACACTT 60
 AGTGA ACTGG TTACCAACGA ATGGTGGGAC TAACTAAAAT 100

配列番号：1262
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01401
 配列：
 GATCTGCCCT GTGTTATCCA GTTATGAGAT AAAAAATGAA TATAAGAGTG CTTGTCATTA 60
 TAAAAGTTTC CTTTTTTATT CTCTCAAGCC ACCAGCTGCC 100

配列番号：1263
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01402
 配列：
 GATCTCAATC TTCGGGGTGT GATGAATAGC GAATCATCTC AAATCCTTGA GCACTCAGTC 60
 TAGTGAAGAT GTTGT CATT TGTACAATAC ATA ACTAGTT 100

配列番号：1264
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01403
 配列：
 GATCCGGATG NGGGGAGCTC TGTACAGAGG GCTGGTGATT GTAAAAATTT CTTTTGTAAA 60
 GTAGAAGTTG GGGGTGGGGT GGGTGCTGGC TGC AAAAAT 100

配列番号：1265
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01404
 配列：
 GATCTTATTT GGAATTGACA TTCTCTATTG TAATTTTNTT CCTGTTTATT TTTAAATTTN 60
 CTTTTTGTIT CACTGGAAAG GAAAGATGAT GCTCAGTTTT 100

配列番号：1266
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01405
 配列：
 GATCTTTGTN CTTGACCTCT AGACCCCAAG ATGTGAACAG TGCACGTTTT AATGTCATCT 60
 TTNCTCATGT GTTATAAGCC CCAAGTTGCT GTATATTTNC 100

【0322】

【配列表232】

配列番号：1267

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01406

配列：

GATCTTGCTC TGATTATAAT GCCAGTGAAT GTTGCTGAAC TCTTTGTATA TGCAAATTGC 60
AAGATTTAAA CCATTCTGAT GCAAGGATAA ACCTTTACTT 100

配列番号：1268

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01407

配列：

GATCTGCACT CCCACTCCCC CCACACTTCC CAAAGTGCTG GGATTACAGG CATAAGCCAC 60
AAGCCACCTC ACCCAGCCAA CATGTTACAT CTTAATTCTT 100

配列番号：1269

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01408

配列：

GATCTGGGAG TGCTGGACGT CATCTTCCAC CNCACCCAGC CGTGGGTCTT CTCCTCGGGG 60
GCAGACGGGA CTGTCCGCCT CTTACCTAG CTGTTCTGCC 100

配列番号：1270

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01409

配列：

GATCTTGGAG GCCAGCCAGC TGAAGGAGAC ACTGCAGGCG GTGCCCAAGC CAGGGGCCTT 60
TGACCTGGAG CAGGTGAAGC GTTCCACCTA CTINTTCAGC 100

配列番号：1271

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01410

配列：

GATCCATCAC GANGTAAAAG CNCACAATNT GCTTCAAATG NANCAGTGCA GAATTGAATA 60
TGGAGGCATG CATAACCTC CTCTAGAAA ATGCCAGGTG 100

【0323】

【配列表233】

配列番号: 1272
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01411
 配列:
 GATCTGATGG GTTATCAGG GGTTCCTACT TTTGTTTCTT CATTTTCTCT TGCCACCAGC 60
 ATGTAAGAAG TGCCCTTTGGT CTCCTACCAT GATTCTGAGG 100

配列番号: 1273
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01412
 配列:
 GATCAGCACC TTGTATAGGA ATTCCCATGA ATTATGACTT CTCATTCTGT TTTATCAGAG 60
 TGCATATATG TCCTACTTCA GGAAAAGTAA AACAGTCATT 100

配列番号: 1274
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01413
 配列:
 GATCTGGCC TGAGAATTGA GGGGAGGTGG CCAGCCCGCA GAGGTGGGGT GCTGGGGCTG 60
 CATGATTTTN GCCCTGCGTC CCTTCTCTTT GGGGCTCCTT 100

配列番号: 1275
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01414
 配列:
 GATCCGAGTG AAGCCCCAGG TCTCANAGAG CAAGCTGTAG CCAGATGGTA CCAGCTTCGC 60
 CTGGGGCTTC AAGAACCTCC CATCTATCCC CATTCTGTAN 100

配列番号: 1276
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01415
 配列:
 GATCTGGCAA CACGTTTTNN TTGGAATATT TGTGTTTTCT TGAGGAGGTA TAATTACTGT 60
 ATCCTAGGTG TGAATTTTTG AGTGCAGATG CACATTTTAA 100

配列番号: 1277
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01416
 配列:
 GATCATAAAT CAAGGAATGC TGACAGCCAC TAAAGCTGGA GAAGGCCAAG GACAGATATT 60
 CAATCCTCCC GTAGAAGTAC AGCCCTGCTA ATGCATTGAT 100

【0324】

【配列表234】

配列番号：1278

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01417

配列：

GATCAGACCA ACAGTGCTGT TTCCCGGGAG GAACACTTTT TNATTNTTAC CCTTTGCAGC 60
TCCCACCTTT AATCTGTTTT ATACCTTGCT TATTAAATNN 100

配列番号：1279

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01418

配列：

GATCCCCCT ACCCAGCCCA GTCCCAAATC CAGTCCTCTG GCCCTTGCCT AGCCCTGAAT 60
TGCTTCTCTA AGCTGGTGTT CCCATGCACA GGGCCATTCA 100

配列番号：1280

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01419

配列：

GATCCTCTTC TCTCCAAATG TTAGCCATCC TGAAGTAGCC GAACAGTAGA AACTTTGGTG 60
GGGATTAACC GGGAGCTTGA AAATTTGTNT TTGGTAACCT 100

配列番号：1281

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01420

配列：

GATCCTGTGA GGACCCTGGG CCCCAGGCCA GCTCCCATCG CTGGTGGACG GTGAACGGCC 60
ATGTGTTAAT GTTACGATGT TTTTAAAAGA CAAAAAAAAA 100

配列番号：1282

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01421

配列：

GATCCCCTTT GTCAGTGGG AAACCAAGGC AGAGCTGAGG GGACAGGGAG GAGCAGAAGC 60
CATCAAGATG GTCAAAGGGC CTGCAGAGGG AGATGTGGCC 100

【0325】

【配列表235】

配列番号: 1283
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01422
 配列:
 GATCTCAACG TGCTGATATG GAAAGTGCTT CAGAATGTAT TAAGGACATA AATTAAGTGT 60
 ACAATAATGT GTGTGTGTGT ATATATGTAT ATGCTTACGT 100

配列番号: 1284
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01423
 配列:
 GATCCTCCCT CTATTTTTC AAGAGTCTGT AAGTAACTNA TAAAACTTTA AAATATGCAA 60
 ATTTTAAAAAT TATATAGTTT GATTTACTCA TCAAATTATC 100

配列番号: 1285
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01424
 配列:
 GATCCTACTC CTTTGGAGTA AACTAGTGC TTACCAGTTT CCAATTGTAT TTAGCTTCTG 60
 GTTGGAAATTT GAAAAAAAAA GAAAAAAGA AAAAGAAAAC 100

配列番号: 1286
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01426
 配列:
 GATCCTACTG TTCAGTTAGG AAAATATGGT TAGACAGACT CACATTACIT TTTTTCAGAG 60
 GTAAACTCTA GATTACTGTG TCAACCCAAT ACTATTTGGC 100

配列番号: 1287
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01427
 配列:
 GATCCACAGT GGAGTCTCAG TAATTATATC TCCTTGATTT CTTCATTTNC TCTTCTGCTA 60
 TAAAGTAGA GATAATGTGT AGTCACTNCT CATTTAGTGA 100

配列番号: 1288
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01428
 配列:
 GATCCCAATC AGATTCCCGC TAATGGAAGA AGTTTAGAAT CTTTCAGGTG GAATAAAGTC 60
 ACATGAAAAC AAAACACAAC TATATATATT TCCAGTTTTT 100

【0326】

【配列表 236】

配列番号： 1289

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01429

配列：

GATCTTTGGG GAGATACATC TTATAGAGTT AGAAATAGAA TCTGAATTC TAAAGGGAGA 60
TTCTGGCTTG GGAAGTACAT GTAGGAGTTA ATCCCTGTGT 100

配列番号： 1290

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01430

配列：

GATCCTGACA CTAAGGAATG CTGAAGCTTT GGACTTCGGC AGTCTTCCAC CTTAGTCAT 60
CAGCTACAGT TGAATGAAT TTAAAAACGC TCGGGACCTG 100

配列番号： 1291

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01431

配列：

GATCTCGCTC CCCCCTTNGG TTCTTTTCGAC CGGTCCCCC TCCNTTTTT GTTCTGTTTT 60
GTTTTGTTTT GCTACGAGTC CACATTCCTG TTTGTAATCC 100

配列番号： 1292

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01432

配列：

GATCTCAGTT CCTGGCTTTC CCCCCAGCCT TCTCACCCTT TGTGTCTGTG TAGTGATTG 60
GTGAGAAATC GTTGTGACC CTTCCCCAGA CCATTTATGA 100

配列番号： 1293

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01433

配列：

GATCCAAAGA TGAGGGGATT NTTTCAGAAA GACAATCTCG GCATGCATTA TTTCTTTNNT 60
TTGAAGATTG ACTCATGTTG CATGCATCTN TAGCTTGTC 100

【0327】

【配列表237】

配列番号: 1294

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01434

配列:

GATCCCCATG CTAAGAAAT GCCCAAAAA ATAGGCAAAA CACGAGAAGA GCTAGGGTAA 60
GAGAAGGACG TAAACAGAAC CTGACACCAG CTCCTTTTCC 100

配列番号: 1295

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01435

配列:

GATCAAAAAG GCTTATAAAA CAGAGTAATC TTNTGGTTC ACCATTGAGA CCGTGAAGAT 60
ACTTTGTATT GTCCTATTAG TGTATATGA ACATACAAAT 100

配列番号: 1296

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01436

配列:

GATCCGATGG GAGTGTAAT GTGAGACACA ATGTCTTGAT TATACCTGTT TGTGCTTTAG 60
CTTTGTATTT AAATAAGGAA ATAACTTGA AATNATTTG 100

配列番号: 1297

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01437

配列:

GATCAGGGCA TGCAACCAAA AGCAGCTTAA ATGAAATATT TTAAATAAA ATATCAGGAA 60
GCTATTTTAA GATTICTNCT GGCTTATGTT TCTACTTTAG 100

配列番号: 1298

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01438

配列:

GATCAGATTT TTTTGTACC TACGTAAGAG TACTTGAAGT TTTATTTAAA ATAAAATGTT 60
GTGAAAAGG TAGCATTCTT TTTTAGGAG TGTATTTT 100

配列番号: 1299

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01439

配列:

GATCCCAGGG CTCCTGCCA TTTTAGTGTC TTGGTGTAGT GTAACCATTT AGTGGTTGGT 60
GCCATTTTTT TTTTGTNCA AATGATTTAA ATNATTGGA 100

【0328】

【配列表238】

配列番号: 1300

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01440

配列:

GATCAGGAAT TCTAAATAAA TTTCCAGTT AAAGATTATT GTGACTTCAC TGTATATAAA 60
CATATTTTAA TACTTTATTG AAAGGGGACA CCTGTACATT 100

配列番号: 1301

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01441

配列:

GATCTGCCAG CACCCTGTGG GGCCAGACT ACAGGCTGAT GGCGGAGGCT TCGAGTGACC 60
CGGGTGCCGA GGAGCGGGA GAGTTGCTGG GGTAAAGGTC 100

配列番号: 1302

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01442

配列:

GATCTAAATA TTTTNNAGCT GAGTTATTAG GGAGTCATTA TTCTGTGGTA CAATGCTGCA 60
AAAAGCATCA TGTGGAAGAA TGGGAAGTAT GCTTACTTTA 100

配列番号: 1303

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01443

配列:

GATCTTGGTA GTATCCCTGG CTGCTAAGCC TATGGCAGGG GTGGTCCTTT CTACATTCCC 60
ATTCACCTAA CAGCTCTTTT GGGATTGGGT GTTTCATTCC 100

配列番号: 1304

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01444

配列:

GATCTTCTCT GTGGGGGAAA AGGAAGAGGA GGGTCTTGTT CTCCANTNT GTTTATTCTT 60
TGGGCTCTGG GAACAGGGGA CTACTTTGGG GCTTCTCCA 100

【0329】

【配列表239】

配列番号：1305
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01445
 配列：
 GATCTTATAT CCTGTGACCT GTCTAAATTC AATCTGTTAG TTTTATCATT TTTTAAAAA 60
 ATGTCCGTGT GTGTCTTCCT TGAGATTTTC TACATTATCA 100

配列番号：1306
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01446
 配列：
 GATCCAGTTG TACTAAGGTG TACAGGATAT TTGCAGATAT AGGTTAACTG AATGAAGCAT 60
 ATTAATAACT GCATTTCCT AACCTTGAAA AATTTTNCAT 100

配列番号：1307
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01447
 配列：
 GATCTAAAAAT AGATATGTTG GATTGATATT CTCACGTGTT CGGTGTGGAA AACAAAACAA 60
 GTACATGCTT TAGAAGCAAC AACAAATGAAA TCCTTTTGAA 100

配列番号：1308
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01448
 配列：
 GATCCATAGA AGGGCTTCCC AAACCTTGTG TTGCAACATC CCAAATTGTC TCCAGTTGAA 60
 GGAAGCCCTT TATCAGATTC ATAGATGACC TTTCATTGTA 100

配列番号：1309
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01449
 配列：
 GATCTGAGGT TTTTACATTT TAAATATTTA TGTGGAATTA ATTAAGGCTA GTTGGCTATA 60
 TCGCTATCAT TTCATTCTTT TGACATTATT TGAATATTTT 100

配列番号：1310
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01450
 配列：
 GATCTTCACA AAGTTGTCTT TTCACCTGCT TTTGTCAACG TGAAATTAAA TTGTAGTTAT 60
 AAGCAAAAGT TGGTTGCCTA GGAACAATT GTATATNCAG 100

【0330】

【配列表240】

配列番号：1311

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01451

配列：

GATCGNCACA TTTCCCAAAA ATAATAAAAA AATCACTAAC CTTTTTTAAG GAAAATATTT 60
AAAGTTTTAC AAAATTCAAT ATTGCAATNA TCAATGTAAA 100

配列番号：1312

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01452

配列：

GATCATTTTT TCGGTCTCCG AGGTGAAATG ACTTATTAAT TAAAATTTGT AAATCAGAT 60
ATGCATATTG TATATGTGTA GAAATGTAAT CACACTTTGT 100

配列番号：1313

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01453

配列：

GATCTTTTTG TGATTGCTTT CCCGTCTCTA AGTAGTATTC TGTGTGTCT AGAGAACTGA 60
TTTTTTCCTA CATACGCAA TTGTACATTT GTAAGTGAAA 100

配列番号：1314

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01454

配列：

GATCAGCTGG GTTTTGGCCA GGAAGTTGTC TTTGTGGACT CTGCCTGCAT GGCTTAGTAG 60
TTGAAGGAAA TTTTTTTTTG GTTTTGTGTT TTATAATTCA 100

配列番号：1315

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01455

配列：

GATCCCTTTA TGAGTTTTGC TATTTTGGCA TGCTACATGT AAGTTTTGCT TAATGTTTTT 60
ATGTAAAGCA TCTTCCTCCT TTTACTTCTT TTATTGTGAT 100

【0331】

【配列表 241】

配列番号: 1316

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01456

配列:

GATCTGGGCC CGACCCTCAC TACCCCTGAG ATATTAGTTC CCAGGCCTGT TTTCCACAG 60
GATTGTGGGC TCTCTGCTTC CTTAGTCGGA AGTNTTTTCA 100

配列番号: 1317

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01457

配列:

GATCCCAAAG ATATTAAATA TATGCAAATA TTCCAAAGTC TGA AAAAATC CAACATCCAA 60
AAACACTTCT GACCCAAGCA TTTAGATAA GGGACCAGAA 100

配列番号: 1318

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01458

配列:

GATCAGGCCA AGAGGTTCGA CAGGGCATGA TACTGCACCC TGCCTGACCC AGCTGGGCTC 60
ACAGGTCAGG GCAGAGTTGG GGCAGGTGAA TGTCAGCATC 100

配列番号: 1319

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01459

配列:

GATCCTGCCT CAAAAAAAC AAAAAAATTC TTTATTTTCT CCATAAACTA CAGTTTATAT 60
AAGCAAAAGT TTCAGTACTA AGCAATTTNA GTCTCTGCAG 100

配列番号: 1320

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01460

配列:

GATCTACCTG TGGCCCGGCC TCCCTAATGT NATTCACATT GAATGGGGAT GAGGTCCGAC 60
AGTGGCTCAT AGAGCGAGTA TGAGCCCTAG CTGTGGGCTA 100

配列番号: 1321

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01461

配列:

GATCTAGTA TGTTCATAGC TTTNATTTTG TGAGTGGTTT ACTAGTCATT TATTATGATT 60
CCCATGANT CTGATATGAT TCATTGTGGT TTTAACTCAG 100

【0332】

【配列表 242】

配列番号: 1322

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01462

配列:

GATCTCAAGG TTGATAGTGG TGTTCACATG GAGACGTGGA ATTGAGACTA ATAACCTGGA 60
TGTTAACACT GTTTACTGTT TTTTCACATG TAGAAATGTT 100

配列番号: 1323

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01463

配列:

GATCTATAGG TTTATTAGAA NCCTNACCAC AGNATCCAGA TTATCTTCAG TATTCTNTCA 60
GTACAGCTCT CTGCAGCTTA AACTCGGTGG TACATAAAGA 100

配列番号: 1324

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01464

配列:

GATCAGAAAA TCCCTCTGAC ATCTCCACTG CCCCCAAAGA CCTCCGTTGA ACATTCTGTA 60
TGGAAAAGAG CCCTGGAGCA TCAGGTTCCT CAGATAGGCC 100

配列番号: 1325

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01466

配列:

GATCTAGCTG GCTGTAGTAT TGCNTTGATA ATTTTTTCT TTTAATTTAC CTAATATATA 60
TAAGGAAGGG GTTTGGATAT ATAAAATAG GTGTTAATTT 100

配列番号: 1326

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01467

配列:

GATCCAGCCA TTCCTGAAGC CCACCCTGCA CCTCATTCCA ACTCCTACCG CGATACAGAC 60
CCACAGAGTG CCATCCCTGA GAGACCAGAC CGTTCCCCAA 100

【0333】

【配列表243】

配列番号: 1327

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01468

配列:

GATCTAAAAG CCAACTTTTT CTCAGTNTTA CTCAGTGGAA AGATAAACTA AGTTTTAATG 60
TTATNTTTTT AAATNTAAGC AAAATTTATT TCTGTHCTNT 100

配列番号: 1328

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01469

配列:

GATCCCTGCT CCNGTTTGTG TTCTGTTGTA AATCATTTGG CGAGACTGTA TTTNAGTAAC 60
TGCTGCCTAA CTTCCCTGTG TTCTATTAA NAGGCGCCTG 100

配列番号: 1329

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01470

配列:

GATCAGAATT TTTAAAGCAG AATTTTGTCA AAAGGGTCAT TTTTTTGTCT ACCCCTTTTA 60
CACTTTTCAG ATTCTCAAAG TGTCTCATCT CAACTTTTAA 100

配列番号: 1330

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01471

配列:

GATCCTTGTG AGATGAAAAT GGATTCACAG CTCTGGCAGT TCCCAATGTC TGGGGAGGGG 60
TATAGGTTTG AAAGGCTGTT TGAAGAGGA ATGTTTAATA 100

配列番号: 1331

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01472

配列:

GATCTCGAAG TNACTCCGGG CTGAGCAGTG GGGCGGCTGG GGGAGGGGTG ACCATTCTCC 60
TCAGGCTTTG GCCCTGCAAG CAAACCCACA TATCTNCTCT 100

配列番号: 1332

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01473

配列:

GATCCTGAAG CNGCACTTAC CTNTGAANAG TCTTCAAACCT TTTAAACCTT GCCAGTNAGG 60
ACTTTTNTCTA TTGCAATAG AAAACCCAAC TCAACCTGCT 100

【0334】

【配列表244】

配列番号：1333

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01474

配列：

GATCTGTGAA GTTATTTTGT AAGGACATAC ATTTGGTAAG TAAGTTTGTG TCCCAGGAAA 60
TGTATGTNTT TTAAACCCT TTCTAAATAT GCAGGCCATT 100

配列番号：1334

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01475

配列：

GATCAGAGAG ATTTTNTTT TAACTACCA TGGTCCCAGG ATTCCATCCT GAAATNAATT 60
TTCCTTTGTA TGAATATGT TAAATAATTT AAAAATAAAA 100

配列番号：1335

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01476

配列：

GATCCCCCTT CATTTGATGT TTGGAATAATT CCAGTAATTA TCATTTTTGC AACGAATATG 60
GATACCACAT AGTACTTTGG TGTACCTGC TTTTGAAAAA 100

配列番号：1336

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01477

配列：

GATCCTCAGC CTCCCAGTGG TCTTTGTAGA CTGCCTGATG GAGTCTCATG GCACAAGAAG 60
ATTAAAACAG TGTCTCCAAT TTTAATAAAT TTTTGCCCAT 100

配列番号：1337

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01478

配列：

GATCCATCTG TGTAGTTTCT GAACAGTCAG CGATTCCAGG TTTTAAATAG TTTGTAAATT 60
TTCAGTTTCT ACACACTTTA TCATCCACTC GTGATTTTTT 100

【0335】

【配列表245】

配列番号: 1338

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01479

配列:

GATCCATGCT TTACTGTGTT TAATGGGGGT AACAGGGGTC CCTACAGCCC TCCCAGCTAA 60
ACATTTGGAA CAAAACACCA GCCCTTTTGT AGTGGATGCA 100

配列番号: 1339

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01481

配列:

GATCTGTGTT GAAAGTNGTA TATTTTTATC TGTCGGGTGC TGAGTGCAGG CCACCAGCTC 60
CTAAATAGAG GTTCCCTATA TGCCTGTATG ACATGGTGAA 100

配列番号: 1340

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01482

配列:

GATCGTTGTA ATTNHTTGAC ATTCCTTTNA GAAGTTGTGA AATGTTACAA CTGTGNTTA 60
TGTAGACACA ATCTCCTGTC TCAGTACAGA GGCCTGACT 100

配列番号: 1341

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01483

配列:

GATCAAAAAA TGGAAATGTA TAATTAAATC ATACTTAGCA AATCTAACAC ATGAAATGTA 60
ACATCTGCAT ATGGAGAATC GTGTTACTTT ATTGAAAAAC 100

配列番号: 1342

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01484

配列:

GATCTGCCAA GATTCTTTGA ATACAGATAA TTAATGTAAA CAATTATCAT AAGTATACTA 60
ACATGTTATN CTTTTTAAAT AAGAAGGTAT AATAAAATAT 100

配列番号: 1343

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01485

配列:

GATCGGGCCN TTGGCTGTAA GACCCGACCC TTCGAGAACC CGANACGAAA CGCTCCATTA 60
CCACTGCNCA GTGAGATGAG GGACTCACAG TTCCAAGAGG 100

【0336】

【配列表246】

配列番号：1344

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01486

配列：

GATCCAACCC TGTACTGATA GTACTTCCCA GTATGATATT GTGATGTTTC ATACAATGCA 60
GTGAACATAA CCAACTTGTT ACCTAAATAA AGANTTGATA 100

配列番号：1345

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01487

配列：

GATCAAGGTC TGCAAGGGAA TTCTTGTGTG CTGCTTTCCA TTTGACACCG CAGTTCTGTT 60
CAGCCATCAG AAGAGAGACA AGGNATTAAA AATTTCTTTT 100

配列番号：1346

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01488

配列：

GATCTAGTAG GCACGTCTGT CAACAGGACA CATGCCTCCT CTGACTATAA CCTCTTAATA 60
GTTGTGTATA ATGAAAACCTG TAACTTTTT TAAATAAACN 100

配列番号：1347

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01489

配列：

GATCCTGAAG CCATGGTTTC TTCCCTGCCA GAAATGAAGG TTCAGTTATG AGGCAACCCT 60
CTAGTAAGGC ATTGTAAAAG TTACTGGATT TGGTTTAATA 100

配列番号：1348

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01490

配列：

GATCTTCCGA GTGCTTGGGG CCCACAGAGA CATCATCCTG GAGAGCATTG CCACTGACAA 60
CCCAGAGGCG CACAGCAACC TCTACATCCT CACGGGGCCAC 100

【0337】

【配列表247】

配列番号：1349

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01491

配列：

GATCTTTGGA GCAAAAGCCA ACGGCAGGAA AAAATAGTTT GTACCAGTTT CATGAAGTAT 60
GTCTTTGGGT TTTTGTAAAT AATTTTAACT CAAATAAAAT 100

配列番号：1350

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01492

配列：

GATCAGAATH AAATHTGTAT AGAGCAGAGT TTTAAAATGA ATGTAAATAG CACTAAACGT 60
NTNCTTTCTG CAACCTGTAC TTACAGATTC TCCCTGTAAA 100

配列番号：1351

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01493

配列：

GATCACAAAA TGTCATGAG NGTTATTNAC TTTATTCTNG TACAGTACTA GGATTCTCTG 60
AACCACTCTT TTTTCTTC GNNGTATTGA AAACCTGGTTC 100

配列番号：1352

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01494

配列：

GATCAATTCA CTAAAAAGNA TGGCCCANAT AGCACHNATA GGACCAAGGG ACACATGTAG 60
TCANTTTTTA AAAACATGTA CTTGGTCTTT TGTGCTGTC 100

配列番号：1353

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01495

配列：

GATCCCAGGA GAGCTGGGCT ATGACTGCAA TAAGGAGTTG TTCCTTCACC TGAGATGTGC 60
TTCCTTTGGT TCATTTCTGG CTGACAACA AGAAATAAAC 100

配列番号：1354

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01496

配列：

GATCTTGAGG GACCCAACAT TTGTAGGGGC ACTAATCCAG CCCTTAAATC CCCCAGCTTC 60
CAAACCTGAG GCCCACCATC TCCACCATCT GGTAATAAAC 100

【0338】

【配列表248】

配列番号: 1355

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01497

配列:

GATCAGATTT GGGTGGGAGA AAGAAGTGGG TATCAAGGGT GATTTGAATT TTCTGCAGCA 60
TTAAAGTGGC GTTAATAAGA TAAGTAATAA TAAAGAATTC 100

配列番号: 1356

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01498

配列:

GATCCGGTGG AAATCCAAGC TCTGGGCTGG TAATTTTTAT GAGCATTTTC AGCTTTTGCA 60
AATACAAAAT ATAATNCTTT ACAAAAATAA ATTTTTATNC 100

配列番号: 1357

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01499

配列:

GATCTTCTCT ATGATTGATA CATGGCACAG TGAGAGATTA ATGGGCATTG TGTACAAATT 60
GCTTCTCACC ATCCCCATTA GACCTACGAA TAAAGCATCC 100

配列番号: 1358

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01500

配列:

GATCTTTTIG TAAAAGGACC AAATGTTCTT TTATAAATGT AATAAGGAAT ATCTTGCTCT 60
TTAAAATTTA TTAGGNNTTT AATGAGTAAT TTTNATTAAA 100

配列番号: 1359

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01501

配列:

GATCCTATTT GTTTCATTTT ATTGTAAATN CCCATTTGCA TCAAAACCTA ATNATAGTGA 60
TNGGTAAGTA AAAACAAATG GTGTATTGCT TTTCATACAA 100

【0339】

【配列表249】

配列番号: 1360

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01502

配列:

GATCTGTGGA CTTTCATCAN ATTATGAGAC TNNCTCAATT TCATGACTGT ACTACCTGAA 60
ACAAAGTGAG AAAGGACAGG TGTATTTTNN TAAGTCATCA 100

配列番号: 1361

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01503

配列:

GATCTTAGTT TGTTAGCTTA TGACTTATTN AATGAATGGA TGCCCAGCCA AGCTCAGAGT 60
AGGCGCCCAA AGCATTGTGG ATTATTTNCC TGTTTTGTCT 100

配列番号: 1362

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01505

配列:

GATCGNNAAG AGGTTACCCA GACCACACAC AGTTTGAGAA AACATNCCCA TTATNACCCA 60
TCTAGCAAAG AGGCACCCTA AGTGGTCCAT GAAGAGTTTA 100

配列番号: 1363

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01506

配列:

GATCGGGTTT AGACGNNAGN TCATTCACTG AAGCAAGCCA AAAGCNCACA TTTGTATGCC 60
TTAGGTCTTC TTAAATGGT ATCTGTAAC ATGTGTCCAA 100

配列番号: 1364

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01507

配列:

GATCCTCCCT GCCCGCGAAG TGACAGTTTA CAAAATTATT TTCTGCAAAA AAGAAAAAAA 60
AGTTACGTTA AAAACCAAAA AACTACATAT TTTATTATAG 100

配列番号: 1365

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01508

配列:

GATCATGGTG TAATAAGACA TAACGTTTTT CCTTTAAAAA AATTTAAGTG CGTGTGTAGA 60
GTTAAGAAGC TGTGTACAT TTATGATTTA ATAAAATAAT 100

【0340】

【配列表250】

配列番号：1366

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01509

配列：

GATCAAGTGC ATTTGACAGA AAAGTTCAGT TTCTTGGGAA GAAACACCTT TTAAGCTGAA 60
TGGAGAAAAAT NCCAAAATAA ATTATATCAC CACAATGGTG 100

配列番号：1367

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01510

配列：

GATCTGGGAA AAAACAAGA GACTCAATGG AGACAGAAGA AAATCCCAAG GTTCTAATAA 60
CTNCNTTCTN AAAAANTATC TACCCCATTT GGTGAAGTGA 100

配列番号：1368

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01511

配列：

GATCCTGGTT GGAGTAAACA TTCCATGGGA ACTCGGGCTG TNAGAATNTC CTAACCACCT 60
GANTGCAGAA ACATCCTTAT CACATCCTNC TGGGAAAGNC 100

配列番号：1369

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01512

配列：

GATCCATCAC CTGNGCAGCA TAACTGGCTT CNCTCAGTC ATCCACACAA CACCAGGACT 60
TAAGACAAAT GGGACTCCCT GTCATCTNGA GCTATNCATT 100

配列番号：1370

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01513

配列：

GATCCCTTCA TTGATGTTTG GAAATTCCAT ATTACATTTT GCACGATATG GTACACATAG 60
TACTTTGGTG TACCTGCTTT TGAAAAATAA AGCTTTGGTC 100

【0341】

【配列表251】

配列番号：1371
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01514
 配列：
 GATCAGAGAA TGCAGCAGCA GTTTTTTCC TNGTTTNCCTT ACCACTTTAT TCITTCANAG 60
 TTTAAAGAAA ATGGACTCAT GCACAGAACA CTATGCATT 100

配列番号：1372
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01515
 配列：
 GATCGGGGGC GTANATNCAT AGTAGTTTTT ACAGCTGTGT TATTCTTTGC GTGTAGCTAT 60
 GGAAGTTGCA TAATTATTAT TATNATTATN ATAACANGTC 100

配列番号：1373
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01516
 配列：
 GATCTCAAAA CAGTGCTAAA ATCAAAGNTG TNGACTGTAA AGAAAAACAT GTATATATAT 60
 TGCACCTNAA AGTTGTCAGA AGNTAGAAAC THAAATAAAC 100

配列番号：1374
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01517
 配列：
 GATCCCACGC CACAGCCTTT TGNNTGCAA CTGCCCTCTT CGGAAAGAAG AAGTGGGAGG 60
 ATGTGAATTT TAGTTCTGAG TTTACCAAAT AAAGAGATAT 100

配列番号：1375
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01518
 配列：
 GATCATGTAC TGAAGTAGTT TAAGCAGGCT GGCTAACTTA GACTNATTGA TTCTGCNTTT 60
 GTACTNHAAT AGGGGTTATA ATTGTAAGAT AAAAATGTGT 100

配列番号：1376
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01519
 配列：
 GATCTGGGGG TTTCTTCATA TTCCTGCTGT TGGAAGCAGT TGACCAGAAA TGCTTGNCAG 60
 NACTGCCAAA GCACTGCTGT GAAATGTGAA GTACTTTGTT 100

【0342】

【配列表252】

配列番号: 1377

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01520

配列:

GATCTTGAAG TTATTTTAA GACATACATT TGGTAAGTAA GTTGGTCCCA GGAATGTATG 60
TNNTTNAAC CCTTCTAAA TATGCAGNCA TTAATAAATA 100

配列番号: 1378

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01521

配列:

GATCCAACCC AAATCAAATT GTTAAATGCC CTCTTGAATT TTTTGTCTG TTATTTAATT 60
ATATGGTGGA ATTAATAATA AAATAAACTT CATGTCTCTG 100

配列番号: 1379

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01522

配列:

GATCTNGAGC TCTGTCTTCA GCAGATTTCA GGTGTAACAT TTGTAACTC GTACTNGAAG 60
GTGTGCTCTC AAGAAGAAAG TTTTCAAATT AAAAAAGCTG 100

配列番号: 1380

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01523

配列:

GATCATGTAC ATTGTAACGT GTGTCGTCAG TACTGCAGTT CCTCAACTTT NTTTGTCTNT 60
NATTACCATG ACATTTTAA AGATACAGCT ATTTTNTCGA 100

配列番号: 1381

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01524

配列:

GATCACATCT AAAGCTTTAT CTTTGTGTAA TCTAAGTATA TGTGAGAAAT CAGAATTGGC 60
ATAATTTGTC TTAGTTGATA TTCAAGCCTT TAAAAGTCAT 100

【0343】

【配列表253】

配列番号：1382

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01525

配列：

GATCCGCCA CCTAAGCCTC CCAAAGTNC TGAATTACAG GCATGANCTA CCATNCCTGG 60
CCTTCTAATG TTTTCNTAA TTAAGGCTCT NAACTTCCAA 100

配列番号：1383

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01526

配列：

GATCTAGAGG NGAGAAAAAG ATGANTTGCT CTTACATTC GATAATCAGT GACCACGAAA 60
CACTCAGACC AGAGCCTGGC TTATCAAAAA CCTTNAGTGA 100

配列番号：1384

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01527

配列：

GATCCACGTG CCATTGTGGA GGCAGAGAAA AGAGAAAGCN TTTATATACG GTACTTATTT 60
AATATCCCTT TTTAATTAGA AATTAANAACA GTTAATNCNC 100

配列番号：1385

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01528

配列：

GATCTGAGC TCCCTTTGCA GTCTGAAAAA GGTATTGCAG TCAGAACTGT GTACTGATGA 60
TAAAGCCTC TGGTAGCAAT AAAAAGTTGT CCCTAACAAA 100

配列番号：1386

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01529

配列：

GATCCAGCAA ACAGGTTCTN TTTAAGAAAA ATAATTTATA CTAATTNAG TAAAATGGAC 60
TTCTTATTC AAGCATCAAT AATTAANAAGA NTTATTTNAA 100

配列番号：1387

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01530

配列：

GATCAGCAA ATGAGATAAA TGTTTCTNTT TTCCTTTCTG ACTGCATTAA ATCAGATACA 60
ACTCAGCATT AAAAAGCTAT CTNTGTAAAT NTNGTNACTA 100

【0344】

【配列表254】

配列番号： 1388

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01531

配列：

GATCTAACAC GAGGAACATA TCATGGAAAG TGCATNGTAT NTATTTTAGG GTTATGAGTT 60
CTTTCAAGGG CTAAGNTGCA GAGNATTTCC TCCANGAATC 100

配列番号： 1389

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01532

配列：

GATCAGGTTA CATGAGGGNT CACTCTTCTT GTTGTACANN CTGTGAGTTC GGGCAAATNT 60
GTAATGGCAT ATCTCCACTA TTACAGTNTC ACACAGAATT 100

配列番号： 1390

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01533

配列：

GATCGGTGCG TTCTCCTGAT GTTTTNCCNT GGCTTGGGGA TTGTACACGG GACCAGCTCA 60
CGTAATGCAT TGCCTGTAAC AATGTAATAA AAAGCCTCTT 100

配列番号： 1391

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01534

配列：

GATCCTGCTG CTGTAATGGG AACCCTCC CCATTTACTT CTCCACCTCC CGTCCTCCCC 60
ATCATTGGTT TTTTTTGTG TGTCAACTGT GCCGTTTTTA 100

配列番号： 1392

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01535

配列：

GATCTACTGT TTGTTGAAGT GTGGGAAAT AGCCTCTCTA AGGCAGCCCA GATGGGACCA 60
AAATCAGTAC AAACATATTT AAGTAAATTT TAAAATGCGT 100

【0345】

【配列表255】

配列番号: 1393

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01537

配列:

GATCCCCTTG TCCCTGGAGT AGGGACTAAC TATAGCACAA AGTAATATGT GCCAATGCTA 60
TTTGTGAAAT GTTTGGGCTT TCTAAACGAC TAAAGGATTT 100

配列番号: 1394

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01538

配列:

GATCTGGAAC TCCTAAGCCA TCTACTCCTA CACCAACCNH TTCATCGAAC NCACACCCTN 60
CTNATGCTCA GAGCTCAACT CCTAGTACCC CTTAGCCAC 100

配列番号: 1395

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01539

配列:

GATCGCCGTT CTGTTTNGCA THTTCCCACC GGGAGTTGCC HGGCAGGAGC ATGGGGTGCT 60
TGGTGTTC CTTCTAATA AAATAAACGC GGGTCGCCAT 100

配列番号: 1396

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01540

配列:

GATCTTAGCC TTAGGGTAAG TAAATGGGT CTTTTAATAT AANAGTGTGA AAACATTTTC 60
NATCTAATAG TACTCTTTT AATAAAAGTC AGTAGTNGGA 100

配列番号: 1397

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01541

配列:

GATCCTNGGT TTTTGTGGTT TGACTTCTAT GGNHTTTTAA AAAACACAG ATTTTATAGT 60
TTAATATTGT GTAAATGTAC TCACCTTAGG GATTCAATTTG 100

配列番号: 1398

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01542

配列:

GATCGTAACC GTAACCGTAA CCGNNAAGCA CAAACGGGGG GAGCGGGGCA GTGAGCGGGG 60
CAGGNATGAG NCCCAGGTG GGTCGGTGG CCAGNACAAC 100

【0346】

【配列表 256】

配列番号: 1399

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01543

配列:

GATCCAGAGG TCCNNGTCAC TTGGAGAAAG NCCAGTCCCT GNGACGGGGC AGCCCTCTNT 60
GTCCCTCGGG CAGCTCGTGT GAATCCTGGG ACCTCTTCCG 100

配列番号: 1400

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01544

配列:

GATCTCAGCA ATTTGAACAC TAACCTCTCC CCTCCTGGCT CAAGAATTAC TCCGAAGTCA 60
GTCTGCAGAA AATAAATATT TAGTATGACA TGACACTTAA 100

配列番号: 1401

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01545

配列:

GATCTACTCA GGCAACNACC AATCTTCTAN TCTGTCACTA TAGATTAAAT TGCATTNTTA 60
AAGAAATNNA CATACATGGA ACCATACATC ATCTATGCTT 100

配列番号: 1402

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01546

配列:

GATCCTAGGA AGTNTGTCCC TGTCCCTCCCT GTGCAGGGTA TCCTGTAGGG TGACCTGGAA 60
TTCGAATTCT NTTTCCCTTG TAAAATATTN NTNTGTCTCT 100

配列番号: 1403

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01547

配列:

GATCCACGTG CCATTGTGGA GGAGAGAAAG AGAAGTGTTT ATATACGGTA CTTATTTATA 60
TCCCTTTTAA TTAGAATTAA AACAGTTAAT TTAATTCAAA 100

【0347】

【配列表257】

配列番号: 1404
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01548
 配列:
 GATCTTAGGT TACATAAAGT TTCTAAAGTT TCAAAGAGTC TTGATACAAA ATCAGTTTAT 60
 ATTCTGAAAA TATTATAAT AAAGTATTCT AATTCTAAA 100

配列番号: 1405
 配列の長さ: 98
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01549
 配列:
 GATCAATTCT TCAATTTGAT TGAAGTGTTC AGCCTTTTCA AGATTCTTT ATTTACAAAT 60
 GATTACATTT AAATGAATGT ACATTCTTCT CACTGAAA 98

配列番号: 1406
 配列の長さ: 98
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01550
 配列:
 GATCTGTAAC ATTTGTTTCA AAATGCTGTT TCATTTTAT AAAGTACCAG TGTTTAGCTG 60
 CTTTTTATAC ATTAATAATG CAATTGAAA AACTCAAA 98

配列番号: 1407
 配列の長さ: 98
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01551
 配列:
 GATCCTCAGT GTCCTTACCC CCTCTACCT CTTTCTGTG CCACCTGCTG TGGGTCCAGC 60
 AGGCTTTTAC TTGAGTACAA TAAAAAGTCT GAGTCAAA 98

配列番号: 1408
 配列の長さ: 98
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01552
 配列:
 GATCCAAGTG TAGTGGGACC CCTACTAGG GTCAGGAAGT GGACACTAAC ATCTGTGCAG 60
 GTGTTGACTT GAAAAATAAA GTGTTGATTG GCTAGAAA 98

配列番号: 1409
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01553
 配列:
 GATCTCCAAA GTGCTGAGTT TATGTGTGAT TTTATTTTG TTTATGCTCT TCTGTATTTT 60
 CCGAATTTCA TACAATAAAT ATCTGTTACT TTTACAATAT 100

【0348】

【配列表258】

配列番号： 1410

配列の長さ：94

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01554

配列：

GATCCAGAGA GTTCAAGGGA TTGGGGAAAG AGAGGCGTCA AGTCATTTGC ACTTTGTACC 60
TGTAAGTTAG GTAATAAACT ATTATACTCG TAAA 94

配列番号： 1411

配列の長さ：92

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01555

配列：

GATCTAGTNT CTNGCATTTT TATTATGTTG CTATATACTT TTGTTATCCG TATACTAAAA 60
AAAAAGAATA AATAAATGTT TTGATTGTGA AA 92

配列番号： 1412

配列の長さ：92

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01556

配列：

GATCTNTACA TTCTTCAGAC TCATCGTGTG TTTGANACTT TTTATAATGA ACATATATCA 60
TTTTNNTTAG AAAAGAATAA AGTTTTTGAA AA 92

配列番号： 1413

配列の長さ：91

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01557

配列：

GATCCTCTGG GGAAGCCAGG ACCAGGAGAG AAGCAAGGNC AAGAAATCCC ACAGTTTGAT 60
GNATTAAAGA AATGACTTAT TTCTACTCAA A 91

配列番号： 1414

配列の長さ：90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01558

配列：

GATCTTGTGT CTCCTCTCCA TCTCTGCCTT TGTTACCACT GTGCATGTGT TTGTGTGTTT 60
TTTAATAAAA TATTGACTCG GCCAGTTAAA 90

【0349】

【配列表259】

配列番号: 1415
 配列の長さ: 90
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01560
 配列:
 GATCTGTTAT GGCATTCACT TCCAGATTAA TTTCCGTGT TTGAAGTATG TNCATATGTH 60
 CTTTACAGAA TAAACATCT GAATTTTAAA 90

配列番号: 1416
 配列の長さ: 87
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01561
 配列:
 GATCCATTTT CTTTCAAAT TTTCTTTATT GTAAAGTATG CAAAATATAT ATTCATACGA 60
 TTTATTAAT CAGAATGTT ATACAAA 87

配列番号: 1417
 配列の長さ: 85
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01562
 配列:
 GATCTGGAAT CCTTTTTCTG CATTGACAAG GACCACAGCT AAAGGACAAT AATATGAATG 60
 ACTCATTAAT ATCTCAAAC TTAAT 85

配列番号: 1418
 配列の長さ: 85
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01563
 配列:
 GATCCAAGTT ATNTNAGAA GAAAAACCTA ATTGAACAGG TATGGGTTGG GAGCATAATA 60
 AATGTGTTT GAGAATTGTT CTAAA 85

配列番号: 1419
 配列の長さ: 84
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01564
 配列:
 GATCATTATT TCATGACTGG TGGTTCCCTA AACTCTGAAA TCAGCCTTGC ACAAGTACTT 60
 GAGAATAAAT GAGCATTITT TAAA 84

配列番号: 1420
 配列の長さ: 84
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01565
 配列:
 GATCTAAGCC CATGAGCACA GGGACTGGCT ATCCAAGAC CTGGCAGATG TGGCTGCTCA 60
 ATAAACACTT GTTGAACCAT CAAA 84

【0350】



【配列表260】

配列番号：1421

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01566

配列：

GATCACCCAA GGGTTTTTTT GTGTCGGACT ATGTAATTGT AACTATACCT CTGGTTCCCA 60
TTAAAAGTGA CCATTTTAGT TAAA 84

配列番号：1422

配列の長さ：83

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01567

配列：

GATCTGTGTT TGTATCCCTT TATGTAATGT AAAATTTAAG GGTATTTTGA TTCTAAATAT 60
GATAAAATAA TTTCTCACCT AAA 83

配列番号：1423

配列の長さ：83

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01568

配列：

GATCAGCAGT CCACCACAAA AGCTTCTGTT AAAAGACCCT ACACAAATGC ACAAATTCAG 60
ATTAAACAAG GAAAAGACGG AAA 83

配列番号：1424

配列の長さ：83

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01569

配列：

GATCTTGGTG TTCAAAACAG AACTGTATTT TTGCCTTTAA AATTAAATAA TATAACGTGA 60
ATAAATGACC CTATCTTTGT AAA 83

配列番号：1425

配列の長さ：82

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01570

配列：

GATCCTNCTG TAAAGGTTTT TGGAATTATG TCTGCTGAAT AATAAACTTT TTTGAAATAA 60
TAAATCTGGT AGAAAAATGA AA 82

【0351】

【配列表261】

配列番号: 1426

配列の長さ: 86

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01571

配列:

GATCTGCATA TTTCTGTATA TTTGTCATGA CAGTGCTTGC ATCCTATTTG GTGTACTCAG 60
CAAATAAACT TTTCATTTTA AACAAA 86

配列番号: 1427

配列の長さ: 81

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01572

配列:

GATCCCAACA TGGTCCTAGC ACTGCACACT CAGTTTTNCT CTAAGAAGCT GCAATAAAGT 60
TTTTTAAAGT CACTTTGTAA A 81

配列番号: 1428

配列の長さ: 81

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01573

配列:

GATCTTCANT TAATCHCACT TTA AAAAATGA CCAAAACATG TCTTTCTTGA ATTAAC TTTG 60
AATAAAAGTT TGTATATTAA A 81

配列番号: 1429

配列の長さ: 81

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01574

配列:

GATCAGAGCT CAGTTCCTGT AGAAAACGAA CANATAAAAG ACCATGCAAG AGGCAAAATA 60
AAACTTGAAG TGAATGCTAA A 81

配列番号: 1430

配列の長さ: 80

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01575

配列:

GATCTTGGGT TTGGTCTACC CACCCAAGAG AAAAGACTGT TAACTGGAAG AAAAAATATA 60
TATATNNAAT TTTATGTAAA 80

配列番号: 1431

配列の長さ: 79

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01576

配列:

GATCACAATT ACCTTTAGTT GTTTTTTTTG TAATAATTGT AGCCAAGTAA ATCTCCAATA 60
AAGTTATCGT CTGTACAAA 79

【0352】

【配列表262】

配列番号：1432

配列の長さ：79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01577

配列：

GATCCTTATG AATGACAGGT TACTGTTTTG CTTATTGCT TAACTTAATG TAGTGAAATA 60
AAGCAGACAA AGCTTGAAA 79

配列番号：1433

配列の長さ：79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01578

配列：

GATCTTCTGC ATGAGACCTG GAGTTGGGA AGCAAGGTTA CATTGTATT NGTTTATCCT 60
ATGAATACTN TTCTTCAA 79

配列番号：1434

配列の長さ：78

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01579

配列：

GATCAGGCAG TCTGCTCAGA TACATTGAGT GCGGATTTTA AGTTTTGTTT TGAATAAATA 60
AACAGATTAA CCTGCAA 78

配列番号：1435

配列の長さ：78

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01580

配列：

GATCTAAATT TCTAATGTGT TCTATGGGT TCAATTCTGA AAAAAGAAAA TGAATAAAGA 60
TTTTAATAAA TATTGAAA 78

配列番号：1436

配列の長さ：78

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01581

配列：

GATCTTCATT GTGCTGGGTG CCAGGNCAGT NATCCATTTT AAAATTTGTA ATTCAATAAA 60
GTTTTTTTTG TTNTTAAA 78

【0353】

【配列表 263】

配列番号： 1437
 配列の長さ： 77
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01582
 配列：
 GATCTCCAGG CTTGGCCTCC AGAGCAGCCC ACACCAACNC CAAAATAAAA AAATGTATAT 60
 ATTCTTTAG CTCTAAA 77

配列番号： 1438
 配列の長さ： 76
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01583
 配列：
 GATCCCAGGG ACCTCAGTCG GCTTAATCAG AGTGTGGCAT AGAAGCTATT TAATGATTAA 60
 AGTCATTTC AGTAAA 76

配列番号： 1439
 配列の長さ： 76
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01584
 配列：
 GATCAAACTT TTNATGTTCT TAATAAGCTT GCAATTGANT AAAATAGAAT ATAAAAATAA 60
 GGTGAAATAA TATAAA 76

配列番号： 1440
 配列の長さ： 75
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01585
 配列：
 GATCCCAAGA CAATGAAAGT TTGCACTGTA TGCTGGACGG CATTCTGCT TATCAATAAA 60
 CCTGTTTGT TTAAG 75

配列番号： 1441
 配列の長さ： 75
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01586
 配列：
 GATCTCCAAC HTTGAAAAAT ATACATGATG TGAACTGNG GGTNCTATGT TAAAAATAAA 60
 TGTATGATAA CTAAA 75

配列番号： 1442
 配列の長さ： 74
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01587
 配列：
 GATCCAAACA TTTTTTTGTG TGTGTATGCC ATTGATGCAG AATAGAATAA AATTATACTT 60
 AAGTTCTTT TAAA 74

【0354】

【配列表 264】

配列番号: 1443

配列の長さ: 73

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01588

配列:

GATCCCGGCG CGGGAAGTC ACAGAGCTGC CTGGGCTTGT ACCTGGNCAC ATAAAGCCCC 60
ANTTTAAAGC AAA 73

配列番号: 1444

配列の長さ: 73

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01589

配列:

GATCCCANAG CNATAAATA AAATTTTATT CAAAATAAC AAAACAAATT NATCTACTGT 60
ACACAATCTG AAA 73

配列番号: 1445

配列の長さ: 72

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01590

配列:

GATCCGAGGC TTCTGCGGAC CGACGATACG TTAAATGTT GTTCTAGTAA AGTTTTCGAT 60
ATGTTTCTGA AA 72

配列番号: 1446

配列の長さ: 71

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01591

配列:

GATCCCTTGG NGGNCTAGTT CGTATTTTGG TTTAAACTA TTTGTTAGAA TAAAGTAATT 60
TTGCTAATAA A 71

配列番号: 1447

配列の長さ: 70

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01592

配列:

GATCTTAAGT ATAAAAATTT TGTAATTGGG CCTTACTCT CTCAATAATA AAGTATTTTG 60
TTTATATAAA 70

【0355】

【配列表265】

配列番号: 1448

配列の長さ: 68

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01593

配列:

GATCTGTATT TTCTAAGTCC CCAGTTCCTCCT TGGCTCTCCT TTCTGAAATA AAGGATTGAA 60
AACNGAAA 68

配列番号: 1449

配列の長さ: 67

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01594

配列:

GATCTGTTTT TAAAAATCAT AAAGTGTGTG CAGACTCAAT AAAATCATGT ACATTTCTGA 60
AATGAAA 67

配列番号: 1450

配列の長さ: 66

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01595

配列:

GATCAACAGT TACTGTGACT GAGTCGGCCC ATTCTGTTTA GAAATATATT TTAAATGTTT 60
AGTAAA 66

配列番号: 1451

配列の長さ: 66

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01596

配列:

GATCTGCCAT TTCATGCCNT GTGACTACNN ATCATTGGCC CTGCAATAAA ATCATTATTT 60
TTTAAA 66

配列番号: 1452

配列の長さ: 64

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01597

配列:

GATCCTGCAT GCTACTCTTA GATAGAAGAT GGCAAAACCA TGGTATTAAA ATATGAATGA 60
TAAA 64

配列番号: 1453

配列の長さ: 64

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01598

配列:

GATCAAGTCA CTNTTGACAA CATCCAGGNG AATATAAAAA CTTAATAAAG CTGTGGAAAG 60
GAAA 64

【0356】

【配列表266】

配列番号: 1454

配列の長さ: 62

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01599

配列:

GATCAATTGG TTAACTTCT TTTATGTAAG TATGGTATAT AAATTTCAAG ACGAACACTA 60
AA 62

配列番号: 1455

配列の長さ: 62

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01600

配列:

GATCACTTTT CACTTTTGG AATGTTTTGT ATTGAACTT AATAAACTT TAAEATGGCA 60
AA 62

配列番号: 1456

配列の長さ: 62

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01601

配列:

GATCGNTCTC AGGCCCTCCC CCCGGAGTAC TTCAGAATGC AATAAATCAA AATAATGGCA 60
AA 62

配列番号: 1457

配列の長さ: 62

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01602

配列:

GATCTGTATG TGTTCATTTC AGCACAAGGA AATAAAATTT TAGTTGAGGA TTCAGCACTA 60
AA 62

配列番号: 1458

配列の長さ: 62

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01603

配列:

GATCCCCATT CTTTTCAAAA ACAAATAAAA ACAATAAAGA CTGCAAGGAA GACTGANGGA 60
AA 62

【0357】

【配列表267】

配列番号：1459
 配列の長さ：62
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01604
 配列：
 GATCCAGTCT GGAATAACAT TTTGTAAAAA AAAAATATAT ATATATATAT ATATNGCTGA 60
 AA 62

配列番号：1460
 配列の長さ：61
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01605
 配列：
 GATCGGGGGC ACCAGAGGGG CAGAGGCACC AACATCTGAA TAAAGCCATT GTTCTCCCAA 60
 A 61

配列番号：1461
 配列の長さ：61
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01606
 配列：
 GATCTTGGAC NTCTCGCATT CAGAACTGTG AGAAATAAAT ATCTATTATT TACAAATTAA 60
 A 61

配列番号：1462
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01607
 配列：
 GATCTCCGTC TTGTATGGCT GAATGTTGGC CTAAAATAAA GATTACTGTT GTAAAATAAA 60

配列番号：1463
 配列の長さ：62
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01608
 配列：
 GATCTGTGGA GAATGTACAC AGTTTAAACA CATCAATAAA TACTTTAACT TCCACCGAGA 60
 AA 62

配列番号：1464
 配列の長さ：72
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01609
 配列：
 GATCAAGAAT CCTGCTCCAC TAAGAATGGT GCTAAAGTAA AACTAGTTTA ATAAGCAAAA 60
 AAAAAACCA AA 72

【0358】

【配列表268】

配列番号： 1465
 配列の長さ： 59
 配列の型： 核酸
 トポロジ： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01610
 配列：
 GATCTAGATG TTTCITTAAC CAAGATGAAT TAAAATATAG TAGAGTTCCA CTGTNCAA 59

配列番号： 1466
 配列の長さ： 63
 配列の型： 核酸
 トポロジ： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01611
 配列：
 GATCAAATTG TACCTTTTGA GAGAAAAGGA CCAAAATAAA AAAAAATGA ATTATGAACT 60
 AAA 63

配列番号： 1467
 配列の長さ： 59
 配列の型： 核酸
 トポロジ： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01612
 配列：
 GATCAGCAGT CTTGGATGCG AGGAAACAAA GCTAAATAAA TGTTAGTTTG GTGAGCAAA 59

配列番号： 1468
 配列の長さ： 58
 配列の型： 核酸
 トポロジ： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01613
 配列：
 GATCCCATCH TTTAAAAACA AAATAAACA ATAAAGACTG CAAGAAGACT GAGGNAAA 58

配列番号： 1469
 配列の長さ： 65
 配列の型： 核酸
 トポロジ： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01614
 配列：
 GATCTCCCTT ATATTCTTAT GATGAGGCTA AATAAAAGTC TAATAAAAT GTTAAATATG 60
 TGAAG 65

配列番号： 1470
 配列の長さ： 56
 配列の型： 核酸
 トポロジ： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01615
 配列：
 GATCAAAATC AAGTTTTAAG TTTTTTTGAC CAGATAAATT TAATGATTTT GGCAAA 56

【0359】

【配列表269】

配列番号： 1471
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01616
 配列：
 GATCTTAATT ACTTTCAGAA TATTTTCAAA ATAGATATAT TTTNAAAATC CTTACAAA 58

配列番号： 1472
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01617
 配列：
 GATCGTTCCT CTCTCCGTAT TGGGGAGTGA GAGGGAGAGA ACGCGGTCTG AGAAA 55

配列番号： 1473
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01618
 配列：
 GATCCCTGAG ACGGGGTAAG TTATAATAAA CAGAAATGTA TTGGCTCAGA AGAAA 55

配列番号： 1474
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01619
 配列：
 GATCTGTTAT GTATTTCAAC ATAATCATGT TTCATAAAGA TTTAGTCTTC TGAAA 55

配列番号： 1475
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01620
 配列：
 GATCCACCT TTGCTCCTGA CAACCCATCAT TCAATAAAGA CCAGTGAAGA CAAA 55

配列番号： 1476
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01621
 配列：
 GATCAGAATC CTGCTCCACT AAGAACGGTG TAAAGTAAAT TAGTTATAAG CAAA 54

【0360】

【配列表270】

配列番号： 1477
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01622
 配列：
 GATCTTGAGC CTTAACTGGA CATGAGGGGC ATGAGAATAA AGCTGAACTG CAAA 54

配列番号： 1478
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01623
 配列：
 GATCTTTTCT AAATGTTATT ACTTGTAAT AAAGTCTATT TTTCTCCCGT GAAA 54

配列番号： 1479
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01624
 配列：
 GATCTGTATA TTTTTTCTA AGAGAAAATG TAAATAAAGG ATTTCTAGAT GAAA 54

配列番号： 1480
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01625
 配列：
 GATCTGCCA TATATATATA TATATAAAA ATAATAAAT ANTGGAAGAT GAAA 54

配列番号： 1481
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01626
 配列：
 GATCCTAAAT NCACGCACCC CGTGGGAGCN CAATAAAGAT TTACTGAATT GAAA 54

配列番号： 1482
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01627
 配列：
 GATCCGCCAT CTGTAATGTC CTTGGCACAA TAAACCAAAA TGTCAGTTTC AAA 53

【0361】

【配列表271】

配列番号： 1483
 配列の長さ： 52
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01628
 配列：
 GATCCCTAGT GATTACAGCC CTGAAGAAAA TTAAATCTGA ATTAATTTTA AA 52

配列番号： 1484
 配列の長さ： 52
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01629
 配列：
 GATCCAGTGT GGATTCTTNG AGTAATAACG TTGGTTTTAT TTATCATATA AA 52

配列番号： 1485
 配列の長さ： 52
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01630
 配列：
 GATCTTCAAT GTTTATTTTA AAATAAAATA AAATAAGTTC TTGACTTTTA AA 52

配列番号： 1486
 配列の長さ： 55
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01632
 配列：
 GATCTTAATA AAGTCTTCTA GGCTGTAGGG TGGTTCCTAC AACCACAGCC ATAAA 55

配列番号： 1487
 配列の長さ： 51
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01633
 配列：
 GATCTCATCT GAATCCCCAA CACCCAATAA AGTTCCTTTT TAACACACAA A 51

配列番号： 1488
 配列の長さ： 55
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS01642
 配列：
 GATCAAATC CTATTTAGAA AAAATAAAAC TACTTTCTGT TTATCTCTTT AGAAA 55

【0362】

【配列表272】

配列番号：1489
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01671
 配列：
 GATCCAAAA CATCCTGAAC CTCTGTCTGT AAAATHAGTA GTGTCTGTAC TTTGAATGAG 60
 GGGGTTGGTG GCAGGGGCCA GTTGAATGTN CTGGGCGGGG 100

配列番号：1490
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01673
 配列：
 GATCAAAATA AAGGATGATA ATAGATATTA TTTTCCTTA TGACAGAAGC AAATGATGTG 60
 ATTTATAGAA AACTGGGAA ATACAGGTAC CCAAGAGTA 100

配列番号：1491
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01686
 配列：
 GATCCAGCCC ATTCTCTACT CTACTCCTT TCATGGGCCA CCAGAGCCAG TACTCTTGA 60
 TAGCAGCAGC ATTCTAGCTG ACAGAATTTT GCTGATGGAT 100

配列番号：1492
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01687
 配列：
 GATCAACCGG AGCGCTTCCG AGCCATCCTT GCATCGGGCA GCCCACACTG AGGATATCAA 60
 TGCTTGACAG CTGACCACGT CCCCAGGCT GCCTGTNTTC 100

配列番号：1493
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01688
 配列：
 GATCGGTGGC TCCATCCTGG CCTCACTGTC CACCTTCCAG CAGATGTGGA TTAGCAAGCA 60
 GGAGTACGAC GAGTCGGGCC CCTCCATCGT CCACCGCAAA 100

配列番号：1494
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01689
 配列：
 GATCAAACTG TATTGCCAG GCCAGCTCCT GAAGAACTGT GAACTATGAA CGTCTCAGCC 60
 TAGAAGGATA ATGTGACCTT CAATTGCAC ACCATCCATT 100

【0363】

【配列表273】

配列番号: 1495

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01691

配列:

GATCCTCTGA TGGGAGCTGA AAGGATGAGA GGTGGGCATC TAGATTTAGG GAGGCTGTTC 60
 AGGCTTTGCA GGTCCCTTAC CTGAACACAT AGAAACCCTG 100

配列番号: 1496

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01692

配列:

GATCCGANGTT TACCTTGTGT CAGGAAAAAA TGTGGGGTAT GCCAAGTATG CCGATAGAAT 60
 AAGTNTAAT GATGCCACTN GCCACTCTAC ATNGAAAGAT 100

配列番号: 1497

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01693

配列:

GATCCAGAGT TGCATACAGA CCAATTTCTG CATCAGTGT ATCTCGACCA GAGGCTAGTA 60
 GGACTGGAGA GGGCTCTACG GTATTTAATG GGGCCCAGAA 100

配列番号: 1498

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01694

配列:

GATCCAAAAG ANCTGCTTTC TGAAGCAAGT TTCCAAGANG CTCTTCAGGA AAGCATTCCT 60
 GACATTCAAG CGCAGGAGTG GGTGCCGCTG TGGCTACTGC 100

配列番号: 1499

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01695

配列:

GATCGGCGTG ACCANCCCTT GCCGGAGGTG GCCCATGTCA AGCACCTGTN TGCCAGCCAG 60
 AAGGCACTGA NAGGAGAAGG AGAAGGCCTC CTGGAGCAGC 100

【0364】

【配列表274】

配列番号：1500

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01696

配列：

| | | | | | | |
|------------|------------|------------|------------|------------|------------|-----|
| GATCAGCAGA | GGNATCAAAC | CAACACCTTC | TTTGGCTCCC | CTCCCGCAGC | CACAGAGGCA | 60 |
| ACCCACGTTG | TCAGCACCAT | CCCTGAGTCA | TTACAATAGC | | | 100 |

【0365】

【配列表275】

配列番号: 1501

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01697

配列:

GATCAGCTGT TTGTCATAGG GCAGTTGGAA ACGGCCTCCT AGGGAAAAGT TCATAGGGTC 60
TCTTCAGGTT CTTAGTGTCA CTTACCTAGA TTTACAGCCT 100

配列番号: 1502

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01698

配列:

GATCCCAACA ATATTCCCAA GGCCTCAATG ACAAGTGGTT TGGTTCAGCA GTTCCAACAC 60
ACAGTCCTTC CCTCAGTGAC TCCCTTGGNN CCCTCATCTG 100

配列番号: 1503

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01699

配列:

GATCCTGTCA AAATAGTCCG ATGCCATGAA CATATAGAAT CCTTACAGTA AATGGAGAAT 60
TACTCTTTTT TAGACAAAGA GAAGGGCCTT TTTATCCAAC 100

配列番号: 1504

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01700

配列:

GATCAAAATA TCATGGATTG AACCTCATCA ATTGATAGCA GTGAGTGACT GAGGCTTCCA 60
AATCAAGAAA AGCCGGCACC AAGAACTTCC ATTCTAATCT 100

配列番号: 1505

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01701

配列:

GATCTGTGTG GATGGCAAAC TCCCCAGGCC ATTCTGGGAC CTAAGTTTAA GAAGTGCCGT 60
CCTCGAACTT NCTGACTCTA AGCTCCTGAG CGGGAGTNAG 100

配列番号: 1506

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01702

配列:

GATCCTGTAC AGCCAGTGTG GGGATGTGAT GAGGGCCCTG GGCCAGAACC CTACCAACGN 60
CGAGGTGCTC AAGGTCTTGG GGAACCCCAA GAGTGATGAG 100

【0366】

【配列表276】

配列番号：1507

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01703

配列：

GATCCAAATA CACAGAATCA AGGGAAGGAG TTGCTTCTTC TAAGAGTGAT GCTTAATCTT 60
TTGGGTCATG GATGAATTGA AGATTTGATT AAAGTTACAA 100

配列番号：1508

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01704

配列：

GATCAAACCTT CCATATTTGC CTTGGGAATA ATGGACAAAG GGAAATACTC TTAATTCATG 60
AATAAAAACT TTGCAGAAAA TTAGACAGTG TTTAATTTTC 100

配列番号：1509

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01705

配列：

GATCCCCGAG TCTTCACAAA TNCTCACTGA AGAAAATTCC TGGAACAATT CAGGGTCCTT 60
TCATAACCTC TACTCTGAGG TGTANTAAA AAACCTTAGT 100

配列番号：1510

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01706

配列：

GATCCTGACT GCTGTCATGG CGTGCCCTCT GGAGAAGGCN CTGGATGTGA TGGTGTCCAC 60
CTTCNANAAG TACTCGGGCA AAGAGGGTGA CAAGTTCAAG 100

配列番号：1511

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01707

配列：

GATCCAGAAG CTGATGGATG TGGGTCTGAT TGCAATTTCGG TGATGACTTG TTCATACCCC 60
CTTCCCTTCG CCTCATGTG GAAAGAGGAG CTGGGACCGC 100

【0367】

【配列表277】

配列番号: 1512

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01708

配列:

GATCGCAAT TGCTNGAGCT GTTGTGGAAT AAATACTGGG TGAATACGTT GAGTTCTTCT 60
 AGCTTGCTTA CTAATGCAGA CTATACCACT GGTCAGGTCT 100

配列番号: 1513

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01709

配列:

GATCTGCAGT GGCTGTTTGA CCAGACCACA AAGTTCACAT CTCCTGAGCT TAGTGTCCTT 60
 GGCTGTCCAC CTCCAGCCA TACTTGACTG TCCCCAACT 100

配列番号: 1514

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01710

配列:

GATCACTGTG TTCAGTGTG TTGGAATGGA TTCAGACTGG CTAATGGGGG AAAGGGGAAA 60
 CCAGAAGGGC AAGGTGCCAA TTACCTACTT AGAACTGCTC 100

配列番号: 1515

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01711

配列:

GATCTTGTCT TTAAACATG ATAGTCCTTT CAGTATAATG TCTTAGATTA AAGACGTTGC 60
 CTTTAATATC TGTGGGAAG GAAATGTCCA GACTTTTCAA 100

配列番号: 1516

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01713

配列:

GATCCCAAGC AGGCTCACAA ATTTAAATGA GGGCTTTGTG TGCAGAAAGA GGAATAAGTA 60
 CAGATTATTT TCCTACCACT AGATTTTGTG GGAGAGTCAC 100

配列番号: 1517

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01714

配列:

GATCTCCTGT CCATCAGCCA GGACAGTCAG CTCTCTCCTT TNAGGGCCAA TCCCCAGCCC 60
 TTTTNTGAG CCAGGCCTCT CTCACCTCTC CTACTCACTT 100

【0368】

【配列表278】

配列番号：1518

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01715

配列：

GATCGAGCAG TGTGACTACC CCCCCTCCC CGGGGAGCAC TACTCCGAGA AGTTACGAGA 60
ACTGGTCAGC ATGTGCATCT GCCCTGACCC CCACCAGAGA 100

配列番号：1519

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01718

配列：

GATCCTGGGG AAGGTGGGGA ACATGCTTGC AGTATCTNTC CCTGTNTGIN TGCTCACATA 60
AGCATTCCGT CCATCTGAGC TCATCGTGCT ACTGGTATGT 100

配列番号：1520

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01719

配列：

GATCCATGGA TGTAGTGGGG AGTGGAAAAT GGCACAATAT CAAGTGTGAG ANAGGNGATA 60
NACTTCGACT CTNCTGCCTT CAACTGAGAN CAGTTGACCG 100

配列番号：1521

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01720

配列：

GATCAGAATC ATGGTCTCCC GCAGTGAAGT GGACATGTTG AAAATNAGGT CTGAATTCAA 60
GAGAAAGTAC GGCAAGTCCC TGTACTATTA TATCCAGCAA 100

配列番号：1522

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01721

配列：

GATCTTGCCA TGGAAGATAC TAGCCCAGCC TAGCAGAAAA GTGCAATATG TATAGCATAC 60
TTTGACATTT TAAACATGAT AGTCCATAAC CATTTTGAAA 100

【0369】

【配列表279】

配列番号: 1523

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01722

配列:

GATCAATCGG ATTGAGAAGA ACATCCTGAG CTCAGCGGAC TACGTGGAAC GTGGGCAGGA 60
GCACGTCAAG ACGGCCCTGG AGAACCAGAA GAAAGCGAGG 100

配列番号: 1524

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01724

配列:

GATCTAACCT AGACTAAAAT TGGGAACCTA TTTGCAATTT TTGACCCNGN CCACTAACTA 60
GTGATTCTNC TCCAAAATTG AGAAAGACAG CACCCATTGA 100

配列番号: 1525

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01726

配列:

GATCCAGTGA TTCATCACT TAAATNAAGT CTTTTGGTCA GAAATNACCT TTTTGACACA 60
AGCCTACTGA ATGCTGTGTA TATATTTATA TATAAATATA 100

配列番号: 1526

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01727

配列:

GATCTGTAAT CTCCACTGCT TGGATGCTG CCCTCTACCC CAGAGGAATT TACAGAAACT 60
TGCCTGTGC CTGTGTCCC CATGCTAGGG GCGGAGGGGT 100

配列番号: 1527

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01728

配列:

GATCCTCAGT AGANCAGTCC AGAAGCCTGA NAGACAGTGG CCCCTTGATA ATCTGGGTCT 60
CACCGGNCCA GCTAGGGGTC CAGGTTTCAN TCAGTAAATA 100

配列番号: 1528

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01729

配列:

GATCTNAGCC CTCCGTTCC TGGGCAGAGA GAAAGGCTAC AGGTTTATTT NCCTGACCAC 60
AGCAGTCACA AACACGGCTC GCNTTATGGA GGCCATNACT 100

【0370】

【配列表280】

配列番号：1529

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01730

配列：

GATCCAATTT ACAGAAATCA GAGTTAGCTA CAGCTAGGAC TCGTTTGTT GGGGTTTTTT 60
AGTTTGTCTT TCTAAAGTCA TGTGGACCTT AATTTAATTA 100

配列番号：1530

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01731

配列：

GATCTACAGA TACGTGATAT TNTGGTATAA CTAGAATCTT GATTTCTTTC ATAAAGTTCT 60
GCCATGTTCT ATTTCTTTCC TTAATGTTTT TTTCTCCCT 100

配列番号：1531

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01732

配列：

GATCTCAGCT GAACAAATTA GATGTTTCAG TTGCTCTTGG GTCAACTGGC TTACAGATTT 60
ACATGTGCAC ACACACACAA ATTTCTTATC ACATTTTCGC 100

配列番号：1532

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01733

配列：

GATCTAGTAG CCACGCTAAA AAACAAGTAA AATTAATTTT AATATATTTA ACTCAATACA 60
TTGGAGATAT TATTTAGAA CGATATTTT CATTCTTATG 100

配列番号：1533

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01734

配列：

GATCTGTACG AAATGTGAAA TTTTATAGGA CATCTCCATG CTGTCACTTG TNATTTGCCC 60
TCTNATGTAT TTNGGTCATA TTGCCAACTG GAAAGTCAAA 100

【0371】

【配列表 281】

配列番号: 1534

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01735

配列:

GATCTCAATG ACCTGGCGAA GACTGGAAAA TACAACTCCC ATCACCAGCA GAGTTGCTAG 60
 GCTGCTGCTG TATGGGTACA GAGAAGGGTT TGACAAAATT 100

配列番号: 1535

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01736

配列:

GATCCGGCGC CACAAGACCA CCATCTTCAC GGACGCCAAG GAGTCCAGCA CGGTGTTTGA 60
 ACTGAAGCGC ATCGTCGAGG GCATCCTCAA GCGGCCTCCT 100

配列番号: 1536

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01737

配列:

GATCTTATTT CTCTACTCA ATTGTATATT TATACCCATT AATCAACTTC TGTCTTGCT 60
 CTCTCCGTGC TACCCTTCTG CCCTTTGGTA ATCGCCAATC 100

配列番号: 1537

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01738

配列:

GATCTTCCTG GTCAGCGCTC TCTTAGCAT ACTCTTCCTC TATTTGGCTC ACAAACAGGC 60
 ACCAGAGAAG CAAATGGCAC CTTGAAGTTA AGCCTACTAC 100

配列番号: 1538

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01739

配列:

GATCCGTACT CAGAACGTCC AGGAGAGACG CATGGCCCGA AGTCAAAGTG CTGGAATTTT 60
 CCAAAACAGC CTGTTCTCTC CTCTCTCCTC CCCAGAGCAC 100

配列番号: 1539

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01740

配列:

GATCCAAGGG CTGTGGTAAA CGGGAGAGCT TGTITTTTTT AAGTGAAAAA AAACCCAAGA 60
 TTTTGTACAG ACATCCTGTN TTCCCAGAGA AGGTGGACAC 100

【0372】

【配列表 282】

配列番号： 1540

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01741

配列：

GATCCACACG TTCCGGGACT ACCTGCACTA CCACATCAAG TGCTCTAAGG CCTATATTCA 60
CACACGTATG CGGGCGAAAA CGTCTGACTT CCTCAAGGTG 100

配列番号： 1541

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01742

配列：

GATCCACTGT TGGGGCCTCG ACGAGTTCCT GTCCTGGGAA AGGAGTACAC CGAGAAGACC 60
CCCATTTCGT AGCATGCTGT TTTCAATGTG GACCTCATGA 100

配列番号： 1542

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01745

配列：

GATCCCAGTC ACAATTATCA CCGGGTATTT AGGTGCTGGG AAGACAACAC TTCTGAACTA 60
TATTTTGACA GAGCAACATA GTAAAAGAGT AGCGGTCATT 100

配列番号： 1543

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01746

配列：

GATCGTCCCC GTATGATGAT TGTNAGAAGA CAGGACTAAG TAGCAGAGAA TAGCTAAGAG 60
ATAAATTGGG CTGGGGAAAC TTGTCAGAAA GCACTGAACA 100

配列番号： 1544

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01747

配列：

GATCTGTGCC ATAAAATTTT AGTGTAATAA GACTTCTTCA ATACATCTTC CAATAAGGGG 60
TGCTTCTTTG TGACAGTATT TTTATTTCTG ACATTCATTT 100

【0373】

【配列表283】

配列番号: 1545
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01748
 配列:
 GATCCACCTC TCCTGTGCTA AGATTAAGAN GACCAACGTC CCCGANTTCT TTNATTGCCA 60
 GAAATGCAAG GAACTGAGGC CAGAGGCCNN GCGGTTAGGG 100

配列番号: 1546
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01749
 配列:
 GATCGATTCT CTCTATGAAG GAATCGACTT CTATACNTCC ATTACNGTG CCCGATTNNA 60
 AGAACTGAAT GCTGACCTGT TCCGTGGCAC CCTGGACCCA 100

配列番号: 1547
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01750
 配列:
 GATCCCACTG AATCCTGGGT CCAGGAGTAC GTGTATGACC TGGAACTGAN CTGAGCTGCT 60
 CAGAGACAGG AAGTCTTCAG GGGAGGTCAC CTGAGCCCGG 100

配列番号: 1548
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01751
 配列:
 GATCCCTCCT CTAGGGGCCT GGGGACTTTN ACTGATGCTC TTCCTGATTC TAGAGCAAAG 60
 GTGTGGGAAG GGGAAATGGA GGAATGCCCT CCTGTCTGTN 100

配列番号: 1549
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01752
 配列:
 GATCTCAGTA TGGACAGTGT AACAACAAAA CAAAATGGC TGGACAGACT TCTTGTGTTT 60
 TGTAAATATA AACTAGGACA GTTCTGTAGG TTTGTTCACT 100

配列番号: 1550
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01753
 配列:
 GATCAGACAA GCCCAAACCTG AGAGACACTC TACAAAATAA CTGGCCAGTA CGTTTTNCAA 60
 GTNCCAAGGC CGTGAACAAT AAGGAAAGAC TGAGGAACAG 100

【0374】

【配列表284】

配列番号: 1551

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01754

配列:

GATCCCAGAT GCAGTGA CTG GTTACTACCT GAACCGTGCT GGCTTTGAGG CTCAGACCC 60
ACGCATAATT GGGCTCATCT CCTTAGCTGC CCAGAAATTC 100

配列番号: 1552

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01755

配列:

GATCAGGGCA GTAGGCATAA TTCAGCAACA AACAACTCTC CTTTGGGAGA AACCTNTTCA 60
TTCCAATCTT CTAATTACAG TGGTTCCTAT CTCAGGGATA 100

配列番号: 1553

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01756

配列:

GATCCCAAAA TGCTGCN GGG CAATGACAGC TCAGTTCCCA GAAATAAAAA CGCATTCCAA 60
GAGGCCATTG TTTTGTGGT GGGAGGAGGC AACTACATTG 100

配列番号: 1554

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01758

配列:

GATCGANCTT NCTATGGA CT CAAGCAGGTG NNGAAGGCCA ATNAAGCCAT GGCAATTGAC 60
ACATTGCTCA TCAGCGATGA GCTCTTCAGG CATCAGGATG 100

配列番号: 1555

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01759

配列:

GATCTGCTTT CATTAACTGG AATTCTGTAG GAGATACTGG TGACCTAAGC TAAGTTGCAC 60
TCAGCATACT CAGTGTCAAG CTAATGAGGT TCTATTATAA 100

【0375】

【配列表 285】

配列番号: 1556
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01760
 配列:
 GATCTGGTAG AGGTACCAGC TTCCTTTCCA GCTGGAGAGG NCCCAACACT GGATGGTTCT 60
 GTAGGGAGCC TAGGGAGCCT GGTCAATACC 100

配列番号: 1557
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01761
 配列:
 GATCCTTTCA GAAAAGAAAC ACTGGGTCCC ATAGCTAAAT TCTCAACCGC CANGCAGCTT 60
 CAGAAGAATC CAGCCTAATA CTGGAATTTG TGCTATTATC 100

配列番号: 1558
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01763
 配列:
 GATCATTAAAG GAAGGCGATG TAGATGTTTC AGATTCTGAT GATGAAGATG ATAATCTTCC 60
 TGCAAATNTT GACACATATC ACAGAGCCTT GCAAATAATA 100

配列番号: 1559
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01764
 配列:
 GATCATGGTG GATGAGGAAG CCTCAACGTA GATTCCTGAA CTCAAGGTAC CAGCAAGANT 60
 GCNTTCTCCC AGTGTGCTCT CCCCAACATC CTAGGCACAG 100

配列番号: 1560
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01765
 配列:
 GATCAACATC TTTNCTTGCC TCTTTCCCT TCTCTCATCT CTTAGCTCCC CTCCAACCTG 60
 GGGGGCAGTG GTGTGGAGAA GCCACAGGNC TGAGATTTC 100

配列番号: 1561
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01766
 配列:
 GATCCCAACT GCTCCTGCGC CGCCGGTGAC TCCTGCACCT GCGCCGGCTC CTGCAAATGC 60
 AAAGAGTGNA AATGCACCTC CTGCAAGAAA AGCTGCTGCT 100

【0376】

【配列表286】

配列番号：1562

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01767

配列：

GATCTGTTTG GACTATGTTT ICTTTTCTTC TCCCACTTGC TCAGCAGCTT GGGCTTCCAT 60
TCTAGTTCTT TTACCAAGAT TTTTGTGTGA CCATGTTGAC 100

配列番号：1563

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01768

配列：

GATCGAAATG TTAACACCGG GAGCTCTNCA GGACACTCAC CCAGCGAEGC TCGTGGGGGA 60
AACATACTAA ACGGACAGAC TCCAAGANCT GCCACCGCTG 100

配列番号：1564

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01769

配列：

GATCAGCAGA CCACGTATTT AAAATTCTGA ATCTTCTGGG ACAGGGTTGT AACTCAGCCT 60
TCCAAAGGGA AGAGTGCAGG GGGACGGGGC CATGATATGG 100

配列番号：1565

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01770

配列：

GATCAAAAAG AACAGAACCC TCTCCAGCCT GCTGACCCGA ACCCAACCAC ACAATGGTTT 60
GTCTCAATCT GACCCAGCGG CTGGACCCCT CGTAAATTGT 100

配列番号：1566

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01771

配列：

GATCACAGAT GGATNTTGTT ATAAGCATCA ATGTGACACT TGCAGGNCAC TACAACGTGG 60
NACATTGTTT GTTCTTCCA TATTTGGAAG ATAAATTTAT 100

【0377】

【配列表287】

配列番号: 1567

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01772

配列:

GATCTGTAAT TCATAGTCAC ATCAAGGTCA TCAAGACCAG GAAAAACAAG AAAGACATAC 60
TCAATCCTGA TTCAAGTATG GAAACTTCAC CAGACTTTTC 100

配列番号: 1568

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01773

配列:

GATCTTTCTT TAATAGTGAA CCCCTGGGCC ACTGAAGAGT AACATGGCTC CACTGGACAC 60
AAAAGAGGGA TGAATCAAC AGGCAGGGGG CCTTTTATAA 100

配列番号: 1569

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01774

配列:

GATCTGGCTG CGCTATGACT CCGGGAGCGH CACCCACAAC ATGTACCGGG AATACCGGGA 60
CCTGACCACC GCAGCGCTGT CACCCAGTGC TACCGAGACA 100

配列番号: 1570

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01775

配列:

GATCTAGAGG GTCGGACCCA CATATTTAAG ATTACGNTC GTTCAATGAG TGTTCAAAGA 60
GATATCAGAT TTGAACTGTT AGCACGACTG TGNCCTAATA 100

配列番号: 1571

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01776

配列:

GATCTGCTTA GAGTGGATTT TCACTCAAGT CCTTAGTAAG TGGATTTTGG GGAAAAAAGC 60
ACCTGGGCTT CTGGTCTTT TTGATAATAT ATAAAAATTAT 100

配列番号: 1572

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01777

配列:

GATCTTTCTA CAACATTTAT CCTGGTTGTT AAGCCCTCCT TACAACATTC TTCTCTCTTT 60
GTTTTATAG CTCCATCTCT CCTGCTTCTT TAACTTGATA 100

【0378】

【配列表288】

配列番号: 1573
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01778
 配列:
 GATCGAAAAA AAAATCCAGA ACCTTGGGAA ACTGTGGACC CTACTGTACC TCAAAAGCTT 60
 ATAACAATCA ACCAACAATG GAAACCCATT GAAGAGTTGC 100

配列番号: 1574
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01779
 配列:
 GATCCTGTGG TTGGCCACTG GCCATAGCTG CTGCCAGCT CTACCCCTCC CAGGGACCTA 60
 CCCCTCCCAG GGACCGACCC CTGCCCAAG CTCCCCTTGC 100

配列番号: 1575
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01780
 配列:
 GATCACAGCT AGAGAATTGA GAATTAATA TACTACTAGC CATTTTAGGG CACCAAAACT 60
 TGGGATTAAG CACTTCCTAC TTCCCACTCC CAACTCCTGA 100

配列番号: 1576
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01781
 配列:
 GATCTGCTTT CTCGTAATTA TAGATTGGTT TGCATTTTCT AGAAATTTT AAATAAATGG 60
 AAACATATAG TGAGTACTCT TCTTGGGGTG GAAGGAAGTG 100

配列番号: 1577
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01782
 配列:
 GATCTGCTAT AGCTGTCCAT CAGAGAGAAT ACACGTGGCT ATAACATCTA TAACAAAACG 60
 ACGATTCTC TACAAGAGGC TGTTCCTNAC TGCTAACGTT 100

配列番号: 1578
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01783
 配列:
 GATCTGCTGT TGCTGAGAGT HTGAGCGTGG ACTTGATGCA GTNATGACAA ATCATIGCTT 60
 AGAATTAATG TTTTCAAATG TGCAACTCTA GTTTTTAAAA 100

【0379】

【配列表289】

配列番号: 1579

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01784

配列:

GATCCAGGGA TGAGGATAGA GTGGCCTGAG AGCAGTGCTT GGATTCAGCC TCCTGCTGGG 60
TCCTTCTGCT GGATACAGGC ACCAAGAGGC GGGGGTGGAG 100

配列番号: 1580

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01785

配列:

GATCCCCCGA CGACGTGCTC GAGTTCCTGA AGGTGTATGA GANGCACTCT GCCCAGTGAG 60
CACCTGCCCT GCCTGCATCC GGAGAATTGC CTCTACCTGG 100

配列番号: 1581

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01786

配列:

GATCCATTTT GCTTACACTG TTGCATCACA AGGGACTCAC CCAGGGACCA TGACCTGCTG 60
GTGTGTGTGT ATATTTACAA AAACAAAACA AACAAACCAC 100

配列番号: 1582

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01787

配列:

GATCCATTAC CTAGGGTAAA ATTCTCCTGA ATGTCAAACA AAGAGATAAA CTACATTTGG 60
GTTTTGGGAA GTCCCCTGTA ATGATGAATC AAGAATCCTC 100

配列番号: 1583

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01788

配列:

GATCCTCAGT GTGCTCACGG GGCTGCTGTT CGGCAGCGAT GGCTACTACG TGGCGCTGGC 60
CTGGACCTCA TCGGCGCTCA TGTACTTCAT TGTGCGCTCT 100

【0380】

【配列表290】

配列番号: 1584
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01789
 配列:
 GATCTGTGTT CGAATCCTCC CCACCCCTTT CTTTGTGGAG TTCCTAACC TGCTGCTGAA 60
 GCACAATGTT TTGGTGCTTT CTTTCTCNN TTGTTAAAGG 100

配列番号: 1585
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01790
 配列:
 GATCAGGCCG TTNCTGAGCT CAACGGGACC CAGGTGGAGT CTGTACAGCT CAAAGTCAAC 60
 ATAGCCCGAA AACAGCCCAT GCTGGATGCC GCTACTGGCA 100

配列番号: 1586
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01791
 配列:
 GATCCAAGAT AAAGAAGGCA TCCCCCGCA CCAGCAGAGG CTCATCTTTG CAGGCAAGCA 60
 GCTGGAAGAT GGCCGCACTC TTTCTGACTA CAACATCCAG 100

配列番号: 1587
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01792
 配列:
 GATCTGGCTT CTTTCCCAAG GNGGGGGTGG GGTGTNCCTN GCGTCCCTGT CCTTGANGGA 60
 CCTCTTCCC CCAGCCTCAT CACCGTGCTC TTCTCAGCGC 100

配列番号: 1588
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01793
 配列:
 GATCTAAAGT TCTGGCTGTC CATTAACTC CAACTATGGT CTTTATTTCT TGTGGTAATA 60
 TGATGTGCCT TTCCTTGCTT AAATCCCTC CTGGTGTGTA 100

配列番号: 1589
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01794
 配列:
 GATCTCTCTT GTCCNCTNCT GCTCTTTNCT TGGTGCTCTT TTTNCTCGGT GGGGTGTGGG 60
 TAATAGAACA GCCGTGGGCT TTTGGGGACC TTTAACTTTT 100

【0381】

【配列表291】

配列番号：1590

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01795

配列：

GATCCCATCC GCATGGAGTT TGAATAAAG GAAGACTTGT CGGGAACACA GGCAGGGCTC 60
AACGTCATTA AAGAGGCAGA GCGGCACNCC NGGTGGGCAG 100

配列番号：1591

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01796

配列：

GATCTATTGG CATATTCGGG AGCTTCTTAG AGGGATGAGG TTCTTTGAAC ACAGTAAAA 60
TTTAAATTAG TAACTTTTTT GCAAGCAGTT TATTGACTGT 100

配列番号：1592

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01797

配列：

GATCCTCCCC TTTTGAATG GCCCTGCTGT GTCAGTTTCC CTGTGGCCTT TTGAACTGTA 60
CATCTCACAT GTTGGGAAAC GCTGGCCACT GGGAAATCAT 100

配列番号：1593

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01798

配列：

GATCAGAATG GACTTCTNCC ACTGAGCATG ACANGCACTC GAAAGGCTAA ATCAACCAGA 60
AACATCGAAA CAAAAGCTCA GGTGTGCCCC CCGGCACGCT 100

配列番号：1594

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01799

配列：

GATCCATATT TGTTTTGTGT TCTGCTTAAA TCAGCAAGAA TGATAAATTT GATGGTGTGA 60
AATTGGAAGT ATCAAGGGCT TTCTTTGGTG ATTGAGCGAA 100

【0382】

【配列表292】

配列番号: 1595
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01800
 配列:
 GATCTGCTTG ACAGTGATTA AATCCTTAGC TCACATCCAT TCCCATCTTT NGGGCTCCTT 60
 AGGCCCAAGG ATGGCATGTG ACTGGTCCCT GCAAGGTCCT 100

配列番号: 1596
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01801
 配列:
 GATCTHGTAA ACTCTCTGTA TATCTTCCTA CCTTTCAAAA TCGTTCCTAG GGTAGTCAA 60
 GTCTGGAATA TAATTGCTGA CTATAAAGTT AGCAATTATG 100

配列番号: 1597
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01802
 配列:
 GATCTAGGGA AGTCAACACA TAGTGTA AAA TAATTACATG CCTAATGAAA AGAAGATGTC 60
 ATTTCTAAT TTNATATCT CATTTTCGGC ATTTTTTAAA 100

配列番号: 1598
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01803
 配列:
 GATCGCTTTG AGGTCAATAT TAGTGAGCTG CCTGATGAGA TAGACATCTC CTCCTACATT 60
 GAACAGACAC GGTAGAAGAC TCGCCCATTT TGGAAATGTA 100

配列番号: 1599
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01804
 配列:
 GATCTTGCCT GTTTCACAAT GTAACAAGAC TCTACCTGGG TCCCCTGGTG ATGAGTTTCA 60
 GCATAGAATA ATGTTCAAGG AAAAGAAAAC GAAAACAGTT 100

配列番号: 1600
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01805
 配列:
 GATCTATGAC TCCAACCGTA TGATTTTNTT GCCTCCCCAG TTTTCATCCC AGTGCTAACG 60
 CCTGATTTT GGTAGCTATG CCATCTTCTG CTGAGGATTA 100

【0383】

【配列表293】

配列番号: 1601

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01806

配列:

GATCAGAAGA CTTTAATTAT ATATTTTAAT CCTATAAGCT TAAATAGGAA AGTTTCTTCA 60
 ACAGGATTAC AGTGTAGCTA CCTACATGCT GAAAAATATA 100

配列番号: 1602

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01807

配列:

GATCTGAGAG AAGCCCTGTC CTCCACTCAC CTCACCCGCC GCTGCCACCA TCTCCTCTGT 60
 GCCAACTCCT TGTGGACCGC AAGAAAGCAT GACTTTGAAA 100

配列番号: 1603

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01808

配列:

GATCCTGGAG GATTTCTTAC CCCCCTCCTC TTCGAGACCC CAGTCGTGAT GTGGAGGAAG 60
 AGCCACCTGC AAGATGGACA CGAGCCACAA GCTGCACTGT 100

配列番号: 1604

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01809

配列:

GATCCATAAG GAGGGCTGTG TGGAGAAGAT TGGGGGCTGG CTGAGGAAAA ATGTGCTGGT 60
 GGTAGCTGCA GCAGCCCTTG GAATTGCTTT TGTCCAGGTT 100

配列番号: 1605

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS01810

配列:

GATCAAATAA ACCAGTGTAG GATATTAAGA CTATCAATTG GTGGGATTAG GCTTGACATT 60
 TTATTTTTAT AAATATATAT TTNTCCTGAA TGTGTCTGAG 100

【0384】

【配列表294】

配列番号: 1606
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01811
 配列:
 GATCTGCGCT TCCAGAGCGC ACTAATNCGG TGCTTTGCAG GAGGCAAGTG AGGCCTATCT 60
 GGTGGCCTT TTTGAAGACA CCAACCTGTG TGCTATCCAT 100

配列番号: 1607
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01812
 配列:
 GATCATTATT ATATATAGGT ATTGATTGCT ACCCTGACCA CAGTGCTTTG GACTATGAGA 60
 AACTTCTTAG ATTTTATAT GTAAATNCTG TGGACCACTG 100

配列番号: 1608
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01813
 配列:
 GATCACGNAC ACACAATAAG TCTTTCTCTC CGAAACCGGA AGTAAATCTA TATCTGTTAG 60
 AAATAATGTA GCCAAAAGAA TGTAAATTTG AGGATTTTTT 100

配列番号: 1609
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01814
 配列:
 GATCTAACTA TGTTTCCCC CTTTCAAGAA TAGAACTATT GGGGTGAGGA TAAGGGGTGG 60
 GGGAGAAAAA ATCACTGTTT GTTTTAAAA AGCAATCTT 100

配列番号: 1610
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01815
 配列:
 GATCCAGAAT ACCCTGACCT CGCCCCAGTT CCAGCAGATG TGGAAGCGTT TGCCAAAGCC 60
 ATGCAGAACA ACGCCAAGCC CGAGCAGAAA GAGGGCGACA 100

配列番号: 1611
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01816
 配列:
 GATCCAAAGT AATATGTAGG TTCAATATTT TGTAGGTTTT ATAATCAAAT GTCTCCCTAA 60
 AGAGATGACA TAGGGAAGAA AAGCCTAATG TATCATCTTA 100

【0385】

【配列表295】

配列番号：1612

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01817

配列：

GATCTCCCCG CCGCAGCCTC CTCAGAAGAC ATCGAGCGGT CCTGAGAGCC TCCTGGGCAC 60
GTTTGTCTGT GTGCTGTAAC CTGAAGTCAA ACCTTAAGAT 100

配列番号：1613

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01818

配列：

GATCTGCCCCA GGTGCGCCAG ACTTCCTAGC ACACGTGCCG GGGAGCAGCT GCTTTGAGTG 60
CACACACTAC CAATCGTTCC TGAATACAG GGAGGTGGTG 100

配列番号：1614

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01819

配列：

GATCAAAAAG CAAGCAGAAA TGAATCCACA TTCTAGTCCT TTATGCAGTA TACAAGGAGA 60
ACTGTCCTGT AGGATATTCT CTCCTGATG GTGCAGAACC 100

配列番号：1615

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01820

配列：

GATCCCAACA ATGAAGCCAT TCGAAATGCT ATGGGCTCCC TGGCCTCCNA GGCCACCAAG 60
GACGGCAAGA AGGACAAGAA GGAGGAAGAC AAGAAGTGAG 100

配列番号：1616

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01821

配列：

GATCAAAAAG AGAGTGGTTG TGGAACCTGT TGGCCCAAGT GGTTCACAGC CAGAGACATT 60
CAGAAAGTTT TTAGCTCTAT ATTTGCATGG TGCTGCGTGA 100

【0386】

【配列表296】

配列番号: 1617
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01822
 配列:
 GATCTGGAAC CTCAGCCTGG CCAGACACAG GCCCTCCCTG TTCCCCAGAG AAAGGGGAGC 60
 CCACTGTCCT GGGCCTGCAG AATTTGGGT CTGCCTGCCA 100

配列番号: 1618
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01823
 配列:
 GATCACATGA AACAGATTIG CATAAAATTA CCATGATTGC TTTATGTTTA TATTAACTT 60
 GTATTTTGT ACAAACAAGA TTGTGTAAGA TATATTGAA 100

配列番号: 1619
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01824
 配列:
 GATCACCTAT GCCAAGAAAT AACATTTGGG ATAGTCGTCT TTAAAGACT TGGTGTATT 60
 TACAGTGTIT GTTTGATAA CATTGGCTG GGCATTTTA 100

配列番号: 1620
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01825
 配列:
 GATCTGTTGA ATATTGCTA AAGACCAGTT CTTAAGCTA AGACATGTAA AAAATCCCAA 60
 ATGGCAGTAC CTCATTGTTT ACTTAGCTTT TGTACTTATA 100

配列番号: 1621
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01826
 配列:
 GATCTAGCCA AGGCTGGTCT GCAGTATCAG ATGTCCAAAC TCATCTACTA TNAGCCATAT 60
 TTTGTNAGTC GTTTGTCTAA ACTTTGTCAA AAATNCCTT 100

配列番号: 1622
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01827
 配列:
 GATCTGTGG GTTCTCTATT AATTTATTTT ATACATTATA GATTCTGGGT TGATAAATTC 60
 TGCTCAATTT GAAAAATTTT ATATTTTGTC TCAAATCTGT 100

【0387】

【配列表 297】

配列番号： 1623

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01828

配列：

GATCGGGAAC TGGCTCCGTT GTGCTGAGGT CATCTTTGGT CATCAGCCTC CAGCATNTGG 60
AAACACCTCC AACGCAATGT GGCTTTTACA TTTCTTTCTT 100

配列番号： 1624

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01829

配列：

GATCAGCAGA TACATGTCAG TGCAGAGGTT CTCTGCCCTC CAGAAGCCCT CGTCTGGGAA 60
TTGAGAGAG GAGGAGGACC CAGGGCCAAA GGAATCCTCA 100

配列番号： 1625

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01830

配列：

GATCAGAATA TGTATGCAGT TCTTTCTTTA ACCCTTTTTT CTCCTATGTA CTGTGAACAT 60
TTAAAAAGTA CTTTAAATA TTCTTTGGAA ACTTAGCTTT 100

配列番号： 1626

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01831

配列：

GATCCCNITC CCACCCTCTC TGTTGGCCTC AGAGTCACTC CTGCCCCCTC TCCCTGACTT 60
GGTGCTCACA TGCACCTCAC TAGGGTTTGT CACCAGGGTC 100

配列番号： 1627

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01832

配列：

GATCGCGGCG GANTNGGCCC CGCCGCCTGG TACTCAAGCC CGCGGGGACA TTGGGAAGGG 60
GACCCCGGCC CCCTGCCCTC CCCTCTCTGC ACCGTACTGT 100

【0388】

【配列表298】

配列番号：1628
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01833
 配列：
 GATCANGGCA CTTCAACTCA TTTGGAAAAT NTGAACACTG ATGACATGGT ATAGGAGTGG 60
 GNGGGGTGTG GAGCCACCCA TCANACCCTC TTTAGCTGTG 100

配列番号：1629
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01834
 配列：
 GATCATAGAA AATAAATAGA AGAGACAGTG AAGCAAGTAA AAAGAAAAGC ATTGTTTTAA 60
 TTTGTTTGCA TTAATTTTTT TCATTGTGCA AAATGCTTCT 100

配列番号：1630
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01835
 配列：
 GATCAGAGTG GCCCAGAGAC ATTGCTTTCT NATCACCTAT CATGTGAATT CTACCTGTAT 60
 TCCTGGGCTG GACCACTTGA TAACTTCCAG TGTCTGGCA 100

配列番号：1631
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01836
 配列：
 GATCTGTGTC ATAAGTGAAT CCGGATGCAT CAGTGTCCAC CAGTTGGAAG CAATGACAAG 60
 GATGGCTGGC TGGTGTGTTT CAGCCTCCG GTTTATAGAC 100

配列番号：1632
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01837
 配列：
 GATCTGAGAT GGAAGAGTTT CATCCCAAAA CCATCTCCCC CTGACCCCCA GTCCATGGAA 60
 AAATTGTCTT CCACAAAACC GGTCCCTGGT GCCAAAAGG 100

配列番号：1633
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01838
 配列：
 GATCAGCGAG GTTCTCCAGG ACCTTAGGTT TGATGCCGAA TCTGCCGAGT GATGGCGGCT 60
 CCCCAGGGAT GCCGCCGAGG GAGATGGGAA ACGGGGCGGA 100

【0389】

【配列表299】

配列番号：1634

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01839

配列：

GATCTATGAC AATGTATAGT CAATAAATGA TAGCAATTAT TTTTAATTAT CAAAATAAAT 60
TGTTAGAGAT TCAAGTTAGC ATACAAAATG GAAATACATT 100

配列番号：1635

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01840

配列：

GATCTAGATG GCAGATAGGA ACTTTNTTGT CACAAAAATA CTGGAGGAAA ATNTTGTAAT 60
AATAGACTTT TGGACACACA GCTGTTGGGG CTGCACTGAG 100

配列番号：1636

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01841

配列：

GATCCAGGAT TCTGGGAGGC TTCAGTTACC GCTGGCCGAG CTGAAGAACT GGGTATGAGG 60
CTGGGNCGGG GCTGGAGGTG GCGCCCCCTG GTGGGACAAC 100

配列番号：1637

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01842

配列：

GATCTCACAG CCACGAATTT AGAACTTCCT CCTATAGCAT TTTCTATCTT TTTTATGGCA 60
TTTATTTTAT TCTATCTTGT TATGATTACA TAATCTGTTT 100

配列番号：1638

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01843

配列：

GATCCACTGT TCAATCTGCA CAAGATTNGG GNNCCAGACA TGGGAGACTT CAGCTGCCTC 60
AGAGGACCGT GGACAGGGAA GGCAGCCTCG CATCCCTCTG 100

【0390】

【配列表300】

配列番号: 1639
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01844
 配列:
 GATCCAAGTA ACAGTGA CTG CAGTTAGGGT CGAGAGCTTC TCCGAAGCAG CGGTCATGCA 60
 GGCTTTTGTG TGGCTGACGC TTCCCTTTT CACAACAGTA 100

配列番号: 1640
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01845
 配列:
 GATCAGAGAC CACGAGTCCC TTTCCCGGAC CTGGACGTTG CCTCCAGAGC AGGCACCANC 60
 TCTTCCCTC TCTAGACAGA AATATTTTGT TAAGGTTCTG 100

配列番号: 1641
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01846
 配列:
 GATCTTGAGG TCACTTCGTT TAGGTCAATT TCTCAACCCA ACCTCCCCAA ACTCTGGTTT 60
 GAGCCAATAT GTGTTCTATT GTTCTCAGAG CACCAGCCGA 100

配列番号: 1642
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01847
 配列:
 GATCTGTTTT NHTTAAACAC TAACAGAATA ATTCTTTATA AATAGGTAAG CCTTACACTT 60
 GTTAAAGAAA TTTACCTCTA ATTTCACTCT CACTAATGTA 100

配列番号: 1643
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01848
 配列:
 GATCCNCGGC ATTTNCTCTG GGGAGACAGG CCTGAGGCCA CCTCGGNAGC CAAGCAGATT 60
 CCAAACCACT ACAACCTTG CCAAACACAG CCCACTCCAT 100

配列番号: 1644
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01849
 配列:
 GATCTTCTAA GAATTTTGCA AAATTCTAAA CAAATATAGA GATGGTATAT AGAATTCATA 60
 TCTAGAAAAC TTTGATTTTA ATGTGAGCTT ATCAAATTTG 100

【0391】

【配列表301】

配列番号：1645

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01850

配列：

GATCGAATGG CTTTTTCAG CTAACACTA TGTGTAGACA GGTTTTATAT TATAAAGTAT 60
GCATTCTTAT CACCTAGTAT ATAGTTAGTT TGTAGAGTGA 100

配列番号：1646

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01851

配列：

GATCTGGATG TTGAAAAGAG TCTGGCACCT CCTCCNTCTC TCTTGCTCAC ACTCTCACCA 60
CGTGATATGC TGCCTCCTCC TGTGCCTTCC ACCATGAGTA 100

配列番号：1647

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01852

配列：

GATCCAAGTA TTTCTNCATC AAGCAGTTTT TAAAAGGAAA ACGATAATAA TCAGTAGGCT 60
CCAIGGAAGC CTTTNCCTTA ATAGCTATGT GCCAAATACT 100

配列番号：1648

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01853

配列：

GATCCTCCTG CAGGGCTAGG CGGATTGTTT TGGATTTCCT TTTGTTTTTC CTTTATGTTT 60
TCCATCTTTT CCCTCCCTGG TGCTCATTGC AATCTGAGTA 100

配列番号：1649

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01854

配列：

GATCTTAGCT TTGATAAATG ACTGANGCTG GAGAAGCCGT GGTGAAGTC AGCCTACACT 60
ACAGTGACAC GTTGAGGAGC CAGAGACTTC TTAAATCATC 100

【0392】

【配列表302】

配列番号: 1650

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01855

配列:

GATCTGAGTA ATTAGCAGGT ATGATGCTGG GACTGGAAAA TAGAAAGTAA TAACTAAAGG 60
GTTAATGTGC AACGTTATTT TTTGGCCTTG TTCATAATTT 100

配列番号: 1651

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01856

配列:

GATCTCTGCT CAGAGAAGTG CAGGGGGAGC CTTCCAGCTC ACTCTCCCTG AGGACTGGCT 60
TGACAGGGGC TATGGGTTTG CTTTGGTCTT GTTTTTAAAA 100

配列番号: 1652

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01857

配列:

GATCACATCA CTCCACCCCT GCCAGGCCCC AGGTTAGGAA TAGTGGTGGG AGGAAGGGGA 60
AAGGGCTGGG CCTCACCGCT CCCAGCAACT GAAAGGACAA 100

配列番号: 1653

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01858

配列:

GATCCTTAGT ACAACATGTG AAAGAAGATA TGTGTCTTT ACTCACAGTG GAGGCATTTT 60
TCTAGCTGTG TTTGATTTGG CTTCCCTATA GATTCAGGAC 100

配列番号: 1654

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01859

配列:

GATCTAGGCA AACCTTTATA AAGTTGCAGT ACCTAATCTG TTATTCCCAC TTCTCTGTTA 60
TTTTTGTGTG TCTTTTTTAA TATATAATAT ATATCAAGAT 100

配列番号: 1655

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01860

配列:

GATCTGTCTG TTGCTTGTTT AATATATTTT TTTTATGACA TTAAGTAAAG TTTAAAAGGG 60
TTTTNTATCC ACTGTCAATT TCAATTGGAT AACATTTTGT 100

【0393】

【配列表 303】

配列番号: 1656

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01861

配列:

GATCAAAAAC TATTTGGGAT ATGTATGGGT AGGGTAAATC AGTAAGAGGT GTTATTTGGA 60
ACCTTGTTTT GGACAGTTTA CCAGTTGCCT TTNATCCCAA 100

配列番号: 1657

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01862

配列:

GATCAGTTGG GTGCTATGTG CTCAGCTTTC CTACTGCAGC TTCATTTAAT GCAGAGTGGT 60
GTTTGAATTT GGCTTAGATG GGCTGGCAGG CATGATTTTA 100

配列番号: 1658

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01863

配列:

GATCCAAACA AATACACATT CTGTNTTTTA GCTCAGTGTT TCTAAAAAA AGAAACTGCC 60
ACACAGCAAA AAATTGTTTA CTTTGTTGGA CAAACCAAAAT 100

配列番号: 1659

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01864

配列:

GATCAGGACC TGGGGGCCTA CAGTTCTGCC AGGAAGTGCC TGGCCAAACA GAGGCAGAGG 60
ATGCTGCAAG AGAGAAAAGC TGCAAAANAG GCCGCCGCTG 100

配列番号: 1660

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01865

配列:

GATCTCAGCA CAAGCAGGGG AGCAGCTGGG GGAACACAGC TTTATGTAAT TACCTCTGTT 60
CAATATTTAG CAAGTTGCAT TGTAACATTG TAACTGTTTG 100

【0394】

【配列表304】

配列番号: 1661
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01866
 配列:
 GATCTATGGC TTAAAAAATT TGTTTCTGTG ACAATNTTTG TAAATCTAGC CAATAGAGTC 60
 ATTTACAGAA GAAAAATNAG CATGTAATAA TACAAGAACT 100

配列番号: 1662
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01867
 配列:
 GATCTGGAGC TAATAATGAC TGAGATGGAG ATATCTCGAG CAGCAGCAGA ACGCAGTTTG 60
 CGGGAACACA TGGGCAACGT GGTAGAGCGG CTTATTGCCC 100

配列番号: 1663
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01868
 配列:
 GATCTCTGCT CTGCCCTCTC CCAGATTGGT GGGGAGGGAG GCGGGGAGGT AGATATAGGC 60
 CTGTCCTTTT TAGCAATGTG ATTCTTGTG TTGATTCTCT 100

配列番号: 1664
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01869
 配列:
 GATCAGGCTC ATCTCATCTG CACCAACTGC TCTACCTGTT AGATGGAGAC CTTGCNTCAT 60
 GAATTTCTCG AAATGCTCCT GGAACCTATT TATATGCCTC 100

配列番号: 1665
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01870
 配列:
 GATCTCTAAT TTAAAGAAAC AGTTTTTATA TACCTAGAAT GAAGATTCTG TTTAAAGCGG 60
 TTTTGGTTAA CTTGGTTCTT GACATTTGCC TAAATNTTN 100

配列番号: 1666
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01871
 配列:
 GATCTCAAAG GAGTCTGAAA TATCATATTT CTGTGTGTGT CTCTCTCAGC CCCTGCCCAG 60
 GCTAGAGGGA AACAGCTACT GATAATCGAA AACTGCTGTT 100

【0395】

【配列表305】

配列番号: 1667

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01872

配列:

GATCGNCATT ATCCCCAGNA AAAAGCTCCG CAACAAGATA GCAGNTAATG TCACGCATCT 60
 GATGAAGCGA ATTCAGAGAG GCCCAGTAAG AGGTATCTCC 100

配列番号: 1668

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01873

配列:

GATCAAAGAC ATCCTCATCC AGTATGACCG GACCNCTGG TAGCTGACCC TCGTCGNTGC 60
 GAGTCCAAAA AGTTNGGAGT CCTGTGCCCG AGTTCGTACC 100

配列番号: 1669

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01874

配列:

GATCAAAAAT CCAAGGAGAA TGGTGCCAGT GTATGATAAA ATCCATGTAG TGATGAGGAA 60
 TGGTGTAAAA TAATGTAATA TATAANANTC ATGATATANG 100

配列番号: 1670

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01875

配列:

GATCCTCGCT CCGTTGCACG GCGGCCNTAA GTTATTGGAC TATCTAATAT CTATGTATTT 60
 ATHTCGCTGG TTCITTGTAG TCACATATTT AATAGTCTTA 100

配列番号: 1671

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01876

配列:

GATCTGGCGG ATTCTGAGCC ATGCCATTTT TACCTTATGT CTGCTAGAAA GTGTTGTAGT 60
 TGATTGACCA AACCAGTTCA TAAGGGGAAT TTTTTTTAAA 100

【0396】

【配列表306】

配列番号: 1672
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01877
 配列:
 GATCTTCCCC AAGAGGGACT GGGGTTTCTG GGGTCCATTC TCTGAGTCAG TGGTTATTTG 60
 AAAATTTGAT TTTGATTTTA TTTTCTCT GTAAACTTCC 100

配列番号: 1673
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01878
 配列:
 GATCCCTNCC TTGGTGGCA GTTCTGCCTT CCAAGGAAGA AGGGGAAGAA AAGGACCTGT 60
 GGGTGGCTCA GGNCAAGCA GACCCCGGGC TCCACCCAG 100

配列番号: 1674
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01880
 配列:
 GATCAGGCTG CTGAGGGAAT AAATTTAATC AAGGTCTTTG CAAAAACAGA AGCACAGAAG 60
 GGAGCCTATA TAGAACTAAC ACTGCAGACT TATCAAGAAG 100

配列番号: 1675
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01881
 配列:
 GATCAGTCCA TCCCAGAGGG ACCGGAGTTA TGACAAGCTT TCCAAATATT TTGCTTTATC 60
 AGCCGATATC AACACTTGTA TCTGGCCTCT GTGCCCCAGC 100

配列番号: 1676
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01882
 配列:
 GATCGTGTAT TGAGATTTCT TAAATAATGC TTCAGATATT ATTGCTTTAT TGCTTTTTTG 60
 TATTGGTTAA AACTGTACAT TTAATTTGC TATGTTACTA 100

配列番号: 1677
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01883
 配列:
 GATCTTTGTT AGTTGCATAT TATATTTTCTG TGTATATCTT CTGGTGAAT TGACCCCTTT 60
 ATCATTATGT AATTCCTTA TATTTATATC TTTATATTTA 100

【0397】

【配列表307】

配列番号: 1678

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01884

配列:

GATCACTCTG GGCTCACTTG CCTGCCTAAT GGTCATCTCC CCAGTAGACT GTAAGCTCCT 60
 TGAGGGCAAG GATTGTGTTG GAATTTTGT ATTAACAGTG 100

配列番号: 1679

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01885

配列:

GATCAGATGC TTGAAATTTA ACACTTTTCA CTTGGTTCTT ATACTGAATG CCGACTCTGC 60
 TCTGTGTTAG AGATATGAAA TGGTGTGTTGA TACTGTTTGA 100

配列番号: 1680

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01886

配列:

GATCTATTGT AATGTGTTAT TTNGGCTGAN GTATGTNAAG AAAATACTAC CTTACAAAGN 60
 TATGTATTNT CAAAAGGAAA TACATATCAG AAAGTTTAAAC 100

配列番号: 1681

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01887

配列:

GATCTAGAAG TTTTACTTTT ATAAAGATGG TGTCCGGAAG ATGTTGCTAA TGTATTTTAC 60
 TTCAACATAG GGAACAACT TTTTAAGTAT ATTAATAAAC 100

配列番号: 1682

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01888

配列:

GATCAGCAGC CCTCGCAATG TGCTCAGCGA GTACCAGCAG AGGCCGCAGC GGCTGGTGAG 60
 CTACTTCATC AAGAAGAACT GAGCAAGGCC TGAGCGCTGC 100

【0398】

【配列表308】

配列番号: 1683
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS01889
配列:
GATCCAGATG ATAAACCAGT GAACTATGTC AAAAGCACTC TCAATATTAC ATTTGACAAA 60
AAGTTTTGTA CTTTNCACAT AGCTTGTTC CCCGTAAAAG 100

配列番号: 1684
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS01890
配列:
GATCCGNC CG TCTCTGCCCTT CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAC ATCTGCCCGG 60
CTTATTTTTC TTTATGTTT TNCCTTCGTA GAGGTTCTGT 100

配列番号: 1685
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS01891
配列:
GATCTACCCC AGGGAGAATC TGAGACATCT TGCCTACTTT TCTTTATTAG CTTTCTCCTC 60
ATTCAATTTCT TTTATACCTT TCCTTTTTTG GAGTTGTTA 100

配列番号: 1686
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS01892
配列:
GATCTCTAAG GTATTATGTT TGCCTTCTCT TAGTTATTTT TGGGTTGTCA CAAAGCTCAG 60
TATCATGGTT TGACAGAAGC AGTTATGTGA ACTTTTATGT 100

配列番号: 1687
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS01893
配列:
GATCCATTCT CCNTTITANTT CCCCCACCTT CCTCTCTNGG ATATGGTTGG NTTTGGCTCA 60
TTTCACAATC AGCCCAAGGC TGGGAAAGCT GGAATGGGAT 100

配列番号: 1688
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS01895
配列:
GATCGAGATG AGCTTTAAAA ACTTGAAAA CAGTTTGTA GCGTTTCAAC AGCAGCATCA 60
ACCTACGTGG TGGAAATAGT AAACCTATAT TTTATAATT 100

【0399】

【配列表309】

配列番号: 1689

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01896

配列:

GATCTTGATG GTCGCTGCAG AGTAACTTCA GCGCTGAGTT CGTTTGAAAC CTTCGGTTTG 60
 TTAAGATTCA GAATAACCAA TTGCTTTGTC TGTAAATCT 100

配列番号: 1690

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01897

配列:

GATCACTATG TAGGCAATGC TGGATACTGG NCTGTTATTT ACACATTTGT ATCACCTTTT 60
 ATTCATAAG ATAGCATTTG CAGANTAATT TAGTATTTCA 100

配列番号: 1691

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01898

配列:

GATCTCCACA TTCAGGTTTC CTGATGCACT TTNCGACTCT TTGGGCAACC TCTGGACTCC 60
 TTGTNCCCAG GGTCCACATT TAGTTTTATC TTTACTGCAT 100

配列番号: 1692

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01899

配列:

GATCAGTTAA TTTGTATGTA GCAGTGTATG CTCTCATATA CAATNACTGA CCTATGCTCT 60
 AAAACATGAA TGCTTTGTTA CAGACCCAAG CTGTCCATTT 100

配列番号: 1693

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01900

配列:

GATCGAATCA CCTGAATGTT CTATGTANTG TAAAATATTC TTTTCTTGCT TTCTTGTTGTT 60
 AAGGTATATA TTCTATTTGT ATGGAATTCT TATTCAAATA 100

【0400】

【配列表310】

配列番号: 1694

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01901

配列:

GATCTCAGCG GCATTAAGCT GTGCCTGAGC GAGTTTGTAG TGA CTCACTG CACAGCACCN 60
CCAGACTAGC ATGTGGTTCT ATATTGTAA AGTTATTGGG 100

配列番号: 1695

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01902

配列:

GATCTTCTAC TTCCCTNTGG GGAGGGGAGT GACAGGTCCA CACACCACAC TGGGTCACCC 60
TGTCTGGAT GCCTCTGAAG AGAGGGACAG ACCGTCAGAA 100

配列番号: 1696

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01903

配列:

GATCTTTAAA AAAATTTTCC ATATGTCAAA GTGTAGAGAT GTTTCTAGCA GCATTTATCT 60
TGTCATCTAT AGATTGAACA AAAAGTGTA GCTGTNAAAT 100

配列番号: 1697

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01904

配列:

GATCAGCAGT TCCAGCCCT ACCTNGCTG GGGGCGCAAC CACCCCTTCC TTAGGTTGAT 60
GTGCTTGGNA AAGCTCCCTC CCCCTCCTC CCCAAGAGAG 100

配列番号: 1698

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01905

配列:

GATCTTCATC TGTAGCCAAG AAGAGAGCAT TAAACCCAAG ANCATTGTGG ACAAGATTGA 60
CTTTGACAGT GTGTCCAGCA TCATGGCCTC CTCCCAGTAA 100

配列番号: 1699

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01906

配列:

GATCTTAATG TTTCAAAGGA GTGCAGCCCT TCACAGCCAT CAGATATGAG GGCAGTGTTC 60
TGTCTGGTGT TGTAGCCATC TCAAGAACA ATCAACAGCA 100

【0401】

【配列表311】

配列番号: 1700

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01907

配列:

GATCTGTGAC CCTGGGCGCT GAAAATGGGA CCCAGGAATC CCCCCGTCA ATATCTTGGC 60
 CTCAGATGGC TCCCCAAGGT CATTCAATC TCGGTTTGAG 100

配列番号: 1701

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01908

配列:

GATCTCTACT ACCACAAGGA AAATAGTTTA GGAGAAACCA GCTTTTACTG TTTTNAAAA 60
 ATTACAGCTT CACCCTGTCA AGTTAACAAG GAATGCCTGT 100

配列番号: 1702

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01909

配列:

GATCAGTGTG GAGGACCCGC CCCAGCGCAC GGCCGGCGTC AAGGTGGAGA CCACTGAGGA 60
 CCTGGTGGCC AAGCTGAAGG AGATTGGGCG GATTTGAGCC 100

配列番号: 1703

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01910

配列:

GATCTAACCT TTGANGCTTT AAAAAAGGAG AAAGAGGGTA GGGGTGGGAA ACTGGCATAC 60
 TGTGTGTATA GCACTGCCGA TTGGCTAGGC CACTGTGTCT 100

配列番号: 1704

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01911

配列:

GATCGCGAAT AAAAATCAAC AAATGTGAAA GCCCAGAAAA ATATATTCGT ATTTCTGGTT 60
 TTGCTGGATT TTTACATTTT TATATAATAA AAATGNTATT 100

【0402】

【配列表312】

配列番号: 1705
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01912
 配列:
 GATCTATTGC AGATATTTGA TGTAGTTTTT TCTTTTAAAT TAATCAGAAA CCCCACTTCC 60
 ATTGTATTGT CTGACACATG CTCTCAATAT ATAATAAATG 100

配列番号: 1706
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01913
 配列:
 GATCCGCCCG GCTCAGCAGA ATTCACGCTC CTGTATGCCT CAGCCCCCTCG ATATAACTCC 60
 ATCGGATTCT AGCAGCCTGG TATTCTAGCA AAAAAACCCA 100

配列番号: 1707
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01914
 配列:
 GATCAGACTG TCACTTTATA GTTTTCTAT ATAAAGATTA TATAGTTGCA AACAAAGGTT 60
 GTGAAATTTT CCTTTTGTG TTTTNACTT TTAATTAATA 100

配列番号: 1708
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01915
 配列:
 GATCGAAGCT ACCGTAATGT GTTCTTGAGG TCAACATGTT TTGTGGAAGT CACTGTATTT 60
 GCCCCTTTAT GTCAATTACC TATTATAAAC CGAGAGAAAT 100

配列番号: 1709
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01916
 配列:
 GATCCCTTGT AAACATGAAA TCATTCCATG GATGGCTGCC TTATAATTTT GTCTCTTTCC 60
 ACTTTAATTG TGAATGCTTA AAAAAATGCT GTTTTCTGAT 100

配列番号: 1710
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01917
 配列:
 GATCTGTACC TAGTACCCCT CCCATCTACT GATTTGTTTG TTTTGTAAAC CAAACACATT 60
 TTCAGATAGA AGGAGCCITA AAAAAAAAAA ANTCACATTG 100

【0403】

【配列表313】

配列番号： 1711

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01918

配列：

GATCCCCTAT TCCCTCCACA ATAACAGAAA CACTCCCAGG GACTCTGGGG AGAGGCTGAG 60
GACAAATACC TGCTGTCACT CCAGAGGACA TTTTTTTTAG 100

配列番号： 1712

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01919

配列：

GATCTACAAT NAAGCCCTCA AGGGCTGAAA ATAAATAGGG AAGATGGAGA CACCCTCTGG 60
GGGTCTCTC TGAGTCAAAT CCAGTGGTGG GTAATTGTAC 100

配列番号： 1713

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01920

配列：

GATCTGAGGA GGAAATGTGA CGCCGGACGC TTCNTGTNT TTGACCTTTT NAAAGGANGA 60
GGAAGTTCAC CGACANTACC CATCACCAC AAAAGTCTCA 100

配列番号： 1714

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01921

配列：

GATCTGGCGT NCTACTATGA GGCTTCTTTT GACCTCATTN NTGTGGTNGC CGGCGTAGCC 60
AGACCATCCT ATACTGTGAC TACTTCTACT NGTACATTAC 100

配列番号： 1715

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS01922

配列：

GATCATAGCT AACTGTATG TTTAGGTGGT GTGAAATGAT TTATAATCAC AGCTTGAAC 60
GTGTTTGCTT GGTACTGTCA TAGTGATTAC AAATTTTCATG 100

【0404】

【配列表314】

配列番号: 1716

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01923

配列:

GATCAAAAAG GACTGAACCC CCACTATCAT AATCCATACA TTCATTTCCA TGTGTTTGA 60
CTAGCAGTGC ATATATGAAT GAATATGGTA ATTAATCTTA 100

配列番号: 1717

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01924

配列:

GATCTTATGA AGGAAGATTT GTGACCCTAC GTATATATAT ACACACACAT ACATATATAT 60
ATATATCCCG AACCAACANC GGGACTTTGT TTATATTGCA 100

配列番号: 1718

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01925

配列:

GATCCCCITT CTCTATGTCG GGACACTCAT TAGCAAGAAC TTTNCTGCTC TACTNGAGGH 60
ACATGACATT TTTGTTCCAG AGGATGATGA TGATGATGAC 100

配列番号: 1719

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01926

配列:

GATCCGAGCA GTCCTCTGCC CGCCTCCCGT GAAGAAGAGG AAGAGAAAAT GCCTGCTGTT 60
GTAAATGTCT CAGCCCCTCG TTCTTGGTCC TGTCCCTTGG 100

配列番号: 1720

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01927

配列:

GATCCTGTGT AGAAGCTGTT CTCATTAAAC ACCAAACAGT TAAGTCCATT CTCTGGTACT 60
AGCTACAAAT TCGGTTTCAT ATTCTACTTA ACAATTTAAA 100

配列番号: 1721

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01928

配列:

GATCTGCCCC TCTCAGTGCC TTTTGAGGGG TTCCCATCAT CCCTCCCTGA TATTGTATTG 60
AAAATATTAT GCACACTGTT CATGCTTCTA CTAATCAATA 100

【0405】

【配列表315】

配列番号： 1722

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01929

配列：

GATCGGGNCA AGAGAGNCTG AGTACGGATG GGAAACTATT GTGCACAAGT CTTTCCAGAG 60
GAGTTTCTTA ATGAGATATT NGTATTTATT TCCAGACCAA 100

配列番号： 1723

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01930

配列：

GATCAGCCCA TCTCAGCTTG CTNTTTCAT CACAATGGAA ACATATTTNC ATAGGCTTCC 60
AGCTACGACT GGTCAAAGGG ACATNAATTT NATAATCCCC 100

配列番号： 1724

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01931

配列：

GATCCCATAT CTATTACCGT GTCCATAGGA ATAATAGGTA AGGGCTCTGT CTCTGTCAAG 60
CCATGTAACA AAGGACACTG TAAA 85

配列番号： 1725

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01932

配列：

GATCCAGCCC TGGTTCGGC TGTGGTCAGC AGATGCCAGT GAAGGGTTTT GTGTGTTTAG 60
GCCTCATTTT TTTGTCTTTT TCCTACTCCT GTTCCTGGCA 100

配列番号： 1726

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01933

配列：

GATCTTGTGC TGTGCTATCC GCAGGAACCG CGNGATGGTC TAGAGTCAGC TTACATCCCT 60
GAGCAGGAAA GTTTACCCAT GAAGATTGGT GGGATTTTTT 100

【0406】

【配列表316】

配列番号: 1727

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01934

配列:

GATCGAGCCA CTGCGCTCCG GCCTGGGTGA CAGGAGACTC CATCTCAAAA AATAAAATTA 60
AAAAAAAAC TACTACAATA AATTATCACC TTGGACTGTA 100

配列番号: 1728

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01935

配列:

GATCGCTCAG AAAATGGGAA CCCAGGGCAA ATTGTATGTG CTCCTTACTG GGTATTATTAT 60
AAGTGTACA TGTITTTTAT AATAAACAT AGGTGATTC 100

配列番号: 1729

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01936

配列:

GATCCTCCCA CCTCAGCCTC CTGAGTAGCT GGGACCATAG GCTCACAACA CCACACCTGG 60
CAAAATTTGAT TTTTTTTTTT TTTCCAGAGA NGGGGTNTG 100

配列番号: 1730

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01937

配列:

GATCTAGCAC TTTACAAAGT AAGTTTTTCT GTNACTTAGA GCTGAAAATA AAAGCAATGT 60
AGAGTTACGC TTTTATAAGT ATTTNAGTT TCANAAATNA 100

配列番号: 1731

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01938

配列:

GATCATTTAG TTCTATCTAT TTAGAAATAT GTAAACTGG ATTTTTTTTT AAGTAATATG 60
TGACCAAAGT TAATTTTGTC CCAAGGTCT AAATAAGAG 100

配列番号: 1732

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01939

配列:

GATCGCCACA GCCCTTCTTG GAAGAAAGGC GTCTGTGTT CAGGTTCCAC GCGAGTCACC 60
TCTTTCGTCT TAATGTTTAC CGTCCACAGC TTTGGAATAA 100

【0407】

【配列表317】

配列番号： 1733

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01940

配列：

GATCTTTGAC TGTATCATGC ATTGTACAAT TGATTTCATA TTTTATGAAA TGCCTTAATT 60
TTCCTACTAT AACATAAAGA CAATGATGAA TAAAGTTTAT 100

配列番号： 1734

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01941

配列：

GATCAGAAAC ATACATACCC TNCCTAGGGA TTTAGAAAGT GGGTTGGCAG TCTTTCCTCA 60
CGTCCATCAC GCANTTGGNA CCTACTNCAG TGTATTGTAA 100

配列番号： 1735

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01943

配列：

GATCCCAGAG GTCANGACCA AANCCAATCA GTGAAAATTC AACTNTAGCT GTGAAAACAT 60
TGGACTAACA GGAGCTATCC AACAATGGAC CAGAATGTTG 100

配列番号： 1736

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01944

配列：

GATCCCGCAG GTGGCACGTG ACAGCTAGGG TTCAAAACGT TCTCACCAAA TCCAATGCTC 60
CTCACATATT AATTTTATAA CCAGACAAAT AAATATTAGA 100

配列番号： 1737

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01945

配列：

GATCTCAAAA TTCCAGAATT CCCTGTACAT CTNTCCACGT GCTTGTGCTC CAGGTGTGAC 60
TTGTAAACTG TCTAGTGTTT GCNTTAAATA AAATGGCACC 100

【0408】

【配列表318】

配列番号: 1738
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01946
 配列:
 GATCCGTATC GGTTTAAGAA GCGGACGGAG CTGTTTCATTG CCGCCGAGGG CATTACACAG 60
 GGCCAGTTTG TGTATTGCGG CAAGAAGGCC CAGCTCAACA 100

配列番号: 1739
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01947
 配列:
 GATCTGTCAA TTTCTTTGTH CAGAATGATT TGAAGTATTG TATTCACTTT ACATGCATTA 60
 TTGGNTTATA ATNAATATCT AATGAAAATA CATGTTGTTA 100

配列番号: 1740
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01948
 配列:
 GATCAGCTGA TGGAGCTCCT GATTTGACAA AGGAGCTTNC CTCCTTTGAA TGACCTAGAG 60
 CACAGGGAGG AACTTGTCCA GTAGTTTGA ATTGTGTTCT 100

配列番号: 1741
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01949
 配列:
 GATCGCACCG CCCCTCGCAG AGAGTGTATC ANCTGTTTTA TTTTGTAAA AACAAAGTGC 60
 TAAATAATAT TNATNACTTG GTTGTGTTNC AAAANCGGAT 100

配列番号: 1742
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01950
 配列:
 GATCACTGTG GTNTTCATAT TTCTAAAATA AATGAATTAA AAANTTTAAN GNCTTAGATG 60
 CTTATCTCTA TCATAGCTCA GAATGCAACT NCAATACCCC 100

配列番号: 1743
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01951
 配列:
 GATCAACTGT ACGCCTTTGG TATCTGACCA TAAAGTCTTT TGCTCCGCTG ACATTTGGGT 60
 GATGTCTTCA CATGGAATA TAATAAAAT AAAAATCTAG 100

【0409】

【配列表319】

配列番号: 1744

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01952

配列:

GATCGAGGCT TCAGTGAGAT ATGGCTGAGA CACTGCTCTC AGCCTGGATG ACAGAGTGAG 60
 AACCTGTCTC AAACAAGAGA AAAAAATAAA TCAAANNCTA 100

配列番号: 1745

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01953

配列:

GATCTGAGGA GGCTTCGTGG GCTTTTGGGT CCTCTAACTA GGACTCCCTC ATTCTAGAA 60
 ATTTAACCTT AATGAAATCC CTAATAAAAC TCAGTGCTGT 100

配列番号: 1746

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01954

配列:

GATCCACCCA CCTNAGGCCT CCCAAAGTGC TGGGANNACA GNCGTGANAA CCACGGCTTC 60
 GCCAACAATG GATTTTTTAAA TTATTTCCAC GCTCACAAAA 100

配列番号: 1747

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01955

配列:

GATCNANCCT CAACACCTAG TGCAATTCTT TTTACACATT AGGNACTTAG TAATTNGGGT 60
 TGAATTGTGT TGAACCTAACC TGGCGGTATA GGCAAAANTT 100

配列番号: 1748

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01956

配列:

GATCTCCCAT TTCTAGGAAC CCCAGTCCTG CTTCTCCGCA ATGGCACATG CTTCCACTCC 60
 ATCCATACTG GCATCCTCAA ATAAACAGAT ATGTATACAT 100

【0410】

【配列表320】

配列番号：1749
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01957
 配列：
 GATCCAAGAG ATATATTTGG CAACITTTTC TAGAAAAGGC ACATTGGGTA TAATTCATTA 60
 CATTCTTGAG TTTTTTGGG TTTTTTTTTT TTTTTTNGNG 100

配列番号：1750
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01958
 配列：
 GATCCAGCTG GAAAGCTGAN AGTATTTTGA TAACTGAAT TGAGAAATAC TTCINCAAGT 60
 TATNATGCTT GAAAGTNTCT AATAAAGTTC ACGGTTTCAT 100

配列番号：1751
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01959
 配列：
 GATCTTAAGG TATCAGTATT TCAGAATCCT GCGACGATTT TATTTCTAAA TTCATGTACT 60
 GTATGTCCAT AAGTAAAAAT AAAATNTCAT ATTCTTTTCT 100

配列番号：1752
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01960
 配列：
 GATCCTTAGC TCTTTGCTCT ATGGCCCTTC CTCATCAGGG GACCGTTTCC CCCCTCTTCC 60
 TTCACAGTAT TTAAGAAATA AAAGTCGGAT TTTNCTGGCT 100

配列番号：1753
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01961
 配列：
 GATCGCCCCA TTGCACTNCA ANCTGGACAG CAAGAGCAAA ACTCCGTNTC AAAAAACAAA 60
 AACAAAAANCA AACAAAAAAN TTCCCTGAG AGAAAAACCTA 100

配列番号：1754
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01962
 配列：
 GATCACACAC TAAGAGAACG TTGATTGCCT CGGCTATTGT GCTGGCTGGA CACTTTGGTC 60
 ACTTTTGAAG CATGTTAATA AATGTCACCTG ATTAACAACA 100

【0411】

【配列表321】

配列番号： 1755

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01963

配列：

GATCCAAGTT TGAAAACAAT TTTAGGCTAC TAGATATGAA CAACATCTTG ATTATGTAGT 60
TGAAGGAAAT TAAAGATGAA TGGTTTAATT AAAAATTAAA 100

配列番号： 1756

配列の長さ：99

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01964

配列：

GATCAAATTA AATAATTCAA GCCCTGCCTT CAAAATGAAA TTTTTTTTTT AGTATTATTT 60
AGCAAAANCA ATAAAACCCA AATTTTTTTA ACCATCAAA 99

配列番号： 1757

配列の長さ：97

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01965

配列：

GATCACTTCA AGCAAGCCCC CATGATGGTT CTCAGTCCTG CTTCTCTGTG GGTACGTGCC 60
CCTCTGTTTA AAAATAAACT GAATATGGAT GTTTAAA 97

配列番号： 1758

配列の長さ：99

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01966

配列：

GATCAAAATG AAACCTGTTG ATGTGAATTC AGTTATTGAA CTTGTACTTT GTTTTTGCCA 60
GAAATGTTAT TAATAAATGT CAATGTGGGA GATAATAAA 99

配列番号： 1759

配列の長さ：95

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01967

配列：

GATCTGATGT TCCTTTTATT TATAACAATG TTAATGCAA TTGTCTTGTA CCTTGAGTTG 60
AGTATTACAC ATTAAAGTAA AGTACAAGCT GTAAA 95

【0412】

【配列表322】

配列番号: 1760
 配列の長さ: 94
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01968
 配列:
 GATCCAGAAG TAAATGTATC THCAAGCTGA TTTAAATTGT AGATTNNTC TTCATTGCAT 60
 ATTTNCTGAT GTTGAATAAA GTCTGAGTAT TAAA 94

配列番号: 1761
 配列の長さ: 89
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01969
 配列:
 GATCCAAAGT ATATTTTAC TGAGAATATA TCTGAAAAA TTTGAATTGA GATTAAATTT 60
 TTAAATGAAA TATATTTACT TTTTAAAA 89

配列番号: 1762
 配列の長さ: 89
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01970
 配列:
 GATCCTGGCC CCTCAACCTC CTGTGGAACC CAGCAGTTCT GTTATATCCC CTGCTACCT 60
 AGATGAATTA AGACGGTTAA ATACTGAAA 89

配列番号: 1763
 配列の長さ: 88
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01972
 配列:
 GATCTGTCIT GCTTATTGTT GCCCCTGCG CCTAGCACAA TTCTGACACA CAATTGGAAC 60
 TTACTAAAAA TTTTTTTTA CTGTTAAA 88

配列番号: 1764
 配列の長さ: 87
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01973
 配列:
 GATCATATGG TAGTTTGT TTACTAATCT AAGGGTACTA GCATCTACAA THATATAGAC 60
 AAAATAAAAT ATTCTTTAA TGGCAAA 87

配列番号: 1765
 配列の長さ: 85
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01974
 配列:
 GATCTGTTTT CTCTAAAAAT TTACCATATT GTCTGTATAT GGTGTAAAT NCAAAATGGAA 60
 AGTAAACGT TTTGGCCCTG ATAAA 85

【0413】

【配列表323】

配列番号: 1766

配列の長さ: 88

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01975

配列:

GATCCTGCTG GAAACCACGG CAACCTGTAT CCACTATTAG GAGGTAAAAA TCAATAAAAT 60
 GGCCCATTC A TTTGTGTTGT AGCTCAAA 88

配列番号: 1767

配列の長さ: 84

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01976

配列:

GATCTACAAC ATATAAAATT GTGTATTTTC NTTTGGTGT CCCTATTAAC AAAAAAGTAT 60
 TTNAATAAAA ANTGAAATG NAAA 84

配列番号: 1768

配列の長さ: 82

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01977

配列:

GATCCCACTG TAAAATTGGA AATGGGCAGT TCTGAATTTT CACGTTTGAA ATGTAAAATA 60
 TAAACTTCAG TCAATATCCA AA 82

配列番号: 1769

配列の長さ: 82

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01978

配列:

GATCTGGACG TTCACGTGCA CTCTCTTCCT GTACAGTATT TATTGTTTCCT GGCACTTTAT 60
 TTAAAGATAT TTGACCCTCA AA 82

配列番号: 1770

配列の長さ: 81

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS01979

配列:

GATCCTTACT CCTGCATTGT CCTTTGCCAG AGACCTATTT AAAANTTTNA AAATTNTCAT 60
 TAAAGTCAGC TTGGGTTTAA A 81

【0414】

【配列表324】

配列番号: 1771
 配列の長さ: 79
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01981
 配列:
 GATCTAAAGA GAAAAGGGAG AAGAGGGAAA AAGGAAACAA AGGAGAAGAA AGAGGGAAAG 60
 GAAAAAAAAAG AAAAAGAAA 79

配列番号: 1772
 配列の長さ: 79
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01982
 配列:
 GATCATGAAA GGTGATAAGC TCTTCTATGA TAGGGGAAGT AGCGTCTTGT AGACCTACTT 60
 GCGCTGTTGT ACTCTGAAA 79

配列番号: 1773
 配列の長さ: 80
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01983
 配列:
 GATCAAAATAT TTTGCCTTTN ACTNAAATCA GCCAGCCCAT NACCCCAAT AAAGGGCAGC 60
 TGCCTCTGCT CCTCTGAAA 80

配列番号: 1774
 配列の長さ: 79
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01984
 配列:
 GATCAAAATTT CTTAAAGCAA ACAACAAAAA TGTACATTTC TGTTTTTCCT TTTAATAAAC 60
 AGGTGTACTC TTTATCAAA 79

配列番号: 1775
 配列の長さ: 78
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01985
 配列:
 GATCTAGTGT CCTTTTGTGTA CACTAAACAG GTGAATGCTG ACTTTTTNHA TTCTCCANTA 60
 AATTTCACTG AACTGAAA 78

配列番号: 1776
 配列の長さ: 75
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01986
 配列:
 GATCTTTGTT TAGTTTCAAG TCTTTTTATA ACTAAATCTG CTGGCATTAG ACAATAAATA 60
 CATTTTCAAA ATAAA 75

【0415】

【配列表325】

配列番号： 1777

配列の長さ：75

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01987

配列：

GATCATATAT ACTTGCATAA TATCATCCCT TCCCTTGATT TCTTTCAATC TAAAAATAAA 60
TATGAGAAAA ACAAA 75

配列番号： 1778

配列の長さ：78

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01988

配列：

GATCGATATT AATGTATCCA ATGAAATAAT CGACTTGTNC TTGATAGCCT CATTAAAGCA 60
TTTGGTTTTN CACATAAA 78

配列番号： 1779

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01989

配列：

GATCTGAGCC CCCAAGATGG AGAATGGGGA GGAGCTTTTT ATGGCGGACT GATTAAAACT 60
CTTAAGCATT TAAA 74

配列番号： 1780

配列の長さ：72

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01990

配列：

GATCTGCTTG GCCTTGATAA GCTATGTTGT TGCACITTTAA ACATTTAAAT TATACAATCA 60
TCAACCCCA AA 72

配列番号： 1781

配列の長さ：69

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS01991

配列：

GATCCTCCCC TTCAAATGAC TGTAATTAAC AACACTTAAA AACTTGAAT AAAATATTGA 60
AACCTCAAA 69

【0416】

【配列表326】

配列番号: 1782
 配列の長さ: 68
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01992
 配列:
 GATCTATTCT GAAGCTGTTT ATTTTAAACA AATAAAATGT TACAGGTTTC ACATGATTTA 60
 TTCTCAAA 68

配列番号: 1783
 配列の長さ: 66
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01994
 配列:
 GATCCGTAAC TNCGGGATAA GGATTGGCTC TAAGGGCTGG AGAAGGAATG AATAAAAAAA 60
 AAGAAA 66

配列番号: 1784
 配列の長さ: 66
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01995
 配列:
 GATCCAGTT CTCTGNCAGA CCAAGGCGAG TTTCCCCACT AATAAAGTGC CCGGTGTCAG 60
 CAGAAA 66

配列番号: 1785
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01996
 配列:
 GATCCTTTTT AATACCACAG CATTTGTACT GTTCCTTTTT AATATACTGA AAATATAAAA 60
 GGA AAA 65

配列番号: 1786
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01997
 配列:
 GATCCGCTTA TTTCTGCCAG TATATTTTGG ACACTTTATA ATCATTAAAG CACTTTCTTG 60
 GCAAAA 65

配列番号: 1787
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS01998
 配列:
 GATCTTACAA TANTGTTCCA CTCTGCAAAAT TTTTAAGGTT CAAATAAAGT TTAATTGTTT 60
 GCAAAA 65

【0417】

【配列表 3 2 7】

配列番号： 1788
 配列の長さ：65
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS01999
 配列：
 GATCATTGCA CCATGTCAGA CTTTGTATA TNCCTTGAAA ATAAATGAAA GTNAGAATCN 60
 TCAAA 65

配列番号： 1789
 配列の長さ：62
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02000
 配列：
 GATCCTGTCC TGATTCTCAA AAATTATTTT CTCTGTATGA TTAAAAGTTT ATTCCATTTA 60
 AA 62

配列番号： 1790
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02001
 配列：
 GATCCCTTCA TTTGAATATT AATGGCTTTT TCCATTAAAG AATAAAATAT TTNGGACAAT 60
 GCCGATAAAT GTATGAAGTT AGTATCCACA TCATAAATTC 100

配列番号： 1791
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02002
 配列：
 GATCAAATTT ATAAGTTATT ATTTTAAATT TTCTAAATTA AATAAAAGAA AGAATGCAAA 60

配列番号： 1792
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02003
 配列：
 GATCAATAAA GAGTAATTTT TTGCTAAATA AATAAAAGAA ACCTTGTTGA AAAACTAAA 59

配列番号： 1793
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02005
 配列：
 GATCTGAATG ANGCACCCCA CCCCCACCCC AATAAAGAAA TAACAGAAAA CCCTCAAA 58

【0 4 1 8】

【配列表328】

配列番号： 1794
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02006
 配列：
 GATCTTATTT TTTTTTTHAA ACTTGCGCTT TTTGAATAA AAACCTTTTG TCTTAA 57

配列番号： 1795
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02007
 配列：
 GATCTCAGTT GTAAATAGAA AAATCTAATT CAATAAACTC TGTATCAGCC CCCAACAAA 59

配列番号： 1796
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02010
 配列：
 GATCCAAAAGT CATGNGTCCA CACATTCATA AATAAAAATT TTACCTATGA AA 52

配列番号： 1797
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02011
 配列：
 GATCCAGTGA AGCCAGAAGC CAAATAAACT CAAAAGCTGT CTCCCCACAA A 51

配列番号： 1798
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02012
 配列：
 GATCCTAATT TATGCCTATG CAAAAAATAA ATAACGCCCA AGAGCTGTGG GAAA 54

配列番号： 1799
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02013
 配列：
 GATCGCCTAG TATGTTCTGT GAACACAAAT AAAATTGATT TACTGTCTGC AAA 53

【0419】

【配列表329】

配列番号: 1800
配列の長さ: 58
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS02025
配列:
GATCCGTAGT AATAAATTCT CAGAGGACTC AGCCTTTCCT GCGGGTCTGG AGCTCAAA 58

配列番号: 1801
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS02039
配列:
GATCAGAGTC TCTTGGGCAT TTTATATTTT GCATTCTGAT GTACCTAGGA GTTTTGTAA 60
ACAGATGATG TATGTNAGTA TTTATCCCAT TTTATGCAAT 100

配列番号: 1802
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS02040
配列:
GATCCAAAAC TGGACCCTTG GAGCCGTCCA CTCACAGATG GATGACATGG ACATGGACTT 60
AGACAAGGAA AAAAHHNCAGG ACTTGAAGGA GCTCAAGGTG 100

配列番号: 1803
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS02041
配列:
GATCTGTAAT TTTAATTTTC ACCCTCTGTA CCCCATGACC TTATCCTTCC TCTCCTTCCT 60
TGTTACCCAT GAAAACTGG CAACATTCCA AGAATAGCAT 100

配列番号: 1804
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS02042
配列:
GATCTCTTAA GAGATGATGG ACTCATGTAT GTCACCCGAC TTCGCAACAC TGGGGTTGAG 60
GTGACTCATA ACCATGTTGA GGATGGATTG CATGGAGCAT 100

配列番号: 1805
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS02043
配列:
GATCAAAGCG CCACTGCCCT GCACTTCCTG GGCCGCGTGG CAACCCGCTG NGCACAGCAT 60
GAGGCCAGGG NCCCAGAACA CAGTGCCTGG CAAGGCCTCT 100

【0420】

【配列表330】

配列番号: 1806
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02044
 配列:
 GATCCAAAAC GCTTCGAGGC ACCCCAAATT ACCTGCCCAT TCGTCAGGAC ACCCAGGCAC 60
 CCAGTGTAT ATTCTGCCTC GCCGGAGTGG GTGTTCCCGG 100

配列番号: 1807
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02045
 配列:
 GATCTAAAAG GGTITTTCTTA GAAAGGGCAA TATTGTCCAA TGAAGTAAGC AGAAGGACTC 60
 TGGGTTAGAA GCATCTGCAC AAAAAGTGGT GAGACCTACT 100

配列番号: 1808
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02046
 配列:
 GATCAGCCTG CAGCCATCCC CCGACCCTGC TGCTAGGCCA CGGTCTGCGC CCTGGGGCCT 60
 CATCTCCCCC AGCCCACTTG TTTTCCCCC TTTTATTCCT 100

配列番号: 1809
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02047
 配列:
 GATCTGGTTG GTGGATGAAC AAGTGTACAG CTGGCCATCT CAATGGNGTT TATTACCAAG 60
 GTGGCACTTA CTCAAAAGCA TCTACTCCTA ATGGTTATGA 100

配列番号: 1810
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02048
 配列:
 GATCTGAATT ATCTGGCACC CTCCTGAATG GAACCCAGAG GTACCTCCTG TGTGGAAGGG 60
 TCCTGGATTT TCCCTAACAC CCACCCTCTC CCCCTTCAGC 100

配列番号: 1811
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02049
 配列:
 GATCCGNGCG AGGGCAACAG CCGHTCACCT ACAGCCCACT GTCGATGGCT GCACGAGTCA 60
 CACCGGAGCC TGGGGCAAGA CAGTGATTGA ATACAAAACC 100

【0421】

【配列表331】

配列番号: 1812

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02050

配列:

GATCCCAAGG GAAAGATGAT TTGTATGTTA AAGTGACTGC ACAAGTAAAA GTCCAATGTT 60
GTGTGCATGA AAAGGATTCC TTGGTTATGT GCAGGGAATC 100

配列番号: 1813

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02051

配列:

GATCAAAACC AAAGTGTTC AATGTGACAGT CTGAAAATTA TATACTCTAC TTCATTGATG 60
TTACACTTTT TTCTACTCCT TACCTGCTTT TACTAATGCA 100

配列番号: 1814

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02052

配列:

GATCCGGCTG CAAAATTCAT ACCAACCAAC AAATAAAGGA AGATACAAAG TCTTATAGAC 60
ATCCGGAAAA AAGATTTTGA CCTGTGCTGG TCTATGATGT 100

配列番号: 1815

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02053

配列:

GATCAAGAGC AGTGCTTCTC CATTTGTTTT GCAGAGAAAT GTTTTTCATT TCCCGTGTGT 60
TTCCATTTC TTCTGAAAT CTGATTTTAT CCATTTTTTT 100

配列番号: 1816

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02054

配列:

GATCCTATTT GGTATGTTTT TGTCCACTGT TATGATTCAT CATGTATCTT ACAAGAGCCA 60
CTCAAGCAAG ACTCTGCTTC TATGTATGGT GAGGCCTTGT 100

【0422】

【配列表332】

配列番号: 1817
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02055
 配列:
 GATCCAATTG ATGTATATGT TTATATACTG GGTCTTGTT TTATATACCT GGCTTTTACT 60
 TTATTAATAT GAGTTACTGA AGGTGATGGA GGTATTTGAA 100

配列番号: 1818
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02056
 配列:
 GATCTTTTCC ACCAGCACCC AGAGTGTCTT CTTTCTGGGC AAGGTCGTCG ACCCCACGAA 60
 ACCATAGCCC TCCCAGGGCT GCTCATCTGT TCCAAGCAGG 100

配列番号: 1819
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02057
 配列:
 GATCCTAGGG GGTTTTGTTT GGTTTTNAAT TGTGAGGAAT AAAAAATNTT CTGCCCACAC 60
 TGGCATTTTA AGGTGACTGA GGTCAAACGT TGTTCCTTA 100

配列番号: 1820
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02058
 配列:
 GATCNGTTCA GCCCTGAAAA GTCCAAACTC CCAGGTATTG TTGCAGAAGG NCGAGATGAC 60
 CTCTATAAAT CAGATGCATT CCATAAGGCA TTTNTTGAGG 100

配列番号: 1821
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02059
 配列:
 GATCGTTTCT NATCTCNAAG TNCCTCATTG AGNTCGGTGC ATCTGGCCAN TGAGTCTGCT 60
 CAGACTCTTG ACAGCACCTC CAGCTCTGCT GCTTCAACA 100

配列番号: 1822
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02060
 配列:
 GATCTATACT AGATAATCCT AGATGAAATG TTAGAGATGC TATATGATAC AACTGTG6CC 60
 ATGACTGAGG AAAGGAGCTC ACGCCAGAG ACTGGGCTGC 100

【0423】

【配列表333】

配列番号：1823

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02062

配列：

GATCCAGTAG TAGAGACATC ATCGGTCCAA AAGACTTTGC ATCTCATTAG TTGTCCATAG 60
TGACTACCAG GAGGTGGCTG GCATCTATAA CGTGTGGGAC 100

配列番号：1824

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02063

配列：

GATCCATAGA ATGGATACTG GGAGACAATT AGTAGACTTT GCTACAGGTA GCCAATAGCC 60
CAGCCTGCAG AGTCACGTCA GATATGAAAT CCCAAAGTTC 100

配列番号：1825

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02064

配列：

GATCTGGATG TGGATGATGC GCCTGGAAAC AGTCAGCAGG CAACTCCGAA GACAACGAGA 60
TAAGCACCTT TCACAACCTC GGGAACGTTT ATTCCCCGCT 100

配列番号：1826

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02065

配列：

GATCCATGTG TAATATCACA AGAAATTATG GAAAAATATA ACATAAAATT AAAGTGGACA 60
AACCAACAAA AGCTTTATTG AAGAACAGGT GACATAGTTG 100

配列番号：1827

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02066

配列：

GATCTTGATG CGGGACTTCA GTCCTAGTGG CATTTTCGGA GCGTTTCAAA GAGGTTACTA 60
CCGNNACTAC AACAAGTACA TCAATGTGAA GAAGGGGAGC 100

【0424】

【配列表334】

配列番号: 1828
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02067
 配列:
 GATCCAAACA TGAAAGCTGG AGCTACAAGT GAAGGCGTTC TGGCAAATTT CTTCAACAGT 60
 TTGTTGAGTA AAAAGACTGG CTCTCCAGGA GGCCCTGGTG 100

配列番号: 1829
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02068
 配列:
 GATCGGGGCT GCTTATGCCT TTCGTTTATC CTGGGGTTT GAGAGCGCTG TATTTGGGAG 60
 AGAGTTTAAA AATACATTAG GAGAGAGAAA CCATTAAGAAG 100

配列番号: 1830
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02069
 配列:
 GATCAGAGAA GAGGCTACTG GGGGAGAATT CAGTGCCCCC TTCGCCCTCT AGGGNGCAGA 60
 CCTCCACTGC CATTGTCTG TNAGCCGCCA AANACCCAC 100

配列番号: 1831
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02070
 配列:
 GATCCAAAAG CCAGTCTCAG GAGTTTACCC CTGGGATGGG GGATGCATCT NCACCTGACT 60
 TTGGGGCCAC GTGCCCTGTG GCACCCAGC TCCTGGGAG 100

配列番号: 1832
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02071
 配列:
 GATCATCAGA TGGTCGAGTA CTCTTGAAT GTCTCTTTC TGTTTACTGT GGCTCTTTA 60
 CAATGGTGAG ACTTATTTCT ACCCTCTACT TTCCACTATT 100

配列番号: 1833
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02072
 配列:
 GATCGCTTTT TTGCCGCTCA TATTTGAATG CATTGGGTTT CCTGGACCAG CTATTTGCAC 60
 AAGACTAGGG GGAGGTTGAG GGTGGCATA GCAGGCAGG 100

【0425】

【配列表335】

配列番号：1834

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02073

配列：

GATCGAAAAG GGACCCTGCT TCCAATTTCC CTCTTCCATT CCTCGAGCTA CTCCAGGGCT 60
TAGAAGAATG CTCTTGGTCT GTGGGTCCAG TGTGTCTGT 100

配列番号：1835

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02074

配列：

GATCAAGGCG CGGACGCTAT CTACGACCAC ATCAACGAGG GGAAGCTGTG GAAACACATC 60
AAGCACAAGT ATGAGAACAA GTAGTTCCTT GGAGGCCCCC 100

配列番号：1836

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02075

配列：

GATCTAGTGT TTGGAACGGA CGTTACCTGC TGGTTTGTGC AÇAACAGTGG AAAAGGATTC 60
ATTGACGGGC ATTACAAGGA TTACTTCGTG CCTNAGCTCT 100

配列番号：1837

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02076

配列：

GATCATGAAT AACTGATTAG TAAGTCTTGC CTATATTTTC CTGATAGCAT ATGACAAATG 60
TTTCTAAGGT AACAAAGATGA GAACAGATAA AGATTGTGTG 100

配列番号：1838

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02077

配列：

GATCAGTGAA CTCTGGTTTT AAGATAATCT GAAACAAGGT CCTTGGGAGT AATAAAATTG 60
GTCACATTCT GTAAAGCACA TTCTGTTTAG GAATCAACTT 100

【0426】

【配列表336】

配列番号: 1839

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02078

配列:

GATCCCTTAT CCAACATCGT TCTAACCTTC AGTACTAAAG AAGATGCAGT TTCCTTTGCA 60
GAAAAAATG GATGGAGCTA TGNCATTGAA GAGAGGAAGC 100

配列番号: 1840

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02079

配列:

GATCANNATT TGAAGAAGGT TTCTAGAAAT TNGGGGTAAG AAGTACTACC AAAATGTAAC 60
TNTAATCAA GGGTGATGCA CAGCAAAAGC AATGGACCCC 100

配列番号: 1841

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02080

配列:

GATCTGGGCC TGAATAAGGG TTATCGAATG GTGGTGAATG AAGGTCAGA TGGTGGACAG 60
TCTGTCTATC ACGTTCATCT CCATGTTCTN GGAGGTCGGC 100

配列番号: 1842

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02081

配列:

GATCCAGCCT TAATNTTTTT CTGACATCCT AGTAATAGCA GACCCTGCAC AAAGTGCATA 60
TCAGACTTAA TACTGTNAGG AGACAAAATA ATGAGAATAG 100

配列番号: 1843

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02082

配列:

GATCTGAGA ACTTCAGGCT CCTGGGCAAC GTGCTGGTCT GTGTGCTGGC CKNNCACITT 60
GGCAAAGAAT TCACCCACAC AGTGCAGGCT GCCTATNAGA 100

配列番号: 1844

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02084

配列:

GATCTCATGG GCTTTCCTG GAGGAAAGGT TTTTTTGTG GTTTTTTTTT NAAGAAGTTG 60
AAACTTGTA AACAAGAGATG TCTGTAGCTT TTTTNCCTAT 100

【0427】

【配列表337】

配列番号: 1845

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02085

配列:

GATCTTAAGC TTGATAAGA GCTGTGCTGT GGCTGAGTAT GGTGTGTATG TGAAGGTGAC 60
 TTCCATCCAG GACTGGGTTC AGAAGACCAT AGCTGAGAAC 100

配列番号: 1846

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02086

配列:

GATCCATAGT GCTACCTGCA CCTCTGGATT CTGGATTCAC AGACCAAGTC CAAGCCCGTT 60
 CTTACGTCGC CATAAAGGCC CCCGAACGGC ATTCTCGGTA 100

配列番号: 1847

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02087

配列:

GATCCGAAGA GGAACCTCCTG GTCATCTTTA ACAAGAAAAT CAGCAAGAAC CCTACCTTTA 60
 AGTTATTTAA GGACAAAGTC AAGCTTGTGA AATGAACATT 100

配列番号: 1848

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02088

配列:

GATCTCATTC TTTATTAACC TGTATTCTGT TTACATGTCT TTAAAACAGT GGTTCCTTAA 60
 TTGTAAGCTC AGGTTCAAAG TGTGGTAAT GCCTGATTCA 100

配列番号: 1849

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02089

配列:

GATCTATCTA AATATATTAA GTAAAATTAC ACCATTCACT TGTTGGGAAA ATAATCTTTG 60
 GTTTGAAGA TATTAACATA ATGGGCATCT TAGAATCATA 100

【0428】

【配列表338】

配列番号: 1850
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02090
 配列:
 GATCATAAAA CCTTCATTCC ATAGGTACCC TTTATCCTCA CAGATACAGA GACACCAAGA 60
 AGAATCTGGA CAAATAGGAC TTGCTAAGTT CTCCACAGTT 100

配列番号: 1851
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02091
 配列:
 GATCAGGTTA GGGCGAGCGC TACCTCTCCA GCCTCAGCTC TCAGTTGCAG CCCTGCTHAT 60
 GCCTGCTTGG ACTTGGCCCC TGCCACCTCC NGCCTCAGGT 100

配列番号: 1852
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02092
 配列:
 GATCAGAAAG AAACCTTTTG TAGCAATATC AAGAATCTAG TTTTCATCTGA GAACCTCTGA 60
 TTAGCTCTCA GTCTTCAGCT CTATTTATCT TAGGAGTTTA 100

配列番号: 1853
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02093
 配列:
 GATCAAAATTT CACACAGCAG TTTCTTGCA AACTTTTCAG CTCCCCATGC TCCAGAATAC 60
 CCACCCAAGA AAATAATAGG CTTTAAACA ATATCGGCTC 100

配列番号: 1854
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02094
 配列:
 GATCTGTGTG CATGTNTGTG TTTGTGTATA TATACATATC TAGGGCTAGT ACTTAGTTTC 60
 ACACCCGGGA GCTGGGAGAA AAAACCTGTA CAGTTGTCTT 100

配列番号: 1855
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02095
 配列:
 GATCTAGTGA ACATTCGACC TCCATTACGG AGAGTTTCCT ATGTTTCACT GTGCAATAT 60
 ATCTGCTATT CTCCATACTC TGTAACAGTT GCATTGACTG 100

【0429】

【配列表339】

配列番号：1856

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02096

配列：

GATCTAAGCA GCGTTCCCAC AGCCCCCTCT AGATTCTTGG AGTTCCGCAG AGCTTACTAT 60
ACGCGGTCTG TCCTAATCTT TGTGGTGTTC GCTATCTCTT 100

配列番号：1857

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02097

配列：

GATCCATCCT CTCTCCTAGC TGAGTAAATC CGGGTCTCTA GGATGCCAGA GCAGCGCACA 60
CAAGCTGGGA AATCCTCAGG GCTCCTACCA GCAGGACTGC 100

配列番号：1858

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02098

配列：

GATCCAAAAT GCTGACAGGT TCAAACAAAA TTGGAATTGA AAATCAGAGT GCGTTCAAGA 60
GTATCAAACA ATACTATCTT GTTACTTGCT TATTACCTTA 100

配列番号：1859

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02099

配列：

GATCTACCAT GTAAAATGTT GTAGAGATAG AGCCATATAA CGTCACGTTT CAAAACCTAGC 60
TCTACAGTTT TGCTTCTCCT ATTAGCCATA TGATAATTGG 100

配列番号：1860

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02100

配列：

GATCTACCGG CCCCCTGCGG GTGCCCTTGG GGACTACCTC TCCTTCACCA TACCCCTGGG 60
CACCCCTGA CAACTTCTGC ACATACTGGG GCCCTGCTTA 100

【0430】

【配列表340】

配列番号：1861
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02101
 配列：
 GATCTATGGT TTCTGCCTAC CCAGGATAGT CTTGTCTCTA GACAATGTAT TGATGATGCA 60
 AATGTTCTGG AACTAAATAG TGGTGATGGT GGCACAACAC 100

配列番号：1862
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02102
 配列：
 GATCTTTTGA CCAGTTTCTA GCAAAGTTGT GTTTGAAAGA TACTCTATTA AAGAAGACTG 60
 TGGAATCTTT TTATCGGTGC CCATTATATC CTTAAGTTTG 100

配列番号：1863
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02103
 配列：
 GATCTCCTGT TTTTTCAGG CTCCTAAAGT AACATCAGCC ATNTTINAGA TTGGTTCTGT 60
 TTTTCGTACCT TCCCACTGGC CTCAGTGAG CCAAGAAACA 100

配列番号：1864
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02104
 配列：
 GATCAAGGCC GGACCCCACT GCCCCACTGC CCAACTGATA GCCACGCTGA NNGAATGGAA 60
 GGAAAAATTTG CTTGACCTG CAAGCCCCGC TGTACAAGAA 100

配列番号：1865
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02105
 配列：
 GATCCTAGTA ATTGCCTAGA AATATCTTTC TCTTACCTGT TATTTATCAA TTTTCCCAG 60
 TATTTTATA CGGAAAAAAT TGTATTGAAA ACACTTAGTA 100

配列番号：1866
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02106
 配列：
 GATCTATACA AAGTCTTTGA GAGGTGTAA ATATGGTTAT TTATGCACTG TCGGATGTGT 60
 TCTTCTTTCT CTGTATTCCG ATACAAAGTG TTGTATCAA 100

【0431】

【配列表341】

配列番号: 1867

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02107

配列:

GATCAAGAAA GACAAAAAGC CAGCCTGCAG CAAGCACTTT GGAGAGCAAA TCTGNAAAGA 60
 GAGTAACGCG GAGTGTCAAG AGGTGTGCAG AAAATCCAAA 100

配列番号: 1868

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02108

配列:

GATCTGTCCG AACCAAGACA CAAAAGCAGC AAGAAGCGGG GAGAGAGAGG GATAGAAAAC 60
 AAGCGCAGGA GAGCCTGCGA ACGCAAAANT GAATGAGGGC 100

配列番号: 1869

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02110

配列:

GATCTGAAGA AATTACCAAA CATTAAAATG AGANAAATTT GCGCTAATGA TGCAATTCCC 60
 AAGACGTGCA AGAGGAAAAC TATTATAACT GTAGACCAAG 100

配列番号: 1870

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02111

配列:

GATCCATTTT TTTAAAATAC TGACATATAG AGTTGTACCT TATATAGAAT ATAGTTGTAT 60
 CTTGAAGTCA ACATATTAAA TTATTCTCAA AATTATGTAT 100

配列番号: 1871

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02112

配列:

GATCCTTTTC TTGAAAGAAT AACAGAAAAT GTGTCATCCA TTTTTCAGAA TATAACCACT 60
 CAAGCTACTG GCACATAGTG AAAGATTACT TCTGACATTC 100

【0432】

【配列表342】

配列番号: 1872
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02113
 配列:
 GATCTATCTC ATCAAACAAC ACAATGAAGA TATTTTAGAG TACAAAAGAA GAAATGGGCT 60
 GGAATAAACT TTTGAAACAC TAATGTAGTA TGCTCCGTAT 100

配列番号: 1873
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02115
 配列:
 GATCCGGCTG CAGAGCGTTA GAAGCGAGGG CACCAGCAGT TGTGGGTGGG GAGCAAGGGA 60
 AGAGAGAAAC TCTTCAGCGA ATCCTTCTAG TACTAGTTGA 100

配列番号: 1874
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02116
 配列:
 GATCTGGAGC AACAGCTAGG AAATATCATT AATTCTGCIC TTCAGAGATG TAAAAATAA 60
 ATTACACGTG GGAGCTTTCC AAAGAAATGG AAATTGATGG 100

配列番号: 1875
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02117
 配列:
 GATCTATACT TAGAATGCAA TGTNGACAGA GGGCAGTTAA AATATCCAAG ATGTATTCCA 60
 AGACAAAGCA AACAAACAAC TGGAAGTGGT AATCAATTCA 100

配列番号: 1876
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02118
 配列:
 GATCATGAAG GTATCCACAC TTCCCTTTCG ATTTCTTCT TAACTCTCTG TTACACGTCA 60
 TTGAACTAC ACTTTTTTGG TCTGTTTTG TGCTAGACTG 100

配列番号: 1877
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02119
 配列:
 GATCACATTT TGAAATGCCT AAAAGACTTT ATTGTTCTAA TTATCCAGAT GTACCTTTGT 60
 AAAATAGCTC TTTTATGAAT TAGCTGATAA GGCTGTATGT 100

【0433】

【配列表343】

配列番号： 1878

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02120

配列：

GATCAGGCC TTCTTCCAC AGCAATAGTC CCCAATACGT AGATTTTTC TCTTCTGTAT 60
GTGACAACAT TTTTGTACAT TATGTTATTG GAATTNCTT 100

配列番号： 1879

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02121

配列：

GATCTNTNTG TTCATTGTAT TCTTTTTNTC TCAAGAGTTC CATTTAATGG AAATAAAACG 60
GTATAATTAA TAATTGTCTA GGGGGGAAAA ATGAAGCAAA 100

配列番号： 1880

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02122

配列：

GATCCAATAC TATTTAGTTT ATTATTGAAA TTGGAAGGAT TCATTGAGCA GCATAGAAGT 60
TTGTTTACAT GTTACTTTGA CATGCTAGGT ATTTGTGGAA 100

配列番号： 1881

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02123

配列：

GATCGAACAG TTTTGAAGCT ACTGTGTGTG TGAATGAACA CTCTTGCTTT ATTCCAGAAT 60
GCTGTACATC TATTTTGGAT TGTATATTGT GTTTGTGTAT 100

配列番号： 1882

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02124

配列：

GATCCTATTT ATTTGTTTAG GCCATCTTTA ATTTCTTTCA GCAGTGTTTT GTAGTTTCCA 60
TTAGAGATTT TCCATGTCNT TTGTTAAGTT TATTCCTAGG 100

【0434】

【配列表344】

配列番号: 1883
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02126
 配列:
 GATCCAAGTN CTGACTTTTC CCCCTGACAG CTGTGTGACC TTCGTGAAGT CGCCAAACCT 60
 CAAATGAGCC CCAGTCATTG CTAGTAAGAC CTGCCTTTGA 100

配列番号: 1884
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02127
 配列:
 GATCTTAAAT TTTCTCATCT CAAAAAATA TGTAAGTGA TAGATATGTT AAATAGCTNN 60
 TATGTAATTC GCAATGTGTA GTGTATATAT ATAAACATCA 100

配列番号: 1885
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02128
 配列:
 GATCAGGTTA GCAATGATG TAAAAGAAGC TTTATTGTCT AGTTGTTTT TTTCCCCAA 60
 GACAAAGGCA AGTTTCCCTA AGTTTGAGTT CATAGTTATT 100

配列番号: 1886
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02129
 配列:
 GATCCGGGAG CACACCGTTT CCTGATTGCT CAGGGACTCA TCTTCCCTC CTGGTGATT 60
 CCGCAGTGAG AGAGTGGCTG GGGCATGCAA GGCAAGATTG 100

配列番号: 1887
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02130
 配列:
 GATCATTCTC CGAAAGCAAC TCCTGACAAT TAAGCATTTT TTTCTCCAAA TACAAAGTAT 60
 ATTCTCTTTA TTGGAAAATA AATTAATAAA TATATTCTGT 100

配列番号: 1888
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02131
 配列:
 GATCAATCCT TCTTATGTTT GCTTTAATGT GTATTGAAGA AAAGCACTTT TTAAAAAGTA 60
 CTCTTTAAGA GTGAAATAAT TAAAAACCAC TGAACATTG 100

【0435】

【配列表345】

配列番号: 1889

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02132

配列:

GATCTGATTG TTTAAAAGTA CACAGCACCT CCCTCCCCAC TCTCTCTTGC TCCTGCTTTC 60
 ATCAAGTGAA AACTCCCTGA GGCCTCCTCA GAAGCTGAGT 100

配列番号: 1890

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02133

配列:

GATCAGAAAA ATTCACTTTT TTTAACCCCTG CCCTAATTTT TCTTGAGGAA TTAAATAGAG 60
 CAAACTATTT TCAGGTTATG CTTACAATAA AATATACTTA 100

配列番号: 1891

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02134

配列:

GATCAGCCTC CCTGTAAGCC AGTTATCAGT ATCCAAGTGC TTTAACACAG GCTTCTCAGA 60
 AGAAATCATT TTTATTCCTA CCATTATTTT ATACCAAAGC 100

配列番号: 1892

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02135

配列:

GATCTTACTG TAAGTTGAAG GGAGTTTTGC CCTAACTCAT GGATTGTGCA AGAATGAACT 60
 GCTGTTGGGT TTGACTGACT GTCGATGGAT TGTGGTGTGG 100

配列番号: 1893

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02136

配列:

GATCCTTGAT GAGCCAACAT TGCACTGTGG ATACATATCT ATGTTTACGC GCTATTAGAA 60
 CAGAAGGCGC TGTATATAGA AATGTTGCTT TGAAGCAATA 100

【0436】

【配列表346】

配列番号: 1894
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02137
 配列:
 GATCTGACCT CCACGGAGCC GCTGTCCCCG CCCCCCTGCT CCGTCTGTC TGTCTGTCT 60
 GATTCTCTTA GGTGTCATGT TCTTTTTTCT GTCTTGTCTT 100

配列番号: 1895
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02138
 配列:
 GATCACCATG GCTTCACAAG CCAGCTGTTG GGTTCCTAT GTCACTGTGG CTCAGTCACA 60
 TCCCTGCGTG TATACTGTCT GCGGGGCACA TATGTATCCA 100

配列番号: 1896
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02139
 配列:
 GATCTAGCAG CATGCAACA CATCACCTAA ACTACAAAAG AAAGGTCTC ACTGTCTCTA 60
 AAAAATAAAC TCATTAACCT TGAGTTATTT GCAGACAGCC 100

配列番号: 1897
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02140
 配列:
 GATCATGGAG GAAAAAGGTA CTGGATAAAA GTAACTTCA AACCTTAGGG CGGGANACTA 60
 AAACCAAAAT ACATGTATTA TTTATAGAAA ATATTTTCTG 100

配列番号: 1898
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02141
 配列:
 GATCTCTGAT GACCTAACCT AAGCAAAACC ACTGAGCTTC TGGGAAGACA ACTAGGATAC 60
 TTCTACTTTT TTCTAGCTAC AATATCTTCA TACAATGACA 100

配列番号: 1899
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02142
 配列:
 GATCTATATT CTTCTTAATT TTTATGGCTA TATTTAATGT TTTCCATCAT TGTGCCTTTA 60
 AAAAGTATAT GTACATGTAT GCATAAATTT ATGTGAAGTT 100

【0437】

【配列表347】

配列番号：1900

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02143

配列：

GATCAAAAAT ATGTGACCTT AATGAGATTT TTATGATTTT TAAAGTAACA ATAAAAGCAG 60
TTTTTAGAGT TGAGTTCCAG AGAGGGCAGG GCAATGGCAG 100

配列番号：1901

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02144

配列：

GATCCGCGGG GACCCTGCCG AGGGGGCTGT CATGCGGTTT CCAAGGTGCA CATTTNCCAC 60
GGAAACAGAA CTCGATGCAC TGANCTGCTC CGCCAGGANA 100

配列番号：1902

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02145

配列：

GATCCCCGTT CTNCAAGCTT CTNIGCTCAG TGTCTACTAA CGACCGACAT TTGCTAATGT 60
AAATAATAGT AAATTATTGA GAATTCTAAT TCTTTTACAC 100

配列番号：1903

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02146

配列：

GATCTGGGAG TAAACTTAAC ATTCAGTGTG TCTCTGCTCT GCATCCGCCA TTTGTGTGTG 60
TTTCTGGACT GTGGGCTGTG TGTACCTTGG TTGGTGACTC 100

配列番号：1904

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02147

配列：

GATCTAAATG TCTAGTTTGT TATTCCTTTG TGTGTGTTCA CTGTTTCTCA GTATTACCAC 60
TTGAATAATT CTCTGTACAG GGGGGTTTGT GCTATACACT 100

【0438】

【配列表348】

配列番号：1905
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02148
 配列：
 GATCTTGGAA ATGCTTGAAG ACCACAAGGC TGAAGAGTGC TTGCTGGAG TCCTGTTCTC 60
 AGAGCTCCAC AGAAGACACG TGT TTTTGT TCTTTAAGA 100

配列番号：1906
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02149
 配列：
 GATCCAGATA AACTTTCCTG TCATGTGTTA GAACTTTATT ATTATTAATA TTGTTAACT 60
 TCTGTGCTGT TCCTGTGAAT CTCCAAATTT TGTACCTTGT 100

配列番号：1907
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02150
 配列：
 GATCAAAGTG TGGGATGNGC TGCAAGACGT AGAACCTACC TGCCCTGCCC CCGTCCCCNC 60
 CCTTCCTTAT TTATTCCTGC TGCCCCAGAA CATAGGTCTT 100

配列番号：1908
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02151
 配列：
 GATCTAAGTT GCATCTTAA TCCTGGTGGT CTTGCCCTCT GATTTTAAAT TTGTATCCTT 60
 TTCTATTAAG ATATATTGT CATTTTCTCT TGAATATGA 100

配列番号：1909
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02152
 配列：
 GATCGAGGAG ATGCCCTCTG AACGCCCTGTC CCGGAGCACC CGCCAGCGGG CAGCCTGTGC 60
 CCAGCTCAAC GACTTCCTCC AGGAGTATGG CACTCAGGGG 100

配列番号：1910
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02153
 配列：
 GATCTTCTG CTACCCTCTT GGATTCTAAG TGGTTCCAAG CTTAACTTGA GACCTTCCTT 60
 TCAAATCTAA AATTGGCAAA AAGTCACTTA AAATAGTGA 100

【0439】

【配列表349】

配列番号: 1911

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02154

配列:

GATCTACAGG TTNCAATTCA ACCTGTTTCT AGGTTTTTTT GTAAATTTAG TTTTGATTAA 60
GCATTATAAG CATTTGAGTC TATAAACTTT ATAGTAGCAT 100

配列番号: 1912

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02155

配列:

GATCCATGAG TTTGCCCTGG TTTCAGTGGC CCAAGTGGTT TNGGCTAACC ACGTCTGNCT 60
TCACAGCTCT GTGTTGCCAT GTGTGCTGAA CAAAAATAA 100

配列番号: 1913

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02156

配列:

GATCCAAGAC AGAATAATGA ATGGACTCAA ACTGCCTTGG CTTCAGGGGA GTCCCGTCAG 60
GNCGTTGAGG ACTTTTCGAC CAATTCAACC CTTTGCCCCA 100

配列番号: 1914

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02157

配列:

GATCCACAGG GGTGGTGTCA AATGCTATTG AAATTGTGTT GAATTGTATG CTTTTTCACT 60
TTTGATAAAT AAACATGTAA AAATGTTTCA AAAAAATAAT 100

配列番号: 1915

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02158

配列:

GATCTACAGA TGAATATTTA ACTCAATAGA AAAATTATTT TAGAACACAT TGTATTGGTA 60
TTACAACCAG ATTATATTCT TGACGTTGAC TTCATTAAAA 100

【0440】

【配列表350】

配列番号：1916
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02159
 配列：
 GATCTCATGG ATACAAACAG GTGACCTTGC CAATTGGTGC TTTTGTGTG TTTAAGAAAA 60
 GAACAGTAGT AACCTTGCTC CCTGGTACC AATAAAAAAT 100

配列番号：1917
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02160
 配列：
 GATCTGACCC CTGTCAGATG NAAATGATTC ACAGCTCTGG CAGTCCCAA GTCTGGGGAG 60
 GGGTATAGGT TTGAAAGGCT GTTGAAAGA GGAATGTTA 100

配列番号：1918
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02161
 配列：
 GATCCAGCT GGCCCTATG TNGTNTCTG GACTGAGGCC TTTNCTGTGA ACTGCAGTGT 60
 TTCATACGAA CCATCTTTC TAGTGCATGA GAAATAAAGA 100

配列番号：1919
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02162
 配列：
 GATCTCACTT TTCAGGAAAC TTAAATTTA CCCATTATG GGAAGCTTAA ATGAATTGAA 60
 GCTATGCAAG TCTTTATAT TATTAAATAT TTAAAGTAA 100

配列番号：1920
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02163
 配列：
 GATCGATATG CTCATAAAG TGCTCAATTA TATTNCTGT ATTTGTATG NTGIATTTTC 60
 CAAGACGTAT ATTATTTAC TATTAAAGAA AAAAATCATT 100

配列番号：1921
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02164
 配列：
 GATCCGGGAT GGGAGACCCC ACTTAGAAA GGGTCGTAC TCCNTTAATC CTCTACTCAA 60
 CAATGTACTC TTTTACTTTT ATATTAAGAA AATAAAAAA 100

【0441】

【配列表 351】

配列番号： 1922

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS02165

配列：

GATCCACTTC TACTTAATGA GTAGTAAATA TATTTCTTTT TCCTTATGAT TTTCTTACTA 60
 TTTNCTTTAG CTGCTTTAT TATAAGANTA TAGCATATAA 100

配列番号： 1923

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS02166

配列：

GATCCAGAAA TTGTGAACAA TGTTTGATTT AGTAGCGTGA CTTGCCTTTC CCTTTAAAAA 60
 CATCTTTTAC AAATCTGTCT TGGAATAAAG TCTATTTTCT 100

配列番号： 1924

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS02167

配列：

GATCCTAATT GCCTAGAAAT ATCTTTCTCT TACCTGTTAT TTATCAATTT TNCCCAGTAT 60
 TTTTATACGG AAAAAATTGT ATTGAAAACA CTTAGTATGC 100

配列番号： 1925

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS02168

配列：

GATCAACCGT GAAGCGTAAC AAATTCGTGA TTTAGTTTTT TTTTCTGTTG TGGTGGTTTT 60
 TGTGTTTGTG TTTGTTTTTG TAAGATTCTA AATAAATNAA 100

配列番号： 1926

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS02169

配列：

GATCAAGACT NCAGTTTGGG AATGCATGGA CACCGGATTT GTTCTTATT CCTTCACTTT 60
 TGGGGAAAAT CTCNCCNTNT TTAATAAGTG ATAAATTTGG 100

【0442】

【配列表352】

配列番号: 1927

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02170

配列:

GATCAACGCG ACTGTATTTT GAAACATTCC AGGAAGGTTA CTTCTTGTC AACTTGCCTG 60
GCAGTGTTTG TTCAAANCTT GTATTTAATA AATGANCATC 100

配列番号: 1928

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02171

配列:

GATCTATCTT AAGAGTGACC AGGAAGAGGT TCATTGAAAT AATCATGCAT GAAGCGCCAA 60
AGATGCACCA TGTAGAATTT TCACTTTGTA CTGGCAGGCT 100

配列番号: 1929

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02172

配列:

GATCAGGGAA CTAAGCATTG TGTGAATTCA CCAGCAAGAT GTACAGAACG CCTGTNTTTA 60
CAITNTTTTT ATGGAAGTAG CAGAATAAAA CATCTATTTT 100

配列番号: 1930

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02173

配列:

GATCTGCGAG GAAGCGGCT ACTCCAACCC CAGCCTACCT NTGGTGCACA NATCCGTCCC 60
ATAGCAAAGC CCCTGCACAG ACTCCAGCCG AGCCACACCC 100

配列番号: 1931

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02174

配列:

GATCAGGACA GAGACTTGGG GGGCATCCTG CCCCTCCAAC CCGACATGTG TACCTCAGCT 60
TTTTCCCTCA CTTCATCAA TAAAGCTTCT GTGTTTGGAA 100

配列番号: 1932

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02175

配列:

GATCCCAAGC NTCCCGTCCC TTGGAAAGTN CAGCCAGAAT CTNCGTCCTG ACCCCCCGACA 60
GCCCAGCCTA GCCCACTTGT CATCCATAAA GCAAGCTCAA 100

【0443】

【配列表 353】

配列番号： 1933

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02176

配列：

GATCCCCCAG GTTCAGACTG AGCTCCCCCT TCCCAGTAGC TCTTGCATCC TCCTCCCAAC 60
 TCTAGCCTGA NTNCTTTNCA ATAAAAATA CAATTCAAGT 100

配列番号： 1934

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02177

配列：

GATCTGACGT TTTCTACGTA GCTTTTGTAT TTTTTTTTTT TAATTNAAG GAACACTTAT 60
 GAAGCCCTGC CATNCCCCTC CCGNGTCTAA TAAACGTAT 100

配列番号： 1935

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02178

配列：

GATCAACTTG TGCTTGCCAG AGGACGCCAA TGAAGTTGA AACACCAACA ATCAGAGATT 60
 TTGTTTCTGT TCCTCATTAA ATCATGAGCT TTTGTGCCGA 100

配列番号： 1936

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02179

配列：

GATCGTGTGT GTAGGTGGTG TTGTGTGGTT TTCCTTTGTG AAGGAGAGAG GGAAACTATN 60
 TGTAGCTTGT TTTATAAAAA ATAAAAATG GGTAAATCTT 100

配列番号： 1937

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02180

配列：

GATCCTCCCA CTTCACCTC CCAAGTAGCT GTGGCTACAG GTGTGTGCCA CCATGTCCAG 60
 CTGATTTTNG TATTTTNAGT AGGGACAGTA TTTCTCCATG 100

【0444】

【配列表354】

配列番号: 1938
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02181
 配列:
 GATCTAAATC TCATTTTATG CTGTATTTTA TATCTNAGTT GTNTTTGAAA ACGTTTTGAT 60
 TTTTGAAAC ACATCAAAAT AAATAATGCC GTTNTTGTG 100

配列番号: 1939
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02182
 配列:
 GATCTGGACG AATGATACCA AACGTTTCTT TCTAACATTG TATTTTATAA CTCTGGCCTA 60
 TGATTGTTT GTGTCTTGCA TTAACAAAAA AAATTTGAGA 100

配列番号: 1940
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02183
 配列:
 GATCTACAGC TCCTGGATAA TTGCTTGATT CTCGCCAGAG ACTGTCAATG TTTCAATTCAT 60
 TGCCATTACC AATAAATCAT TGCTTTTGT CAGANNNTAA 100

配列番号: 1941
 配列の長さ: 99
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02184
 配列:
 GATCTACCA CTGCACTCTA GTCTGGGTGA CAGAGCGAGA CCCTGTCTTG AAAAAAATAA 60
 AAAAAAATAA AAAAAAATAA AACTGGCACT ACGTTTAAA 99

配列番号: 1942
 配列の長さ: 99
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02185
 配列:
 GATCTGTGTC TTAAAACTTA CTGGAATGGA AATCTATGAA TTATTGCAAA TTGTAATGCT 60
 GGAACAAAA AATAAATCCT TGGTTAAAGG GTTTGTAAA 99

配列番号: 1943
 配列の長さ: 99
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02186
 配列:
 GATCCTGACA CTCTANCACT CGACTCTGCT GCTCATGGGA AGAACAGAAT TNCTCCTGCA 60
 TGCAACTAAT TCAATAAAAC TGTCTTGTGA GCTGATAAA 99

【0445】

【配列表355】

配列番号： 1944

配列の長さ：90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02187

配列：

GATCTTGACT TATATTCTGT ACCACATACA CTTCTGTGGA CTTTATAGCAT TTGTGGGTAG 60
ACTTAATAAA GCATGTATAA AAGTGGCAAA 90

配列番号： 1945

配列の長さ：90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02188

配列：

GATCAGGTTG CGGATAGACT TGTAAGGGNG TTTGCTGCAT ACAGTGTAAG CATTGTGACC 60
NCCAATAAAC TTCAATNGTT TCTACTGAAA 90

配列番号： 1946

配列の長さ：91

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02189

配列：

GATCTTTCGT NTTTCTAAGC GACTCTACTT TCATTGTTTG CCAGCNTAGC TCGTTGCTGT 60
TGCCCAATAA AGCTNGTGTA CGTNCTGCAA A 91

配列番号： 1947

配列の長さ：86

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02191

配列：

GATCTTACAT CTGCAGCTCT TTCTTCTTTG AATTCCTAT CTGTATGTCT GCCTAATTAA 60
AAAAATATAT ATTGTATTAT GCTAAA 86

配列番号： 1948

配列の長さ：86

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02192

配列：

GATCATCAGT GTTCCTTTTT ACTTATAAAG TTGGATTCTT TTTTAGAATT TGTAAATAAT 60
AAAAACTGCT GCTTACCAC TGTAAT 86

【0446】

【配列表 356】

配列番号： 1949
 配列の長さ： 91
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02193
 配列：
 GATCTACCT GCCTGTACTA CTCTAGGGAG TATGCTGGAG GCAGAGGGCA AGGGAGGGCT 60
 GGTATTAAAC AAGTCAATTC TGTGTNGTAA A 91

配列番号： 1950
 配列の長さ： 84
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02194
 配列：
 GATCATGAGT GACCCAGCTG TCTCAGTTG TTTATTCTGC GTCCCTTCT CCAATAAAAC 60
 AAGCCAGTTG GCGGTNGTTA TAAA 84

配列番号： 1951
 配列の長さ： 79
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02195
 配列：
 GATCCCCATG CCTAGCAGAG TGCTGGCACT TAGTAGGTCC TCAATAAATA TTTATTAAAT 60
 GATGAGATGA TGGAGCAAA 79

配列番号： 1952
 配列の長さ： 78
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02196
 配列：
 GATCCAATCC CATAGACAGC TCTGGGCCTC TTGCATTGA GTTTTTTAGA ATTAAACTGC 60
 AGTATTTTGG AAAGCAAA 78

配列番号： 1953
 配列の長さ： 77
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02197
 配列：
 GATCCACTAA GGAAATGTTT TAACAGCTAG AGACCACTGC TTGCCTGAAA GGGCGTTCTT 60
 AAATTGCTG CAGCAAA 77

配列番号： 1954
 配列の長さ： 76
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS02198
 配列：
 GATCCACTTC AAGAATTGCT TGCTTTCAGG AAGAGAGATG TGTTTCAACA AGCCAACTAA 60
 AATATATTGC TGCAAA 76

【0447】

【配列表 357】

配列番号： 1955

配列の長さ：76

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02199

配列：

GATCGACTTT GTGTCTCTGT TGTCTAAAAT AGGTTTTCCC TGTCTGGAC ATTTTCATATA 60
AATGGAATCA CACAAA 76

配列番号： 1956

配列の長さ：75

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02200

配列：

GATCATAGAT TTCTGATTTT ATGTAAAATT TTGCCTAATA CATTAAAGCA GTCACITTTTC 60
CTGTGCTGTT TCAAA 75

配列番号： 1957

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02202

配列：

GATCTGTCAA AGAAACTTC CAAAAAGATT TATTAATTAA ACCAGACTCT GTTGCAATAA 60
AAATCCTACA GAAA 74

配列番号： 1958

配列の長さ：73

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02203

配列：

GATCCACTTT AGCAAACCCT GCTGCAGAGG ACTGTAAAAA CAAATAACTA AAAATAAACT 60
TAGAAAATAC AAA 73

配列番号： 1959

配列の長さ：73

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02204

配列：

GATCGTAATG TTTATCATGT TACTTCCCCA CCCCTACATT TTTTGAAATA AAATAAGGAA 60
TTTTATTCTC AAA 73

【0448】

【配列表 358】

配列番号: 1960
 配列の長さ: 72
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02205
 配列:
 GATCCTGCA ACTAAGNITA AAGCAGTGTG ACTGTGTTGC TNAATATCA AGTATTGTTT 60
 ATAACCACCA AA 72

配列番号: 1961
 配列の長さ: 66
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02206
 配列:
 GATCTCAGCT ATTAAGATGC AAGTCTGCCA ATGCTCCTGG CCAAATAAAC CTCTTCCTTC 60
 TTTAAA 66

配列番号: 1962
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02207
 配列:
 GATCCTCTTG TACTGGGAGA GGTGCCTTTT GTATCCCCAA TTAAAGGTAG AAAACCACCC 60
 TGAAA 65

配列番号: 1963
 配列の長さ: 62
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02208
 配列:
 GATCTCGAAG AAAAAAGGGG GAGACCAAAG AATAAAGAA GGGTTTCCCC ACTAAAATGA 60
 AA 62

配列番号: 1964
 配列の長さ: 62
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02209
 配列:
 GATCCAGCTG TNCCTAAGAG CCAGTAATCT CTTAATAAAC ATGTGGCAGC TTTNNTTGA 60
 AA 62

配列番号: 1965
 配列の長さ: 61
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02210
 配列:
 GATCTCACAT TTCACCCAG GCTCAACTGA GGATGTGGCT TATTAACAC GGAAGTGCA 60
 A 61

【0449】

【配列表359】

配列番号：1966
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02211
 配列：
 GATCAGCCAT GTNTATCTTT TTAAAAATA AACAGGTTGC TTTATTTCTT AGCTTCAA 59

配列番号：1967
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02212
 配列：
 GATCAGATGA GATTAAATGA AGACCCAGTG TAAAGAATAA ATGANTCTTA CTCCTTAA 59

配列番号：1968
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02213
 配列：
 GATCTACACC TGGACTGCCC AGGTCTATAA GCCAATAAAG CCCCTGTTTA CTTGAAA 57

配列番号：1969
 配列の長さ：56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02214
 配列：
 GATCGAAGAA AAAGGGNGN CAAAGAATAA AAGAAGGTT TCCCACTAAA ATGAAA 56

配列番号：1970
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02215
 配列：
 GATCAGAAAT GTTGANTGTG CATTGAGTAT TAAAAATTA GATGTATATT ATNCATTGTC 60
 CTTTACTCAT GAGTACCTTA TAATANTANT ANTGTATTCT 100

配列番号：1971
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02216
 配列：
 GATCTATTCC CCATCCCAAG GCAAGCATGA ATAAAATTAG GTTAAACGTA GCATGTGGCA 60
 TCGCAGTCTC TTAGAATTG TTTCATCTAT TTNATTTTAT 100

【0450】

【配列表360】

配列番号: 1972

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02237

配列:

GATCCTCATT CTCACCCATT TGGCTAATCC AGGAATATTG TTATCCCTNA NCCATTATAT 60
 TNAAGTTGAG AAATGTGACA GAGGCATTIA GAGTATGGAC 100

配列番号: 1973

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02238

配列:

GATCTTTCCA GATGACTTGT CCAAGGTCAC ACAGGAGTCA GATGGCCTTT CCACTACCCC 60
 ACAACACAGA TGCATAGTTA CTCTGTGGGC TAATACAATT 100

配列番号: 1974

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02239

配列:

GATCGCTGGA GCTGTGGTCG CTGCTGTGAT GTGGAGGAGG AAGAGCTCAG ATAGAAAAGG 60
 AGGGAGCTAC TCTCAGGCTG CAAGCAGTGA CAGTCCCCAG 100

配列番号: 1975

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02240

配列:

GATCAGACAC CAGAGGGTTG GGCATTCTTG CAATACCTTA ACAGTGCTGN AATCTGCAGC 60
 ATGCTACTAA GGAAGTAAA GTTGAATGT AACCACCTTA 100

配列番号: 1976

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02241

配列:

GATCTGCAAA GAAAGCTTTT CTTCGTCGC TGCCTCAGNC TCCTCCCTAT GCCTCTNGCA 60
 CCTGCCGAGA AGTGCTGGCT GTGCTGANGT CACCATCATC 100

配列番号: 1977

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02242

配列:

GATCNCCTGC TCTCCAAGCA TGGCATCTAT GTGCAGGCCA TCAACTACCC AACTGTCCCC 60
 CGGGGTGAAG AGCTCCTGCG CTTGGCACCC TCCCCCACC 100

【0451】

【配列表361】

配列番号：1978

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02243

配列：

GATCATTGAA TAAAACGGGT GTAGAGTACA GGAATGGGGC AGACGCGATT CAGGTGAACA 60
GCACANGNAG AATATGAGGT GGTTCCTAGG AGCAACACTT 100

配列番号：1979

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02244

配列：

GATCCCACCG AGAAGAACCA TGGGTGGACC CGAACTCCCC GGTGCTCTNA GAGGACCCAN 60
NNCTTTGTGC CTTGGCAAAA AAGCACAAGC GAACCCACGC 100

配列番号：1980

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02245

配列：

GATCCAAAGT TCATACATTT TATGTACAAG ATACATTAGA CTTACAATAN AGTCTAATTA 60
TTAGACTTTT ATGTCAGTGG ATTGTGCTTG CAGAAATACA 100

配列番号：1981

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02246

配列：

GATCAAATAT GGCATCAACA ATATCCGGGA GCTGGTGGGC CACAAGGTGA ACCTGCAGAT 60
GGTGTATGAC AGTCCCCTGT NCCGCCTGGA TGCCGAGCCG 100

配列番号：1982

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02247

配列：

GATCTTTNAT GTTGTTNATT TTGGAGAGAA GCACAAGGAG TATTCTCTTT CTAGGGAAAG 60
TTGTGAACCC AACGGAAGCG TAGTTGGGAA AAAGGCCATT 100

【0452】

【配列表362】

配列番号：1983
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02248
 配列：
 GATCCTGCTT CTCCCCTGGG GTCTTCTTGG TTCCCTGAAG CCCCTCTTCC GGAGTCCCTG 60
 CCCCTATATCG GCTCTGCTC CTGCTTCTTT TCTGTATTGC 100

配列番号：1984
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02249
 配列：
 GATCAACAGG AAGAACATGG TGGTCTCCTT TGGAGATGGG GTTACCTTCG TGGTCGTCCT 60
 ACACCAGGTG TGAAGAAAC ATCCTGTCCA CCGTGACTTT 100

配列番号：1985
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02250
 配列：
 GATCTATGTG CACACACCCN CATCACATGG AATGGGCTGG TCTAGGCTGT GGCCTGNCAC 60
 CTCCTTAGA GTGAATAGGG CGGACACTCC TCTCTTTTCC 100

配列番号：1986
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02251
 配列：
 GATCGAAGAG CGTCCTGGGT CAACTGGGCA TCACTAAGGT TTCAGCAATG GGGCTGACCT 60
 CTCGGGGGTC ACAGAGGAGG ACCCCTGAAG CTCTCCAAGG 100

配列番号：1987
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02252
 配列：
 GATCGATACA GGGGAGGGGG GAGGTGGAAA CAAACAACAA AACTGTACAT TTTTTTAAA 60
 GTTTGTTCAA AAGAATATTG TCTTATTCTA TAAACATT 100

配列番号：1988
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02254
 配列：
 GATCTCCAGC CTTACCGCGG CTCGAAATGG ACCCCAAC TG CCTCTGCACC ACTGGTGTCT 60
 CCTGCGCCTG CACCGGCTCC TGCAAGTGCA AAGAGTGCAA 100

【0453】

【配列表363】

配列番号：1989

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02255

配列：

GATCTNACCT GAGGTGCTGG GTGAGAAATC TTAGGGACCA GATGGAAGAG GGCCTGTNTA 60
TANNGACATT AGGAAGGAGG TTTGGGAAGG TTTGGGAGGG 100

配列番号：1990

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02256

配列：

GATCTGTTTC CTACAGACTT CAAATTTGAC ACCCCAGTGG ACAAACTACC ACAGCTATAA 60
ATTGAGGCAG CTAACGTCAA ATTCTTGAAT ACAAACCTT 100

配列番号：1991

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02257

配列：

GATCAGCATG ACCAGCACTC GTTGGNGGAA AGGTGTCTNT NAGGAGACGT CTGGAGCTTA 60
TGAGAAAACA GATACTGATG GGAAGTTTCT CTATCACAAA 100

配列番号：1992

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02258

配列：

GATCNTNTCG NCTCTGAAGA AGACATGGTG ACTGTGGTGG AGGACTGGAT GANNTTCTAC 60
ATCAACTATT ACAGGCAGCA GGTGACAGGG GAGCCCCAAG 100

配列番号：1993

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02259

配列：

GATCCTTGCG TGCTGAATAT CTGAAAAGAG AAATTTTTCC TACAAAATCT CTTGGGTCAA 60
GAAAGTTCTA GAATTTGAAT TGATAAACAT GGTGGGTTGG 100

【0454】

【配列表364】

配列番号: 1994

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02260

配列:

GATCTTGTGC CAAGCTHAGG GTGTAGCGCT GCAAACGATG AAGCAAGAGT TTCTCATTAA 60
 CCTTGTGAAG CAAAAGCCAC AAATAACANA GGAACAACCT 100

配列番号: 1995

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02261

配列:

GATCCTGTGT GTGTGTACTA CCATAGAATG GGCCCCAAGA TGCATGATNA AGTGAGGAAA 60
 AAAGCCCATG GTATCCTAAT GTTTGGAATG GAGAAAGTGT 100

配列番号: 1996

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02262

配列:

GATCACCCGG CAAGTTCAGG CTGAATTCTG AAGGCAAACCT TGAGCAGACG GTCTCCATGG 60
 CAACCCGAGC TTCAGAGGCC GAGGATGCCT CCGTTCTCAG 100

配列番号: 1997

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02263

配列:

GATCCTTACA TCTGCATCTA GTTATCAGTA ATTTAGATAT TGAGCTATTT TGATTTATAT 60
 TTAAGAAATT AATACATTAG CACTGAAAGT TAAATAGTGT 100

配列番号: 1998

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02264

配列:

GATCTGCGCT GTGGCTGTCC CTGGACGTGC TGCAGCCCTC CTGTCCCTTC CCCCCAGTCA 60
 GTATTACCTT GTGAAGCCCC TTCCCTCCTT TATTATTACG 100

配列番号: 1999

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02266

配列:

GATCAAAAAT TTCTATCTGG AGAACCTCTG CGGACAAACC GAGTGCTTCC TGCAATTCCA 60
 AGTCAACGAA GACACAGCAC AGCAGCAGAA GAGAGTGAAC 100

【0455】

【配列表365】

配列番号：2000

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02268

配列：

| | | | | | | |
|------------|------------|------------|------------|------------|------------|-----|
| GATCAAAGCT | GGGGCTGGAG | GGTGGAGGTG | TCAAGCCAGG | CCAGGCAAAG | GGAGATTGTA | 60 |
| AGCCAGAGCA | GGTGGGCGCA | TCTCCCAGGA | AACCCTGCAT | | | 100 |

【0456】

【配列表 366】

配列番号: 2001

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02269

配列:

GATCTTGGGG TCCCCGACG ACGTGCTCGA GTTCCTGAAG GTGTATGAGA AGCACTCNGC 60
 CCAGTGAGCA CCTGCCCTGC CTGCATCTGG AGAATTGCCT 100

配列番号: 2002

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02270

配列:

GATCCGAGTG AATGCAGTAA ACCCCACAGT GGTGATGACG TCCATGGGCC AGGCCACCTG 60
 GAGTGACCCC CACAAGGCCA AGACTATGCT GAACCGAATC 100

配列番号: 2003

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02271

配列:

GATCGAGACA CGTGATGGGA AGCTGGTGTG TGAGTCCTCT GACGTCCTGC CCAAGTGAAC 60
 AGCTGCGGCA GCCCTCCCAG CCTACCCCTC CTGCGCTGCC 100

配列番号: 2004

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02272

配列:

GATCTGAACT CCAGCTGCCC TACAACTCC GTCACAGCTT TTNTTCTCAC TTCATGTGAA 60
 AACTACCCCA GTGGCTGACT GAATTGCTGA CCCTTCAAGC 100

配列番号: 2005

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02274

配列:

GATCTAAAAC TNAAGAACAA ATTCTATTTA TTTATTATTG GAAAATNAAA AGCAACTCAA 60
 AACAACTTCA ACCTGGAGGT GCATTTATAA TTCAATTCTGC 100

配列番号: 2006

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02275

配列:

GATCTAGGAG AGGCGGCTCT GAACGATTAC CTGCGGGTCA AGACAGTNAC CTTCGAATAC 60
 TGAAGAAAGG TCTTTTAAAG AAGAAAGTCC CTGCCCCCTCC 100

【0457】

【配列表367】

配列番号：2007

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02276

配列：

GATCAGGAGG AAGTGAGCAG TCGCCTGCCT GCAGCAGGNA GCTTTCTACT CCTGCCTCAT 60
GCGTACGTCC CACAAATGCA GGTGTCCTGA GCACCACACC 100

配列番号：2008

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02277

配列：

GATCCTGAAG AGGATGGTGT GGAATGCAC TTTGAGAAAT GNCTATCTAA CCTTTNGAAA 60
CTTAAAGTGT TCCCAGTCCC CATTATACTT TTTAAAACCA 100

配列番号：2009

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02278

配列：

GATCAGAGAA GCTAGGAGAG CTCCAGCAGG GGCACAGAGG ATTGGNNGCA GGAGGAGTCT 60
GGAACACAGC CTTCATGCCC CCTGACCCCA GGCCGACCCT 100

配列番号：2010

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02279

配列：

GATCATGAAG GAACACATAG CACCAAGAGA GGCCATGCTA AATCTCGCCC TGTCAGAGGT 60
ATCCACACTT CTCCTTTGGG GAAGNCTTCC CTGTCCCCCT 100

配列番号：2011

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02280

配列：

GATCTTAACA AAATTCGTAG CAGTGAACC TTGAAATGCA TGTGGCTAGA TTTATGCTAA 60
AATGATTCTC AGTTAGCATT TTAGTAACAC TTCAAAGGTT 100

【0458】

【配列表368】

配列番号: 2012
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02281
 配列:
 GATCTGCATG TTCTCTCTTT GGGTTCAAGC ATTTCCITAC AGAAGAGCCA CCGTGAAGT 60
 CATGGGTAAA TATGTGTTGA ATTGGTAACT CCCTCTTGGA 100

配列番号: 2013
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02282
 配列:
 GATCTTACCC GTGACAAAAT GTGTTCCATG GTCAAAAAAT GGCAGACAAT GATTGAAGCT 60
 CACGTTGATG TCAAGACTAC CGATGGTTAC TTGCTTCGTC 100

配列番号: 2014
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02283
 配列:
 GATCCCAACA GAAGAACATC GGAGACCAGA GAGAGGAACT CAAAGGGGCG CTGCCTCCGG 60
 GTCTGGGGTC CTGGCCTGCG TGGCCTNTG GCACGTGTTT 100

配列番号: 2015
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02285
 配列:
 GATCCACATT GTTAGWTGCT GACCTAGACA GAGATGAACT GAGGTCCTTN NTTTGTTTTG 60
 TTCATAATAC AAAGGTGCTA ATTAATAGTA TTTCAGATAC 100

配列番号: 2016
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02287
 配列:
 GATCAGGAGC AAACAGACCC TGCAAGGTCC TCCAGGCCTG GGGACAGGAA AGCCACTGAC 60
 CCAGCCCCGG AGGCAGAACC AGGCAGCCTC CNTGGCCCCA 100

配列番号: 2017
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02288
 配列:
 GATCTAAGTT TGATAAGAGC CTGTGTGGTG AGTATGGTGT GTATGTGAAG GTGACTTCCA 60
 TCCAGGACTG GGTTTCAAG CCATAGCTGA GACTAATGCA 100

【0459】

【配列表369】

配列番号：2018

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02289

配列：

GATCCTGAAG GTAATACAAT CAGCAACATT AAAACATTTT TTTTATTTTC TGTTACTGAA 60
GTAAATAAG CATTCCACAT TTATAAACAA CAGGTTATTT 100

配列番号：2019

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02290

配列：

GATCCTGAGA NCTTCAAGCT CCTGGHNAAT GTNCTGGTGA CCGTTTTGGC AATCCATTTT 60
GGCAAAGAAT TCACCCCTGA GGTGCAGGCT TCCTGGCAGA 100

配列番号：2020

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02291

配列：

GATCATTACC ATTACAGGAA CACAGGACCA GATACAGAAT GEACAGTATT TGCTGCAGAA 60
CAGTGTGAAG CAGTATGCAG ATGTTGAAGG ATTCTAATGC 100

配列番号：2021

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02292

配列：

GATCCTGAAG AACTTCAAGC TCCTGGGAAA TATGCTGGTG ACCGTTTTGG CAANNNGTTT 60
CGGCAAAGAN TTCACCCCTG AGGTGCAGGC TTCCTGGCAG 100

配列番号：2022

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS02293

配列：

GATCCTTGAC GAGGAGAGAG AGCTTGAAAA GCTGTTTCAG CTGGGCCCCG CTTACCTGT 60
GAAGATGCCC TCTCCACCAT GGAATCCAA TCTGTTGCAG 100

【0460】

【配列表370】

配列番号: 2023

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02294

配列:

GATCTGGCAT AAATAAATT AATAAATATT TTAATGCTCC ATTTTITAAT GTTGCTTTTC 60
 ATACTAAAGA ATGGTGTAGA CTGTTTTGC AACTNTAAGG 100

配列番号: 2024

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02295

配列:

GATCAATGCC CTCATCTGCA ATGTAGGGCC CGGTGGACCT GCTCCAGCAG CTGGTGCTGC 60
 ACCAAGGAG GTCCTGCCCC CTCCACTNCT GCTGCTCCAG 100

配列番号: 2025

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02296

配列:

GATCTGTAGT GTCATGGGTG CTGCCGAGA CGNAAGTTGA NCTGGGGGTG CCTGCAGCCT 60
 TCCACTCCTG CCCCCTCTCA CCCCACATGC TCCCTGTTTC 100

配列番号: 2026

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02297

配列:

GATCAGGTTT GTTGAGTTT TTAGCCTAAT TCCAAAGCAT GGAAGAGTGC TCTAGGTAGG 60
 AAAGAAAGCT TTTTCTTACG ATTTGTAGCT ACCTACTGTG 100

配列番号: 2027

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02298

配列:

GATCTGCCA TCACTGCTGC AAAGAGAACA CGAGACTCAA GGAAGTCTCT CCTCCACCGC 60
 AGCCCAACTG TGCCTGCTAG TNTCCCCGTG CACACAGGCA 100

配列番号: 2028

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02299

配列:

GATCTAGCCT GATTCTGCG TGTCCGAAAG AACTTAACGT TTAAAGGTG ATTGTNAACT 60
 AACTNTNTGG GGTTCIAATG CCAGTTTCCT AATTCCATCT 100

【0461】

【配列表 371】

配列番号： 2029

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02300

配列：

GATCCGGGGC ACAAAGAGGG TGGGGAACAT GGGGGCTATA CTGGGGAAAG CAGCCATGCT 60
CCCCCNACC TCCAGCCGAG CATCCTTCAT NAGCCTGCAG 100

配列番号： 2030

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02301

配列：

GATCTCAAGG CTGCCGTACT GGAGGCCATG ACTGCCTTCC GCAGAGCAGG TGCTGACATC 60
ATCATCACCN ACTACACACC GCAGCTGCTG CAGTGGCTGA 100

配列番号： 2031

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02302

配列：

GATCTTCTTT GAGACAAGGC AGGCTGTGGC CATGTAGCCC CATCACACTG TGTTCGTNAT 60
TGTCTGTGTG TCTGTCTCCC CCACCAGACT GTGAGCTCCA 100

配列番号： 2032

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02303

配列：

GATCGGCAAA TGCATTGGCC TCCTGGTTAA GCACGTTTTG GGGATAATTT TCTCTTCTTT 60
AGGCAATGAT TAAGTTAGGC AATTTCCAGT ATGTTAAGTA 100

配列番号： 2033

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02304

配列：

GATCTGTGCC GTGGTCCTGA GGCAGTTGTC TCCACACAAG TACCTCTAGA ACAATCCCCT 60
TTTTTCCATC AAGCTGTAGC CTGCAGAGAA TGGAAACGTG 100

【0462】

【配列表372】

配列番号: 2034
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02305
 配列:
 GATCTNCCCT GCATCCTGAC CAAGACCCCA ACCGTGCCCC CAACAGACTC CCCCTGGGAG 60
 ATTCAGCCTA TTCACTGATG AGGAAAGTGA AGCCGGGTCT 100

配列番号: 2035
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02306
 配列:
 GATCCCTAAC TACCAACCCC CTGAAGGCAG GTACAATGAC ATCACCAAGG TGTACACACA 60
 AGTGGAGTTT AAGAGATAGA CTTGCAGGCT GCTATCCTTA 100

配列番号: 2036
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02307
 配列:
 GATCGTATTT CAGTTTTTTG GGTCAATATA TGAACAATGT GTGAACCAGA ACGTATGGTA 60
 TTTGACATCA AAGCTATGTC TTGGCATATG TTTATGTTGA 100

配列番号: 2037
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02308
 配列:
 GATCCATTGA GAAAGAGATG ATGTAATAAA TAATTAAGAT TAGTAATAAT ATTATCAGGG 60
 GTGATTATGA CCAGTTGAAT AATCTCTTTC CCTGAATTA 100

配列番号: 2038
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02309
 配列:
 GATCTCTCCA CAGGGCTTGT TTTCCAAAGA AAAGTATTGT TTGGAGGAGC AAAGTTAAAA 60
 GCCTACCTAA GCATATCGTA AAGCTGTTCA AAAATAACTC 100

配列番号: 2039
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02310
 配列:
 GATCTGCAGC TGCCTTGGGA CTTGAATCCA TGCAATGTTT AGAGTGTGAA GTCAGTTACT 60
 TGTGATGTT TTCTTACTGT ATCAATGAAA TACATATTGT 100

【0463】

【配列表373】

配列番号：2040

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02311

配列：

GATCCATGCT GATTTTTATT GCACAAGAAT TAGGTTTGAA CTCTTGAGCT GGAACCTCAG 60
CAAAC TAGAG TATATATTGT TCAGTATNNC TTTGGAAACA 100

配列番号：2041

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02312

配列：

GATCGGTATG TTTTGAAAAG AGTAATTTAA CTTTTGGGTG CCAGGAAATG GGTTCCTCA 60
AAGTCCATTG CCGGCAATGG GCAGGCCTGC AAATACTGGC 100

配列番号：2042

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02313

配列：

GATCCGCCTG GCAGCCATTG CAGAGTCAGG GGTAGAGCGG CAAGTACTTT TGGGAGACCA 60
GATACCCAAA TTCGCCGTTG CCACTTTACC ACCCGCCTGA 100

配列番号：2043

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02314

配列：

GATCCAGAAG TTATGGTGGC TTTCCAGGAT GTGGCTCAGA ACCCAGCAAA TATGTCAAAA 60
TACCAGAGCA ACCCAAAGGT TATGAATCTC ATCAGTAAAT 100

配列番号：2044

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02315

配列：

GATCTCAGGA CCTCTTTACA CTTTTCAAAG TTA CTCTTAAGA CTCTGAAGAG CTTTTCTTTA 60
TGAGGTTATA TCAATATTTA CTACATTAAA AATTAAAACA 100

【0464】

【配列表374】

配列番号：2045
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02316

配列：
 GATCCGTTTG CTGTGAACCC TATGTTATTT CCATGTGTCA AGTGGGTCTT GTGTTGCCAG 60
 CTTCTATTTG AAGATTGCCT TTGCACTCAG TGTAAAGTTTC 100

配列番号：2046
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02317

配列：
 GATCCACAG TCTCAGCCCT GCTTACTAGT GAGAAAGACT GGCAAGGTTT CCTAGAGCTC 60
 TACTTACAGA ACAGCCCTGA GGCCTGTGAC TATGGGCTCT 100

配列番号：2047
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02318

配列：
 GATCCGGGGH AGCTAGGATG GGGAACTGCG CACAGCCAGA ACTGAGGGGC TGGCCCCAGG 60
 CAGCTCCACG GGGGTAGAAC GGCCTGTGCG TTAAGACACT 100

配列番号：2048
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02319

配列：
 GATCTAACAT CAAACTAACA GCTTTCAGAA AGGAGACTNT TGNCATCTTT TCACCAAGGA 60
 GTATATTTGT AGAGTAATAT ATGTGTGGAA NTTTAAATT 100

配列番号：2049
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02321

配列：
 GATCTGGTCT AGTTAACCTA GAAGTATTTT TGTCTCTTAG AAATACTTGT GATTTTATA 60
 ATACAAAAGG GTCTTGACTC TAAATGCAGT TTTAAGAATT 100

配列番号：2050
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02322

配列：
 GATCTGGAGG AGGTGAAGGC CAAGGGACCT GCTTCTATTA GCCCTTCTCC ATGGCCCTGC 60
 CATGCTCTCC AAACCACTTT TTGCAGCTTT CTCTAGTTCA 100

【0465】

【配列表375】

配列番号: 2051

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02323

配列:

GATCGAAAGA AGAACATCAT GAAAAANAAA TNAACCTTGC TTAGTGGATT AGACTCCTTT 60
GCTGAAGTCA GTTATTCATC AAGAATGCAA TTAGACTAAT 100

配列番号: 2052

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02324

配列:

GATCTCTCCT TCAGTCTGCT CTGTTTAATT CTGCTGTCTG CTCTTCTCTA ATGCTGCCGC 60
CCTAATTGTA CACAGTTTAG TGATATCTAG GAGTATAAAG 100

配列番号: 2053

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02325

配列:

GATCCACAGG CAGAGCCAAG GGAAGGTGTG ATTCTNTGAG GAAAGAGTGA TTCTGATATA 60
TGTACTTGTC ACATTGGTGT TGGACACATT TCGGCCAAAA 100

配列番号: 2054

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02326

配列:

GATCCAAACT GGAANCAGCT CAAATNTCCA TCAATAGCAG AAAGATAAAC AAATGTNNGG 60
ATGTNCAGAG CTTGAAATAT GACACANTAT AAAAGGACAA 100

配列番号: 2055

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02327

配列:

GATCCAAGCA GGCCTTGAAT GCAATNGCAA GTGGTTTATA GTCCCTTGCT CTTACAACCT 60
GCAGGGACAT GTGGTTATTT AGAAATTGTG ACTGAGCGGA 100

【0466】

【配列表376】

配列番号：2056
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02328
 配列：
 GATCACCTGT AGGGAATGA AGTGTNCCCT GGAACAAGGA GGTGGGGGCA NTGTGGCCCC 60
 TTCCCCAACT GGGGGTGGAC AGCTGTNTCC TGGGGTGGGT 100

配列番号：2057
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02329
 配列：
 GATCCAGGA ACTGTGGGCA CCCATTTTCT GTGTCTCCCA GCCCATTTCC ACTCCTAGTT 60
 TGTATGGAT AATNTTGTG GTTCCCTGTG TGATTTTTC 100

配列番号：2058
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02330
 配列：
 GATCCAAGGT CAAAAAACA AATNCATCAA TTCAGCACAC CACCAACTNA NAGGCTAAGC 60
 ATCTACTGC TAATTCATTG ANGCTGCCAT TTGTCAAGTC 100

配列番号：2059
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02331
 配列：
 GATCAGATAT AAAAAAATA AGTTTTTNAT TTCATTAAAT ATTTAATTAA AACTGCTAAG 60
 TTTGAAAATT TTTACCAAGA AATANTTTTN ANAAATTTN 100

配列番号：2060
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02332
 配列：
 GATCTATATT CCTTATTGC ATTTTCCTTA TGTATAATT TCCAGATGGT CATGTTACTT 60
 TTCAGTGTAC TCATATGTCT CATTTTCATC TAAATTTAA 100

配列番号：2061
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02333
 配列：
 GATCAAAAGC TTATTCTTTT TTTTTTTTTT TTCTTTGGTG TAAAGCCAAC ACCCTGTTTA 60
 AAANANATAA TTTTTTTTAA TCATTTTGCN TCITTTTTTT 100

【0467】

【配列表377】

配列番号：2062

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02334

配列：

GATCTGAACA CCACAGCCCC TGTACTTGGG TTGCCTCTTG TCCCTGAACT TCGTTGTACC 60
AGTGCATGGA GAGAAAATTT TGTCTCTTG TCTTAGAGTT 100

配列番号：2063

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02336

配列：

GATCCANCTN TNTCAACCTC CCAAGTAGGA TTACAAGCAT ACGCCGACGA TGCCCAGAAT 60
CCAGAACTTT GTCTATNACT CTCCCAACA ACCTAGATGT 100

配列番号：2064

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02337

配列：

GATCCATCCT TCCTGCCTCC AAGGAGGATA CACAGAGAAT G6CTTCCTGT TGTITTGTTT 60
ATTTTCTTAA CGTGACAGA TGGAACTTC ATTTAAAAAT 100

配列番号：2065

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02338

配列：

GATCAAAAAA GCTCACGTCG TATTTCTTCT TTTCCTTTCT CTTTTCTAGA AATTGGGTGT 60
TTGTACCAGA ATGGAATTTT GCTTCTCGGT TATCCTGTGC 100

配列番号：2066

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02339

配列：

GATCAAATCT TACAGTTCAT CACAGAATCC ATGTTGGTGA TAAATNCTAT AAAAGTAATA 60
GGGGTGCTAA GAACATCAGA GANTCCACAC AGGAAAAAAA 100

【0468】

【配列表378】

配列番号: 2067
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02340
 配列:
 GATCCACAG AATGTTTTG GAGAGCGGA GGTTCCTCC AAGTTCTCT 60
 CCTCCAACC AGAGTTGTGT CTAACCTTAG GCATCTTTA 100

配列番号: 2068
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02341
 配列:
 GATCACTCT GAATAAGCAG TTGCTTTA TAAAACTTG CTGCTGACT AAAGATTAAC 60
 AGGTTATAGT TTAAATTTGT AATTAATTCT ACCATCTTGC 100

配列番号: 2069
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02342
 配列:
 GATCTTTACT CTGAGAAAT GAATAAGCTT TCTCTCAGAA ATGCTGTCCC TATACACTAG 60
 ACAAACCTGA GCCTGTATAA GGAATAAATG GGAGCGCCGA 100

配列番号: 2070
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02343
 配列:
 GATCCAAGGT ATCCTAACA NTGGAGCAGC CAAGTTTNTT TTCAGGCACA ATGACCCTGA 60
 CCACCTAAAG AACTTNTAG AGAAGTNTAA CCTAAGATA 100

配列番号: 2071
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02345
 配列:
 GATCCCCCTCT TCTCAGACAG CGCCAGGCCG GGCTGGGGCC GGGGTGGGG CCGAGCCCCA 60
 CAGCTGCCCC CCTCCCTCC CTTTTGTAT AATTTAATAA 100

配列番号: 2072
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02346
 配列:
 GATCGAGGTG GAGAAGATGC GCGCGGCCGA GNCTTATNAC CGNNTAGAGA ACAGCCCCA 60
 GNTGGATGGG AGCCCCCAG GGCTCGAGGG TCTGCTGGG 100

【0469】

【配列表379】

配列番号：2073

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02347

配列：

GATCTGCTGA GGACACATGC GCTTTTNNAG AATTTAACAT CTGGNGTTTT TCTGAAAAAA 60
TATATATACA TATATTGCTT TATTNGAAAC AAATTAATAA 100

配列番号：2074

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02348

配列：

GATCTGGAGG AGGTGAAGGC CAAGGTGCTG CCCGCTGGGC CTCCCAACGG GCCCTCCTCC 60
CCTCCTTGCA CCGGCCCTTC CTGGTCTTTG AATAAAGTCT 100

配列番号：2075

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02349

配列：

GATCCAAAGT ATCAGGTCTG TTAGTGGCCA TCAGCACTTT AATATTGCCT CGAGGAGGAT 60
TTCTTGGNCN CNNNAAATAA GTCATTAAG TCTTATGCCA 100

配列番号：2076

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02350

配列：

GATCCTAGAT AAGCAGGTGA AATTTAGGCT TCAGAATATA TCCGAGAGGT GGGGAGGGTC 60
CCTTGAAGC TGGTGAAGTC CTGTTCTTAT TATGAATCCA 100

配列番号：2077

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02351

配列：

GATCTACGCT GTGCCTTGGC AGGGCACAAT GACCTTNTAG ANATCCACCT GTTAGAACGC 60
CTAGGGGTCT GAACCGGGCT GGNCTGANNC TATCACCTCT 100

【0470】

【配列表380】

配列番号: 2078
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02352
 配列:
 GATCCCAAGG CCTAGCCTGT GAAGGTCTCC TATCGGAAGA NTACCCCAT NNAATGGGAA 60
 GTGGAATTC TGGTCAANTT GGTCTTNATG CTCTGGAAGA 100

配列番号: 2079
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02353
 配列:
 GATCTTAAAGC AAAAATACTC ACTGAAATAG TATGTGGATG AATTCACCTA CTTACAATTT 60
 TATGGTTTCT TTGTAAATAA TAAATGTGAA TCTCAATTCT 100

配列番号: 2080
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02354
 配列:
 GATCCTNGGC TCCACCTGGG TGGCCCTGAC CACGGGAGCC TTGGGCCTAG AGCTGCCCTT 60
 GTCCTNCCAG GACCCCNCC TGGCCACTGC CCGCCTACTN 100

配列番号: 2081
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02355
 配列:
 GATCAGAGCT GCTGAGTTCA GGATGCCTGC GTGTGGTTTA GGTGTTAGCC TTCTTACATG 60
 GATGTCAGGA GAGCTGCTGC CCTCTGGCG TGAGTTGCGT 100

配列番号: 2082
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02356
 配列:
 GATCAAAAGC TTATTCATCT TTTTCTTTT TCCTTTGGTG TAAAGCCAAC ACCCTGTTTA 60
 AAAANCATAA TITCNTTAAN CNATTTTCCC TCTTTTCNT 100

配列番号: 2083
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02357
 配列:
 GATCAAAAAA AGAGTTTGAA GCTAATNTTG GCAAAATTCA GGCCAAAAA GTAAGGCCAT 60
 TATTTAACCC TGTGGACCA TTAAATGTTG AAGAATGACA 100

【0471】

【配列表381】

配列番号：2084

配列の長さ：95

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02358

配列：

GATCTTTTTT GTCAGTTTGT TTGTATGAAA CTAAAGCCNT TATTGTAA TAGTTCCTGC 60
TAAACAATG AATAAACT CAAGGAGCAA CTA 95

配列番号：2085

配列の長さ：90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02359

配列：

GATCGTCTCT AGGATGATAT GCATGTTTCA AGTGGTATTG AAAGCCGCAC TGATGGATAT 60
GTAATAATAA ACATATCTGT NATTAATAA 90

配列番号：2086

配列の長さ：90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02360

配列：

GATCTAAGTT AGGAAAGACG ATGGAGGTGG AATCCTTTAA GATTATGTCC AGTTATNTNC 60
TTTAATAAAG AAGAAGTTAC CCTTGTCAA 90

配列番号：2087

配列の長さ：87

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02361

配列：

GATCTTCATT TATTTTAATG GTAATGGTTT TAAATATGT TCCTGATTGT ACATATTNTA 60
AAATAACAT GTTTTAAAC ATGCAA 87

配列番号：2088

配列の長さ：88

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02362

配列：

GATCACAAC ATTCAACAA AAAGTAACT TATGTGACTT GGCAGTTATT CTATACCATT 60
TCCTGTCCAT TAAATTTTT AAAGGAAA 88

【0472】

【配列表382】

配列番号: 2089

配列の長さ: 85

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02363

配列:

GATCCCATTT AATATTTAAA AAAATCAGTA GCACAAATAT ATNTNAATTG TCAACTTACA 60
 AAATAAAATA CATTTACAGT CTAAA 85

配列番号: 2090

配列の長さ: 82

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02364

配列:

GATCATCAAA AAAGAGGTAA TCTACGTTAT TTCCTATTCT AATGTCTTTT CCTAATAAAA 60
 AACTTCAACT TTCTAAGTTA AA 82

配列番号: 2091

配列の長さ: 80

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02365

配列:

GATCCTTTTCG GAATTGCACT TTTACATGTT GGGCGAATTT GTGTCCGTGC TGAAGTTTAT 60
 TAAAGGAAAA TAGATGAAAA 80

配列番号: 2092

配列の長さ: 80

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02366

配列:

GATCAAGCCT TGCTTGAGAT TGGCCTTACC TCTGGNCNTT TTTTGTATA TGAGCTAATA 60
 AATNCTGTTT ATTGTTTAAA 80

配列番号: 2093

配列の長さ: 80

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02367

配列:

GATCCATGAA GTNATTCAGT GGAAANATGC ACGTTNATAC TATTTNAGAG CACAAATAAA 60
 CTCACATAC AATGGTCAAA 80

配列番号: 2094

配列の長さ: 76

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02368

配列:

GATCAAACCT CAAAGCAGCT TTNACTTGGA ATTTAAAAAT AAACAGTTCA AAGATACTCT 60
 ACATTATCAC CNTAAA 76

【0473】

【配列表383】

配列番号：2095
 配列の長さ：70
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02369
 配列：
 GATCCATTTC ATGCAGGATT GTGTTGTTTT AACTGTTGTT GAGGAACTA ATAAATAATT 60
 AAATTGTAAG 70

配列番号：2096
 配列の長さ：64
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02370
 配列：
 GATCTAAGAT GTCCCAGGTC CTGGGAAGTT TACTCAATAA AGCTGGCTTT CCCCTGCCCT 60
 CAAA 64

配列番号：2097
 配列の長さ：64
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02371
 配列：
 GATCCGTTGT AATGATGTGA ACATTTTATG AGTTTAAATA AAGTCATCTT ATGGTGTCA 60
 TAAA 64

配列番号：2098
 配列の長さ：61
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02372
 配列：
 GATCTTAAAA TCAGTGATTA TCTTTTCTA AATAAAATAT CACCAGAATT CATCAGTTAA 60
 A 61

配列番号：2099
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02373
 配列：
 GATCTAAGAT GTCCCAGGTC CAGGAAGTTT ACTCAATAAA GTGGCTTTCC CTGCCANAAA 60

配列番号：2100
 配列の長さ：66
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02374
 配列：
 GATCTCCGGG CAGCCACCAC CTCCTCGGTC TCCCCCTCA TTAAATTC ACGTCCCACC 60
 CTGAAA 66

【0474】

【配列表384】

配列番号： 2101
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02375
 配列：
 GATCATGCAA AGAAACTTC CAAAAGATT TATTAACCTA AACCAGCCTC TNTNGCAA 59

配列番号： 2102
 配列の長さ：73
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02376
 配列：
 GATCTCAAAT TGCCTCTGAC CTTTATAAG ACAGTTTATC TTCAAATAAA TTTATTTTGC 60
 AATACCACGC AAA 73

配列番号： 2103
 配列の長さ：56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02377
 配列：
 GATCAAAGTC TATTTTGCAT AAAATGTCCA ATAATTAAAT ATTGTTATAA AATAAA 56

配列番号： 2104
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02378
 配列：
 GATCGGCAGT TGGGAGGGGC CCTCTGAGAT TAAAGAGTTT TACCTCTGAG AATAA 55

配列番号： 2105
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02379
 配列：
 GATCCANTCT TTGACAAACT GAAAAGAACT GAAAATAAAC ATTGCTCTTT CAAA 54

配列番号： 2106
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02380
 配列：
 GATCCCTGCC CCTCCCCACT GGGACGGAAT AAATGCTCTG CAGACCTGGA AA 52

【0475】

【配列表385】

配列番号: 2107
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02382
 配列:
 GATCTGCTTA TAGAGCAGGA AGAATAAAGC CACCAACTTT TACCTAGCCC GGCTAATCAT 60
 GGAAGTGTGT CCAGGCTTCA AGTAACTTGA GTTTTAATTT 100

配列番号: 2108
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02399
 配列:
 GATCTAGAGA GTGCTCAGAA TTAGGGCCTG GCATTTGGAA TCACAGGANA TATCATCACA 60
 GAAACAAC TG TTTAAGATT AGTTCCATCA CTCTCATCCT 100

配列番号: 2109
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02400
 配列:
 GATCCCAAAC TGTTCCCTTT TTCATTTCTT GAAATGTTAC CACTACAGAC ATTTTTTNA 60
 GGTGAATAAA CAGTTCTNAT GTGCTGTACC TAAATCATG 100

配列番号: 2110
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02401
 配列:
 GATCTATGTC TNCTGCCTGG CTCCTAGATG GCTCTCCGGG CAGGTNCTGG CCAAGGACAT 60
 CATCTAGGCA GGGGGAGAGC CTGGNCTGAA CAGCTGTNAC 100

配列番号: 2111
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02402
 配列:
 GATCAAAAGG CTGAAAGGTT TGCTACCCA GCACGGCATC CCCTACACGA GGCCACAGA 60
 AACTTCCAAC TTGGAGCACT TGGGCCACGA GACGCCACGA 100

配列番号: 2112
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02403
 配列:
 GATCTGGAAG GCTTGAGCCT CTTGGGTTT GTCTACAAAT TGGAAGGAAA TATGAATGAA 60
 GCCCTGGAAT ACTATGAGCG GGCCCTGAGA CTGGCTGCTG 100

【0476】

【配列表386】

配列番号: 2113

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02404

配列:

GATCCGAGAG GTGGCCAACA AAGTCAAGGT CCCCCTGCTG GATTTAGGCA GCCCCCAACT 60
 GGCCATGCAC TCTATCCGN AGATGGCCTG CACCACAGGA 100

配列番号: 2114

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02406

配列:

GATCAGCCCT TTTTCCCATC CTGCCCTATG GTTCTCTAGC CACCTGTGCA TGCATGTGTA 60
 TTTCTGCCTN GTTCTATGGT GTGTGGATGT GTGTGCATGA 100

配列番号: 2115

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02408

配列:

GATCCTACCT CCAACTCCTG ACTCTATAGG TCTCACTCTT TTTTATTGT CCTANNNTA 60
 CATAACATAA AATTATATAA TTAAATATTC TAGGGTATAG 100

配列番号: 2116

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02409

配列:

GATCTGTGCT CTCCTAGCCC AAGAGACCCC TGGAGGGGCT GGAGTTTAT CCAGCGCCTC 60
 GTCGTATGTT TGGCTGAGCA CCTGTGGCCT GGGTGCAGGT 100

配列番号: 2117

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02410

配列:

GATCTGAAGA GCGTCCTGGG TCAACTGGG ATCACTAAGG TCTTCAGCAA TGGGGCTGAC 60
 CTCTCCGGGG TCACAGAGGA GGCACCCCTG AAGCTCTCCA 100

【0477】

【配列表387】

配列番号: 2118
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02411
 配列:
 GATCCAGAAG TACAAGGTGG TCCTGGCCCC GGAGACGGNG GAGTTGAAGA GTGTGGCCCC 60
 CATTGTCCTG GTTCCAATA AGAAAGTGGG CCTGCAGTTC 100

配列番号: 2119
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02412
 配列:
 GATCCAGCCC GACCTGCGAG ANTGATGGAG ACCATGCACC GCATGAGCCA CCTCCCACCC 60
 GACTTTGAGG GCCGCCAGAC GGTCAGCCAG TGGCTGCAGA 100

配列番号: 2120
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02413
 配列:
 GATCAGAGCC AAGAAGCGTC TCGGCGAGAG TGGGGAAGAG TTGCCGCCAA CCTCCTAGGC 60
 GCGCCGCCCA GCTCCCTTTG ACCCCTGGGG CAGGGCAGGG 100

配列番号: 2121
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02414
 配列:
 GATCACAGGA AGTGGAGGAG CCAGAGGTGC CTTTGTGGAG GACAGCAGTG GCTGCTGGGA 60
 GAGGGCTGTG GAGGAAGGAG CTTCTCGGAG CCCCCTCTCA 100

配列番号: 2122
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02415
 配列:
 GATCTTGGTT TTGATGTGGA CATAGGCCCT CTTTTCAGA CTCCTCGTGA AGTGGCCCAG 60
 CAGGCTGTGG ATGCGGATGT GCATGCTGTG GCGTAANAC 100

配列番号: 2123
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02416
 配列:
 GATCGAAAGA AATCTAAGTG ATACGGCCCA ATGAAGCTAA AATATAGCCT TCTGTTAAGC 60
 AAATAGTATT TCCTTTCCCC AAGTAGTTCA TTTTCTAGAT 100

【0478】

【配列表388】

配列番号: 2124

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02417

配列:

GATCAACGAT TACGTGGAGA AGGGTACTCA AGGGAAAATT GTGGATTTGG TCAAGGAGCT 60
 TGACAGAGAC ACAGTTTTTN CTCTGGTGAA TTACATCTNC 100

配列番号: 2125

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02418

配列:

GATCCCAGTC GCATACCAGG TGTCTCCTC CAGGTCGTGA ACGGCAAAGG CACTGCCCCG 60
 ATCGCCATAG CAGGTGTCTT CTGGTACTT AGACATGCCA 100

配列番号: 2126

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02419

配列:

GATCNGACAG GCACCAGCAA TGACACAGCA TAACTGTTG GGCACAGGAA AGAGGCTTGA 60
 CACCACCAGC CCACCAGGAA ATGCAGTTCA GCCACCACGA 100

配列番号: 2127

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02420

配列:

GATCATATAG TAGGTTTAGG TTTAACTTTT TAAGAAATTG CCAAGCTTTT CCAAAGTGGC 60
 TGTCCCTCTT TACATTTCCA CCAGCAATGT ATAATGAATG 100

配列番号: 2128

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02421

配列:

GATCATGATT TTGTAGTACA GGAAGACTTC ATGAAAGCAG TCAGAAAAGT GGCTGATTCT 60
 AAGAAGCTGG AGTCTAAATT GGACTACAAA CCTGTGTAAT 100

【0479】

【配列表389】

配列番号: 2129
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02422
 配列:
 GATCCGCAGG CAGAAGCTCT GCCCTTCTGT ATCCTATGTA TGCAGTGTGC TTTTNCCTGC 60
 CAGCTTGGGC CATTCTTGCT TAGACAGTCA GCATTTGTCT 100

配列番号: 2130
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02423
 配列:
 GATCTCTAAC CAGAAATAAA CAGGAAGACT CAGTNGTTTA CAAAAGACAT TTAGTTTTTA 60
 CACGTACAGA AAATTCTACC CNGGCATTAC AGAATTCTTA 100

配列番号: 2131
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02424
 配列:
 GATCTGGGAC GTNCACGAGT NAGGGGCTGG CCACCCAGCC CACAGCCTTG CCTGACCACC 60
 CTCCAGCAGA TAGACGCCGG CACCCCTTCC TCTTCCTAGG 100

配列番号: 2132
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02425
 配列:
 GATCAAAGAG AAAATAAAAA ATCGCTACTT CCCTGCCCTT GAAAAAGTCT TAAAGAGCCA 60
 TGGACAAGAC TACCTTGTTG GCAACAAGCT GAGCCGGGCT 100

配列番号: 2133
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02426
 配列:
 GATCGAAGTA AAATAGAAAT GGGACTNGCT TTCCACAGGA AGTAAACTGC TTCAGAGCCC 60
 ACAGTCCCCT GCTCAGTGTG CGGAAAGAAG TCAGTCATCC 100

配列番号: 2134
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02427
 配列:
 GATCCTCGTC ATCAAGGATG GCTGCATCGT GGAGAGGGGA CGACACGAGG CTCTGTTGTC 60
 CCGAGGTGGG GTGTATGCTG ACATGTGGCA GCTGCAGCAG 100

【0480】

【配列表390】

配列番号： 2135

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02428

配列：

GATCTGAACA TTCAAAAGAA AGCTTTGGAA AAAAAGAGCT GGCTGGCCTA AAAACCTAAA 60
TATATGATGA AGATTGTAGG ACTGTCTTCC CAAGCCCCAT 100

配列番号： 2136

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02429

配列：

GATCTCAGAA CTGAAGGCCG CCCTGACATG AAGACTGAGC TCTTTTCCAG CTCATGCCCCA 60
GGTGAATCA TGCTGAATGA GACAGGCCAG GGTACCAGC 100

配列番号： 2137

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02430

配列：

GATCCATCTT CATCCATTGC ATTGGAAACT NCTTTATGCT GETGCAGTCT GCAAAGTCTA 60
GAGCTTTTAT CAGGCCATGT CATACCCAAG AAAGCACCTA 100

配列番号： 2138

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02431

配列：

GATCGTGAAG ACCTGCTGAG CCAGCCTGTT CTCCGGGCCT GAATGTCTGG GGTGCTTGTG 60
CCTTTTCTGA GAAGCGTTGT GACTGCTCAA CATCCCCATC 100

配列番号： 2139

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02432

配列：

GATCCTAAGC GAAGATGGAT TTCAGTTCAT CAAATCATCA TTAATGACTT TATGTATTAT 60
TTGCACAGGG AGAATTGAAA CTGAGTATAA TCAATAAGCT 100

【0481】

【配列表391】

配列番号: 2140
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02433
 配列:
 GATCACACCT GAAAGCAGTG GTCCCAGCTC TGTGCTGTGG GACATCACAG GTCCTAAACA 60
 GTGATAGAGA AAGGGCTGGG GAGTGGCAGC TGGAACTCT 100

配列番号: 2141
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02434
 配列:
 GATCATTTGTC CCTACAGACA CCCAGAACAT CTTCTTCATG AGCAAAGTCA CCAATCCCAA 60
 GCAAGCCTAG AGCTTGCCAT CAAGCAGTGG GGCTCTCAGT 100

配列番号: 2142
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02435
 配列:
 GATCCCAACT GCTCCTGCGC CGCCGGTGAC TCCTGCAAAAT GCAAAGAGTG CAAATGCACC 60
 TCCTGCAAGA AAAGCTGCTG CTCCTGCTGC CCTGTGGGT 100

配列番号: 2143
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02436
 配列:
 GATCCTGGCC TCGCAGTTCC TATCCNTGA CCCAGAACAG CTCACCAAGG AGCTGCAGCA 60
 GCATGTGAAG TCAGTGCAGC CCATACAAGT CCCAANAAG 100

配列番号: 2144
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02437
 配列:
 GATCCTGGTG GCGACCATGG AGAGGAACT GGAGGGCAGG GATGGAGCTG AAANCTTGGC 60
 GGCCAGAGA GAGGTCCACC CCAAGCAGCC TGAGCCCTCA 100

配列番号: 2145
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02438
 配列:
 GATCTGGGCT GGTCCCTTC CCATAAAATN AGGTCCCTGG TTGTATGTTT CCATAGCACC 60
 CCATACTTCC TCTCTNAGAA TAATCATTTT CCTTGTAATG 100

【0482】

【配列表 392】

配列番号: 2146

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02439

配列:

GATCTGACCC CACAGCCTTT GGCCTGCTCA CCCGACCAGC CTGGGCCGCA TTCCCTGCAG 60
 GACCTCCCGG GTCAGGCAGG GCGGCCCCCT GCTCCACACA 100

配列番号: 2147

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02441

配列:

GATCAACCTG AGAAAAATTN CTGAGCTCAT GCCAGGAGCA TCAGGGGCTG AAGTGAAGGG 60
 CGTGTGCACA GAAGCTGGCA TGTATGCCCT GCGAGAACGG 100

配列番号: 2148

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02442

配列:

GATCTGCATC CCCAAAAGTA TCACTCCTTC TCGAATCCTT CAGAACATCA AGGTGTTTGA 60
 CTTACCTTT AGCCCAAGAG AGATGAAGCA GCTAAATGCC 100

配列番号: 2149

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02443

配列:

GATCCGAGAG GGCATGGCCG CCCTGCAGTC TGACCCCTGG CAGCAAGAGC TCTACCGCAA 60
 CTTCAAAAGC ATCTCCAAGG CCTTGGTGGG GCGGGGTGGT 100

配列番号: 2150

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02444

配列:

GATCATCCAG AAGGAGCCCG TTGAAGTGGC CCCAAGCCAG CTCTCTGCAT TTCGTA CTCT 60
 CCTGTTTTCT GCACTTGCTG AAGAGGAGAA GATGATGGTG 100

【0483】

【配列表393】

配列番号: 2151
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02445
 配列:
 GATCTATGCC AGCAAAACAT CATTTTGAGA CAAACATTTT TGTGGCAGAT GTTTTTCCTA 60
 AAAAGTACTA TATCATCCAA GAAATATTG AGTAAATCC 100

配列番号: 2152
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02446
 配列:
 GATCGAGGCT GCAGGATATG CTCAGACTCT AGAGGCGTGG ACCAAGGGGC ATGGAGCTTC 60
 ACTCCTTGCT GGCCAGGGAG TTGGGGACTC AGAGGGACCA 100

配列番号: 2153
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02447
 配列:
 GATCTGGTTG GTGGATGAAC AAGTGTACAG CTGGACATCT CAATGGNGTT TATTACCAAG 60
 GTGGCACTTA CTCANANGCA TCTACTCCTA ATGGTTATGA 100

配列番号: 2154
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02448
 配列:
 GATCGGAAAA AAATTCTTGA ACGCAAAGCC AAGTCTCGAC AAGTTGGAAG AGAGAAAGGC 60
 AAATATAAAG AAGAACTTAT TGAGAAAATG CAGGAATAAA 100

配列番号: 2155
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02449
 配列:
 GATCCCATAA CAGGCTACCC CTGGGCTCA TGCTGGAGTT GTGTGTGTCT GTCTTCATCC 60
 CAGGCTGAGC TCCTTGAGGT GAGGATGTTG TGCTGTTTGC 100

配列番号: 2156
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02450
 配列:
 GATCCTAGAG CCTGACGTTT AGTGAACCCA TGTTCCTGGG TGGGTGAAAG GGGCCCAACC 60
 CTGCCCCACTT CAGCCCAAGC CGCCCAAGGG GACTTGTGCC 100

【0484】

【配列表394】

配列番号：2157

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02452

配列：

GATCCNACTG GGGCCTNTGG GANGGCNACA GACTTATTAC TAGATGATTG GCTGGTGTCC 60
ATCTTTGGGA ATCGACGTNT CAAGAGGTTT TCCATCGTGG 100

配列番号：2158

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02453

配列：

GATCCCAGGA CCATTTGGCT AGTGTGCCTA GGTGACCACA TGATTGCTGT TTTACCAGGA 60
ATGCAGCATC CCATTGACAA AACAAGTGCT CTGAGAAGGT 100

配列番号：2159

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02454

配列：

GATCATCAAT GATTTATTGG CACGTTCTAT TGGGATGGTC GAAGTTAATA CAGTAGACAA 60
ATACCAAGAT AAGGGACAAA AGTATTGTCC TAGTATCTTT 100

配列番号：2160

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02455

配列：

GATCGCAGAG AAGGCAGCTG ACATTATCAA GGGGCAGCCT GCACTCTGGG ACAAAGATGT 60
CCCTGTCTAC AAGCCCAGGA CGCTGGCCAC CCAGCGCTAA 100

配列番号：2161

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02456

配列：

GATCTTTAAC AAATGTTTTA AGCAATTTTA AAAAGGCAGG ATGTTATTGA CATTATACAC 60
TGAAGTCTTA ACATTTTAAC ATTTATAGTG CTTATTTGCA 100

【0485】

【配列表395】

配列番号：2162

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02457

配列：

GATCCTAGTG TTTTAATTAC CTGTGTGCAG CTATTTTAAA TAGCATTTTA CTTGAATAAT 60
ATGTATGTTG TCATTGTTTC ATGCTATACT TTGTGGGATA 100

配列番号：2163

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02458

配列：

GATCCTGGGC TCATAGGCAG TCCCTTTCAC TTCCTTGTCT TGCTCCCTGC TATGCTGGAG 60
ATGAATGTGA CTAAGAGGC CATCTTGCTG GCTTAATGTG 100

配列番号：2164

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02459

配列：

GATCAAAGCT GGACTGGAAA TTGTATCGTG TAATTATTTT TGTGTTCTTA ATGTTATTTG 60
GTACTCAAGT TGTAAATAAC GTCTACTACT GTTTATNCCA 100

配列番号：2165

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02461

配列：

GATCTGTGCA GCAAAGCACC ATGGTACATG TNNTACCTAT GTAACAAACC TGCACATCCT 60
GCACATGTAC CCTGGAACCT AATAAAAGTT CGAAATTTT 100

配列番号：2166

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02462

配列：

GATCTTAAGC TTTGATAAGA GCTGTCCTGT GGCTGAGTAT GGTGTGTATG TNAAGGTGCT 60
TCCATCCAGG CTGGGTTTCA AAGCCATAGC TGNACTAAT 100

配列番号：2167

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02463

配列：

GATCCAGGAA GCTCCCAAAC CAGACTGTGA GAAGGCACTT CTTGCCTTTC AGGAGAGTAA 60
GAACCTCTGC GAANCATGGA GAACTTTATG CAACAATTAA 100

【0486】

【配列表396】

配列番号: 2168

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02464

配列:

GATCCTATAT CTTGGTNAAT ATGCTCCCAG ATACTTTAAA CATGGCAACC TTTTGGCCTA 60
 AGAGAATGTT TGTTCATGGA AAAAAGCTTT TGAGATGAGA 100

配列番号: 2169

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02465

配列:

GATCCACGCT GGGCCGAGGA TGGGACGTTT TTCTTCTTGG GCCCCGTCCA CAGGTCCANT 60
 GACACCCTCC CTCCAGGGTC CTCTCTTCCA CAGTGGCGGG 100

配列番号: 2170

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02466

配列:

GATCCCTAAG CTGTAGAACA TTTTAACGTT GATGCCACAA CGCAGATTGA TGCCTTGTAG 60
 ATGGAGCTTG CAGATGGAGC CCCGTGACCT CTCACCTACC 100

配列番号: 2171

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02467

配列:

GATCTGTGCA CACTTTCTAA ACAGCTTGTN ATGCAAGTNT GAGCCTATTG TGTACTTGA 60
 CCTTATTTTG GAAGTTTGA ATTGGCCTAG GAGGAAACCC 100

配列番号: 2172

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02468

配列:

GATCCCTGCG AATTACGAAA ACTACTACAT CCATGATTGC CCCAACCCCC TTGGGGTGGG 60
 GCAGAAGGTG AAGCATCCCA ACTGACTAGA GACTCAGGCC 100

【0487】

【配列表397】

配列番号: 2173
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02469
 配列:
 GATCCTACGA TGCCCTCTGT ACTGACCTGA AGGAGACCTA AGAGTCCTTT CCCTTTTTGA 60
 GTTTGAATCA TAGCCTTGAT GTGGTCTCTT GTTTTATGTC 100

配列番号: 2174
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02470
 配列:
 GATCTTTGCT GGCAAGAGCT GGAAGNTGGA CGTACTTTGT NTGACTACAA TATTCAAAAG 60
 GAGCTACTCT TCATCTTG TGAAACTTC GTGGTGGTGC 100

配列番号: 2175
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02471
 配列:
 GATCTGCCCTT GCTCACTATT TGCCTATTGG CATATATGAT TACTTTGCTA AAAGACATTT 60
 TGGCCAAGAC AAGCCCATNT CCAGAGCTCT AAGAATGCCT 100

配列番号: 2176
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02472
 配列:
 GATCTAATTT GATAACAAC ATGGCTTGCT TGAAGACTGA GCAGGTGTTT GTTTACCCAT 60
 AGTGTCTCTG GTAGTTATTG CTTANTCTGC AGAAAAATAAT 100

配列番号: 2177
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02473
 配列:
 GATCTTAATT TACAGTTCCA TGGGATTAAA ACAAGTTTGC ATTTATGTAA TTTGCATTAC 60
 TTTAAAAATT ACAACAACAT AATCTCTGAA ACTTACTTCA 100

配列番号: 2178
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02474
 配列:
 GATCCTGCAT TAAATTTTAA TTTGTGAAAA TTTGAAAATT ATGAGCTATA ACTTATAAAG 60
 TTTGCCCTTCT TATGNCTAAA ATCTTTTAAA GCATTATTTG 100

【0488】

【配列表398】

配列番号： 2179

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02475

配列：

GATCAGTCAA TTTTCCGTCC TCCGTAACCA GCGGGCCCCCT GGTCAAGTNC TGGCTCTGCT 60
GTCCITGCCT TCCATTTCCC CTCTGCACCC AGAACAGTGG 100

配列番号： 2180

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02476

配列：

GATCTGGACT TCGAAACTTT CCTCATGGAT TCTGAATAAA AGAAACACTC TACACCTCTT 60
AAATCAAGGT CATGTAGATA ATGACTTTGT TATAAATGCT 100

配列番号： 2181

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02477

配列：

GATCTTAAGT GTCTCCTTGC TCTGGTAAAA GATAGATTTG TAGCTCACTT GATGATGGTG 60
CTGGTGAATT GCTCTGCTCT GTCTGAGATT TTTAAAAATC 100

配列番号： 2182

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02478

配列：

GATCCAAATC CCAGCTCTAC TGTCTCGTCC GAATTAGCCT TGGGAAAATC ATTTATATGC 60
TAAATAATTT ACCTTTTTAT CTAGGAGATG AAAAGAGGAT 100

配列番号： 2183

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02479

配列：

GATCCATGNC ATCTCTCTCT TGCCTGAGGG GAAAGAGAGA TGGGCCAGGC AGAGAACAGA 60
ACTGGAGGCA GTCCATCTAG GGAANNNNAC TGTGAGGCCA 100

【0489】

【配列表399】

配列番号: 2184
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02480
 配列:
 GATCCCCAA GTACAGGCGC TAATTGTTGT GATAATTTGT AATTGTGACT TGTCTCCCC 60
 GGCTGGCAGC GTAGTGGGGC TGCCAGGCC CAGCTTTGTT 100

配列番号: 2185
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02481
 配列:
 GATCCTTGCA GGGAGCTTGG AACCTTAGTG CACCTACTTC AGTTCAGAAC ACTTAGCACC 60
 CCACTGACTC CACTGACAAT TGAATAAAG ATGCAGGTGC 100

配列番号: 2186
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02482
 配列:
 GATCCGGCAA CATCAACCCG AGTCATTCTG TCTGTGGAGG GACAAGTGGA CTCAGGGCAG 60
 CGCAGGCTGA CCACAGCACA GCCAACACGC ACCTGCCTCA 100

配列番号: 2187
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02483
 配列:
 GATCAATGG AAAGGAGAGG AAAGAATCTA GTGCTGCCTA TTAGTAGTTA ATTCTGTCAC 60
 TCACCACTAC ATCACTTGAG ACAAATCTAT GCCACTCAGA 100

配列番号: 2188
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02484
 配列:
 GATCAGAACT GTTACCAAAA AACAACTGTC AGTTTTATTG AGATGGGAAA AATGTAAACT 60
 CGANNHTTAT TACTTAAGAC TTTATGGGAG AGATTAGACA 100

配列番号: 2189
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02486
 配列:
 GATCGTCTTG GAAGGGAGTG GTTTTCAGAG ACATTTCAGA AAGTGAAGGA GAAACTCAAG 60
 ATTGACTCAT GAGGACCTGA AGGGTGACAT CCCAGGAGGG 100

【0490】

【配列表400】

配列番号： 2190

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02487

配列：

GATCATTGAA ATGCTGAAAA TTTTAACAGT CTTCTTAAAA GTATTGAGGG GGCAAAAATT 60

ACCAATTATG GTATACAAAA ATAAGCCTAT AAATGTNTTT 100

配列番号： 2191

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02488

配列：

GATCAGTTGC TTATAGATAA TGTTCATGA CCTCAAGACA TATATTTTGG AGAAATTATC 60

ATTTTAAAAA ATTTGGTCTA TACTGATTGT TTCACTGAT 100

配列番号： 2192

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02489

配列：

GATCCACAAG GCCTGAGGAG CAGTGTGGGG GGACAGACAG GAGGTGGATT TGGAGACCGA 60

AGACTGGGAT GCCTGTCTTG AGTAGACTTG GACCCAAAAA 100

配列番号： 2193

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02490

配列：

GATCCAATGG AGCCTGGNGA GGTGTGCCCC GAAAGCTTGT CTGTAGCGGG TTTTNTGAGA 60

GTNAACACTT TCCACTTTT GACACCTTAT CCTGATGTAT 100

配列番号： 2194

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02491

配列：

GATCTGTCCA CTCCTGGTCA TTGGTGGATG TTAACCCAT ATTCTTTCA ACTGCTGCCT 60

GCTAGGGAAG ACTGCTCCTC ATTATCATCA CTATTATTGC 100

【0491】

【配列表401】

配列番号: 2195
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02493
 配列:
 GATCAAAAAA CCACAGGGCT TTTGGGCACT GCCTCCTTGG GAAGTTAGTG GCCACAGAAG 60
 AGAGATGAAA CCTGTAAGAA GTCTGGAGTC TTTTGGAAC 100

配列番号: 2196
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02494
 配列:
 GATCCTAAAC TCTCTAGCTT AAGTGTAAT GAAGTACAGT AGTTTCCCTA CTGAACCCTA 60
 CCTCTTGTGT CCTGGAACC TTCTAGAACA CCTGCCTTCT 100

配列番号: 2197
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02495
 配列:
 GATCCGGAGG GCCCAGGAGA ACCGGAGCGT GCTTCAGGGT GCCCCGAGAA CAGGAGCTGC 60
 TCAGCCAAGA ACTGTGGCGG CGGCTGCTGC CAGGATGCCG 100

配列番号: 2198
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02496
 配列:
 GATCAAAATC AAGAAATCCG GGCATCACAG AGAAGTTGGG TTTAGGACAG CAGGTGCTGT 60
 TCCGAGACTC AGTCCTAAAG GGTTTTTTT CCCACTAAGC 100

配列番号: 2199
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02497
 配列:
 GATCAGCCCC TTAAATNAG TTCTAGAGCA GGTCTTCTGT TCCAGAAGGG GAGAAGCATA 60
 GAGGCCCTGT GAGCTCACGT GTGTTCTTTG TCATAGGGCT 100

配列番号: 2200
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02498
 配列:
 GATCTAATGG TTTTATAAAT NAAAGTTCCC CTGGACAAGT TCTTTGCCT GCCACCATGT 60
 AAGATGTACC TTTGCTACTC ATTACCTTC TGTCATGATG 100

【0492】

【配列表402】

配列番号: 2201

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02499

配列:

GATCCTAACC AGGTAACCTG GTCCTNTGAA TTGAAGCTTA TCATATACCC AAAGCCTTGA 60
 CTAGAAATAC CTAAATAGAA TACCATGGTC ATTGGAAAAA 100

配列番号: 2202

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02500

配列:

GATCCTGGCC ATGAATGAAA AGGATAAGAA GAAAGAGAAG AAATGAAGTG ACCATCCAGC 60
 CTTTCCCAAT NAGACTTCCT CTCCTTCCAC CCCTCATTTC 100

配列番号: 2203

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02501

配列:

GATCAAAGCC AGCNACCCCC ACCCCAACAC ACTCGGTGTC CCANTCATAC TAGGGCCTGT 60
 GTAAATCCCA GCCTGGCCAT ACCCTCAACC TCAGTGGGCT 100

配列番号: 2204

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02502

配列:

GATCGCCCCA CTGCAATCCA GCCTGGGAGA CATAATTCAA ATCTATTTTG GTCTTATATC 60
 TTCTTATGTT TGTGTTATTT CATGTGTGCC AGTTTCTCTT 100

配列番号: 2205

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02503

配列:

GATCATGGTG ATTTTACTGC TGCTTGTGGC TATCGTGGTT GTTGCAGTCT GGCCGACCAC 60
 CAGCAGTNAC ACCTGCCAAT NACAGATGCA AGCCCAACAC 100

【0493】

【配列表403】

配列番号: 2206
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02504
 配列:
 GATCCAGGA ACCTTCCTCC TCCAGGGCAG CACAGGACTC AGCCGTGTCT GGACCGGCCC 60
 TGCTGAGGCT ACAGTCACTC TGGAAGCTCT GCGCTTCATC 100

配列番号: 2207
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02505
 配列:
 GATCAAGAAA GAGATGGAGG AGGAGGACTG AGCCCAGAAT TCACTAGGTT CGAATCCAGA 60
 NAGCAGTGTG GAAAAAAAAA ACCAAAAANC AACTGHCCAG 100

配列番号: 2208
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02506
 配列:
 GATCTGTGTC ATTNCCCATG AGGGGCCGGG GCAGGTGGCT GGGTGGGGGC ACAGGCTGGA 60
 GTATTCTNAG TTCTACTGGT TCTACACTGT GAGGTGGCAA 100

配列番号: 2209
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02507
 配列:
 GATCGCTACT CTTAAGAATA TACATGTATG TATTCATAGG AACATTTTTT CTCAATATTT 60
 GTATGATTCC CTTACTGTTA TTGTGCTGAG TGAGCTCCTG 100

配列番号: 2210
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02508
 配列:
 GATCAGCTGG AAGCTCACTA GTCATCTCCT GCCCAATCCC CAGAAACCCT GATTCAGGTC 60
 TGCAGGCTCC TCGGGGCTCA CCACGGCTGC TGGCTCCGGT 100

配列番号: 2211
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02509
 配列:
 GATCCAGTGA GATAGAATAC ATGTAAGTNT GCTTTTGTAA TTTAAAAAGT GCTATACTAA 60
 GGGAAAGAAT TGAGGAATTA ACTGCATACG TTTTGGTGT 100

【0494】

【配列表404】

配列番号: 2212

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02510

配列:

GATCCCTTGT GGCTATGCAG ATACCTACCT CACAGAGTTG TTGTAGAAGA CTGGTGGTTT 60
GGTTCAAACC TTGTGATTAA AGAGTTTGTC AAGCATTTTA 100

配列番号: 2213

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02511

配列:

GATCCCTGTT TAACTCCAAA TTACAGTCGG ACTTGGATAC ATCATTTGTA ACATTGTAGG 60
AAAGAAAAAA GTCTTGGTTN TGAAAAACGA TTTGCATTTG 100

配列番号: 2214

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02512

配列:

GATCCAGCTC AAGTGCCATC CTGCCAGTGG CCCCCAGACT GTGGGGTTGG GACGCCTGGC 60
CTCTGTGTCC TAGAAGGGAC CCTCCTGTGG TCTTTGTCTT 100

配列番号: 2215

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02513

配列:

GATCACTACT GCTCTTGGAG TTCCTTCTCC TAAAGCTAAG GCCAGCCTCC ATCACAAATG 60
CCCATAAAAT CTGGCTCGTC TTTGATGAAC AATAAATATT 100

配列番号: 2216

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02514

配列:

GATCCTCCCG CTGGCTTCCA GACAGACCTG GGATTTTGGC AGTCATGCCG GGTGATGGTG 60
TTCCTGCGGA GACCCTCAGT TGTCTATTG CTCCTAGCT 100

【0495】

【配列表405】

配列番号： 2217
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02515
 配列：
 GATCAITICA CCTGATGTTT TTAAGCATC CTAAGTACAG TAGAGTAGAA AACTNATTTTC 60
 TTTGTTAATT GTACACTGAA TAATGCCTTT AAAAAATCAA 100

配列番号： 2218
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02516
 配列：
 GATCTCCTAT GTTACCAATG TGTATCGTCT CCTTCTCCCT AAAGTGTACT TAATCTTTGC 60
 TTTCTTTGCA CAATGTCTTT GGTGCAAGT CATAAGCCTG 100

配列番号： 2219
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02517
 配列：
 GATCATGTTA TGAATTTGTA ACATTCACAC AACACCTCAC TTTTNAATCT ATAAAAGAAT 60
 TGCACGTATG ANAAACCTAT ATTTNAATAC TGCTGAAACA 100

配列番号： 2220
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02518
 配列：
 GATCTAGCTT CTGGCTCTGT GTGTTTATTG ACCAGTGGTG TGCCTTGAGA AACCAGAACT 60
 CTCTGAATTT CAGTTTGTG TCTNTNTAAA TGAAGAAGGT 100

配列番号： 2221
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02519
 配列：
 GATCCGTATG GCCAACGAGA AGCACAGCAA GAACATCACC CAGCGCMNGC AACGTGCGCA 60
 AGACCTCGAG AAATGCCCCC GAAGNGAAGG CGTCTGTAGG 100

配列番号： 2222
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02520
 配列：
 GATCACCAGG CAGCGACCTC CGCNCACCCC AGCAGTCGCG AGCCTCGGCC CAGCCANAGG 60
 AAGCGHTGCC GNCGGACCTG ACTGACTTCC CAGTGGAAGT 100

【0496】

【配列表406】

配列番号： 2223
 配列の長さ： 100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02521
 配列：
 GATCTGGGCC ACTTCCCTCC TTCCAGTCAT GAGTAATCAT CAAGGAGCAA GTTGGAGTGT 60
 TTCAGGTGTA TATTTTGTAG AACCCAAAAG ATTGGAGCCT 100

配列番号： 2224
 配列の長さ： 100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02522
 配列：
 GATCTTTTAT AAAGCAGAAT GGTACGTATC GGATTGTTTT AATGTTATAT ATTGGATTGT 60
 ATTCGTTGTT AAAAAACCAA TATTCTATGG AGAATGAAAA 100

配列番号： 2225
 配列の長さ： 100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02523
 配列：
 GATCTCGCAA AGTTATTCTT CCACCATGGC CAACAACGAA GGACTTTTCT CCCTGGTGGC 60
 GAGGAAGCTG AGCAGACCCC TGTGATGCCT GTNACCTCAA 100

配列番号： 2226
 配列の長さ： 100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02524
 配列：
 GATCAATGTA CTTTTATAA ACTTGCCATA GATATCTCAG ATTTGAAACC TCAAGACAGA 60
 TTTATTATTC TTAAATGCTG TATGATAATG AAGAAAAATA 100

配列番号： 2227
 配列の長さ： 100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02525
 配列：
 GATCAGTTTG GAGAGTAGGG GGCCACTCAT ATTCTGGGCT CCTGGAACCA ATCCCGTGAA 60
 AGAATTATTT TTGTCTTCT AAAACTATCG TTCCCAATAA 100

配列番号： 2228
 配列の長さ： 100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02526
 配列：
 GATCCCCGCA TGGNGTTGGG GGTGCTGGTG TGTCTTGGTG CCTGGNCTTG AGTCTCACCC 60
 TACAGATGAG AGGTGGCTGA GGCACCAGGG CTAAGCAATT 100

【0497】

【配列表407】

配列番号: 2229

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02527

配列:

GATCAAAAAG GGGTCTGAGG TTGCATCAGG GAGACAACTG TAATGATATA AGCAATAGTT 60
GAGAACCTGA CAGCAAGTAA TAAGACAGGA AGAATAAAAC 100

配列番号: 2230

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02528

配列:

GATCTGAGTT CTGAGCAAGT CAGACTCCTT CCTTTTGGCC TCCAAAGCCA CAGATGTTGG 60
CCGGCCCACC TGTTTAACTC TGTATTTATT TCCCAATAAA 100

配列番号: 2231

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02529

配列:

GATCGGAAGT GTAAAGCTAT AATCCCCAGA ATTAAAGTTT TTATTATTTT TTATACATTG 60
TAAACATAG ACGTTTATTT ATGTGATTAA NTTCTATTA 100

配列番号: 2232

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02531

配列:

GATCCAGTTT TTCTTGGGAG GTTGTATCTG GTCATAAGGT AAACATTCTA TATATTCTAT 60
GCCTGCTCTA GAATTGAAAG ACTTCAGCAG TATTAAGCA 100

配列番号: 2233

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02532

配列:

GATCTGTATT TGTATATGCT GATGCAATGA TAAAAATCAC TGTAATAGNT TCATTGTGTT 60
GTACTGGATG CAAAGCTAGA AAATATTGCA ATANNTGAGA 100

【0498】

【配列表408】

配列番号: 2234

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02534

配列:

GATCTTGGGC AAGTTAATCT CTGGGAACCT TGGGTTTCTT ATCCTCAAAA AAGGCGATGG 60
AAGGNCCTGGG NCNCGTGATT AAATAAAAGC AACGCAAGAA 100

配列番号: 2235

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02535

配列:

GATCGATGGT ACTTTTTGAA AATGCTTTAT TGCAAAAAAG TGGCTAGGGT TTTACAAGGN 60
CTATGAAGAA ACATATTAAG GTTAATAAAG CTTTTTATTG 100

配列番号: 2236

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02537

配列:

GATCCTCCCT TAGAGCATTT GGAAGAGTGT GGCCCTGCCA ACACCTTGAC TTCAAACCTC 60
TGGCCTCCAT AACTATGAAA TAAATHCTTG TTGTTTTAAG 100

配列番号: 2237

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02538

配列:

GATCTGTCCA CTCTGGTGT CAAAGATTTT ACTCATCTTC TTAGTACATT CTATGTATTT 60
TATATGTATA ATTTTATACA ATTAAAAATA GATTTTGTG 100

配列番号: 2238

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02540

配列:

GATCTTATAT CATTACAGTA GCCTTTTTGT AGAATCCATC CTATTTTCCA CATGGATAAT 60
CATGTCATGA AGAATAAAGA CAGTTTACT TCTTTCCTTA 100

配列番号: 2239

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02542

配列:

GATCCCAGGG GAGGGGTCTC TCCTCCCACC CCAAGNCATC AAGCCCTTCT CCCTGCACTC 60
AATAAACCTT CAATAAATAT TCTCATTGGT CAATCAGAAA 100

【0499】

【配列表409】

配列番号： 2240

配列の長さ：97

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02543

配列：

GATCTGCTGC TTCCAAGTTG TGTGACCTTG GCTAAGTCAC TTAACCTTTC TGATTGTCAT 60
TTCGCTTTTT AATAAAGTGG GTCTGGTGAA CAAGAAA 97

配列番号： 2241

配列の長さ：97

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02544

配列：

GATCCCACTG TATGGCTATA CGGTATTTTA TCAGTGCATC CACTGTCGGG TTTTCCCT 60
TGTGGACTAT TATGAATAGT GGACGCTTGT GTGCAA 97

配列番号： 2242

配列の長さ：94

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02545

配列：

GATCAGGTGA GCTGTGTCCA GAAAACCAAC GAGAAGGAGT GGAAGGAGGA ATGAACGTTT 60
CATTCTCGTT AATAAAGGCA TTATCCTAAT TAAA 94

配列番号： 2243

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02546

配列：

GATCTAATCT ATTCCTGGGG CCATAACTCA TGGGAAAACA GAATTATCCC CTAGGACTCC 60
TTTCTAAGCC CCTAATAAAA TGTCTGAGGG TGTCTCATGA 100

配列番号： 2244

配列の長さ：93

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02547

配列：

GATCATATAT TTGTGGCATA CAGTGTGATG TTTTGACATG NATATAATTT TGTATACAAT 60
GTGGAATGAT TAAAACAAGC TAATTAACAT AAA 93

【0500】

【配列表410】

配列番号: 2245
 配列の長さ: 92
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02548
 配列:
 GATCTGCACT TCCTCCCCTT TCACCTACCT GTACACCTAA CCTGGCCTTA GACTGAGCTT 60
 TATTTAAGAA TAAAATCGTG GTGGTGGTCA AA 92

配列番号: 2246
 配列の長さ: 91
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02549
 配列:
 GATCAGTGGC TGCTGGGTGG CGGGTACCCT TNCTCAGATG CCTGGCAGGN CTGGNTGGCG 60
 ATTCTAAAG ACCTCGTGT GATTCCCCAA A 91

配列番号: 2247
 配列の長さ: 89
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02551
 配列:
 GATCTAAGCC CTTACCCATC TNTCTACTGC TGGACTGTGG ACGGTCACCA GGITGGGAAC 60
 ATGCTGGAAA TAAACAGCT GCAACCAA 89

配列番号: 2248
 配列の長さ: 88
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02552
 配列:
 GATCTTTTGG AGAGAAACAA ATGAGGATTG TAAAGTTTGG GGACTTACCT CTGTAGCATT 60
 GTGAAAATAA ACTTTGATTA AGCTGAAA 88

配列番号: 2249
 配列の長さ: 88
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02553
 配列:
 GATCACCICG GCGTCTGTTT TGTATGCTCT TTACCTATGG ACTAGTTTGT GGACGGCTAA 60
 GAAATACAGC CTCAGCATTG ATTTGAAA 88

配列番号: 2250
 配列の長さ: 88
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02554
 配列:
 GATCTTAAAG AGTGTAATTT GCAATCTAAT TTTATCCTCT TACTCTGTGT TGTAAACCA 60
 TATACAATAA ACGGTGTTTA TGGAGAAA 88

【0501】

【配列表411】

配列番号： 2251

配列の長さ：96

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02555

配列：

GATCTGGCTG TGAGGCCCTC AGGGCAGGGA TACAAAGCGG GGAGAGGGTA CACAATGGGT 60
ATCTAATAAA TACTTAAGAG GTGGAATTG TGGAAA 96

配列番号： 2252

配列の長さ：86

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02556

配列：

GATCCGGGGA CCAGGGGCTG ACCTCCATTC GTACCCCACT GCTTTGGAGN TGATGGGACT 60
ATCAATAAGA ACTCTGTTCA CGCAAA 86

配列番号： 2253

配列の長さ：90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02557

配列：

GATCAAACCA TTTNACCTGG AGTTTGGTAC TGGTTTAAAC TTCTCTNAAT CTGTATAAGA 60
AAAATGAAGA CAATTGAACT TTCAAACAAA 90

配列番号： 2254

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02559

配列：

GATCCAAGTT TTGCGGGGTC TAAAGCTGTG TGTGTTGAGG GGGATACTAA GTTTATGAAA 60
AAGAATAAAA AACACAACCA CGAAA 85

配列番号： 2255

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02560

配列：

GATCTCGCCA CTNTTCTCCA ACCTGGGCAA TAAAGCAAGA NCCTGTCTTC AAACAAGCAA 60
ATAAAAACTT CCTTATCCTG CAAA 84

【0502】

【配列表412】

配列番号: 2256
 配列の長さ: 80
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02562
 配列:
 GATCCTGTTA GCTTTCTGAA TGTTCTGTGG TTGAATGTTT TTTTGCTTAA ATAAAGCTTT 60
 TGGTATTTGT TTAAATTA 80

配列番号: 2257
 配列の長さ: 79
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02563
 配列:
 GATCCCAACC GTTTGGCACA GCTTTGGCCA CAGCCAGGCC CCTCTGGAAT TGTCTTATT 60
 AAACCAGTTT CCCGAGAAA 79

配列番号: 2258
 配列の長さ: 78
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02564
 配列:
 GATCCGGGCA ATGCTTCGNT TTCTAAAGGA TTGCTGCTGT TGAAGCTTTG AATTTTACAA 60
 TAAACTTTTT GAAACAAA 78

配列番号: 2259
 配列の長さ: 76
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02565
 配列:
 GATCTTGGTT TTCCATGAAT ACAGCATGTA TAATAAAAAT TTTAAGAAAT AAATGTTATT 60
 CTACTTTATT AACAAA 76

配列番号: 2260
 配列の長さ: 74
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02567
 配列:
 GATCTTCTGC CGGGCGTGCC CCAGAGGACA GTGGGTGGAG TGGTCCTACT TATTAAATGT 60
 CTCAGCCCCCT CAAA 74

配列番号: 2261
 配列の長さ: 73
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02568
 配列:
 GATCTCACCT TTGCAAAGTT GGATAGTCAA TTTGTTTTTA GAGGAAATAA AACACTTATT 60
 CTGTGATTTT AAA 73

【0503】

【配列表413】

配列番号： 2262

配列の長さ：73

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02569

配列：

GATCTGGAGA GAAAAACATT CAAACCATTG CATCATACAA AAAAAAGGCT ATTAAAAATT 60
GGATTATAGC AAA 73

配列番号： 2263

配列の長さ：72

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02570

配列：

GATCAGAGTA AGAATGTCTT AAGAAGAGGT TTGTAAGGTC TTCATAACAA AGTGGTGTTT 60
GTTATTTTACA AA 72

配列番号： 2264

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02571

配列：

GATCAAATCT GTACAGTTTC TATTGTTCCA GATTTTTTTA AGTTTGTATT AAAAGCATGA 60
TACATAATAG TAAA 74

配列番号： 2265

配列の長さ：71

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02572

配列：

GATCTTTTCA GTGTTTTTTC ACTTTAGCTA TGTGGATTAG CTAGAATGCA CACCAAAAAA 60
ATACTTGAGC X 71

配列番号： 2266

配列の長さ：71

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02573

配列：

GATCCAGGAG GGAGCCACCC CCAAGGACCC TGCCAGCCAC AGACCTCCAA TAAAGACAGC 60
ATGCAAACAA A 71

【0504】

【配列表 4 1 4】

配列番号: 2267
 配列の長さ: 71
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02574
 配列:
 GATCTGATGT GAATTCAGAT TTCCAATCTT CTCCTAGCCA ACCATTTTCC TCGAATNAAA 60
 AATTCAGTAA A 71

配列番号: 2268
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02575
 配列:
 GATCCAGAAG TTCTAAATCC AGGATTTTAA TTAGTAACTC AAATAAAATG CCACACATTT 60
 TCATACAAA 69

配列番号: 2269
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02576
 配列:
 GATCATAGTA GTGCCGCTGT TGAGTGATAA AGCAACTTGT CATTAAAGAT GTGTGTNCAG 60
 ACATGGAAG 69

配列番号: 2270
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02577
 配列:
 GATCCCAGCC CAAATNNGCC CATTACACA ATCAGGAGCN AAATAAATTA CTGTTGTCTT 60
 AACACTAAA 69

配列番号: 2271
 配列の長さ: 68
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02578
 配列:
 GATCTTCAGC TGTITGCCCG TNCITATTAC ATAAACTGAA AACAGGATAA AAACGGAGTG 60
 CAATGAAA 68

配列番号: 2272
 配列の長さ: 63
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02580
 配列:
 GATCTGTCAA AGATATGAAC ATGAAAGAAC AGCTTATTTT AATAAACCCA CTTTACATAC 60
 AAA 63

【0505】

【配列表415】

配列番号： 2273
 配列の長さ：63
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02581
 配列：
 GATCAAAAGT AAATGTTCTC TTGCCATTT TAGATGAAA AATAAAAAAA ATTAAAAAGT 60
 AAA 63

配列番号： 2274
 配列の長さ：85
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02582
 配列：
 GATCTACATG AGGAAGTGA GATGATGAT TTTTTCATC TTTTGTGA ACTGATTGC 60
 AATAAAAAATN ATACTGATGG TGAAA 85

配列番号： 2275
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02583
 配列：
 GATCCCTTTT TTATTTTGTG GTTTTTTAAT ATAGTATAAA AATCCTTTA AAAAAACAAA 60

配列番号： 2276
 配列の長さ：67
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02585
 配列：
 GATCAAAACA GGATTCCATT GACCTAATTA TATTAAGCTA ATAACTAAT TTTTGAATT 60
 TTTGAAA 67

配列番号： 2277
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02586
 配列：
 GATCAATATT TATTGACTTG TAGTAACTGC CACCAATAAA GCAGTCTTTA CCATGAAA 58

配列番号： 2278
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02588
 配列：
 GATCAATAGA CTGTACTTAT TTTCCAATAA AATTTTCAAA CTTTGTACTG TTAAA 55

【0506】

【配列表416】

配列番号： 2279
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02589
 配列：
 GATCATTCTC AGTATCCACT GTCTATGTAC AATAAAGGAT GTTTATAAGC AAA 53

配列番号： 2280
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02590
 配列：
 GATCCATTTN TTTTGTGAAT GTGCTAAATA AAAAGTGTTA TNAATTGCTG AAA 53

配列番号： 2281
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02591
 配列：
 GATCCTGCAT CCCACTCCCT GGGAGCCAAT AAAGTGCATT TTCACAGGCA AA 52

配列番号： 2282
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02592
 配列：
 GATCACAAG TCAAAAACCC ATAAGAAAAA TTGAAAAAGC TACAAGCAAA 50

配列番号： 2283
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02593
 配列：
 GATCATATTT NCTATTAAAG TGGCTAACAC CTGGCTACTC TTACTGTAAA 50

配列番号： 2284
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02612
 配列：
 GATCTGTAAA TAAATCAGT GCACTGTGAA TCACACCCAG CCCCTTTCCC TGCTGTGTGG 60
 ATTAGGTGTC AAGACACCTA GTTCTTTCTG GGGCCACCCG 100

【0507】

【配列表417】

配列番号: 2285
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02627
 配列:
 GATCTGTGCT TCCNACTCAC ATGTNAGGCC ACGCCATCCT CTTGCTGAAN CCCTATTGAT 60
 GCTTTCTAAC AGGTTCTCGT GTCTCTCCCT GACCAGGCCC 100

配列番号: 2286
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02628
 配列:
 GATCTGAACA TCTGGCCCAA GTGAAGCATG GCATATAGTG CCCTTGAAG AAAATTAGGC 60
 CTCAAATGAC AGTAGCATTG AAGTGTITGC TGCAGAGTTG 100

配列番号: 2287
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02629
 配列:
 GATCAGCAGC CAATATGGGT TTGTTTGGTT TTTTAAATTC TTA AAAACAN CCTNTAGAGC 60
 AATAGAAACA AATTTTATG AGCATAACCC TATATAAAGA 100

配列番号: 2288
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02630
 配列:
 GATCGACTAC AAGCCAGCCC CTANGCACCT GCTGCTACAT CATGAAGTA NCTCCAGAGA 60
 GCATCCCCAG TCTTGAGGNT CTCAATAGAA AAGTCCACAA 100

配列番号: 2289
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02631
 配列:
 GATCTTGTTT ACTTTTGGAC ATCAAGCCCA TCACTGCCAG CCAGTNAAGA AGGATTCCAG 60
 CCTATGCCCT CAATCACAAT AAGACCACCA GATGACCAAC 100

配列番号: 2290
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02632
 配列:
 GATCCAGCCA GGCATCTCGG CGCTTTGGCA CCATGAGTTC TATGTCTGGG GCCGACGACA 60
 CTGTGTACAT GGAGTACCAC TCATCGCGGA NAAGCGGCCC 100

【0508】

【配列表418】

配列番号： 2291

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02633

配列：

GATCCACACC TGACCCTGTT GGGTCGAGTT AGGNTGGGCC TTGGTCTGCA CTGTAGCACC 60
TNTGTTCTTT GAGTTCACAT CATGAATGTG GTGACTTNCC 100

配列番号： 2292

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02634

配列：

GATCTGCCTT AACTCCAAC TACATGTTTT GGTCAC TATT ACAAAC TGTC ATCCCAGAAT 60
GATGCTGCAG AGGCTAGGGC TAGGACACAG ACCAGTGT 100

配列番号： 2293

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02635

配列：

GATCTCACCT TCCTTCGAAT TCGCTCCAAG AAAAATGAAA TNATGGTTGC ACCAGATAAA 60
GACTATTTCC TGATTGTAAT TCAGAAATCCA ACCGAATAAG 100

配列番号： 2294

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02637

配列：

GATCTGGCAG GGCACCACAG CGCCCCCTAC TGAACCATCA GCATGTCAGT GGCATTTAAA 60
GCCATGCAGC TGGAGGGGCC ACTGAGATTG TCTCTGAGTA 100

配列番号： 2295

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02638

配列：

GATCTGTCCA ACGCCTGCAG CGTGGATGTG GAGGCGGACT AATCAACHAG TGCTCTGTTA 60
TTATTTCTAC CCATCCCTTT TCTCCATGCT AATTTGCTTA 100

【0509】

【配列表419】

配列番号: 2296
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02639
 配列:
 GATCGATAAT ATAATTTATA ATGAAATTCG TTTATCAGCT ATTAATGTTA ACTACATCAT 60
 CTCATATAG CNTTATAACT CATTGTGCT ATTCCATTTT 100

配列番号: 2297
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02640
 配列:
 GATCTNHTCA AACAGCAAAC GCCCACAGAN GGCCAGAGG NGGTGGTAAT CAGGGTGTGT 60
 GGGTGNTTTT AGGGTTCITT AGTGTGTTT CTTTCACCCA 100

配列番号: 2298
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02641
 配列:
 GATCTTTTCT ATAATATCCT ACTACTTTGG TTTTCCTAGC TCCATACCAC ACACCTAAAC 60
 CTGTATTATG AATTACATAT TACAAAGTCA TAAATNTGCC 100

配列番号: 2299
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02642
 配列:
 GATCTAAAAAT ACCTGGTGGC TTTTACAAA AAGCAGATT TTTTCATGTA CTGTNATGTC 60
 TGATGCAATG CATCTAGAA CAAACTGGCC ATTTGCNAGT 100

配列番号: 2300
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02643
 配列:
 GATCCGAAGA GGAAGGGCGG TCCGGGCTCC AACTTAGCT TCGTGGGCAA ACGCAGAGGC 60
 GGAACAAAC TAGCCCTNAA GACGGGAATA GTAGCCAAGA 100

配列番号: 2301
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02644
 配列:
 GATCTTCTTG ACTATGCCAG TTGTAGTACC AGCTTCTGTA TCTGCACTGA ATTCTGNCCT 60
 AGTAATATGC CTTTGTTTAA AATTAAATA TTTTTCATT 100

【0510】

【配列表420】

配列番号: 2302

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02645

配列:

GATCACAGGA ACAGCAGGTG ACAGGCCTAG CTATAGTTAG GAATACACAA GCCGTAAAAT 60
CGAGTCCTTA CAGCCATACC ACAAGGTACG TCCANNTGGA 100

配列番号: 2303

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02646

配列:

GATCTGAAAG GAATGCTAGA AGTGTTTAGA GAGCTGACAG ATGTCCGACG CTA CTGGGGG 60
CATGCNACAG GGGGAATGGC TCGCTTCAGT GCCCTGCTGC 100

配列番号: 2304

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02648

配列:

GATCCTGACA GAGCCCTGAA CAGATTATAT CACTCGGCTA GAGGCACTGC AAAGACGACT 60
TGGA ACTATA CAGTCAGGTT CAACTACTCA ATTT CATGCT 100

配列番号: 2305

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02650

配列:

GATCTGTGGG TCCGGCTGNA GGAGAGTGAC ATAGTCCCGC AACTCCANNT TGCCTGTCCT 60
GGACAGGCAC ATCTCCACTG AACTGCGGCT CCNTCGCCGT 100

配列番号: 2306

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02651

配列:

GATCCTTCTT TTTGGTTTTG GAAATATAAT CATTGTTAAT GTTTCCCTC CAAATAGAAT 60
ACTGTTTTAT CCATACAAAT CATAACAGCA TCTATCCCAT 100

【0511】

【配列表421】

配列番号： 2307
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02652
 配列：
 GATCTTTTAC ACCACATCAC AGTGANCACA CTGGGGAGAC GTGCTTTTTT GGNAAACTCA 60
 AAGGTGCTAG CTCCCTGATT CAAAGAAATA TTTCTCATGT 100

配列番号： 2308
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02653
 配列：
 GATCCTATGG ATTTTCCCGG CTGGTTGCCA CTACTHTACA ACATTCAAG CCCACATCCA 60
 TCTGTGCCAT TAAGCTTTTT TGAGACATGA GAGATGCCTC 100

配列番号： 2309
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02654
 配列：
 GATCGCAGCC GCTTCGCACG CCGCATCACC CAGGCCCAGG AGGAGCTGAG CCCCTGCCTC 60
 ACCCTGCTG CCGGGCCAG AGCCTGGCA GGCCTCAGGA 100

配列番号： 2310
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02656
 配列：
 GATCCCCGTT CCTGACATCA CAGCAGCCTC CAACACAAGG CTCCAAGACC TAGGCTCATG 60
 GACGAGATGG GAAGGCACAG GGAGAAGGGA TAACCCTACA 100

配列番号： 2311
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02657
 配列：
 GATCAAAATT NAGTGGCTTT GGACAGAAAA GAAAGCTCTG GATTTAAGCG GGTGGTCACC 60
 TGTGAGACCA GGTCTACCTT GGGACTGTTA TTTAACTGAA 100

配列番号： 2312
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02658
 配列：
 GATCTGGTCC CTGAGAAACA TATTGTGATG AAGTGGAGGT TTAAATCTTG GCCAGAGGGA 60
 CACTTTGCCA CCATCACCTT GACCTTCATC GACAAGAACC 100

【0512】

【配列表422】

配列番号： 2313

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02659

配列：

GATCAACTTC CCACAACTG AGGAATGAAT TCCACGAGCC TGTTCGAAA ATNTGGACGT 60
AAGACAAACA CGTGCTCGTC CTTAATGGA GTTCACCAGC 100

配列番号： 2314

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02660

配列：

GATCNGTGGC AAAACCAAGT GTGGTCTTTC AGCTTCAGTG TGTTAGCATC CCAGCACCTG 60
GGATGGGGTT TGTGGGCAAG TTGATTTTGC CACACTGTAG 100

配列番号： 2315

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02661

配列：

GATCCAGGGG CTGCCTCTGG CCTCTTAGGG AGCAGAGAGC AGAACTCCGC AGCCCAGCCC 60
AGAGGAGTGT CACCTCCCAC CTTTGGAGAG GAATCCTTCC 100

配列番号： 2316

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02662

配列：

GATCATGGCA TCCAAGACCA GAGTCTCAGA ACTCATTAAG AAACAGTTTA CTTGGAATGG 60
AGAATACCCA TCTGTAATAC AGGTCCTGTC ATTTCAATCA 100

配列番号： 2317

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02663

配列：

GATCAAGTNA CTTCTGCCCA CCTGGACACA ACACCAAAAA GGCTTCTAAA NACGGGTGTN 60
AGTCTTTTNA GCAACCCGGT CCAGTACTGG GAGATACAGC 100

【0513】

【配列表423】

配列番号: 2318
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02664
 配列:
 GATCAGAGTT CCTCCTACTT ACAACCCAGG GTGTGAACAT GTHCTCCATT TTCAAGCTGG 60
 AAGAAGTGAG CAGTGTGGA GTGACGGCTG TAAGGCAGGC 100

配列番号: 2319
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02665
 配列:
 GATCTTAAGT ATAATTACAA GGAAGAAGTG AAGAAGAATA TTCTCTTAGA AGAGAAGGTA 60
 AAAAACTTT CAGAACAATT GGGAGTTGAA TTAAGTAGCC 100

配列番号: 2320
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02666
 配列:
 GATCGACTTA CTCAACATGA GACAATTCAT ACTGGTGTGA ACCACANAAA TGCAAAGAAT 60
 GTGTAAGGC CTTAGTCAT TGCTATCAAC TTAGTCAACA 100

配列番号: 2321
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02667
 配列:
 GATCTCAGGT ATCAGACCAC TGAGCAACCC ACCGCCAGNC TGCAGGCTTT CAGAGGCCCA 60
 CCTGGGCCCCA GCGTGGCCTG CCCCAGGGTG GGCTCCACG 100

配列番号: 2322
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02668
 配列:
 GATCCAGTTG TTATAGTGAA CTCATGGTAA TGGTTTGTGA GAACAATAGA GATTTTNATT 60
 TCTATGTAGA TGAGTTGCTA TGAGAATATA TGGAATTTT 100

配列番号: 2323
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02669
 配列:
 GATCAAGAAG GAGCTAGAGA CCATTTCAAA GAAAAAAAT GCTTTATAGA GTTTTAAGTA 60
 TGACTTAGAT GGGTCCAGGC AAATAAATA AAAAGAAGTG 100

【0514】

【配列表424】

配列番号: 2324

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02670

配列:

GATCTAAATT ACCTTGGGTT TCGCATATGT CTATGAAATN CTGTGATAAN GTTTTTCAAT 60
ACATTGNTTC ACTGGCGTCT GTTTTCANTT TATACTTTTA 100

配列番号: 2325

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02672

配列:

GATCGAAGGG TTTTtagaga ATGtNtttCA AAACCATGCC TGGTATTTTC AACCATAAAA 60
GAAGTTTCAG TTGTCCTTAA ATTTGTATAA CGGTTTAATT 100

配列番号: 2326

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02673

配列:

GATCGACAAA ACTTTGANCg AGGCTGACTG TGCCACCGTC CEGCCAGCCA TTCGCTCCTA 60
CTGATGAGAC AAGATGTGgT GATGACAGAA TCAGCTTTTG 100

配列番号: 2327

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02675

配列:

GATCAACCAC ATGCACATCC TTACTACAGA ATCCGTCCTT TCATTTCAAC ATTATAGCAA 60
GCTATGATTT TNATATATAA ATATTATATA AATNANGTAT 100

配列番号: 2328

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02676

配列:

GATCGAGGAC ATAAGGAACT AGTCACAGTG TTGCTGCAAC ATAGAGCTGA CATTAACTGT 60
NAGGACAATG AAGGCCAAAC AGCTCTACAT TATGCCTCTG 100

【0515】

【配列表425】

配列番号： 2329
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS02677
 配列：
 GATCCTGGAG CTGGCTGGCA ACGCGTGCCT NACAACAAGA AGACCAGGAT AATCCCCGC 60
 CACCTGCAGC TCGCCATCCG CAACGACGAG GAGTTAAACA 100

配列番号： 2330
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS02678
 配列：
 GATCTAGATA ACTCATGACA TTTTATTTGA CCAACATAGC ACATGATGAG ATATCAAGGT 60
 AATTAATAA GCATGCTTGA AAAAAAATA CGTAATCTGT 100

配列番号： 2331
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS02679
 配列：
 GATCCCCCTGG CTCCCCAGCA CACATTCCTT TGAATAAGG TTTCAATATA CATCTACATA 60
 CTATATATAT ATTTGGCAAC TTGTATTTGT GTGTATGTAT 100

配列番号： 2332
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS02680
 配列：
 GATCGAAATC ACTATAATTT TAACCCTNGT GATTGGAATG AATATGGTTT GTGCTGGAAG 60
 CTCCGAGGTG GAAGAGACTC GTGCAATGGA GATTCTGGAA 100

配列番号： 2333
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS02681
 配列：
 GATCCCTGCT GAATCCACAG GCCAAAATAG TCAATGTAAC TGCAAATCTA ATTTATCCT 60
 CCTTTCCTGA GGCCAACTCA GGAAATNAAA GGACGATTCT 100

配列番号： 2334
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS02682
 配列：
 GATCCAATTA AAAAAAATTA AAACCAATTT AAAAAAAAAA AGANCACAGG AGATTCCAGT 60
 CTACTTGAGT TAGCATAATA CAGAAGTCCC CTCTACTTNA 100

【0516】

【配列表426】

配列番号： 2335

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02684

配列：

GATCAAGCGG AAAGAGTTTA AGTGTCTAAC AAACCTAAAG CTACTGTAGT ACCTAAAAAG 60
TCAGTGTGTG ACATAGCATA AAANCTCTGC AGAGAAGTAT 100

配列番号： 2336

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02685

配列：

GATCTTTTCT AATATGGTAT TACAATGAAA AGAATAAAGA GAAGATTTGA ATTTNCAGTT 60
TCATTTTCAA AAACCTATTTA CCAAAACAAA TGGAGAAGAA 100

配列番号： 2337

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02686

配列：

GATCCCTCTG TACAGGCTGG ATGGAAGGGG CCCTCCACAC TtCCTGGGAG GTCAGAGACA 60
AACTGTTTCA GAGAGTCAGA TGGACTTCCC AAGACTTGGT 100

配列番号： 2338

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02687

配列：

GATCAGCAGC CGAGAAAAGT ACATCAACAA TCAGCTTGAG AATTTGGTTC AAGAATATCG 60
TGCAGCTCAA GCCCAGCTGA GTGAGGCAAA GNAGCGATAC 100

配列番号： 2339

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02688

配列：

GATCCNACTT TAGAAGCCTA CTTTNTAACC AAGGAGCTCA ATTTTTTTTT TAAAGCTTTA 60
CTAATCTACC ANAGCATTGT AGATATTTTT TTTTAACATC 100

【0517】

【配列表427】

配列番号：2340
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02689
 配列：
 GATCCTATGT CTGTCTGTCC ACCACGAGAT GGGAGGAGGA GAAAAAGCGG TACGATGCCT 60
 TCCTGACCTC ACCGGCCTCC CCAAGGGTGC CGGCACTCTG 100

配列番号：2341
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02690
 配列：
 GATCTGCAGG GGTCTGGGAG TCAGGCCCGG CCTATTGCTT GGGTCTCTCT CTATTTATAT 60
 ATCTAAGTTC ACAGTGTTTC TTATTCCCC TAAGCTTCTA 100

配列番号：2342
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02691
 配列：
 GATCTAGAAT CTCITTATGT TCTCCAGAGG AAGGTGGAAG AAACCATGGG CAGGAGTAGG 60
 AATTGAGTGA TAAACAATTG GGCTAATGAA GAAACTTCT 100

配列番号：2343
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02692
 配列：
 GATCACTCCG CCTTCTCCTG GGCTCCCGTA GCACACTATA ACATCTGCTG GAGTGTGCT 60
 GTTGACCAT ACTTCTTGT ACATTGTGT CTCCTTCCC 100

配列番号：2344
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02693
 配列：
 GATCGCCTAC AAGCCAGCCC CTGGCACCTG CTGCTACATC ATGAAGATAG CTGCACAGAG 60
 CATCCCCAGT CTTGAGGCTC TCAATAGAAA AGNCCACAAC 100

配列番号：2345
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02694
 配列：
 GATCTAGAGG TTCCANTGCT ATNCTCTCTT CTGTCTGAG AGCCAGGACC CTGGGGGAAA 60
 TAACGGGCAA AAAAGCACTT TNAAGACAGA TATAGTGGGA 100

【0518】

【配列表428】

配列番号: 2346

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02695

配列:

GATCTTAAAG CTTTGAGCAC CTGCCATTTT GCCTTGCAATC GTTTCCTCG TCATGCATTT 60
 CCACATATCC ACAAACACAG AACGACTTTA GACAAGCACA 100

配列番号: 2347

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02696

配列:

GATCTATTAA AAAGGTTAAG AGGCCAGGTT ACCCACCANT CTTTGCACTG TNCTGACACT 60
 TTCCCCAGGA GGAAAACAAG TACAAAGGTT ACGGTGGAGG 100

配列番号: 2348

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02697

配列:

GATCACA AAAA AAATCAGTCT TTAAGCATTT GCTTGGAAG GTTTCCTTAAN ATNAGGTTTA 60
 TAATACAACC ATCTGTAATG TATCTNTCGN TTGANCTTGT 100

配列番号: 2349

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02698

配列:

GATCAGCTTG CAGAGCTTG CTTTTAGGTT AGATACAAAC AAAGTAAATC ATAGTTGGTG 60
 TAAATCCAGC AAAAAACAGC TGGCTTTGGA ATGGAGAACA 100

配列番号: 2350

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02699

配列:

GATCTGTACC ACACCTTCCG GCCAGCTGTC CTCCTGCTGA TGTTCCTCAG TGTCTACAAG 60
 GCCTTTGTTA TGGAGACCTT CGTCCACCTC TGCTCGCTGG 100

【0519】

【配列表429】

配列番号: 2351
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02700
 配列:
 GATCAACGAC AGCCTCCAGT TTCCACTTNG TGAGAGAACA AAGGAACCGG GGCATGCTCA 60
 NCTATGGCTG CAAGCCNTTC AAGTGAAGCT GGGCACTTAC 100

配列番号: 2352
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02701
 配列:
 GATCTGGAGC AGGAAGGCCT CGAGGCCACA CAGGGGCTGC TGGCCGGCGA GTGGGCCCCA 60
 CCCCTNTNGC AGCTGGGCAG CCTNTTCCAG GCNTTCGTGA 100

配列番号: 2353
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02702
 配列:
 GATCGTAAAC TTGTTGATAA AGAAGATATC GACACTAGCA GCAAAGGAGG CTGTGTCCAA 60
 CAGGCTACTG GCTGGAGGAA AGGGACAGGC CTGGNATATG 100

配列番号: 2354
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02703
 配列:
 GATCTGAAAG GAGCAAGGAA CAGCAAGGAA TTATTTTCCA GAATGACACC CGCAGCAGAA 60
 TGTGGAGTG GAAATGATGG CTGGCTATGA AGAGGAGGTC 100

配列番号: 2355
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02704
 配列:
 GATCCCAACT AATTTTACCG AACCTAAAAC CCACAAAGAG GTTGTTTGIG TTATTGTTCA 60
 ATCTTCAGTT GTAAGAGTAA TTCTCTATTT TNATATTGAA 100

配列番号: 2356
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02705
 配列:
 GATCTGACAT GATTCCTTCC TGTTCTGAAC TGTGGGGTGT GCACATCTCT ACTTGAGTCA 60
 GGTITNAGTA GAGGCTTAGA GACAGTTAGC TGAGAACAAC 100

【0520】

【配列表430】

配列番号: 2357

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02706

配列:

GATCTTTCCC AGGCCGCACC ATTTCTNTCA CTCACATGGA CCCAAGATAN AAGAATGGCC 60
 AAACCCTCAC AACCCTGAT GTTGAAGAG TTCCAAGTTG 100

配列番号: 2358

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02707

配列:

GATCCATGAG CTGCCCTGCC CACGCCTCCC CTCCCTGTAG CAACACCTCT NGGGTGTTTG 60
 GAGTTTAGCT TTTGTGGGT TGCTCTCCCT ATCCCATCTC 100

配列番号: 2359

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02708

配列:

GATCTTNCTA GGAGGGAGAC ACTGGCCNT CAAATCGTCC AGCGACCTTC CTCATCCACC 60
 CCATCCCTCC CCAGTNCATT GCACTTTAT TAGCAGCGGA 100

配列番号: 2360

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02709

配列:

GATCTTTTGT GTCTGGTTCC TTTCACGTTG AACGCTATTT TTAAGGTTTC TGCCTGTTGT 60
 AGACCACAGT CACACACTGC TGTAGTCTTA CCCCATCCTC 100

配列番号: 2361

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02710

配列:

GATCAGAAAC CAGTCTCCTT CCCCCTAGTC TGGACTGGGT ATCCCCTCTT AAATNTTTC 60
 AAAGCAACAC AAATTTAATT CCGTCACAGA ACTTGCCACT 100

【0521】

【配列表431】

配列番号: 2362
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02711
 配列:
 GATCAGAAGC CATTINATTT GGTAGGTGTG TCAGAAGGGA GAATGATGGH AGACGAACTG 60
 CTGGAAGAGG TCAGAAGATA GCCATGCTAA AATGCAATTA 100

配列番号: 2363
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02712
 配列:
 GATCCGAGAA CGCTCTAAGC CTGTCCACGA GCTCAATAGG GAAGCCTGTA ATGACTACAG 60
 ACTTTGCCAA CGCTACGCCA TGGTTTATGG ATACAATNCT 100

配列番号: 2364
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02713
 配列:
 GATCTGCAAG CATTTCCTCT TGTTCACACA TCACCTCTGG NATATTNNAN CTGTTGTTTC 60
 CAAATGGCAA ATCATCAACT AAAAGCACTT GTTCAAGTT 100

配列番号: 2365
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02714
 配列:
 GATCTGCCCCG CCTTGGCCTC TCAAAGTGTT GGGATTGCAG GCGTGACACG TGCTCCTGGC 60
 TTGAATTTTC TTATAATCCC ATGAAACCAT CATCAGAGTC 100

配列番号: 2366
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02715
 配列:
 GATCGGGGGC TTGAACCCAG GTGGTCAGGC TCTGGAGCCC ACAATTGTNT TACCCACTAT 60
 GCCCCCTCTCT AGTCATGGTC CCCAAGAGGG GCTTGGAGAC 100

配列番号: 2367
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02716
 配列:
 GATCGGCGGA CGCCCATCAC CGTGGTGAAG CAAGGCCTTG AGCCTCCCTC CTTTGTGGGC 60
 TGGTTCCTTG GCTGGGATGA TGATTACTGG TCTGTGGACC 100

【0522】

【配列表432】

配列番号： 2368

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02717

配列：

GATCACAAAA CAATTCTAAA ACCTAACTGT TTTTACCATT GAAATTTAAA TTGTGATAAT 60
AGGTTTTAAA TGTCTAGAAT GCAACTGATA GGCTTTTCTT 100

配列番号： 2369

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02718

配列：

GATCATTGGA GAGAGAATTG CACAGAAAGT CCTGAAGTTT AAAACACTTT ATGACCAGCT 60
TTGGCTCGGG AGAGTGGGGC TGCTTGTTAGA ACTGGAAGTG 100

配列番号： 2370

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02719

配列：

GATCTGGGAG TACACCAGGC AGCAGCTGCT CTCGNACGGA GATACCAAGC CATGATGTGC 60
CNNNTTAGT GAACTGCTGC TGCTGTTTACG ACTTTTTTAA 100

配列番号： 2371

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02721

配列：

GATCAGAATA CATGATGGAT GAAATTCCTT ACATGTTTTA GCAGAATNAA TTTGTTTAAT 60
ATAATAAAGT TTGCTACTTA TCTGTATGTA GGTGCTAAA 100

配列番号： 2372

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02722

配列：

GATCAGTTAT AAGTAGCAGG CCAAGTCAGG CCCTTATTTT CAAGAACTG AGGAATTTTC 60
TTTGTGTAGC TTTGCTCTTT GGTAGAAAAG GCTAGGTACA 100

【0523】

【配列表433】

配列番号：2373
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02723
 配列：
 GATCAATCCC AAGAATCCAT CAGCAACCTC AGACCAACCC AAGAAGATAA TTAAATCTA 60
 TACTGCTTAT TGGTCAATAT ATTTGGTTCT AGTATTAATA 100

配列番号：2374
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02724
 配列：
 GATCTGCATA AACAGGGTTC CTGACCTCAC CGAAAAGACT AATGTGCCTT AGAACAAGCA 60
 TTTGCTGTGT TTTGTTAGCA CCTGGTTCCA GGACAGACCC 100

配列番号：2375
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02725
 配列：
 GATCTTCTCA GCCAGGAGAA GAGGGTGGTG TTTTCACGGG GGCAACTGCT CGCCGGCCTA 60
 CATGGGGTTA ATTCAAGTCT GCTGCGAGCA CGACTCCGCC 100

配列番号：2376
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02727
 配列：
 GATCTGGAAC ACTCCCCTGA CCCCTTCACA CCTGGCCCTC CCTGGGCTTA AAGCTCCTGA 60
 TATTCCTCAT CCCCTTCCTT GTTTTCAGA ATCGGTCGAC 100

配列番号：2377
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02728
 配列：
 GATCGTAGAT TTTTAACAAT CTGTATCTTT AACAATTCTG GGTGCNAGTG TNAGACTGTG 60
 AGCAGGGCTT GCTCCTGCCA ACCACAATTC AATGAATCCC 100

配列番号：2378
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02729
 配列：
 GATCTAACCA ACTCAACTGA TAGAAAGCTG AATTGTTCCC AGTGGACAAG TGCTATTTGA 60
 TGTTTAGCAG GTTTTTTTGT TGTTATTTT TTGGTAAACT 100

【0524】

【配列表434】

配列番号: 2379

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02730

配列:

GATCATGCAT TGTTGAGGTG GTCTGAATGT TCTGACATTA ACAGTTTTCC ATGAAAACGT 60
 TTTATTGTGT TTTTAATTTA TTTATTAAGA TGGATTCTCA 100

配列番号: 2380

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02731

配列:

GATCTATACT GTGTGGTCAT GAGTTGTGTA TACTTCCATA ACACTGTATT TTNNTTCTGT 60
 CAGTACCCTT AGGATACACT TTAACACACC TTAAGGTCTG 100

配列番号: 2381

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02732

配列:

GATCTGAAAA TTTATTTTAC CCAGCTTTCA CAATTAAGTC TGTATAAAAT GTGGTACCTT 60
 TTNGTACCTA TCCAGAGAAA CCTGTACATA TTCAATGTTA 100

配列番号: 2382

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02733

配列:

GATCAAATTA TCTTCAGCAT GTATATCTGG GGAAAAAAGG TCCGAATTTT CACATTTATA 60
 TTTAAANTTC AATTTTTTAT ATTTAAANTT CAATTTTTTA 100

配列番号: 2383

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02734

配列:

GATCCACCCG CCTTGGCCTC CCAGAGTGCT GTGATTACAG CTGTGAGCCT CCGTGCCCAG 60
 GCCAGTGTTT TCTCTTAAAT GTGTTTCAAT ATGGTGACAA 100

【0525】

【配列表435】

配列番号: 2384
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02735
 配列:
 GATCAAAAGA GCAAACAATA CTTTCTATGG CTTATCAGCA GGAGTGTTTA CCAAAGACAT 60
 TGATAAANCC ATAACAATCT CCTCTGCTCT GCAGGCAGGA 100

配列番号: 2385
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02736
 配列:
 GATCCNATTC CCGTTGCCTC AAAGCACCAG CTCTCTGCT CCATCCTCCC AAGAGCCTCC 60
 AAGGCGCCAT TGGCTTCCTG GGA CTCTGAG TCTGCCGGCC 100

配列番号: 2386
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02737
 配列:
 GATCAGGCTG GTACAGGATG CCTTAAGGTG ATGAGAGGTG AGGGTGCATG AAGAATAATG 60
 AGCACAGGGA AGAGAGAAGC AGGACAAAGT AGCAGATAAA 100

配列番号: 2387
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02738
 配列:
 GATCTGACTG CCTCCTTTCT CTGGCCTCTN CCCCCTNCCC TCTTCTCTTC AGCTAGGCTA 60
 GCTGGTTTGG AGTAGAATGG CAAC TAATTTAAT 100

配列番号: 2388
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02739
 配列:
 GATCCACTGT GAGCACCAAC CTGCTGCAGT CTCTTGGGCC CCTGCTGGCA GCTCTGCCAC 60
 GTCACCGNCT GCCTGGCTCC CACACAGCCA TGCATTGTCA 100

配列番号: 2389
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02740
 配列:
 GATCGGTAC ACAAGCTGTT CCACGATAAT TTTGTNTCA NAAGGGGAGN CTGACTACCA 60
 GGACCACTGG CCCCACTTCC AGCCCCTCCA TCTNAGTAC 100

【0526】

【配列表436】

配列番号： 2390

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02741

配列：

GATCGGAGGC TACCCTGGCT CAGTCACCAG CTGCTCACTG TGTCTTCTG TGGTCTCAGG 60
AGCTGCAGTT GTTGCTGTTG TATGAATAGA CGATAGTTAA 100

配列番号： 2391

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02742

配列：

GATCTGGGGT CCCAGTGTCA TTGGTGAAGG CCTTGGGATT CGAGGCAGCT GAGTCCTCAC 60
TGACCAAGGA TGCCCTTGTG CTTACTCCAG CCTCCTTGTG 100

配列番号： 2392

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02743

配列：

GATCTCTGAA AAGNAGGTTT CAGCCACGAG GCAGCTGNTC CCAGGACACT GAGGCCAAGA 60
GAAATGTAAC AGAGCCACAG CTCCACAGGC CTGCACTCGG 100

配列番号： 2393

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02744

配列：

GATCTNAGCT GGACAGAGGA GGAGGAAGAG GAGGAAGCAA TGGGGGAATA GTGACACCAG 60
ACAGTTGATG TCTAGATAGG ACCTCAATNA TTCCNTTAGA 100

配列番号： 2394

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02745

配列：

GATCTANGGA ACCAAACGGA AGGTTTTGAG GTGATGTAGG TCTTTCACAG TTAGCTTTGG 60
GGAATACAGA ATACTCAAAT AAAGTGCTTT GTTATTATTT 100

【0527】

【配列表437】

配列番号: 2395
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02746
 配列:
 GATCAAGTTT AAGTCAGTCA GTTAAGGGGA GGAGAAGGAG AGGTTATACN TTCAGGGGGC 60
 TACCAGACAG TGTTCCTAAC TTGGTTAAGG AGGAAGAAAA 100

配列番号: 2396
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02747
 配列:
 GATCTGATTT CAGATTTTTC CTGTATCTTT TTTACATACA TCAGAAAAAG AAATGTTTAC 60
 TATATTTTTC GTTCATTNA TGATTGTTT AAGCATTTGA 100

配列番号: 2397
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02749
 配列:
 GATCAAAATNA CCTGTGAAGG AATATTTTGC CTTTATCCTA GCTGCTGGGG AAGCGGGGAG 60
 AGGGGTCAGG NAGGCTAATG GTTGCTTTCC TGAATGTTTC 100

配列番号: 2398
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02750
 配列:
 GATCAGGGTT TNGGGTCTGT GTTCTTTCTA CCGTCAGCAC CTGTGTGGTC AATTCTGGAC 60
 ACTTCCAGAG GAAGTCTTTG AGTAGAGAAT CCTACTCAA 100

配列番号: 2399
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02751
 配列:
 GATCATGAAA ACAATGTAGG TAAAGTAAAG TATGTATTTG TCTGTGCTTG AAAAAATATTG 60
 TAAAAATGTA TGTATTTGGA ATATATTTTG TGGTTTGTCT 100

配列番号: 2400
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02752
 配列:
 GATCCGCCCTG CCTTGGCCTC CCGAAGTGCT GGAATTACAG GCATGAGCCA CTGCTCCTGG 60
 CCTAAGATGT TTTTAAATA ATGTTTTTAA CTAAATTTTA 100

【0528】

【配列表438】

配列番号： 2401

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02753

配列：

GATCTAATTA ATAGCTGACC TCCCAAATCT GACAGGATAG ACACTGCCAC GTGCAAGGCC 60
TGCCAGCCCC TCAGACGCAC AAAATGCGTA AAACAAATGC 100

配列番号： 2402

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02754

配列：

GATCCATGTG CAGTAATGCC TGGTGGCTCC AGGTCTGCCC CGCCGTCCTG TGGGGCTGTG 60
AGCTTTCCCA GCCTCCTGCC CGTGTGTGTG AATATCATTC 100

配列番号： 2403

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02755

配列：

GATCTTGACC GGGAAAAGGG ACTTGAGAGA ACCTTCTAGG ATAATTTNAT TTCTTGATT 60
GGTGGTGGTT ACATTTGTAA AAATCATCGA CCTCTAAATT 100

配列番号： 2404

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02756

配列：

GATCTGGAAT CGGGGTCAGC GGGGCTACAG TCCTTCCAGG GGCTNTGGGG CAGCTCCCAG 60
CCTCTTCCCA TGCTGGTGGC CACCGTGTCC CTTGCTGCGG 100

配列番号： 2405

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02758

配列：

GATCCATTTT TAATGGTTCA TTTCCTTTAT GGTATATATA CTGCACAGCT GAAGATGAAA 60
GGGGAAAATA AATGAAAATT TTACTTTTTC ATGCCAATGA 100

【0529】

【配列表439】

配列番号：2406
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02760
 配列：
 GATCAGAGGA ACTTTNAGGT GTCTGCCGGC TAACATTGTG TCATTCTGG AGTCCACAGT 60
 ACACGTCCCC TGCCTCAACA GGCACAGCTC TCACAAAGCT 100

配列番号：2407
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02761
 配列：
 GATCCATTTC TACCTGCATT TCCCAGAGGA CTAGCAGGAG GCAGCCTTGA GAAACCGGCA 60
 GTTCCCAAGC CAGCGCCTGG CTGTTCTCTC ATTGTCACTG 100

配列番号：2408
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02762
 配列：
 GATCTAAATG TAAAAGCAAA TGAAAAATGC ATGTTTTTTT TCCTGTCAAA CATGTATACC 60
 CTTATNTATA GACACCAGTA GTCACGTATG GTGACTGAAA 100

配列番号：2409
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02764
 配列：
 GATCCAGAAA TTCAAACCTC GAGAGCAGAT GGAACGACAT CTAAATCTNT GAATAAAGCA 60
 GCAGGCCTGT CCTGGCCGGT TGGCTTGA CTCTCTCTG 100

配列番号：2410
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02765
 配列：
 GATCTATTAA AGTGTCAACT TTGCATTATA GAACTGAACA TGAAGTAAAT TGAGTGTTC 60
 TGAGTTTCT ATAGAAAATT TATGCTACCT CTCATCTTT 100

配列番号：2411
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02767
 配列：
 GATCGAGAAG CTGCTCAATT ATGCACCCCT GGAGAAGTGA CCACGCTGAA ACCCACCAC 60
 CCGCTGTGCT GACCATGGGC CCGAGCGTC CTACCCCGAA 100

【0530】

【配列表440】

配列番号：2412

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02768

配列：

GATCAGAGAT GCACCACCAA GCCAAGGGAA CCTGTGTCCG GTATTGGATA CTGCGACTTT 60
 NTGCCTNGAG TGTATGACTG CACATNACTC GGGGGTGGGG 100

配列番号：2413

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02769

配列：

GATCAGACAC CCCTTCACGT GTATCCCCAC ACAAATGCAA GCTCACCAAG GTCCCCTCTC 60
 AGTCCCCTTC CCTACACCCT GACCTGGCCA CTGCCGNACA 100

配列番号：2414

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02770

配列：

GATCACCCAC TTA CTGTATT CTACATTATT ATATGACATA GTATAATGAG ACAATATCAA 60
 AAGTAAACAT GTAATGACAA TACATACTAA CATTCTTGTA 100

配列番号：2415

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02771

配列：

GATCGAATGA AGGATTCAAA ATTAACCACT CCAAGGGGGG ATTGAAGGAA GAACCACTCT 60
 TAATGGACAA AAAGAAAGAA AGGGGAGGGA GTAACAGGGA 100

配列番号：2416

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02772

配列：

GATCTATAGA CATTAGGAAG GGAGTNAGAC GGCTCCTCCA CCATCCTCAG CCAGTGCAAC 60
 CCATTCCTC TGCTTCTNTC TCTCTCTCTC TCTCTCCCTC 100

【0531】

【配列表441】

配列番号: 2417
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02773
 配列:
 GATCTAGCTA GGGCTTTGTC TTTTCATCTT TGTGCATAAC TTACCTGTTA CCAGTATAGG 60
 TGGGATATAC ATTTATCTTG CAGGAAATTC CCCAAAGCTC 100

配列番号: 2418
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02774
 配列:
 GATCCACCTC ATATGTGAGT CCGTCCAAAA GATGTTACTG CTCTGGGTGG GCCAGTGTTC 60
 TATATCGGTT ATACTAACIT TCATTTAAAG TATTTATTCT 100

配列番号: 2419
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02775
 配列:
 GATCTCTGAT GCATTTGTTG ACTCCTCTGT GGGAGAAAGG CTTGGTCTAC TGCAGGTGTT 60
 AACGCTAAGC CAGGCTGGAG CTGCGGACGT NAGTTTCCTC 100

配列番号: 2420
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02776
 配列:
 GATCTGAATG TGAATTTCTA ATTGTATCAG ACGTTAATGT TTTAAAGCTA TAACAAAGTT 60
 TAAAATTTCT ACTTTTGTG TTINATTTAT TTTAACTGTT 100

配列番号: 2421
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02777
 配列:
 GATCCCAATC TGAGAAAAGG CAAAAGAATG GCTACTTTTT TCTATGCTGG NGTATTTTCT 60
 AATAATCCTG CTTGACCCTT ATCTGACCTC TTTGGAAACT 100

配列番号: 2422
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02778
 配列:
 GATCTTTAAC TGCCTGCTGA TAAGATATTG GGCCAACTGA AAATAGAAAT TGTTCCTTCT 60
 TAGAAATATT TTAATGCTAA CTTGTTAGTT TTCCTCAGAA 100

【0532】

【配列表442】

配列番号： 2423

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02779

配列：

GATCAAAACG CTCCATCTTT TTACAGTGGC ATAGGAAGAC GGCAAAAATT TCCTAAAGTG 60
CAATAGATTT TCAAGTGTAT TGTGCCTTGT TCTAAAACCT 100

配列番号： 2424

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02780

配列：

GATCTGCCCA TTGCTGAAAC TTCAGTACTT AAGTCCCCTA TTATNATTGT ATGGCAATCT 60
ATCTGTCCAC TCAGAAGTTA TTATATTTGT TTTATATGAT 100

配列番号： 2425

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02781

配列：

GATCTTGAAT CACTTGACAG TGTCTGTNG AATTGTGTTN GTTTTNCCT TTGATGGGCT 60
TAAAAGAAAT NATCCAAAGG GAGAAAGAGC AGTATGCCAC 100

配列番号： 2426

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02782

配列：

GATCCAAAGT AACTAAACAG GAGCCACAA GACGGTCTGC CAGATTGTCA GCGAAACCTG 60
CTCCACCAAA ACCTGAACCC AAACCAAGAA AAACATCTGC 100

配列番号： 2427

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02783

配列：

GATCCCAGGG GTGCACATGG GCCCCTTGGG TGTCTGAACA GAAGGGCATG GNAGGAAGGG 60
CTGCACCCCT GCAGTCTTAC TCTGCTGGT TAGCGGGCAG 100

【0533】

【配列表443】

配列番号: 2428

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02785

配列:

GATCCCATCC ATCAGCTCCC TTTTCTTTT CCCTTGAAC GTTCTGGCCT CAGACCAACT 60
CTCTCCNNNN HTAATCTCTC TCCTGTATAA CCCCACCTTG 100

配列番号: 2429

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02786

配列:

GATCTNTGAT TGGNTGGTTA ATGGGAAACG GTTTTTTTNT TTGGCTGCAG GTGTTCTGCT 60
GATATCAACA GCTTCCCTAT TTTAAATGCA GAAAACAGGG 100

配列番号: 2430

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02787

配列:

GATCACAGAT TTCCCTGCCA GGGTGTCTGT GGTATCAGC TGCAGGCTCA GCTNGGGTGG 60
GCCGNTTAC ACAAGCCACT CTGTACCAG TGCCTACCT 100

配列番号: 2431

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02788

配列:

GATCTTCCTA CGCACAACAC AAACGTCAGT TAATGTTCCA TCCATGCTGC TTAAAGAGCA 60
TTCCTGTCCT AGTAAAATGG GCAAGTCCCT CTACCCCCCA 100

配列番号: 2432

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02789

配列:

GATCAAAACC CAGCAGACTG CAAGCAGCAG TGAAGCAGGA TGTATGTGGA CTTGAGGATA 60
ACCTGCACTG GTCTACCTTC TGCTTCCCTG GAAAGGATGA 100

配列番号: 2433

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02790

配列:

GATCAGACCT CAATAATTTT ATACTGTAAT AAGCTCTTG AATGNTATA TTATTATTTT 60
TNACAATCAT TTCATTTTGT ATTTAATATC AATGGACTGA 100

【0534】

【配列表444】

配列番号: 2434

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02791

配列:

GATCAGGGTT TCAAGAATGA CTGCAGTGGG TTTTGGAAAC AGACTTATCA TTATTGATT 60
 GAGGTTTCCC AGAGATATAG TTCACAGTTA ATTGTTGCGC 100

配列番号: 2435

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02792

配列:

GATCNTTTAT NTTCTATTAT TTATAACTTC AGACTTGGGC CCCCTGTTCT TTCTTTCCCA 60
 TTAACITGAG TGACCTGTGT GAGAGACAGA CAGATGCCCC 100

配列番号: 2436

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02793

配列:

GATCGGAATG CGGGGTCGAG AGCTGATGGG CGGCATTGGG AAAACCATGA TGCAGAGTGG 60
 CGGCACCTTT GGCACATTCA TGGCCATTGG GATGGGCATC 100

配列番号: 2437

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02794

配列:

GATCGAGACC ATCCTGGCTA AAACGCCTGG AATGCAGTGG CACAATCACT GCTCACTGCA 60
 GCCTTGACCG THTGGACTCA AGTAATTCTC CTACTTCAAC 100

配列番号: 2438

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS02795

配列:

GATCAATCGT GCATCCTNAG TGAACCTCTG TTGTCCTCAA GCATGGTCTN NNTACTTGTG 60
 AACTATGGTG TTCAGTTTTG CCTCTGTTAG AAATTCACAC 100

【0535】

【配列表445】

配列番号：2439
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02796
 配列：
 GATCTCGITT TTAACCCCAT CCTGCCCCAC CTGCCCTATA GTTATGNCCC GTGTTCTGCT 60
 CTCCTGGTCC CAGTGCACCG TCTGCTCTGT GAACTCCTCC 100

配列番号：2440
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02797
 配列：
 GATCTATGTT TTCTGAAAAA AATTGGTTAA TGGAAGTTAT CTAATATATT TNAACTGTTT 60
 CTGTTAAAAA CAATAGGCTT CAAGATGACA TAACACCAAA 100

配列番号：2441
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02798
 配列：
 GATCCCAAAG GGGTTGGAGG CAGGGAATAT TTGAAAATTC AGACTGGAAT TCCAGGCCAA 60
 AAGCTCAAGA CCACCAGCCT CTCCTCCTGC CTGGA AAAAT 100

配列番号：2442
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02799
 配列：
 GATCATAAGT NAAAAATGTA TTTAATATAC CTAACCTACC AAACATCATA GCTTAGCCTA 60
 GCCTGCCTTA AACATGCTCA GAACACTTAC ATTAGCCTAC 100

配列番号：2443
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02800
 配列：
 GATCTGGTGG AGGGAAGTGA AGATGAAGGC CTCTCAGGCA CCATGGATGG NATGGGTGTG 60
 TGTNAAGGGG GCAGGGTCCC CAGGAGCTGC CCCAGGTCTG 100

配列番号：2444
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02801
 配列：
 GATCTATTTT TCCTAAAACA TTCCCTCCC CACTCCTCTC CCACAGAGTG CTNNHNTGTT 60
 CCAGGCCCTC CAGTGGGCTG ATGCTGGGAC CCTTAGGATG 100

【0536】

【配列表446】

配列番号：2445
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02802

配列：

GATCTTCACC AATGGCAAGT GGAATGACAG GGCTTGTGGA GAAAAGCANN TTGTGGTCTG 60
CGAGTTCTGA GCCAACTGGG GTGGGTGGG CAGTCTTG 100

配列番号：2446
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02803

配列：

GATCTAAAAA TTCAATGCAA ATATCTTTA TTTGGTAGTT TTGTCTACAT ATTTTATGCT 60
CTAGCATGTG CAATATATCT TNGTAAAGCA CGATGATACA 100

配列番号：2447
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02804

配列：

GATCCAAACT AATTTTACAT TTAACAAAAA AGTTAACTA AACTTCTTTA CTGCTGATAT 60
GTTTCCTGTA TTCTAGAAAA ATTTTACAC TTTCACATTA 100

配列番号：2448
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02805

配列：

GATCTAAAAT AAATATTGTT AAAAGCATT CCTCTAGGGA ATGGGATTTA GATTAAAAA 60
GGGTGGGATG GGAACTGTG TTTTTCATT TAAGTCCTTC 100

配列番号：2449
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS02806

配列：

GATCANCCT CAAGGGCACA TGCCAAGGGC AGAGCAGCCC ATNTAGACAG CTTTCGNAGGG 60
CATGGGGGTG TAGGGAGTTC GGGGTAGCTC CTCATTAAC 100

【0537】

【配列表447】

配列番号：2450

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02807

配列：

GATCGGCAGC AAGAGTAAAG ACACAGCTCC AGAGGCCAC ACTGTGGGGN TCTGGGCCCT 60
GCCTTAGGCA GCCCCCCTCT TTGGCCCCCT CCCGTNAGGC 100

配列番号：2451

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02808

配列：

GATCCCTTCA CTGGCCCCCT CGGGAGNCCT GGGTTGGACT CAGGGNCTCC NCCAGCTGGG 60
GNGGNGGACC GCAGCACCTA TCTGAGCAGT TAGAGCGTCT 100

配列番号：2452

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02809

配列：

GATCTTGTCT GAAATGCTAG TTTCTGACTA CAAAACTAC AGGACATAGT AGATATGCTC 60
AGTAGAGCTG CTTAAAATAA TTCCCTTTT TTTTCTGTTG 100

配列番号：2453

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02810

配列：

GATCAATGTC CCTGGTTACC TATGTGTTG AATTATCTTC GTGTTACAGG TGTTTAATGA 60
TTTNTCTCCT TCTAGCTTAT TTGTATTCA CCTGTTTTTC 100

配列番号：2454

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02811

配列：

GATCGTAAAA TTTTAAGCAC TAAAAATTT TTCATAACCT TTCATAATAA AGTTTAATAA 60
TAGGTTTATT AACTGAATTT CATTAGTTTT TTAAGAAGTG 100

配列番号：2455

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02812

配列：

GATCTACTTT GAATTCCACA CTCTCATTAA TAAATTGANT AAAAGGGAAT ATTTTGGCAC 60
CTGATATAAT CTGCCAGGCT ATGTGACAGT AGGAAGGAAT 100

【0538】

【配列表448】

配列番号： 2456

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02813

配列：

GATCAAAATTT TTTTCTTGCA ATNATGTGAT GAGTTGCCAA ATAATTGANA TTATTTTAAA 60
 ATGTTTTGTT CATATTCTTG TTTTATAATT AAAATTTTACA 100

配列番号： 2457

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02814

配列：

GATCGTTAAT GCCCTTGAAG TGGTTTTTGT GGGTGTGAAC AAATGGTGAG AATTTGAATT 60
 GGTCCCTCCT ATNATAGTAT TGAAATAAAG TCTACTTAAT 100

配列番号： 2458

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02815

配列：

GATCAGCTCC GTGGGGCTGG TTTTGGTCCA CAGCATAACA GGCAGTGCCT CCTTACCTGT 60
 GAGGAATGCA AAATAAAGCA TGGATTAAGT GAGAAGGGAG 100

配列番号： 2459

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02816

配列：

GATCTGTCAC TTTGTATAAA AACAAGAAAC GATTAGTTCA TTAAACTTTT TCITTACCTT 60
 CTGGTAGTAA AAATAGATAA AATAATTCCG TNTCAACTAC 100

配列番号： 2460

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02817

配列：

GATCATAAAA TGTATCTTTT CCATGGCCAA CAAGGNGCAT CTNTTATAAA TGCATAATAA 60
 CCCAGTTNGT ATCAAAGGGT ATCGACTTAA GTGAAATTC 100

【0539】

【配列表449】

配列番号：2461
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02818
 配列：
 GATCTGTGCA ATAAAGTGTT TGCAGTCTTA TTTTCTCTAA GAAATTCCTT ATGGACGTCA 60
 TAATTGTTGT ATATTGAACA AAATATTTAT ACTTATGCAG 100

配列番号：2462
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02819
 配列：
 GATCCTGCCA GAAAATTTCA AAGACAGTAG ATTGAAAAGG AAAGGCTTGG TAAAAAAGGT 60
 TCAGGCATTG CTAGCCGAGT GTGACACAGT GGAGCAGAAC 100

配列番号：2463
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02820
 配列：
 GATCAGNAGG CATCACTGAG GCCAGGAGCT CTGCCCCATGA ACCTGTATCC CACGTACTCC 60
 AACTTCCATT CCTCGCCCTG CCCCCGGAGC CGAGTCCTGT 100

配列番号：2464
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02821
 配列：
 GATCCGGTTT CTNTTGTCTC GCCCCTGTTT TTTGTAGAAT CTCTTCATNC TTGACATACC 60
 TACCAGTATT ATTCCCGAGC ACACATATAC ATATGAGAAT 100

配列番号：2465
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02822
 配列：
 GATCTGTNAT TGGCATCTTG GTTCTACCTT TTATCAGATG TTGTTGCCTT GTGCAAAATNA 60
 CATTTTCTCT GAGTCTCCAT TTTCTCATTT ATAACATGCG 100

配列番号：2466
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02823
 配列：
 GATCCATGCT AATATTGTAT TTTTNTTAA AACATAGCTT TCCTGTAATT TAAAGTGCTT 60
 TTATGAAAAT ATTTGTAATT AATTATATAT AGTTGGAAAT 100

【0540】

【配列表450】

配列番号： 2467

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02824

配列：

GATCTTGTTA GAAGGCAGTA GGTCTGGGGT GGGGCCTGAG ATTCTGCATT TCTAACCAGG 60
TCCTGGGAGA TGCTGATGCT ATCGAGCCAC AACCACACTT 100

配列番号： 2468

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02825

配列：

GATCAATGCC AGATTTTNTT NTTGGGGTAA GTTAGCTGAA GTCATTTAAA GATGGAAAGG 60
TGGGAAAATN CTTTGATATT TGATGTCATT GTATCCACAT 100

配列番号： 2469

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02826

配列：

GATCCCTTCT GCCCTGGCAG AATGGCAGGG GTAATCTNAG CTTCTNCAN TCCTTTACCC 60
TAGCTGACCC CTTACCTCT CCCCCTCCCT TTNCCTTTGT 100

配列番号： 2470

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02827

配列：

GATCCAGAAT ATTTTCATTT AAAGCTCAAC CATTAATTGG AACATGGTGA AACATTGTAC 60
ACATTGTAAA AGTAGGGAAC AGTACAAAAG AATGGAATCA 100

配列番号： 2471

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02828

配列：

GATCAAAAAC CTCTATAGTA GCCACTAGGG CAAAACTGT GTGTATGTGT GTGTGTAAGT 60
GTGTGTACAC TGTTCATAT GGTTCATAT GGTACCAATA 100

【0541】

【配列表451】

配列番号: 2472
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02829
 配列:
 GATCTTCACC TCTCTGCCTC CCTACTGCCC CAACATAGCC TTGAGGAGGN TTCTCAGCCA 60
 CCAAAGGGTT CTGGCCCTT CTCACTCTCC TCTCCTCTCA 100

配列番号: 2473
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02830
 配列:
 GATCAATTTA AAATATTNA TTTCTTAAAA GCGTTTTTTG CCTGTTGTAA TGTGCAGGAC 60
 CCTTCTCCTT TCATGGGAGA GACAGGTAGT TACCTGAATA 100

配列番号: 2474
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02831
 配列:
 GATCTATTTA ATTTGAGGTT GATGTTCTAT CCAATGGCCG AAGATAGCAG CAGGTTTTTT 60
 TTTTCATATG TTGATTTGTT TCATTTGGAT TTTTTTTTA 100

配列番号: 2475
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02832
 配列:
 GATCTGAAAT GTGATGATTA TTGGAATGCA TAAACATTGA CGTATTTTGG AATGTATTAA 60
 AACTGAAATG GATAAAAATA AGTATATATG TTTATTTTGT 100

配列番号: 2476
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02833
 配列:
 GATCTTGTGT CTACTCTAGG ACTGGGCCCG AGGGTGGITT ACCTGCACCG TTGACTCAGT 60
 ATAGTTTAAA AATCTGCCAC CTGCACAGGT ATTTTGTAAA 100

配列番号: 2477
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02834
 配列:
 GATCTTCTCC TTTGTGAAGC ATCCCTCACC ACTACTACTG TGATGGGTGG GGGCCTTTCA 60
 TCTGTTTTTC CACAGCATCT ATGCTTCTNT NCACTGTATC 100

【0542】

【配列表452】

配列番号: 2478

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02835

配列:

GATCTGCATT TATCATGAGT TCCTTTTTTT TTTAACTTT ATTTTGGGA AAGTAACACA 60
 TGANGTAGTT CAGTCATGTC AGGTTTGTCT GGGGTGGANT 100

配列番号: 2479

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02836

配列:

GATCCACCCC CTGCCCACAA AAAATTGCTC CTAACCTCCAC CGCCTATCCC AAACCTACAA 60
 GAACTAATGA TAATCCCACC ACCCTTTGCT GACTCTTTTT 100

配列番号: 2480

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02837

配列:

GATCCTAGCA AATTTGCCCA ACCANCTTTA CTAAGGGGG AGGAAGGGAG GGCAAAGGGA 60
 TGAGAAGACA AGTTTCCCAG AAGTGCCTGG TTCTTTTAC 100

配列番号: 2481

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02838

配列:

GATCGGGCCT AGCCCGGCAA CACTAATGTA GAAACCTTTT TTTTACAGAG CCTAATTAAT 60
 AACTTAATGA CTGTNTACAT AGCAATGTGT GTGTATGTAT 100

配列番号: 2482

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS02839

配列:

GATCACCCGG GGCTGTCTGC ATACAGACTT CTCAGGGGAG TTCTCAGCTT GGACCCTTAT 60
 CTCCCCAGAA TCCTGGAACC TGCTCCTTCT GCTCTCGTGA 100

【0543】

【配列表453】

配列番号：2483
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02840
 配列：
 GATCTTAAGC CCAGCTCTGT TCTGCCCCCG CTTTCCTCTG TTTGATACTA TAAATTTCTT 60
 GGTTCCTTGG GATTTAGGGA TAGTGTCCCT CTCCATGTCC 100

配列番号：2484
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02843
 配列：
 GATCACAGGC CTGCTTTTG TAACAATGAT GACCCCGGCC TGTCTCATAT TCTGAAGAGG 60
 AAAAGTCAAA GTTTGCTGN GGCTCCATAT TTCAACTAAA 100

配列番号：2485
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02844
 配列：
 GATCGTATTC CCTGCTTTAA GGAAGTCTTA GNCCTGTTTG GGTGATGAGA CAAAGTTCTT 60
 GAGACATTTA AACTGTATTT ACCAGTGTGA AAAATGTCAT 100

配列番号：2486
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02845
 配列：
 GATCCAATCA GCTGTAAGTN TTAAGCACAG GGCTGAGGCT CCCTCCAAGT ACCCACTGGG 60
 AACAGCAGCT TCAACCTGAG CCTGNGTCC CAGCCAGCCC 100

配列番号：2487
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02846
 配列：
 GATCCAGAGA GTCTGAAGAC ATTTCTNATG CCTTTATATA TTGGAGAACC CTTCCCCATT 60
 TTNATATCCT TTCTTCAAAA ATCTAAATNA TGTGCCTAAA 100

配列番号：2488
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02847
 配列：
 GATCCAGTAC CTGAAAGATT TGATAGAAGA GGTCGCAAG GCAAGGGGGA AGAAAAGCGT 60
 CCCCTAGTTG AGGATAGTCA GGAGCGTCAA TGTGCTTCTA 100

【0544】

【配列表454】

配列番号：2489

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02848

配列：

GATCCTTTTG GAGTCAGACA GATGTGGTTG CATCCTAACT CCATGTCTCT GAGCATTAGA 60
TTTCTCATTT GCCAATAATA ATACCTCCCT TAGAAGTTTG 100

配列番号：2490

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02849

配列：

GATCTCCAGT GATTGGCGAT TTGACCTGGT TTCTNCCTGG ACTATTTGAA TGGGTGGATT 60
TGTGGGTGCA TCTCTTGTCT TCTTTCCTTT TCCATTCTCC 100

配列番号：2491

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02850

配列：

GATCGAGCTC ACAGGGGGCA CCCATCCTGN TAGTCAACAG AGTCTGAAGC AGTCAGGGTG 60
TTGGATTCTT CTGTTGTTGT CATCAATTCC TGCTGAGGGG 100

配列番号：2492

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02851

配列：

GATCCCGGCC AGCCAGGTGA CCCCCACGCT CTGGATGTCT CTGCTCTGTT CCTTCCCCGA 60
CCCCCTGCCC CGGCTCCCCG CCAAAGCACC CCTGCCCACT 100

配列番号：2493

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02852

配列：

GATCCAGGCA AATTCATGTT CTTTCTTTGT AACTCACTTT CTTGTCACAC ATTTCTGTGA 60
CTCAATGGAT AGCATATTTT CATCAAGTAG CACGTATAAC 100

【0545】

【配列表455】

配列番号: 2494
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02853
 配列:
 GATCCTTTTG ACTGCTGTAG TACTAAAGTG TACTTAATGT TACTANGTTN AATGCCTGGC 60
 CATTITCCAT TTATATATAT TTTTAAAGAG GCTAGAGTGC 100

配列番号: 2495
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02854
 配列:
 GATCTGATTG AGATGTACAT AGTTTTTTTT TTTACCATAA CTGAATTATT TNATCTCTTA 60
 TGTTAACATG AGAAATGTAT GCCAAATNAT TAGITGATGT 100

配列番号: 2496
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02855
 配列:
 GATCCTTATC AGGTNAGAGC AGGAATCCTT ATTCCCGGTG TCGCTAGTAC TCATCTCTGC 60
 CGCCTCCNGT CTGCCCCCAG GCTGCTGCTC CTNCTGCCCT 100

配列番号: 2497
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02856
 配列:
 GATCATACAT TTTATATGGT TGGGACTTCT CTCITCGGGA GATGATATCT TGTTTAAGGA 60
 GACCTCTTTT CAGTTCATCA AGTTCATCAG ATATTGACT 100

配列番号: 2498
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02857
 配列:
 GATCCAACCC CACCCTCCTG GGTGCGGCCA GAGGCAAGGC AGTCGCCCCA GCTCCTGAAT 60
 CCCAAGAATG GTTCTGGCAA GTACTGCTGT TTGTTTGTAG 100

配列番号: 2499
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02858
 配列:
 GATCTGCCGG CTCCCGTCCA GCCTGTGTGG AAAGGAGGCC CACGGGCACT AGGGANNCNG 60
 AATTCTACAA TCCCGCTGGG GCGGCCGGGT CGGGAGAGAA 100

【0546】

【配列表456】

配列番号：2500

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02859

配列：

GATCTTCAAT GCCTCTGAGT CATTGTTATA AAAAATCAGT TATCACTATA CCATGCTATA 60
GGAGACTGGG CAAAACCTGT ACAATGACAA CCCTGGAAGT 100

【0547】

【配列表457】

配列番号：2501
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02860
 配列：
 GATCATGGTT CTCTTTGTAC GATAGTTGGG CATCTGTATT TCCACTTGTN TGAATNTGNC 60
 TTTAAATTTT NGTTATGGGT TTCACCTTTT AAAATAATCA 100

配列番号：2502
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02861
 配列：
 GATCTGCCCC TGCATTGTAG CTTGCTTAAC GGAGCACTTC TCCTTTTTC AAAGGTCTAC 60
 ATTCTAGGGT GTGGGCTGAG TTCTTCTGTA AAGAGATGAA 100

配列番号：2503
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02862
 配列：
 GATCTTTAAA TTTTGAGACA GTATAAGGAA AATCTGGTIG GTGTCTTACA AGTGAGCTGA 60
 CACCATTTTT TATTCTGTGT ATTTAGAATG AAGTCTTGAA 100

配列番号：2504
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02863
 配列：
 GATCCAAATA TTTTCAAGCC ATGTAATCCA TTGGTTTTNT GGGCAGTTTA ATAAACCTGA 60
 ACCTTTGTGT GTTNTCTAAT TGTACCTGAG TTGACCATCC 100

配列番号：2505
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02864
 配列：
 GATCATGCCT CTTTCCAACA CGTGTTTACA ATCTCCAAAG GGA CTGTATT TNTNCTCTGT 60
 GCTTAATNTG ATTTGAAATA TGTGAATCA AAGTGAAATA 100

配列番号：2506
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02865
 配列：
 GATCGAAAAC AAACGNTAGA TAATNCCCAA GGAGCTTACC AAGAGGCATT TNATATAAGC 60
 AAGAAAGAGA TGCAACCCAC ACACCCAATC CGCCTGGGGN 100

【0548】

【配列表458】

配列番号： 2507

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02866

配列：

GATCATGCCA CTNCACTCAC ACTGACACTG CCTCGGACAA CAGAGCAANA CTNCATCTCA 60
AAAAACAAACA AAAAAAATCA CAGNCTCATT TTAAGGAGC 100

配列番号： 2508

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02867

配列：

GATCATTAAC ATGCCAGGGC AGTTCCCACT GATTTAGATG GTCCAAGATA ATCTCATTCA 60
GGAGGCTTGA AACATTAATG GTTTAGTCTT GTGAATTTTA 100

配列番号： 2509

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02868

配列：

GATCATGCCA CTGGACTCTG TGCTGAGCAA CAGAGTTAGA CQCTGTCTCT AAATAAATAA 60
ATAAACAAAT AAACAGTAAA AAAATGTATA GTTCAATCCT 100

配列番号： 2510

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02869

配列：

GATCAGATGT GGGCCCGTGT CTGGCCGCCG CCGCCCNCGC CCGTCCCTGC GGNCACCACC 60
TAATTTATTG CCGTGCGTCC TGCTGCTGTG ACTGCTTTTG 100

配列番号： 2511

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02870

配列：

GATCCTGGAC ATATTTTATA TTTATACCAA ATATTTTATA TATTTNCTAC TGTTGTCAAT 60
GGTAGTGGTT TTTAAATTTT CAAACATTCA TTACTAGTAT 100

【0549】

【配列表459】

配列番号： 2512
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02872
 配列：
 GATCCTGTTT TTTCTTAACA AGTTGAGCGG TGGGTAGAGC AGGAATTGGT TTTCCAGCAT 60
 TGTGTCCGTA AACCTGAGTT AGAATAAGAT GTAACGGAAG 100

配列番号： 2513
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02873
 配列：
 GATCCTGGAT GGAAGTGGCT TCTTTATCGA GAAGAATATA ATTCTCCATG AGGACTTAAT 60
 GAATCCAAAC CTGTGTCATG CCTGGTTTGC ATACCCAATT 100

配列番号： 2514
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02874
 配列：
 GATCTCTGCT CTTTGTGAGA GATTTGCAAA GACTCACGTT TTTNTTGTIT TCTCATCATT 60
 CCATTGTGAT ACTAAGAAAC TAAGAAGCTT AATGAAAAGA 100

配列番号： 2515
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02875
 配列：
 GATCAAAAAA GGCAGATGNA ANTACTTAAN ACTCAGTGTT TTGGAGAGAT TTCCTTTNAG 60
 TTTGTTGGTT GGCTGGTTTG AACGATAGAA ATATGCAGCA 100

配列番号： 2516
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02876
 配列：
 GATCCCCAC CTGGCAGAGG ACCCAGTACA AAATAGGCAC TCAATAGATG TTACACCAAC 60
 TTTGGAAGGG CAAACATATT TCTTAATGAG AGGCAGTCCT 100

配列番号： 2517
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02877
 配列：
 GATCTTCTCC GAGGCCACCC GAAGGTACTG AAGAGCCTCA CCTGGGGGCA TTTTGTGGGT 60
 GGAGGGCCAG AGTGTGTATA CCCAGGCTTG TCTGGAAGGA 100

【0550】

【配列表460】

配列番号： 2518

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02878

配列：

GATCTAAATA AGTGTTCCTAA GGAAAGTTTT CTAAGCAAAA TGTAATATTA CCTCATTG 60
GCATCATTAC TCTGTTAATT CTATATCAAA GGAAATAAAC 100

配列番号： 2519

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02879

配列：

GATCGTGCCC CGGGGCGCCG GCCCCTGNAG GGGCTCACCT GGATGGGGCC TGCAGTCCGT 60
TCCCGCTTTG CTTCTTCCC TGGACGGCCC GCTCCCNAA 100

配列番号： 2520

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02880

配列：

GATCACTCTT GTGGTTTTGG GGGATGGCAT TATAAGAGAG GAGACTGGAN ACAGGGGGGC 60
TATTGTNATG CAGATTTGTT GGATGTCCAC CCAGCATTCA 100

配列番号： 2521

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02881

配列：

GATCCACGC AGCGCTGAAC CGAACCGAGT AGGAAGCCTT TCTCCCCANG GCACGTGGCT 60
TCAGGGCGTT TCCCATTGAC CAAGTTTGAC CCTGNTTGA 100

配列番号： 2522

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02882

配列：

GATCGAGCTT CTCCTCTGAG TTCTAACAAA ATGGTGCTTT GAGGGTCAGC CTTTAGGAAG 60
GTGCAGCTTT GTTGTCCTTT GAGCTTCTG TTATCTGCCT 100

【0551】

【配列表461】

配列番号：2523

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02883

配列：

GATCTCTGAT TTAACCGTGT ACTATCCACA TGCATTACAA ACATTTCGCA GAGCTGCTTA 60
GTATATAAGC GTACAATGTA TGTAAATAACC ATCTCATATT 100

配列番号：2524

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02884

配列：

GATCTTCCAT CTCCTCAGCA AAAAAATAGG AGCCCTGGCC CCCCAACTTT TTNCANAGTA 60
ATAGCCTTAN TTCCTTCCTT ATCTCCTTAC CAAAGTACAN 100

配列番号：2525

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02885

配列：

GATCTACAGA TTCAATGCAA TTNCTATTAA AATCTNATCT GGCTTTTTTT GCATAAGCAA 60
CAAAGGAAAA ANTAAGACAT CAAAATTTAA AGANCTTTTG 100

配列番号：2526

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02886

配列：

GATCAGAAAA TTCATATTTA AGCAAAGTGA TACAAACACA GNGATTTGGG ANTGCCTNCA 60
TNTACAATGC AATACTTACA TTTTAATACT CTTGTAGGAG 100

配列番号：2527

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02887

配列：

GATCTNTACC CCACCCCTAT CTAACACCAC CCTTGGNTCC CACTCCAGCT CCCTGTATTG 60
ATATAACCTG TNAGGCTGGC TTGGTTAGGT TTNACTGGGG 100

配列番号：2528

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02888

配列：

GATCCAAAAT TACCTTCCTA TTGCATTTCC TACTCCTTTG CTACGNGTAT TGGACCTCTG 60
GCCAAATNAC AAAAGATGTA CTCCTTGTNC TCTAAAACCA 100

【0552】

【配列表462】

配列番号：2529

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02889

配列：

GATCAACCAA CCTTAAATAT ATGTATGTAT ATATGTATAT GTGAAAAACA GTTTGTATAG 60
TTGGAATATT TGTCTTTGTA ATTACTTGTG ATGTTTTTAAA 100

配列番号：2530

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02890

配列：

GATCTGGCAC CCCCTGGGTG GAGTGTCCCT CGGGGGCTTT GGGAAAGCAT GGCACCCTCA 60
GACCACACAG TAGCCAAGTT CTGGAGCAAA TAAAAGGCCT 100

配列番号：2531

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02891

配列：

GATCTCAAAG ATATGCACCA GTTTGAATAA ATGCTTGTTT AAAGATTAAA TTTTACAATT 60
CATTTTAAAT TATCATTITTG TGACAATATT TCTAAACAAC 100

配列番号：2532

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02893

配列：

GATCATAGGA TAGCTGACTT TGACAGTCAC ATTTATAAAG TAATTCACCT AAAGATATAT 60
ATTTTTTTCA AACAAGTTTT GCTACTTTTG AAAATAAATC 100

配列番号：2533

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02894

配列：

GATCCAAACC CATCTTCCTG GACCTGAAGC TTAIGCTTCC AGGCACCCCA CTCCTGAGCT 60
GAATAAAGAT GATTTAAGCT TAATAAATCG TGAATGTGTT 100

【0553】

【配列表463】

配列番号：2534
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02895
 配列：
 GATCTGCACA GTGTTATGGC ACCCTACTTC CTGCAGCAAC GGGACACNCT GCGGCGCCAT 60
 GTNCAGAAAC AGGAGGCCGA GANCCAGCAG CTGGCAGATC 100

配列番号：2535
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02896
 配列：
 GATCCTATCT TTNCTGGCAG GACTGGNAGC CATGGTGGGC TACGTTNTGN TCAGCGGCAT 60
 TTTTTCATC CAGCGGGCAA CGCTGCTCGG GCCCCAGGCA 100

配列番号：2536
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02897
 配列：
 GATCTAGTCC GGAATTGCTG TGTATATTGT AACGTTAAAT GAAAAAGAA CCCCCCTTTG 60
 TATTATAGTC ATGCGGTCTT ATGTATGATN AACAGTTGAA 100

配列番号：2537
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02898
 配列：
 GATCGTNAIT NAGAATCCAT GTGAATAGAC CTGCGATGGC CAAGGCTGTT TAAGCNACAC 60
 TGGGTTGGAA ACACTTGGC TCTCTCATNA TTATTAAAT 100

配列番号：2538
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02899
 配列：
 GATCCTTTTC NTTCAAGACT AAGTTAATAG AGAAGATGTT TGTAACNTG GCCCAAGCTT 60
 GGNCCTCCAG TGTATTGAAG CTAACCTCTT TNAGAAGCAC 100

配列番号：2539
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02900
 配列：
 GATCTCTGGG TAAAGAGGCC GTTTATCTTT GTAAACACGA AACATTTTTC CTTTCTCCAG 60
 TTTTCTGTTA ATGGCGAAAG AATGGAAGCG AATAAAGTTT 100

【0554】

【配列表464】

配列番号： 2540

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02901

配列：

GATCTAGGAA GACTTTGGAA AGAGTAGGAA GACTTTGGAA AGACTTTTCC AACCCATC 60
ACCAACGTCT GTGCCATTTT NTATTTTACT AATAAAATT 100

配列番号： 2541

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02902

配列：

GATCCCCAGG AGGCCTGGNC CGCCCAGAGG CTCCTCTCAG GCTGGGCCCC GACGTTTGGC 60
NCAGTGTTCC TTGTGCCCCG GGGGCCGGA GCNAGTAAAG 100

配列番号： 2542

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02903

配列：

GATCACGTTT CAGGGTCCTC CAAAANGCTA GCCCGGCACT AACTAGGGA ATTTNCCCT 60
CTCCTGTCAC TTGTCATGGT CTCCTTGGT ATTAAAGGCC 100

配列番号： 2543

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02904

配列：

GATCCCAGAA ATGTAGCTTG TTTCATATTT TAGTCTTCTT ATTTTGTAA AATGTGTAGA 60
ATTTGCTGTT TTTTNTTTTC TTTTGACAAC TCAGGAAGAA 100

配列番号： 2544

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02905

配列：

GATCAGCCCC CAAAGAAATG GGGGTGCATG CTGGGCCTGG CCCCCTGGCC CACCCCCACT 60
TTCCAGGGCA AAAAGGGCCC AGGGTTATAA TAAGTAAATA 100

【0555】

【配列表465】

配列番号：2545
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02906
 配列：
 GATCTTGGCT TCTCAACAGG GCAAAGATAC CAGGCCTNCT GCTGAGGTCA CTGCCACTTC 50
 TCACATNCTG CTTAAGGGAG CACAAATAAA GGTATTGGAT 100

配列番号：2546
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02907
 配列：
 GATCAAAATG TTTGAAGAAA GGAACTTTAT TTTTGCAAGT TACGTACAGT TTTTATGCTT 60
 GAGATATTTT AACATGTTAT GTATATTGGA ACTTCTACAG 100

配列番号：2547
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02908
 配列：
 GATCTGATGG TTTTAAAAAT GGGAGCTTCC CTNCACAGAC TCTNTCTCTC GTGCCGCTGC 60
 CATGCCCATG TAAGNAGTCC CTTTACCTT CCCCCGTGAT 100

配列番号：2548
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02909
 配列：
 GATCCCAACA GGACAAATCT GTGTACCTAT CTTTCTATCC TCCCTGAGCC TGTACCAACT 60
 AGATTCTTCA TATGTATTG TAACAGATTA AATTGGAAAG 100

配列番号：2549
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02910
 配列：
 GATCCCCAAC TGCTCCAGCC TCTGCCCAAC TGAATCTTCA GCATGTTCTC ATCGGCGGAC 60
 TNTCTTGTGT AATGTAAACT GTGCCATGTT ATTAATAAAT 100

配列番号：2550
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02911
 配列：
 GATCTGTTTG GAAAACATAG ATTGTTTTCC CCTCAAATAA GGGGAAAAAA AAANACCCTT 60
 TTNCAAAATN GNTTCTTTTG TAAAAAATTA TTTTAAAGG 100

【0556】

【配列表466】

配列番号： 2551

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02912

配列：

GATCTTTTAA ACTCTACTGT GTCATTAAGA TGCTTTGTAC AATGCCAAAC CATAGTTGGA 60
GAAACTAAGT TTAATAAATA TCAAAATAGAT TTTCTGTATT 100

配列番号： 2552

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02913

配列：

GATCTCCCC ACCCTTGGAT TAGAGTTCCT GCTCTACCTT ACCCACAGAT AACACATGTT 60
GTTTCTACTT GTAAATGTAA AGTNTTTAAA ATAAACTATT 100

配列番号： 2553

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02914

配列：

GATCTCCTNT CCCTCACTCA GTGCACGGGA CAGCTNCTCC TCCGTCACAG CTTTGGNATG 60
AAAGACAGAA GACAGCATGA TTGGCCTCAC CCACGTGCAG 100

配列番号： 2554

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02915

配列：

GATCTGTCAC TCAACTTGCT GCGTNACCTG AACACGTCAC TTTACCTCTC TGTGCCTCAG 60
TTTTCCCATG CATGAAAAAT AAAATAAAAT AAAACGGGGA 100

配列番号： 2555

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02916

配列：

GATCAGTAAG GATTTACCT CTGTTTGTA CTAAAACCAT CTACTATATG TTAGACATGA 60
CATTCTTTTT CTCTCCTTCC TGAAAAATA AGTGTGGGAA 100

【0557】

【配列表467】

配列番号: 2556
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02917
 配列:
 GATCATAGAA GGTGGGGTT CCAGAAAGGC ATCTGTGTGA TGGTTCCATN CATGTGGGAT 60
 TTCCCTACTT GCTGTATTCT CAGTTTCTAA TAAAAAGAAC 100

配列番号: 2557
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02919
 配列:
 GATCCAGGAG ATANTTTTT CATTATCCT GACCAAGACT GAGCCAGCTT AGCAACTNCT 60
 GGGGAGACAA ATNTNAGAAC CTGTGCCAG CCAGTNAGGA 100

配列番号: 2558
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02920
 配列:
 GATCGAGCCC AGCGTCAACT TCCTCAAGTC GCCCAAAGAC AACGTGGACA HCCCCACGGG 60
 GAACITCCGC AGCGGGCCCC TGACGGGGTG GCGGGTGTC 100

配列番号: 2559
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02921
 配列:
 GATCCTGCCG TGCCCCCATC CTGGCTGTTG GGGGTGTCCT GAGCCACCT NNNTNCGCCT 60
 GTTCCCTTCA GCCAACCCTT TTCTGCAGTA AAATTAAGCC 100

配列番号: 2560
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02922
 配列:
 GATCACTGAA CCAGACACAG CATTGCTGAC ACATGAGACT AACACGTGCA ATTATTTAAA 60
 AAGATTTCAA TAAACTNCC TGGCTGGCTC CGGGCCGCC 100

配列番号: 2561
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02923
 配列:
 GATCCTGTGG GTTTAGTATC ATTATCTTCA GCTCTTTGAT ACNCTGTGTT AGAGTAATAG 60
 CTAAAGGAAG TTCATGTCAA TAAATTCATA CTTATATCAC 100

【0558】

【配列表468】

配列番号： 2562
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02924
 配列：
 GATCCAGAGC TGGGGTGGAA GGAGAGCCAT TCTGAACGNC ACGNCTGGCC CGGTCAGTGC 60
 TGCATGCACT GCATATNAAA TAAAATCTGC TACACGCCAG 100

配列番号： 2563
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02925
 配列：
 GATCCCNAGG CTCTGTTCCA TGAGCCTGTT GCANGTTTTG GTACTTTAGA AATGTAACCT 60
 TTTGCTCTTA TAATTTTATT TTATTAAATT AAATTACTGC 100

配列番号： 2564
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02926
 配列：
 GATCGATGAG GCAGGTCAGT TGTAAGTGAG TCACATTGTA GCATTAAATT CTAGTATTTT 60
 TGTAGTTTGA AACAGTAACT TAATAAAGA GCAAAAGCTA 100

配列番号： 2565
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02927
 配列：
 GATCATATCT AGTNTTAAA TCTCTAGGAA CAATAGAGAT TATATCATAA CTCTGAAGAT 60
 GGACTCTAAA CTTTGGTTTA CCTCCATGGA AAATAANCGN 100

配列番号： 2566
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02928
 配列：
 GATCGAATGA GGGTTAAATG AATTATTTCA TGTAAGCTC TTAGCCCTGT GCCTGGTACA 60
 TAGTAAATNC TAAATAAATA GTGGTATTCT TACTGTTTAA 100

【0559】

【配列表469】

配列番号: 2567
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02929
 配列:
 GATCCAGCTT ATTCTTTAT TTTCAAGTCC ATTCTTGGGG CTGGTGGGA GGCAGGAGAA 60
 TACCCCTCCC TAAGCCCTTA GTGTGTGCCG AGCTTGCTTT 100

配列番号: 2568
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02930
 配列:
 GATCTATCCT CAGCACTGCT GAGTGTGCAG TCACACTTTC CTACCAACCC NCTTCTTACC 60
 ATCTCTAGCT GCCATTTGTG GGGGGAACAA AACAAGGGA 100

配列番号: 2569
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02931
 配列:
 GATCTTCAAA AATAATGCCT CTGTCTAGCA TGCCAACAAG AATGCATTGA TATTGTGAAC 60
 ATTTGTGATA TATGTATTAA TAAATAGAGC AATTACAAGC 100

配列番号: 2570
 配列の長さ: 99
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02932
 配列:
 GATCTTTCTT ACACAGTGAT TCATTCTCT ATTGTACAG TGGCTTTATG AAATATTGTG 60
 AATTGATACT GTAATCAATA AAGTGCTTTT AACCAGAAA 99

配列番号: 2571
 配列の長さ: 98
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02933
 配列:
 GATCCTGGTT CCCTGTTTGG AAAATTCACC ACCTCTAGCT CCTCACTGTT CTTTGTAAAT 60
 AACACGCTGT TGGTAATCTT ATTAATTATT TAACCAAA 98

配列番号: 2572
 配列の長さ: 97
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02934
 配列:
 GATCTGGGCA CCCTCACTGC ACAGAACAGT GGGCGCHTTA CAGACCACCG ACCGCCCCGAG 60
 GGTGAATTAC ATCTTAATAA AGCTACTGTG AGAGAAA 97

【0560】

【配列表470】

配列番号： 2573

配列の長さ：93

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02935

配列：

GATCGCCGCC AACATCCAGG CTGACTACTT GTATCGGTGA CGCCCCACCG GCCCGCAGCC 60
CCTGCTGCCC AATAAAACCA CTCCGACCCC AAA 93

配列番号： 2574

配列の長さ：92

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02936

配列：

GATCATCCCT TGACAGTAGT TTGCTTTCAT CTCACCTTTC ATTTGTCCCA AANNACCTA 60
TATTTAATAA AGTCCCCCCC NGTNGTCTCA AA 92

配列番号： 2575

配列の長さ：91

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02937

配列：

GATCCACAAA ATGAGACAAT GCATGTGAAA ATCCATGCTC ATGTTCTAAA CATGGAAACT 60
AGGAGCCTAA TAAACTTCCT AATTCAGTAA A 91

配列番号： 2576

配列の長さ：96

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02938

配列：

GATCGTATTT TTATATCATA TTCACATATT TTTTTTTTTT ATTGGTGTGA GATGACATGA 60
TTAATAAAAA AGGCAAGATA TTTTCAGAAT TTGAAA 96

配列番号： 2577

配列の長さ：88

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02940

配列：

GATCGCGCCA TCGCACTCTC AGCCTGGGCA ACAAGAGTGN AACTCCATCT CAAAAAATA 60
AAAAATAAAT AAGTAAGNAA TACCTAAA 88

【0561】

【配列表471】

配列番号: 2578
 配列の長さ: 87
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02942
 配列:
 GATCTAATAT ATATCATCAG AAAATATATA TTGTATGTTT ACTCTTATTT TCAGAAAGAG 60
 AAAATGAATA AAAATGATGA CATCAAA 87

配列番号: 2579
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02943
 配列:
 GATCATNAGG TCAGGAGTTC AAGACCAGCC TGGCCAAGAT GGTGAAACCA CATCTCTACT 60
 AAAAATACAA AAAATTAGCC AGGCGCGGTG GCAGGCGCCT 100

配列番号: 2580
 配列の長さ: 87
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02944
 配列:
 GATCGCTTGA NCCCAGGAGT TTAACCAG CCCGAGGAAC ATGGCGAAAC CCCATCTTTA 60
 CAAAAAATAC AGAAATNAGC CAAGAAA 87

配列番号: 2581
 配列の長さ: 86
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02946
 配列:
 GATCTAAGGG GTTGCCATGG TGTGAACAA TGCAACTTTT TATTTAAAAA AGCTCTGCAC 60
 TGCCATGTAT GAAAGTNTCT TTATGX 86

配列番号: 2582
 配列の長さ: 86
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02947
 配列:
 GATCCNGGAT TGCTGGGAAT GGAAGCCAGG TGGGGTCATG GCACAAGTTC TGTAATCTTC 60
 AAAATAAAAC TTTTTTTTGG TACAAA 86

配列番号: 2583
 配列の長さ: 85
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02948
 配列:
 GATCCTGGCC ACTATGCCAG TTCTGACCTC GCATCCCCCT ACCCCGAGCC CATGCAGTCT 60
 GGGACATGC CGCCTTCTCT CCAAA 85

【0562】

【配列表472】

配列番号： 2584

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02949

配列：

GATCAAATTG TACTAGTGTG TGCAGGGTTT GTCAGTACTC GTCAAAGCCA AGTCCAATTA 60
AAAAAAAAAG TCTTTGCCCT CAAA 85

配列番号： 2585

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02950

配列：

GATCTTTTCT TTAAATTTTCT TCTGCACACA CAGGACTTCT CATTTTCCAA TAAATGGGTG 60
TACTCTGCCC CAATTCTAG GGAAA 85

配列番号： 2586

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02951

配列：

GATCTTTTAC CCTTTTCACT CTTGGCTTTC TTATGTTGCT TTCATGAATG GAATNGAAAA 60
AAGATGACTC AGTTAAGGCA CAAA 85

配列番号： 2587

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02953

配列：

GATCTGCCTG ATGGGAGGGC TCCTGTGAGG GGAGACAGAC ATATCCCCAC TGAATAATTA 60
ATAAATTGG TTTTACATAT CAAA 84

配列番号： 2588

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02955

配列：

GATCTGACTG GAAAACAATC CTGTATCCCC TCCCAAAGAA TCATGGGCTT TTTTTTTNAN 60
TTAAAAAGCA GACAAATAGA CAAA 84

【0563】

【配列表473】

配列番号： 2589
 配列の長さ：82
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02957
 配列：
 GATCAAAAGA AACTTAAAA GTGGAATGGG ATATGGCTTT TGGTACCTGA AAATAAATNC 60
 TTTAATAATT GTAAGCCAGA AA 82

配列番号： 2590
 配列の長さ：82
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02958
 配列：
 GATCAAAAAT ATAGTTATAA TTTTNTAAAT TTNAAAAATG TGATTGCNCT AATAAAGAAT 60
 AAAANCTATG CTITTAACA AA 82

配列番号： 2591
 配列の長さ：81
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02959
 配列：
 GATCACTGCA GCTTCTAGGA CCCGGTTTCT TTTACTGATT TAAAAACAAA ACAAAAAAAAA 60
 ATAAAAAAGT TGTGCCTGAA A 81

配列番号： 2592
 配列の長さ：81
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02960
 配列：
 GATCTCCCAT AATTTGAAAT TGAAATCGTA TTGTGTGGCT CTGTATATTC TGTAAAAAA 60
 TNAAGGACA GAAACCTTAA A 81

配列番号： 2593
 配列の長さ：81
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02961
 配列：
 GATCAGGAGG CGGTGACTGC AATNAGCTGA GATTGTCCCA CTGCACTCCA GCCTGGGCAA 60
 CAGAGGGAGA CCCTATCTAA A 81

配列番号： 2594
 配列の長さ：79
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02962
 配列：
 GATCCACCAT CTTATCTTGG TGCCATCCCT GACTTGGCTT CTGTTCATAA ATGCCTATTA 60
 AATGTTTCTT TCTGAGAAA 79

【0564】

【配列表 474】

配列番号： 2595

配列の長さ：79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02963

配列：

GATCCAATTG CTGGTTACAT TTTGGGAAGC TCTCATTTTA GTGCTATGTA GTTTCATTGA 60
ATAAACTGTT TAATATAAA 79

配列番号： 2596

配列の長さ：75

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02964

配列：

GATCTAAGAG GAAAGTGGTT ATCGGTTCGN NTTTTATTTAT AAAGGATGCA AACATAAAAT 60
TAGATTTTTG GCAAA 75

配列番号： 2597

配列の長さ：73

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02965

配列：

GATCAGCCTT TTTGTTTCAA TGAGGTGTCC AACTGGCCCT ATTTAGATGA TAAAGAGACA 60
GTGATATTGG AAA 73

配列番号： 2598

配列の長さ：72

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02966

配列：

GATCCCAGAG TGGCCTGCCT ATCACAACCA CATCCCTTCC CCCCACAAGG CAATAAATCT 60
CATTTCTTTA AA 72

配列番号： 2599

配列の長さ：72

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02967

配列：

GATCAACGAC AAAATGCACT TCTCCCTCAA GNAGTGAGGC TTGGTCCAAT ACATGGCTCT 60
GCCCCCAGA AA 72

【0565】

【配列表475】

配列番号: 2600
 配列の長さ: 72
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02968
 配列:
 GATCAATCTT GTATTTTCTG ACCACATAAA GGCTTCTTCT CTTTGTAATA AAGTAGAAAA 60
 GCTCTCCTCA AA 72

配列番号: 2601
 配列の長さ: 74
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02969
 配列:
 GATCTTGTTT CTGAAGATGG TTAAAGTTAT AGCTTCTTAA ACGAAAGAAT AAAATACTGC 60
 AAAATGTTTT TAAA 74

配列番号: 2602
 配列の長さ: 71
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02970
 配列:
 GATCATAGGA GAGACCCATT NGCTAGCTAC TTCATTCGTT CTGACCTAAT AATAAAAGTT 60
 AGAACCATAA A 71

配列番号: 2603
 配列の長さ: 72
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02971
 配列:
 GATCTGACGT TCCTTGTGAC TTAAGGGTCC GGCTTGGGAA TTAAAGTTTG TTTCTGGCCT 60
 TTAGCCTACA AA 72

配列番号: 2604
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02972
 配列:
 GATCTGGCCA GNCAAGGGTC CACAGNGTGC CAGCCTCTCA CCCTCAGAAT AAAGACATCA 60
 GCCATTAAA 69

配列番号: 2605
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS02973
 配列:
 GATCATCTAA ACTGAGTCCA GCTGCCTAAT TCTGAATATA TATATATATA TATATCITTT 60
 CACCATAAA 69

【0566】

【配列表476】

配列番号：2606

配列の長さ：68

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02974

配列：

GATCCTTATT ACAGGAAAAG CATGAGTGGT GGCTAACCTG ACCAATAAAG TTATTTTATG 60
ATTGCAAA 68

配列番号：2607

配列の長さ：68

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02975

配列：

GATCTTAGAT TTTATGTAGT ATTAAGTGAA AAAATACGAA AATAATAAAC ATTGAAGAAA 60
AAAATAAA 68

配列番号：2608

配列の長さ：68

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02976

配列：

GATCACATTT TCTGTNGGTT AACATTGTTC CTAGCTTATA TGATGGAATT AGNTATATTC 60
TGTGTAAA 68

配列番号：2609

配列の長さ：68

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02977

配列：

GATCACATTT TTTTTTGGTT AACATTGTTC CTAGCTTATA TNATGGAATT AAATATATTN 60
TNTGTAAA 68

配列番号：2610

配列の長さ：67

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS02978

配列：

GATCCACCTA ACAAGAAACC TAAAGTGTAG AGATTGCCAT TTTNATTGT AATTTTTTTT 60
TTTTTTX 67

【0567】

【配列表477】

配列番号：2611
 配列の長さ：66
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02979
 配列：
 GATCCATATT TAGTTTTATA AGCTTCTCCC TGGTTTTTTT TTTTTTTNGG TTTTTTTTTT 60
 TGGCCX 66

配列番号：2612
 配列の長さ：66
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02980
 配列：
 GATCACACAC CGGCTGTATT TAATATGTAA CATTTTCACA NATATTAAAG AACAGAAAGT 60
 ATTAAG 66

配列番号：2613
 配列の長さ：64
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02981
 配列：
 GATCAGCATG GGCCACGTAG CGCGACTCCA TCTCTACAAA TAAATAAAAA ATTAGCTGGG 60
 CAAA 64

配列番号：2614
 配列の長さ：63
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02982
 配列：
 GATCCAATTT ATGTTTTTTC TTTNTTTATA TTTTGGGGAA AATTAAAAATT TTTTAAAGGT 60
 AAA 63

配列番号：2615
 配列の長さ：61
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02983
 配列：
 GATCAGCAAT AATNACTATG TAATCTCAAA AAACAAATAA AATATTCTTA ACANCGNCAA 60
 A 61

配列番号：2616
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02984
 配列：
 GATCCAAGCA GTGTGTCACAT ATATAACTGA TAAAGCACT TGGTCTTNGA TTATCAGAAA 60

【0568】

【配列表478】

配列番号： 2617
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02985
 配列：
 GATCATTTTG CACATAGCTT TATCAACTTT TAAACATTAA TAAACTGATT TTTTAA 58

配列番号： 2618
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02986
 配列：
 GATCTTTGCA GTTTTNGAC AATTACAAGT AAAGCTGCTA TAAACATTTG TATGCAAA 58

配列番号： 2619
 配列の長さ：74
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02987
 配列：
 GATCGACACG CAGCTAGCCT CCTGCATTGT ATGGTTATAA ATAGCACCCCT AGTGAGTNCT 60
 GTCGTCCAGT CAAA 74

配列番号： 2620
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02988
 配列：
 GATCCTGGGG CAACCCAGTC TGGTCTCTTG AATAAAGGTC AAAGCTGGAT TCTCAA 57

配列番号： 2621
 配列の長さ：56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02989
 配列：
 GATCACGTTT CGTGTTTATA CTCAACGTTA ATAAAAGGAG AGAGTTTGTA GTGAAA 56

配列番号： 2622
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02990
 配列：
 GATCGCTGTG CCTGGCATAT AGTAGGTGTT CAATAAATGC CCTGTGACTC TCAA 55

【0569】

【配列表479】

配列番号： 2623
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02991
 配列：
 GATCTATCCT CAACAACAAC AGAAAAAAGG AATAAAATAT CCTTTGTTTC CTAGTGAAA 59

配列番号： 2624
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02992
 配列：
 GATCCATTTT AAAATTTGTA ATTCAATAAA GTTTTTTTTG TTGTAAACA TAAA 54

配列番号： 2625
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02993
 配列：
 GATCTTGAT TCAGTCAGGT TAAACAACG GACAATAAAA GAATGAACAC AAA 53

配列番号： 2626
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02994
 配列：
 GATCTGGGGT GGGAGTAACA GGGCAGAAAT GATTAAATG TTTGAGCACA AA 52

配列番号： 2627
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02995
 配列：
 GATCCTTTTT TTTTCCACA AAATTTTAC AAATAAAAAA TGTCCCTA AA 52

配列番号： 2628
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02996
 配列：
 GATCTCAAAG TGCCTTCTGA AGCATCAGAG ATTAATATT GTTCAAATA AA 52

【0570】

【配列表480】

配列番号： 2629
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02997
 配列：
 GATCTGAATG GGGCTTNCCT GATGTTGGTA TCTAAGGCTT AGGCCTATAG AT 52

配列番号： 2630
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02998
 配列：
 GATCGCACCA TTGCACTCCA GCCAGGCGAC AGGGGGAGAC AACGTCTCAA A 51

配列番号： 2631
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS02999
 配列：
 GATCTTGAAT GTATTTTCTT AAGTTTATTA ATAGACATTT TCACAATAAA 50

配列番号： 2632
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03002
 配列：
 GATCTATCTG GAAAATGNAG GACTCCGAAT AAAAAGCTAT TACTAATAAA 50

配列番号： 2633
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03005
 配列：
 GATCAGGGGA AATNTTTAAG CTAAATAAAT CTGGGGGGTT TTTTATTCAA A 51

配列番号： 2634
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03028
 配列：
 GATCGAATGG TATATATTAG AAATTACATC TGTGTAATT AAAATTGTGT GAGCAATTAA 60
 ACATGGTTGA NTTTTTCAAG CAAAAATCAG TTCATCTTTT 100

【0571】

【配列表481】

配列番号：2635

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03030

配列：

GATCACATTT TAAGCATCTN TCTCTCCTAC TCCATTTAGA AAAATAAGTA ACAGGTGAAA 60
TGTGGTCTCA GTGTTAACGG GATAATTCTG CTACCGGCTC 100

配列番号：2636

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03031

配列：

GATCAACCCC AGACTGGGCC AGAATGTTAG TGAAGGTTTT ATTGTGCCCG GTTGGAGGAT 60
AACGTTCTTT GGGTACTTTT TGTGGGTTGC AAATNAACTC 100

配列番号：2637

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03053

配列：

GATCCACAGC TTAAAGATGG GAATTCAGGT ATGAAAGAAA ACAGGCAAGG AGGCACTGAG 60
GGAGAAAGAC ACAGACTTTA TCGCTCTGTG GCTCATTGTT 100

配列番号：2638

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03055

配列：

GATCCAAAAC GCTTCGAGGC ACCCCAAATN ACCTGCCCAT TCGTNAGGAN GACCCACCCA 60
CCCAGTGTTA TATTCTGCCT CGCCGGAGTG GGTGTNCCCG 100

配列番号：2639

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03056

配列：

GATCACCATT AAATCTGAAA GTACCTTTAA AAATACTGAG ATTNCCTTCA TACTGGGCCA 60
GGNATTTNAC GAAGNACCTG CAGATGACAG GAAAGTCAAG 100

配列番号：2640

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03058

配列：

GATCTCATCA GGGGAAGGCT CTGTGATGCT GCAGGTTGAT GTAGACACAG TAAAAGGAGG 60
GCTGAAGTTC AACCCCACT NNCTGGTGA CTTCGGGAAG 100

【0572】

【配列表482】

配列番号：2641

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03059

配列：

GATCCAGGCG GGATGGAGTG TGGAGTGTGG GCACAGTGGC TTGTACAGGC CTGGNCTGGG 60
CAGACTTGCC CCGGAGTCTC AGGCCACTGC GGAAGGAGGA 100

配列番号：2642

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03060

配列：

GATCTGCGGC CCATCTACAT CTCTGTGCAG CCGCCTTCAC TGCACGTGCN GGAGCAGCGG 60
CTGCGGCAGG CATACTGA AACCGAGGAG AGCCTGGTGA 100

配列番号：2643

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03061

配列：

GATCTCAACG AGACAAACGA TGGGTGGACC CGAACTCCCC GGTGCTCTTN GAGGACCCAG 60
TCCTTTNTGC CTTGGCAAAA AAGCACAAGC GAACCCAGC 100

配列番号：2644

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03062

配列：

GATCACAGCT GGGGGAAAAA AAGCTTTTTA ATTCTGTACC TTCCTAGTAG ATAAGTGAAG 60
AGCAGGGAAA GAGACCTTTA AATATTTTNC TATAAAAAAA 100

配列番号：2645

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03063

配列：

GATCGCACCA TTACACTCCA GCCTGGGTGA CAGAGAGAGA CCCTGTGCCN NTCAAAAAAA 60
TGTTTTTTTT AAACAAGAAT CTCTCAGGCA TACTGAAATN 100

【0573】

【配列表483】

配列番号：2646

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03064

配列：

GATCTGTAAT NATCTCTATT GGCCTGGGGT GCCTGTGCTA TAAATAAGTT TCTTCACATG 60
AAAAACACAG CCAGCCCAAG ATNACTTATC TGGGTTTAGG 100

配列番号：2647

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03065

配列：

GATCGGGGCC CTGGGGCTGT NAGACCCCGA CCNTCTCGAG GAACCCCTGCC TGAACGCCCT 60
CCATTACCAC TGCGCAGTGA GATGAGGGGA CTCACAGTTG 100

配列番号：2648

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03066

配列：

GATCCCGGCN AGTNACAGGT GCCGACGTGA TGTCGCTTCT NTGGTGCCCA GCTCCCTTCC 60
TGGTCTNANA CTAGCTCTGG GGGTGGCGGG GGCCCCCACA 100

配列番号：2649

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03067

配列：

GATCGCAAGG AACTGGGCGG CCTACTACCC CGACCTGCCC ACCCCAGAAC AGCAGCAAGA 60
CATGCCCCAG TTCATACATT TATTTTCTAA GTTTTACCCC 100

配列番号：2650

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03068

配列：

GATCCGTAAG TCCATGACCA AGGAGGCCAT CCGAGAGCAC CANATGGCCC GCACTGGCGG 60
CAGGAGACAG ACCTGTNCAC CTGCGGCAAG TGCAGGAAAA 100

配列番号：2651

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03069

配列：

GATCTTCTTC AAGCCATTAT TTTAACTCAA GAAAACTCTA GAGAAGAAAA GTGAAGAAGT 60
CATGTTGAAG AAGATGTAAG AATGTGTCAA GACCATCCAG 100

【0574】

【配列表484】

配列番号：2652

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03070

配列：

GATCCCTGGT CCAGAATTCC ATTTACCTTC TGGGCCAGGT ACCACCAGAA TGCCCGCTCC 60
AGATTCCCTC AGACCTTTGC CGGTCCCATT ATTGGTCCTG 100

配列番号：2653

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03071

配列：

GATCGNCAAG AAAATTNAGA TTGGCGATGG GGCAGAGCTG ACGGCAGAGT TCCTCTACGA 60
CGAGGNGCAC CCCAAGCAAC ACGNCTTCAA GCAGGCCCTC 100

配列番号：2654

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03072

配列：

GATCTGTCTG CHTTCCTCAA GACCATTGCA CTGAATGGTG TGGAGGACGT GCGAACCGTG 60
CTGGAGCACT ATGCCCTGGA GGATGACCCG CTGGCGGCTT 100

配列番号：2655

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03073

配列：

GATCCAGTTG TGAACAAAGA GTCCTCTTNG TGGAAAAGAA AAAAAATACAT NTCCCTTTAA 60
ACGGTGGATT GAAAATAACT TTNATTTATA AAGAGAAGAC 100

配列番号：2656

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03074

配列：

GATCAAGAAT TTGGTGTGGA CGTTGGCCCT GTTTGCTTTT TATAAACCAA ACTCTATCTG 60
AAATCCCAAC AAAAAAATT TAACTCCATA TGTGTTCCCTC 100

【0575】

【配列表485】

配列番号: 2657
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03075
 配列:
 GATCAAGCCT GCCTCAATCA GTATTATAT TTATAGCCAG GTACCTTCTC ACCTGTGAGA 60
 CCAATTGAG CTAGGGGGGT CAGCCAGCCC TCCTCTGACA 100

配列番号: 2658
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03077
 配列:
 GATCAAAGGT TTAAAGTCTA ACTTCTAAGA TATATTTGCA GAAAGAAGCA ACATGACAAT 60
 AGAGAGAGTT ATGCTACAAT NATTTCTTGG TTTCCACTTG 100

配列番号: 2659
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03078
 配列:
 GATCAAACAG CTCTAAGTAT GAAGCAAGAG TAAAGACTAA GGTTCGAGA NCATTCCTAC 60
 TCACATAAGT GAAGAAATCT GTCAGATAGG AATCTAAATA 100

配列番号: 2660
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03079
 配列:
 GATCTTTGGC TGGAAACTA GAATTTATAG CAGTTTATTA ATGATACCTT AAATNACTCA 60
 GGACTTAATG TAGCATTGCA CTTCTGTGTA CAGTAAACT 100

配列番号: 2661
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03080
 配列:
 GATCCCTTCG ATGTGGATTG AGGGAGAGAG TTTGGAAACC CCAACAGGCC TGTGGCATGC 60
 ACCCGGCTGC CCTCGGACAC TGATGACAGT GATGCGTCTG 100

配列番号: 2662
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03081
 配列:
 GATCCAGACG CAAGANGGCT GTCCTCTCTA AGGAATATGG TTTTTTNCCT CTAACCTGGT 60
 CTGCCAGCTT TATAATGGTG GCCCACCTAG CCATCANTGT 100

【0576】

【配列表486】

配列番号：2663

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03082

配列：

GATCCTTCTT GGCCCCAGAA AGTCATTTGG CATGGCTCCA GCCCCCATGG CATCCGCTTN 60
TGGATAACTA CTGTGAAGCA TGGCGAACCG CGGACACAGC 100

配列番号：2664

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03083

配列：

GATCACTGTG GACAGGGTGC AGCTCTACCA GTTCCTGTTT CTNCTGAGCC AGACCCTCTT 60
CAGGGAAGGG ACCAATTAAT TTTAAACTC ACTTGAAGCA 100

配列番号：2665

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03084

配列：

GATCTATTAA GCTTGANACA TTANGTNTCA TCACGCACTG AAGACAGGAA GCAGTTCACT 60
GAGTCAGCTG GTTCCCAAGC TCGCACAGAA GGTGATAAGT 100

配列番号：2666

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03085

配列：

GATCAGCAGC CCCTGAGCGG AGAAGAGGAG CTAGAGCCTG AGGCCAGTGA TGGTTCAGGC 60
TCCTGGGAAG ATGCAGCTTT GCTGACGGAG GCCAACCTGC 100

配列番号：2667

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03086

配列：

GATCAGCGAG CTACCANGAC CAGAGACCAA CTCAAGCTAC AGCAGAAGNA TTTTCCCAAG 60
CCTGCTGACC ACAGTCACAT CACCCATCAG CACATGGAAG 100

【0577】

【配列表487】

配列番号: 2668
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03087
 配列:
 GATCCCAGCT GATGTAGACC CTCTCACCAT TACTTCATCC CTGTCATCTG ATGGGGTCCT 60
 CACTGTGAAT GGACCAAGGA AACAGGTCTC TGGCCCTGAG 100

配列番号: 2669
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03088
 配列:
 GATCTCAGCT GGAAGTTCTG TTTGGAGCCC ATTTCTGTNA GACCCTGTAT TTCAAATN7G 60
 CAGCTGAAAG GTGCTTGTAC CTCTAATTTT ACCCCANAGT 100

配列番号: 2670
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03089
 配列:
 GATCTNACGG CCAGGCCTCT NTCCTGCTGC TGTITTTAAT TTTCCAGGT AGTGGGAGAG 60
 AGGAAAGGAG GGAAGGCAAG ATTCCTTTCC CTTCCCTGCT 100

配列番号: 2671
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03090
 配列:
 GATCTAAAGG GTGTAAAAAT ATTGATACTT CAATATTTCA CTTGCTGCCA GGAAAAACAA 60
 AATTCTCAAT CTTTTGTAA TGGGAGGAGG ACTTTTGCAT 100

配列番号: 2672
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03091
 配列:
 GATCTGTCTT CAGCTCTGGA CCCAATTCCC CTTACTTCAT TTTGGCAAAC ACTAAGTCAA 60
 ATAGTGAAAT GCCTGTCACT ACATAGAACC TATTACCTGG 100

配列番号: 2673
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03092
 配列:
 GATCTGACCG GCTTCAAGCT CAAGCCCTAC GTGAGCTACC TCGCCCTNA NGAGCGAGGA 60
 GACGCCCTG ACGGCCGCGC ACTCTTTCAG CGAANCNGTG 100

【0578】

【配列表488】

配列番号：2674

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03094

配列：

GATCGTGGAG GAGGGACAAC GCTGCCACCG CTTCGCCTGC AACACGTGCC CCTACGTGCA 60
CAACATCACC CGCACGGTAA CAAATCGGAA GTACCCAAAA 100

配列番号：2675

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03095

配列：

GATCCACAAG GTTGTCTGCT AAACCTGCTC CTCCAAAGCC ACAGCCCAAG CCTAAAAAGG 60
CCCTGCAAA GAAGGGAGAG AAGATACCCA AAGGGAAAAA 100

配列番号：2676

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03096

配列：

GATCTGAATG TNCAGTTCTA GCCAAGGTAG ATTTTACTTT CAACTTTTTA ATCAGTATCA 60
CTTTCTGTGC TTAATAATTT GGTGTTACCT TGTCTGTTTT 100

配列番号：2677

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03097

配列：

GATCTTTTCT AAAGCAAGCC CTTGAGCAAG TAGGTTGCTG TCTCTAAGCC CCCTTCCCTT 60
CCACTATNAG CTGCTGGCAG TGGGTTTNTA TTCGGTTCCC 100

配列番号：2678

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03098

配列：

GATCTGCCTG CNTTGGCCTC CCAAGGTGCT GGGATTACAG GTGTGAGCCA CCACCCCCAG 60
CCGCCTCTAT GCTTTTGGNT TCTTTGATAT ATCTAAACTT 100

【0579】

【配列表489】

配列番号：2679
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03099
 配列：
 GATCTGTGTT TGTAATACTG GTTGTAATTA ATTTTTTTAA TTCATGAACN AGCGGAAAAT 60
 TTATTAAATT AACTATTAAC CACATTCACC TTGTAATGA 100

配列番号：2680
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03100
 配列：
 GATCTATCTG GNNITGTCNT TAGACTNGAT GAGAAGGTGT GAACTCTGCA GAAAGTCTCT 60
 CCTTCATCAC TGAATTCAGT CACTTGGAGA TGACAACTTC 100

配列番号：2681
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03101
 配列：
 GATCATGAAT CAAGCCCTGG AACAGATGAA GACAAAAGCG GATGAGTGAG TTATATAAAC 60
 TTACTTCCAT TCTGTTTCGG ATTTTAAGTT TGAGAGACTT 100

配列番号：2682
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03102
 配列：
 GATCAAAATA GTAATAAATC AACAAATAAT TTTTGATTGA CTGGTGAAT TAGATTACT 60
 AAATAAAAT GGCTTAAATT TTGACTGTAC TAACATATAA 100

配列番号：2683
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03103
 配列：
 GATCCGAATC TGTGCCCAGC GCTAAAGGCT CAGTGTTAGC ATGGCTTNNH CTGNCCGGTG 60
 TGCCATATTC TTGTTGGAGA TGAACCGTAG CACCAGAGCC 100

配列番号：2684
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03104
 配列：
 GATCCTCCCT GTCATGCCAC ATTTCACTGA TTGGAATGTG GAAATGGAAA AGGAATTTAG 60
 GATGTGCATT TTCACCTGAG GTTCCCTGC ATCCCTGCAG 100

【0580】

【配列表490】

配列番号：2685
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03105
 配列：
 GATCCAGTGT CCATGGAAAC ATTCCCACAT GCCGTGACTC TGGACTATAN CAGTTTTTGG 60
 AAAGCAGGGT TCCTCTGCCT GCTAACAAGC CCACGTGGAC 100

配列番号：2686
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03106
 配列：
 GATCAACCAA GGCAGATGTG ACAGCAAGGG CCACGGACCC CATGGCAGGG GTGGCGTCTT 60
 CATNAGGGAG GGGCCCAAAG CCCTTGTGGG CGGACCTCCC 100

配列番号：2687
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03108
 配列：
 GATCTGGCCT AGGTCCCCC TTTNTNCTGT CCCCTGTNTT TAAGTCGGGA TTTTACAGA 60
 GGGAGCTGTC TCCAGACAGC TCATCAGGAA CCAAGCAAAG 100

配列番号：2688
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03109
 配列：
 GATCCACCCG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCATGAGCCA TCACACCTGG 60
 TCAACTTTCT TTTGATTAGT GTTTTTGTGG TATATCTTTT 100

配列番号：2689
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03110
 配列：
 GATCAGATGT NGCTCAGAAA CTTTCATTGT TTACCTAATA ATTTAATATC ACTAGTTTCC 60
 TAGTGGGTCA AGCAGATGCA AAANCCAGCT TATTTCTTCC 100

【0581】

【配列表491】

配列番号： 2690
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03111
 配列：
 GATCAATTAC TGTCCTCACT TAGAACAAAG CCTGAGTCCG AGAATATTTA TATTTTACCA 60
 ATATATGCCT GTTACAAGAG AAGGAAATAT GAGTTATTTA 100

配列番号： 2691
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03112
 配列：
 GATCTGGAGA GGATTAGGGA CGGCTCTTGT GGGCACATTT TNNCTCTAGT TTCATGGGTG 60
 GAGATGGCAT CTCNGTGGT CTGCAGCATG CAAGTAAAGA 100

配列番号： 2692
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03115
 配列：
 GATCTACCTT GGTGATTGG ACCCTGGTIG CTTTGTGTCT AGTTTCTAG ACCCTTCATC 60
 TCTTACTTGA TAGACTTACT AATAAAATGT GAAGACTAGA 100

配列番号： 2693
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03116
 配列：
 GATCAGAAGA AAGAAAGACA ACTTTCCTCT GCGCGGAACA CTCACACGGA AGGGCTGGCC 60
 GCCTCCCTGA GCGGCTGGG AGTNGACGAC AGGACCTACC 100

配列番号： 2694
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03117
 配列：
 GATCTGAAAA AGATGGTCAT TCCGGACTCC TGACGCCGCC AGTCCCGCGG TGAGACGTGA 60
 GCNCCATTGG GTCCAGTGGC CTCTNTTTC CTGGCAACCT 100

配列番号： 2695
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03118
 配列：
 GATCAAAACC ATCCTGGCCA AAATGGTGAA CCTGTCTCT ACTAAAAATA CAAAAATTAG 60
 CTGGGCATAG TGGCACGCCG CTGCAGTCCC AGCTACTCAG 100

【0582】

【配列表492】

配列番号： 2696

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03119

配列：

GATCAGCAGG GCTACCATCT CACTCTTCTG TAATTTTACA ACATTCTAAA GGAAGTAAAT 60
CACCAGATTT GCTGATGTAT CAGGGTCCAC CAGACACTGC 100

配列番号： 2697

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03120

配列：

GATCTGGCCT GGAGAGGCCA TCCTATACCC CTTATTAGAG CCATGACAGC CTACAGAGTG 60
AGGTGAGGTG CTCCACCTT CCCAGATGGT TCCTTTCTGC 100

配列番号： 2698

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03121

配列：

GATCCCAAC AATGTGAAAA CGGCTGTCTG TNACATCCCA CCTCGGGGGC TAAAAATNTC 60
CGNCACCTTC ATTGGCAACA GCACGGCCAT CCAGGAGCTG 100

配列番号： 2699

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03122

配列：

GATCTGCGCA CGGTGCACAG CCCACCAGAG CACTACAGCC TTTTATTGAG TGGGGTGGGG 60
CAAGTGCTGG GCTGTGGTCG TGGCCTGACA GCATCTTCCC 100

配列番号： 2700

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03123

配列：

GATCACCTGG GGACAGAGGT GAAAGGCCTG CTGGGCCTGC TGGAGGAGCT GGCCTGGAAC 60
CTGCCCCCGG GACCCTTCAG CCCCCTCCC GACCTTNTCG 100

【0583】

【配列表493】

配列番号：2701
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03124
 配列：
 GATCGGCATG GTCATTACCC AAGTGAAGC CAAACCTCT GTGTATTTCA TCAAGTTTGA 60
 TGATGATTTC CATATCTATG TCTACGATT GGTGAAAAAG 100

配列番号：2702
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03125
 配列：
 GATCACACAT ATCCTTCCTG AGANGAGCAG TGAATAAAAT GGAATATCTT TTAAAGANCA 60
 GCTCCTCTTT AACAAAAAN CTAAAAAGAC AAATGTGAGA 100

配列番号：2703
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03126
 配列：
 GATCAATCCC TCAAGATTTT AAATCCTGAA GAAATTGAGA AGTATGTTGC TGAATTNAA 60
 AAAGAAAAAG AAGAAAAACGA AAAGAAGAAA CAAAAGAAAG 100

配列番号：2704
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03127
 配列：
 GATCTAGGCC TGGCAAGANC TCTGGCCCCA AGGCCTCCTC TTCCCAGGGG CTGCCAAGTC 60
 CTGGCCCTGG CCCTGGCATA TNACCCCGNA CTGTGGGGCC 100

配列番号：2705
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03128
 配列：
 GATCCATGAG GTCCTAGCCC CTGGCTGCCT GGATGCNTTC CCCCTGCTCT CAGCATATNT 60
 GGGGCGCCTC ANTGCCCGGC CCAAGCTCAA GGCCTTCCTG 100

配列番号：2706
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03129
 配列：
 GATCAGAAA TGTNATAAAA CTTTAAATGT ATAAACTTT ATCAAATAAA GTTTTATTTT 60
 CCCCTTTAAA ATGTATTTNT TTAGAGGCAT TACTTTTTTA 100

【0584】

【配列表494】

配列番号：2707

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03131

配列：

GATCCCATGC CCAGGTGTCC AGCAGACCTC AAGGCAGAAG GGTCACCTAA CCCAGGAGTC 60
CACAGACTGA TGTGACCTCA GGTTCACACA TCANTGGCCA 100

配列番号：2708

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03132

配列：

GATCCGCCCT GGAGAAGTGA GTGGCTGAGA CCCGGGTGGG GCCCTCCTAA CCTTGGNTCT 60
GGGGGCTTCC NTTCTGGGTC TTGTCCGGA TATGGCCTTC 100

配列番号：2709

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03133

配列：

GATCCACCTG CCTTGGCCTT CCAAGGTGTT GGAATTACAG GCGTGAGCAA CCGCGCCTGG 60
TCTATATGTN ATTTCAAATN AGGTGGCCTT ATAAATATAA 100

配列番号：2710

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03134

配列：

GATCTGCCCCA CCTCAGCCTC TTGAGTAGCT GGGACTACAG GTGCATACCA CCACACCTGG 60
CTAATTTTTT AATTTTNATT TTTATTAAAG ACAAGGTCTC 100

配列番号：2711

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03135

配列：

GATCTTTAAT AAAAATTTGA TATGAAAAGC ACAATGTGCA GANGTTATGG AAAACCTATA 60
GAGGATTACA ACAGGTAAAC GTTAAAGAGA ATACATTGCT 100

【0585】

【配列表495】

配列番号： 2712
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03136
 配列：
 GATCTNGCCC CTGCGCTCTN GCCTGGGTGA CAGAGCAAGA NTCTATCTNA AAAATGTTTT 60
 TAAAAAATAC TTCCTAGGGA AACACACATT TNGCCCTATT 100

配列番号： 2713
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03138
 配列：
 GATCCTAATC CCTTCCTCTC CCATTCACCC TGTGTAACAG NACCCCAAGG ACCTGCCTCC 60
 CCGGAAGTGC CTTAACCTAG AGGGTCGGGG AGGAGGTINT 100

配列番号： 2714
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03139
 配列：
 GATCAAAGTC TTAAGTGTGT TTGCAGCTCA AAAATAAAGA TGTATTAAGG AGGGGAAAAAC 60
 CTGGTCTAAG TGCAAGGCAC ACTTACAGCG AGTTTTACTT 100

配列番号： 2715
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03140
 配列：
 GATCAAATTG TGTTTAGTAT CACTATCTTC TCTCCTCGTT TCTCTCTTAC TCCTCATCCT 60
 CCCAGAATCT ACCAGTTTAT GGTAGAAAGA TGGGAACCTT 100

配列番号： 2716
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03141
 配列：
 GATCTCAAAA GTATTCCTCA GGGTAGTCTC CATTCCTGTC ATTTTNCCTC CTATTCATGA 60
 GACGGAAAAA TTATGACCAT GGTACAGAGT TGTATCAAGG 100

配列番号： 2717
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03142
 配列：
 GATCAGCAAA CAGGAATACG ATGAAGCCGG GCCTTCCATT GTCCACCGCA AATNCTTCTA 60
 AAACACTTTC CTGCTCCTCT CTGTCTCTAG CACACAAC TG 100

【0586】

【配列表496】

配列番号： 2718

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03145

配列：

GATCACGAAC ANTAGCTTGC GCTCTACTCT GTAGTTATGT GGATTGCCGA GCAATNACCC 60
TTTTCAATNT CTTATTTCTG TGTTACTGAG GACCCTAATC 100

配列番号： 2719

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03146

配列：

GATCCATTTT TNACACACAC TGCCAGAGAT ACTCTAGGCA TGTAAGCAC AAACATACAT 60
ATAAAANCTG CGGGCTTCAA AAAATATAAG TAGGATGTCA 100

配列番号： 2720

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03147

配列：

GATCTAAAAC TGGGGTTTGG GGGAGGGTTT CACCTCTCC CCACTCCNCT TGCCCCACAC 60
CCTTTACTCC CCAGCCCAGA GAGACGCTGC TTTTACCAGG 100

配列番号： 2721

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03148

配列：

GATCTTGTTA ATGCATTTTT GATGGGAAGA AAAGGTACAT GTTTACAAAG AGGTTTTATG 60
AAAAGAATAA AAATTGACTT CTTGCTTGTA CATATAGGNG 100

配列番号： 2722

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03149

配列：

GATCCTGAGG CTTTGATGCT ATTTTNTTAA TCCAGCTGGT CTGTGGAGAA GCCTGGGACA 60
GAAAGAAGCA GCCAGACTCC AGAATCCCC ATTTTAATAG 100

【0587】

【配列表497】

配列番号： 2723
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03150
 配列：
 GATCTGAAAA AAATACGGTT GAAAGTGGTG CAGGTAATTA CAATGTGTAG GCAAACCAGA 60
 AAACCATGGC TTTAACCAGC AGCTTTTGTN AGAAATNATT 100

配列番号： 2724
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03151
 配列：
 GATCCAATGC TAAACTCCAA TGGTTCAGTG ACTGTGGTTG CTCITCTTCA AGGCAGCTGA 60
 TACCTGTGCA TACTGCAGGC ATCTAAATTA GAAGACCTGC 100

配列番号： 2725
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03152
 配列：
 GATCCATATT CCTATTAATA ACATCATTGT TGGTGGCTGA ATACATTTTG GAAGAGAGTT 60
 TTTCATCTTA GAGATTGGTG AACAAGTGTG AGGGTGTGAG 100

配列番号： 2726
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03153
 配列：
 GATCTATTAG TTTAGTCTTT ATNAAAGAAT CAAATGTATA GAATTACCAA GCATTCGTGG 60
 GGAATNCTGT GTAGCAAATG TAAACTNAC CTGCTCGGAA 100

配列番号： 2727
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03154
 配列：
 GATCTACAAG NATTTTCTTT TAGTAGTTAT ACAAAGANT ATTACATTTA TTGGTCTGTA 60
 CAGTGTAATA AACCAGCAAT AGGGACAACA ACAAAGAGAA 100

配列番号： 2728
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03155
 配列：
 GATCAGTGT GCAACATANT GNAAGATG GCTACTGTGC CTGTGTTAC TTAATCATAC 60
 AGTAAGNTGA CCTGGAAATG AATGAACTA TTAATCCTAA 100

【0588】

【配列表498】

配列番号： 2729

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03156

配列：

GATCTCGAAC CCTGTCTAGA AGGAATGTAT TTGTTGCTAA ATTTCTAGC ACTGTTTACA 60
GTTTTCTCC ATGTTATTTA TGAATTTNAT ATTCCGTGAA 100

配列番号： 2730

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03157

配列：

GATCCAGAAT GGNGACTGGA CCTTCCAGAC CCTGGTGATG CTGGAACAN TTCCTCGGAG 60
TGGAGAGGTT TACACCTGCC AAGTGGAGCA CCCAAGCCTG 100

配列番号： 2731

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03159

配列：

GATCTTCCGG AAAAATAAG CCCCTCCTTC ACCCCCGCAC ACCTGCATCC CTGCCGGAGT 60
CNTGNTGAGG CACGAACCCT GCCTCCCTAG GCCGGACCTT 100

配列番号： 2732

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03160

配列：

GATCCCATAG TTTTACATTT TNCCTGTTA TTTTGATTTT TTNCACTGCT TTATTTCTTA 60
AAGTNTAGC ACATCTGTNA CTCCTCCACT TCCACATTTT 100

配列番号： 2733

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03162

配列：

GATCAAATCT CTCCTGGCTG TAGTAACCCA GTGGAATGAA TTTGGNCATG CCCCAATGCT 60
TCTATATGCT AAGTGAATC TGTGTCTGTA ATTTGTTGGG 100

【0589】

【配列表499】

配列番号： 2734
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03163
 配列：
 GATCCAAGGG CACAAGGAGA TGAGCAAGGT GTGGAACGAC CTGAGGCCCA AGCTCAGCTG 60
 CCTCTTTGCG GGACCACACA GCACCCTGAC CCCACCGTGC 100

配列番号： 2735
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03164
 配列：
 GATCCTCCTG TTTACCCCTGT ACCTCCAATG TWTGGCACTT GTAGGTGCTC AAATATTTCGT 60
 TGAATGAATG AAAAATCCAT ATTGTAATTN ANGTCCTCTG 100

配列番号： 2736
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03166
 配列：
 GATCTGCCCC CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGNTTACAG GCATGAGCCN TCGCGCCCCG 60
 CCGGATTTTT TTTTTTTTG ATTCAGCTTA TACCAGGGCT 100

配列番号： 2737
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03167
 配列：
 GATCCAAGTG GCCCAGCAGA AACGGAATTN TNGTNAAAAT GACTGATTCT GGTGCATGTN 60
 AAAGGCTCTG GGAATNAAT ACCTGTTTGG TCCAAACTTA 100

配列番号： 2738
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03168
 配列：
 GATCCTCCAT TGGAGTGGCC CAATCTTTCC TCTAGGGCAA TCCTGAAAGC CCAAGGCCCT 60
 TCNCAGTCTG GCCTTGGCTT CAGCTGGAGA AGGGTAACAT 100

配列番号： 2739
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03169
 配列：
 GATCCTCACT CCACTGTCTAT GTTGAAGA GGTATTGGTG TTCTGGAGTG GGGGTCAACC 60
 CCTCCCCAGT CTCTGTGCTA AGTTCATTG GGAGGATGGC 100

【0590】

【配列表500】

配列番号：2740

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03170

配列：

GATCCTAAGG CAAAGAGGTG TTTTTCCTTC TGGTTGATTC ATCCCAAAGC TTTCCCACCC 60
AGGTTTTCTC TGAAAGCTTA GCCTTAAGAG AACACGCAGA 100

配列番号：2741

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03171

配列：

GATCACCATG CTGCAACATG GATTATATTA ATGCTGCCCT AGAAACTTAT GGTAATNATT 60
TGTTGCAAAT NTGTGACTGT CCTTATNAAC TTTCTTTTAT 100

配列番号：2742

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03172

配列：

GATCCTGGAG CCCCCGTGTC GGGGGGGCGAG GGNNGGGCGG TGNCCGACGA GTTGANCTTC 60
TNAACATGAG TGTCAACTTC AGGACTTGCT TCCAAGCCCT 100

配列番号：2743

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03173

配列：

GATCCTTTTG AATTTTGCAC AGCCCTAGAT ACAATCCCTT TTGATAAAAG GGTCTTTGCT 60
TCTNATTACA GGAGCACTGT GGAACGTCTG TAAATATGTT 100

配列番号：2744

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03175

配列：

GATCCAAAAC ACTCAATCCT CGTAAAAGGG TACAGGTCCT ATTGTATGTT AACACACGTG 60
ATGATGTGAG CCATGTGAGA TGANCAATCA CCAGTTGTTA 100

【0591】

【配列表501】

配列番号：2745
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03176
 配列：
 GATCTGAGCC AGGATGGGAG TGAATCCCAG GCGGAGGCCA GAGCTGGCAG CCAGCTCTGC 60
 CTTTCCA CTG CCGGGAGTGC TGGGGGCCCA GCCTGGCCCC 100

配列番号：2746
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03177
 配列：
 GATCTGTTN CCNACCTCCT TCTCCTCCCC TGTACTCCCC AGTGCCTTCC ATTGTCCTGG 60
 TGGAGCTGGG GTTTCTCTCC TCCCCAGTCC CACAACACTG 100

配列番号：2747
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03178
 配列：
 GATCAGAGGA AAGATGAGAA AGAGAACAAG CATACCTATC TNACTCCTTC CAGTGGTCTC 60
 TGTTCCTTCC GTCTCCTGGA CCACGGCTAG AGTTCCCAGT 100

配列番号：2748
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03179
 配列：
 GATCGTCTGG GAGCCCAGTG TCAAGTCTGC TGAATGCAG GAAGTAGAAC AGAATCGCCA 60
 CAGGACTGTN CTGGGGCCAG CTCCCTTAA CTCTGTAGCC 100

配列番号：2749
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03180
 配列：
 GATCTNCGGN CTGTCGTTAG CAGGCTTAAT NAAGAACA CTCTCAACAGT TTCCTTTTTN 60
 TTTTCTTTA TAATTCATA AAATAAAGCA TCTATTAGTG 100

配列番号：2750
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03181
 配列：
 GATCTTACCA AAGAGGTCAA CACATGGGAC CTTTGTGTCA CATGAACCAT TTTTTTCTCT 60
 CTTCTATTAA GTGTATTNT GTTTAAGNTA CAGTTCTCTA 100

【0592】

【配列表502】

配列番号： 2751

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03182

配列：

GATCAGGAAA CGGCAACAAG CCTCCCAGTA CTGACCTGAA AACTTGTGAC AAGAAGAACA 60
CCAACAAGTG CTCCCTGGGC TGAGGACCCT TTNTGCCTC 100

配列番号： 2752

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03183

配列：

GATCTGGATT TATGTATTTG TTAGATACAT ACGAATTGTT AAAATGGAAT GCAAGTTTTT 60
CAAAAGCCCA GGTCTAAATG TAATGGTTGG TTTATTGTTT 100

配列番号： 2753

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03185

配列：

GATCCGCCCA CCTNGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTGCAG GEGTGAGCAN CCGCACCCGG 60
CCTCCTGAAT TAACATTTTC TAAAGATGCC TCCGGCGTGC 100

配列番号： 2754

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03186

配列：

GATCTCAACT ATGTNCCACT AAAGGCACAG GAATGGAAAA CTGAGAAAAG ATTTATTGGC 60
CTCACCAATT CCTTTGTTT TGGTGGTACT AATGCAACAC 100

配列番号： 2755

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03187

配列：

GATCCTGCCA CCCTGTAGCG CCAGTNTAAT CCCCCAGGAG AACATCTTTG AACTCTGCA 60
GACTGCTAGT GTTCTGTCTA AAAACCAGAC AAGGAAATAC 100

【0593】

【配列表503】

配列番号: 2756

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03188

配列:

GATCTGCCTT ATTGCATATN CCATGCATCA GATAATGGAT GCATCAGATA ATGGNGTTAG 60
 ACAAAGCTTC ATTGTGAACA ACCTAATGCA TTTNNGAGAA 100

配列番号: 2757

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03189

配列:

GATCAGANGT TTCACTTGT TCTCAGTTAT TGGATATGTA TCTTTGTGTA CATATCTTTG 60
 CAAAANTGGA TAAGTACAAA NCTTGATGTA AATNGTACCA 100

配列番号: 2758

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03190

配列:

GATCCACTGG AATTAGCCAA TACACTATAT AACAACTACTA TTAAAGTATT TTTTCCTGGA 60
 ATATAATTGG TATATGTCTT CCACTTTCCA TCATGTATGT 100

配列番号: 2759

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03192

配列:

GATCTTNAAT GCTTTGGAAA TGGGTGTAAC AGTACTGCAA TAATCAGAGC TCTGGGAAAA 60
 ACAACGAAAC TTTCCCTTGT GGAGAGGAGG GATTTCCCTG 100

配列番号: 2760

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03193

配列:

GATCTTNCTN ATCCAAGCAA TAACGGGACG AGGGAGCCAG GGCCAAGGAC ACTCAGGGAC 60
 ACTGTTGGGG CAGCGGCCCC ACATGGTAAT GTTTTNTTTA 100

配列番号: 2761

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03194

配列:

GATCGTNTTT TTNCTTGTTA AATAATTAAT ANTCATCTTA AAATTCATAC TTTGACTTTA 60
 ATTTAGACAC AAGGAGATGT AATCNCTGTG TAACATCAGA 100

【0594】

【配列表504】

配列番号： 2762

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03195

配列：

GATCGAGTTG GCCGAGGATG GATGATTNTG NGCAGCAGAA GCCGTTGCAG CCCACGTTG 60
TGCTCTAGGC AGGGACCTTT GGCCCCCTTG GGGAGGGAGA 100

配列番号： 2763

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03196

配列：

GATCCCAGGT CTGGGGATGG GGGACACCTT NGGCCACAGG ATACTGGTTG CTTCAGGGGT 60
ACCATGCCC NCTGCCCTNG CCTGGAATCA GTGTTACTGC 100

配列番号： 2764

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03197

配列：

GATCACTCNT AGAGTNGCCA TTCTGCANCT TCCTAAAAAT AJTTTAAAAA TACATTTATT 60
TTACTAAATA CTGACTACAT TTNTNTGTTA ATATTGAGCT 100

配列番号： 2765

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03198

配列：

GATCCATAGT GTGCATGGGC AGACACATTT TGCCTCTATG TCTCTTAAAA TTTTAATTAA 60
AAATACTCTT TCCAGTAATC CTAATTTGCA CGAAGATATA 100

配列番号： 2766

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03200

配列：

GATCTCACAG GACTGAGAAC TCGTTCACCT CCAAGCATTT CATGAAAAAG CTGCTTCTTA 60
TTAATCATAC AAACCTCTAC CATGATGTGA AGAGTTTCAC 100

【0595】

【配列表505】

配列番号: 2767
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03201
 配列:
 GATCTTTTCA TTTCTTACTA GCTTTTAAGA AATNAAATAC TTGCCTGAGA TAGAAATACT 60
 TTATTTTTGT AACTTTAAGG TCTAAATNAC TAAACTTCAA 100

配列番号: 2768
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03202
 配列:
 GATCAGAAAA AGAAAGAAGC CAAAGAGAAA GGTACCTGGG TTCAACTANA ACGCCACCTT 60
 GAGCTGCTGG AACCTATTCC CTATGAATTC ATGGCATAAT 100

配列番号: 2769
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03204
 配列:
 GATCCTATTT TCNTACAACC TTTCAGTGAC ATCGTTCAGG NTTCTTTCIT GGCCATTTAA 60
 AAAACAAAT TTTTTTTTNC TCACCTGTAA GTCACCGCCA 100

配列番号: 2770
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03205
 配列:
 GATCAGTAAT AGATNTAGAT ATACTATTTT NATATTGTAA GCAGTTACNT ACTCAGGATT 60
 AGNATTCGAA TTCATTGAT TTAATATGTA ATAGGTAATA 100

配列番号: 2771
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03206
 配列:
 GATCAGACGT CGCTGAGGGG CTGTNCACCA CCATCCTCGT TCTCCAGGGT CAAGGAAGTG 60
 TTTTAACATG TCGTGTITTC GACTTGACCT TGTGGTATTT 100

配列番号: 2772
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03207
 配列:
 GATCACTGTA GTTTAGTTCT GTTGACCTGT GCACCTACCC CTTGAAAATG TCTGCTGGTA 60
 TTTCTAATTC CACAGGTCAT NAGATGCCTG CTTGATAATA 100

【0596】

【配列表506】

配列番号： 2773

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03208

配列：

GATCGTTATA TTTNACATAA TATAAACAAA ATNACTAATG CATCTATATN CTGGGTTTCC 60
TTAAACTACA ATNAACCACA GAATGGGTGA AAATGCAGGC 100

配列番号： 2774

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03212

配列：

GATCCGNCCG CCTCAGCCTC CCTATATGTT TAAAAATATA ANTTTATTCT TATAAAANTA 60
AATTNAANCT AGATTGAGGT AGTAATTACA ACAGTCCAGC 100

配列番号： 2775

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03213

配列：

GATCTGATAT TTNGAGATTT TGGAGACCAT TTCCTGTGCC AGANTCACTG CTCTATTCCA 60
TACCGTGCCA TGGAGGCTGT TTTAGAAGTG GTTGGATAAC 100

配列番号： 2776

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03214

配列：

GATCCACCCA CCTTGGCCTC CCAAAGTCCT GGGATTACAG GTGGGAACCA CAGCACCTNA 60
CCCAGAATAT AAAGACACTT TTNTAATGTG CAATGAAAAA 100

配列番号： 2777

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03215

配列：

GATCCACCGT ACCAGGNAGC AGAAATATTT CTACAAAGGG GGCCTAGTTT GGAATGAGAA 60
CANNTCTGAC GGCCGGTATG TGAAGGAGAA CTGCAAACCT 100

【0597】

【配列表507】

配列番号: 2778
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03216
 配列:
 GATCATGTTG GGATTAACCT GCCTTTTTC CCAAAAAATA AACTCTCAGN CAAGCATTTT 60
 TTTAAAGCTA TTAAGGGAGT ATATACTTGA GTACTTATNN 100

配列番号: 2779
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03217
 配列:
 GATCTAGGAA AGAAGGCAAC TGAAAAACCT GAAAGAAAAA AAATNAAAGA TTAAAAGTAT 60
 ACGATATTCT ATTTTGATT AGCAATTACT TGTTHCNAG 100

配列番号: 2780
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03218
 配列:
 GATCGGCAGG CTGAGGACCA GGTCTGAGG AAGCTGGTGG ATTTGGTCAA CCAGAGAGAT 60
 GCCCTCATCC GCTTCCAGGA GGAGCGCAGG CTCAGCGAGC 100

配列番号: 2781
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03219
 配列:
 GATCCTTGTT GGTCTAGCTA AATACTGTTA GGGGAGTGTG CCCCATCTCA TCATTTTGAA 60
 GATAGCAGAG TCATAGTTGG GCACCCAGTG ATTGGGTCA 100

配列番号: 2782
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03220
 配列:
 GATCTNCCGC TCCCTCCCTG AAGGGCATGG GGCCAGGGNA GTCTGGACAG CCGCCCCCAG 60
 CCTGCTGACC CCCAGCTTC TACAGACACC ANATTTGTAA 100

配列番号: 2783
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03221
 配列:
 GATCTTTTGA GGCCTTCATT TTATGTTTT CCTTAACTGT TATATTATGA TTGTNACATA 60
 GATTATNCTA CTACTAATNT TNGGATGTTT CAAAAGGNCA 100

【0598】

【配列表508】

配列番号：2784

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03222

配列：

GATCTCTGCA CAGTTTCTTG TTTAGTCTTA TGCCTTTTAG TTGAAAAACA AATTGTATTT 60
TTTTCTNCT AAGTTTCATG GCCCTAGAGA AGAAGCCAAT 100

配列番号：2785

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03223

配列：

GATCCTGGTT TCAATGACGG TTGGAAATAG AAATTNCCAG AGAAGAGAGT ATTGGGTAGA 60
TATTTTTCTT GAATACAAAG TGATGTGTTT AAATACTGCA 100

配列番号：2786

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03224

配列：

GATCACTTAG CAACATGCTT GGNAATTTGG NATCTNTAAA GGTAGGAGAG TGGTGAACAG 60
ATAATCTATG CATATATNAC TAGTGCCAAG ACATAAAGCG 100

配列番号：2787

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03225

配列：

GATCAATTAC CTAAGTGTTT CTGGGTCTAT TTATGTATAA GAATGCITTTT TAAAGCACAT 60
GTCTCATTTT AAATNACGCA CAACTGAAG ATGTTAATAA 100

配列番号：2788

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03227

配列：

GATCCATTTG TCTGGCAGGA GGTTTTTGAT GATAAAGCAA CGCTTGCGCC AAGGCACAAT 60
AGTTGAAGNA TGGAAAGACA GCGCATATCC TGAGGAACTC 100

【0599】

【配列表509】

配列番号： 2789
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03229
 配列：
 GATCGATGGA CCGTAAATAA GCTGCCATTA ACACATCTGG TTA CTGCTGT AACATGACTA 60
 ATAAAACCGA ACGCCTGTNC CCCTTACCCG TGTGGGGGAC 100

配列番号： 2790
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03230
 配列：
 GATCAGCACA GGAAGAGCCT TCCTAAGCAT GTGGTCCCAG GGAAGGGTGA AAAGTAGGAG 60
 TTATGAACGT AATCCACCTA CTACAATGTT GAATTAAGT 100

配列番号： 2791
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03231
 配列：
 GATCCGCCCG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT TGGATTACAG GCATGAGCCA CCGCACCCAG 60
 CAAGAGTTAT TTNNTTAACT TGAAATTTTC TACTAGCCCT 100

配列番号： 2792
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03233
 配列：
 GATCCAAGGT GATACAGCTG GTAAC TGATG GAGATGTTGG TAGTGAAATN CATGTACTTT 60
 TAGTCTTTTC TATGGAATCT AGAGGNAGAA TACATGTACA 100

配列番号： 2793
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03234
 配列：
 GATCCCAGCT GTNTGTCACC AGCAGCTTTC CCAGCTTCTN TGTGAGGGTC ACTNCTGCCC 60
 ACTGCAGGGT CCCTGAGGTG AAGTAAACGC CGGCNCTGGG 100

配列番号： 2794
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03235
 配列：
 GATCATTTCC ATTTTCATAGG TTTTATTGCT GGAATAGTCA ACTTAATATA GATTCACTTT 60
 CAATTTGCAT GTATAANGTA ATACTCAATA AAATTTTTTC 100

【0600】

【配列表510】

配列番号：2795

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03236

配列：

GATCCTGGGG TTGGTCTGCT TTGTGTATGG TACTTGAAAC CACGCTGTAA TTATTGTCCT 60
GTTGCCAAAC AAAAGCCAGT CATGTAATC TAGAAGCAGT 100

配列番号：2796

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03237

配列：

GATCCTNAGC AACGAACACC TGCACCTAGA AAAAGTGGAC AGCTTCTNCC AACCACACCC 60
TACCCATGGN ACTGTATGCA ATTAATCCT GGAAACGCC 100

配列番号：2797

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03239

配列：

GATCCAAAAT TACCTTAAAT GGAGTTAAGT AGGCTTTGCA CTAAATGGAT ATAAAAGAGG 60
CTGTCTGGNC TNCIATGAAA TNATGATTAA AATCCTTTGT 100

配列番号：2798

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03240

配列：

GATCCTTAAA GAAGGTGTGG GGTCTTTCCC AACCTGAGGA TTTCTGAAAG GTTCACAGGT 60
TCAATATTTA ATGCTTCAGA AGCATGTGAG GTTCCCAACA 100

配列番号：2799

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03241

配列：

GATCTAGGGC AGGCTGTCTT CCAGTCCATG TGTCTCGGT CGCCGTAGAC AGCGCTCTGG 60
CTACCACCGT GAGGCTACTT GAACTGTCAG GGGCATCTGC 100

【0601】

【配列表511】

配列番号：2800
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03242
 配列：
 GATCACTCAA CAGCACTGTN ATGTATTATT TNNAATGAGG TGCCTTTTTT AACTGACCAA 60
 ATGCTGCCTT GTTGGCCCC TAANTCAATA AAATATGTTA 100

配列番号：2801
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03243
 配列：
 GATCTAAGAA ATAGAATTAG GGAGAGTTTA CACTTACTTA CCTATATAAA AGCAGATTTT 60
 CNTGAAGAA ACCCTTTTTT TTTTTTTTTT TAAANAGNA 100

配列番号：2802
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03244
 配列：
 GATCCAGAAG CTGGNGGACG TNACCACGGN ACAGGTGTAA CCNTACCATA ANCCGTGTGA 60
 GCAGAGTCCC TACCAACGGG CAGGTCTGCA TCCGGGGAGA 100

配列番号：2803
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03245
 配列：
 GATCTTTAAG ACAACAAGTT AGGTTCTAC TGGAGTTACC TGCCAGANTG GCCTCTTAAT 60
 TAACTCAGGT AATGAAGAGC TAACTGTGTT ATAATCATCT 100

配列番号：2804
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03247
 配列：
 GATCTGCTAA AAATGGCAAT TGTAGAATNA TGTGTATGT AATGTACATA TGGAGAAAGA 60
 ATGTATTTTN TCCATTTCTT TAATAAAATG TTATATATGG 100

配列番号：2805
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03248
 配列：
 GATCTCTGAG GCTNCGGTCA CCACCCACAA GTTGTGGCCT TGGATACCAC ACTNCAGTTG 60
 GGTGGTGATG GGGTNGTGCC TTCTAACTTT TNCNTATCT 100

【0602】

【配列表512】

配列番号： 2806

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03249

配列：

GATCAGAAGG ATACTGGTCG TTTTCTGACT TTTACAAAAT TACTTGTTTG TTTTCATTTA 60
AAAAAAGCA TAAACTATGT TTCTNGTTAC TATTAGAATT 100

配列番号： 2807

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03251

配列：

GATCGATTCT NTGACACAAA CCCACCAAT TGTNAATGCA AGTTTTFATT TGGCTGTATA 60
TACAATTTAA GCTATTAATA TTTGTACAAT ATTTACAAAT 100

配列番号： 2808

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03252

配列：

GATCATTACA TCTNAGATGT ACGTNGGTTT AGTCGGAAAG GTGGGACGAT TTGAAGGGGA 60
GGNACTTTCA GGTATAGGC GGATTAAAN ATGTCCTGAT 100

配列番号： 2809

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03253

配列：

GATCCAAGCT ATGANATANC CAACAGTATT CAAGANGCAA CCAGCACCAT CATGTGATAA 60
TGGTACTATG GCATATATGC AACATTAAAN TTTTAANTTA 100

配列番号： 2810

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03255

配列：

GATCCAGTCT TAATTTGAGC ATGAGAGCAA AATTTAGTCA TCTACACAAG AAGCAAAAGC 60
AAGGAATAGT TGTGGGTTT TTNTTTTNG GTTGTNGTTT 100

【0603】

【配列表513】

配列番号：2811
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03257
 配列：
 GATCCAGGTG GTGTTACATG TCCATTTTCAT GTTTGGGGG CTTTtagccc NACAAAACAC 60
 CTTcAGTAGA GCCTTGATTA AAAGGAAACC TGNAGACTCA 100

配列番号：2812
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03258
 配列：
 GATCTTCCCC TAGGGGGCCC TCTTACTCCT NCCTCTCTCC TCCTCCTTCC CCATTGCTGT 60
 AAATATTINA ACGAAATGGA AAAGAAAAA AAAAGACAAA 100

配列番号：2813
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03259
 配列：
 GATCACACAT CANGACTATC TACAAAAATT TATTATATAT TTNCAGAAGA NAAGCATGCA 60
 TATCATTAAH CAAATAAAAT ACTTTTATC ACAACACAAA 100

配列番号：2814
 配列の長さ：98
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03261
 配列：
 GATCTAAATA CAAAGGATAT ACAGTCTTGA NTCTAAATA ATTTGCTAAC TATTTTGATT 60
 CTTcAGAGAG AACTACTAAT AAAATCTAA AAGGTAAA 98

配列番号：2815
 配列の長さ：97
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03263
 配列：
 GATCGTNCCT ATAAATAGTA GGACCAATGT TGTGATTAAC ATCATCAGGC TTGGAATGAA 60
 TTCTCTCTAA AAATAAAATN ATGTATGATT NGTTAAA 97

配列番号：2816
 配列の長さ：96
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03264
 配列：
 GATCACTAAA GTATATCTTT AATTCTGGGA GAAATGAGAT AAAAGATGTA CTTNTGACCA 60
 TTGTAAcANT AGCACAANTA AAGCACTTGT GCCAAA 96

【0604】

【配列表514】

配列番号： 2817
 配列の長さ：93
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03267
 配列：
 GATCTGCTGT CTCCGTCCCT CCTGGGTCCC AGCAGCTGTC CTGCAGCTGT CAGCAGGAGG 60
 GCCTGGCTTT AATAAAGAGT GGACAACTG AAA 93

配列番号： 2818
 配列の長さ：93
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03268
 配列：
 GATCAAGTTC GAGGAGGCAG TCATCGCTCG AAACCGGGCC CTGGAGGGCC GCTNACCCTG 60
 CCGGANATAA AGNATACAGA GAGCCCCTCC AAA 93

配列番号： 2819
 配列の長さ：89
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03271
 配列：
 GATCCATTCT TGTATTGATA GATATTGAA TGTTCAGT TTTTCCTATT ATGAATAAAA 60
 CTGCTATGAA CATTCTTGTA TAAATCAAA 89

配列番号： 2820
 配列の長さ：95
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03274
 配列：
 GATCGACAGC GTCCTGGCCT AGGGTGCCGG GGCCTGAAGG TCAGGGTCAC CCAAGCAACA 60
 AAGTCCCGAG CAATGAAGTC ATCCACTCCT GCAAA 95

配列番号： 2821
 配列の長さ：84
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03279
 配列：
 GATCTCTACA GAGAGAAGTG GAAAATNCTG TATCAAGGGT GGGCTTAGCT GTGCCTTTCC 60
 AATAAAGATG TGAGAAGCTT CAAA 84

【0605】

【配列表515】

配列番号：2822
 配列の長さ：79
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03281
 配列：
 GATCTTTGCC CCTGGTATGC ATTTNTGGAC TCCACTGAAT CCTGNGAAAA AAAATTAAAC 60
 TTCCTTCTTA CTTGCCAAA 79

配列番号：2823
 配列の長さ：79
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03282
 配列：
 GATCCTGTCA GTTCCATNAG CTATTCCTCT TTGGTTTGGC TTTTGTATAT NATIAAAATA 60
 ATNTTTAATT CCTTTTAAA 79

配列番号：2824
 配列の長さ：77
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03283
 配列：
 GATCAATTTT TATAAAAATC GAGACAGTTC TGTGGTTAAA TCTACAAATT AAAGGGAAAT 60
 TAGAAGTTGG CGTGAAA 77

配列番号：2825
 配列の長さ：77
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03284
 配列：
 GATCTATTTT ATGCATATTG TTTATAAAGA CACATTTACA ATTTACTTTT AATATTAAAA 60
 ATNACCATAT TATGAAA 77

配列番号：2826
 配列の長さ：76
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03285
 配列：
 GATCACCATT AATCTGAAG TGNHTTTAAA ANTACTGAGA TTTCTTCAT ACTGGGCCAG 60
 GAATTTAACG AAGACX 76

配列番号：2827
 配列の長さ：75
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03286
 配列：
 GATCTTCAGT AAGTCTCTCA GGCTCTCTGA GCTTGTCAT CCTTTGTTTT GAAAAAATTA 60
 CTCACCAAT CAAA 75

【0606】

【配列表516】

配列番号：2828

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03289

配列：

GATCCCTTCA CAGCAGTAAA CCAGCTCTTT GGAACCGATT CCATCACCCC AATAAAGGAG 60
CTCTTCACAG CAAA 74

配列番号：2829

配列の長さ：73

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03294

配列：

GATCTGTTTC TTTTITNATT TACACTTTTT CTTTCCGGTT TGCCGGAATA AACAGGACCT 60
TTGACATTTG AAA 73

配列番号：2830

配列の長さ：66

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03296

配列：

GATCCATTCT AAGACTTATT GGCTGTTTGG AAGTGATAGC AAATAAAANC CACCTTGAAC 60
TGAAA 66

配列番号：2831

配列の長さ：66

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03297

配列：

GATCCGAGGG AGAGGGGTGG GAAGGGGAGA AAATGAAATA AAAGATAATT NCTGAACACG 60
CCGAAA 66

配列番号：2832

配列の長さ：63

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03299

配列：

GATCATTGAA TTTAAGGCCC ACCCCAAGTC CAGANTGACC TCGCAAGACC CTTAACCTCAC 60
AAA 63

【0607】

【配列表517】

配列番号： 2833
 配列の長さ：62
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03300
 配列：
 GATCTTTTGT ACTTNTNATA ACCTAATGTC AGACTAAGAA AAATAAAATA TCTGAGAGTA 60
 AA 62

配列番号： 2834
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03304
 配列：
 GATCCCTTCG AGACTAANTC TGTTACCACT CATGAAACAT TAAACCTAC AAGCCTTAAA 60

配列番号： 2835
 配列の長さ：68
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03305
 配列：
 GATCTTTGTC TTTTGTGATG ACAAAGCATT TATTTAATAA AGTTATGCAN TCAGTTAAAA 60
 AAANCAAA 68

配列番号： 2836
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03306
 配列：
 GATCAGATTT TTTATGCCAT CCTCATTAGT TTTCCAATAC AATATAAGTT GAAACAAA 58

配列番号： 2837
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03307
 配列：
 GATCTCAGAC TTCTGGCTTC CACAACTGTA ACAATAAATT TATGTCGTTT AAGCCAAA 58

配列番号： 2838
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03308
 配列：
 GATCCACTGG GTGAATCCTC CCGCTCAGAA CCAATAAAAT AGAATTGACC TTTTAAA 57

【0608】

【配列表518】

配列番号：2839
 配列の長さ：56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03310
 配列：
 GATCTGTGGT CATTGTCCCT CTGCAGAATA AAGATTGCTC AGGCCTGCCT GGCAAA 56

配列番号：2840
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03311
 配列：
 GATCTTTGGT TTGTTTCCAG GTTTGGTTAT TATNAATAAA GTTGCTGTGA ATACTTAAA 59

配列番号：2841
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03312
 配列：
 GATCTTCATT GGGGGATTGA GCAGCATTTA ATAAAGTCTA TGTNTGTATT TNAAA 55

配列番号：2842
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03313
 配列：
 GATCTAAGAA ATAAAGAGAA ATGTTTCANT TTGCATTGAA ATAGGAAAAC GAAA 54

配列番号：2843
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03315
 配列：
 GATCATNACT GGCTTTGCGC ATCGAGGGGC CATTAAAGAG TCTACTTTTC AAA 53

配列番号：2844
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03317
 配列：
 GATCACGCCA CTGCNCTCGA GCCTGGNCGA TGAGAGTGAA ACTCCGTCTT AAA 53

【0609】

【配列表519】

配列番号：2845
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03318
 配列：
 GATCTTTTAA AACTGCAAG TGTGAATAC TAGAGTTGT TAGACCNTTA AA 52

配列番号：2846
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03319
 配列：
 GATCTTGCCA CTGTAGTCCA GGCTGGGCTA CGGAGAGACC CTGCCTCCAA A 51

配列番号：2847
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03324
 配列：
 GATCCTTGCT GATAAATATA ACCATCAATA AAGAAGCATT CTTTCCAAA 50

配列番号：2848
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03325
 配列：
 GATTCACCA CACTGCAACC TCTGGCGACA GAGCGAGACT TGGTTTCAAA 50

配列番号：2849
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03326
 配列：
 GATCCACCCA CTCTCTGAAA CTTCTTTGCT AATAAAACAT TCCTACTAAA 50

配列番号：2850
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03331
 配列：
 GATCTTTTTT TTTCTTACA GACACCCATA ATAAAATATC ATATTAAAAT TCAAA 55

【0610】

【配列表520】

配列番号: 2851
 配列の長さ: 53
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03332
 配列:
 GATCCAGGGG GAAATGCTGG AAGTCAATAA AACTGAGTTT TGAGAGCTTG AAA 53

配列番号: 2852
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03356
 配列:
 GATCCACATA AAAAGAAATG TGAAGTTTTC TTTTACTATC TTTTCATTTA TCAAGCAGAG 60
 ACCTTTGTTG GGAGGCGGTT TGGGAGAACA CATTCTAAT 100

配列番号: 2853
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03374
 配列:
 GATCTGCTGA TTGCATTATT TTAATTTGCT TTTCTGGGAA AGCAGTTTTG CTAAAAGCTG 60
 TACAGACTTT TNCCTTTGTA CCTAGCAGTA CTTTATATAG 100

配列番号: 2854
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03375
 配列:
 GATCCCATGG GTGGCACATT GGGACTTCTN TCCCTCCCCC ATCTACACAG AAGACTGTCA 60
 CCATGCTGAC AGAAGCCTGT CCTTGTAAAG CCCAGCCTTC 100

配列番号: 2855
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03376
 配列:
 GATCTGGGCT TCCTNACTTC TGGAGAAGTG GCCATCCCAT GCCCACCTTT NCCATGGAGG 60
 AGTGGGCCCCT GCCAGCTGCC ACAGCTGCAT GACCTGCTTC 100

配列番号: 2856
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03377
 配列:
 GATCCTGATG CTGCCAGAGC CATTGTGGAT GCTTTACCAC CACCCTGTGA NTCTGCCTGC 60
 ACHGTACCAA CAGACGTGGA TAAGTGCTTC CATCACCAGA 100

【0611】

【配列表521】

配列番号：2857

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03378

配列：

GATCAAAGAT GAGGCCACAA GGACACCAGC AACTGAAGAG GCTGCCTACT TGGTATCAAG 60
ACTGAAGGAG AACTACGTTT TGCTGAGCAC TGATGGCCCT 100

配列番号：2858

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03379

配列：

GATCGCACAC ATGCTTTGTT TGGATATGGA GTGAACACAA TTATGTACCA AATTAACTT 60
GGCAAACCTT CTATTGCCTG TCCCATGTGC ATCTTATTTA 100

配列番号：2859

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03380

配列：

GATCCACCAG CTGAGCAGGG CGGGGCTGAG TAAATGCCGG CTACCATCT CTACCATCAT 60
CCGGTTTAGT CATCCAACAA GAAGAAATAT GAAATTCCAG 100

配列番号：2860

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03381

配列：

GATCTTGCTG AAAGTGTTTC TAAAGATAGC ACCACTTTTT TTTTNAAGC TTTTATATAT 60
NAAAAAACGT ATCATGCAAA 80

配列番号：2861

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03382

配列：

GATCTTAGTC CTAGCCTTTT TGCTTTTGCA ATTTCACTAT CTTTCATCTCT AAAGTAGGGA 60
AACACTGGGA TTCTTTCTTA GCTGTGGGGG AAGGTATTG 100

配列番号：2862

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03383

配列：

GATCCAGGGC AAGGCCATTG GGATATTCTG AAAGTTGAAT ATTTTGTTTT GTGCAGAGAT 60
AAAGACCTTT TCCATGCACC CTCATACACA GAAACCAATT 100

【0612】

【配列表522】

配列番号：2863

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03384

配列：

GATCCCAAAC CTAGCCCCCT AGTGGGACAA GGACCTGACC CTCCTGCCCCG CATACACAAC 60
CCATTTCCCC TGGTGAGCCA CTTGGCAGCA TATGTAGGTA 100

配列番号：2864

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03385

配列：

GATCTGTCTAT CTGGTGCTGC CAGCTGTGCT CACTCTGGTT TTCTGCTCAG GGTCTGAAGC 60
AGCTGCTGTC TNCCTCCTCT GGGGATCC CTTGGCTCTC 100

配列番号：2865

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03386

配列：

GATCTCCAAC ACTATCCGAT AAAGTAGAAG CAACTGAGGT ACCGTGAAAG AGAAAGGAGC 60
TGGAAGTGAG AAAAAGCAGA GGATTCGGAC GGAGAGCGCG 100

配列番号：2866

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03387

配列：

GATCCCCCA AGGNGAAGTG TGAGACAATG GTCTATCACC CCAACATTGA CCTCGAGGGC 60
AACGTCTGCN TCAACATCCT CAGAGAGGAC TGGAAGCCAG 100

配列番号：2867

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03388

配列：

GATCTAGAGT ATGNTGAAGA AGATGGACAT GTGGTGGTAC GAAAACAATT CCCCTGTGGC 60
CTGCTGGACT GGGTGAACC AGAACAGGCT AAGGCATACA 100

【0613】

【配列表523】

配列番号: 2868
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03389
 配列:
 GATCTGGGGA GGCAGGCATT CCTGAAGGGA ACTAGAGGTG TTACAGAGGA CCCTTACGTG 60
 AGAAATAGCT GAAAAGGGCA CTCGCAACCC TGGGCTGGGG 100

配列番号: 2869
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03390
 配列:
 GATCTGGGTG TGGCCAAAAA CAATTTTNTT TATTCTGTCT ATCAAATAGT ACTTCTACCA 60
 CTGTTTGGAG AAAATTGAAG AAAAGAATAA GATGATTAAA 100

配列番号: 2870
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03391
 配列:
 GATCTNTCTC CAAGACCTTG GCCTCTCCTT GGAGGACCTT TAGGTCAAAC TCCCTAGTCT 60
 CCACCTNANA CCCTGGGAGA GAAGTTTGAA GCACAACCTC 100

配列番号: 2871
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03392
 配列:
 GATCTAGTTC TACGTATTAC ACAGGTGTAA TATCTGTGAG TGTAATAAC TGGAACGTGA 60
 CACTGATTAA CATGNCAGTT TCTCTTTTGT TGTTCCTATC 100

配列番号: 2872
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03393
 配列:
 GATCTATGAG CCTGTNTNGG ACAGCCAGAT GGTCAATATA GTCACGGTGG TGTCCGTNTT 60
 GCTGTCCCTG TTCGTNACAT CTGTCCTGCT CTGCTTCATC 100

配列番号: 2873
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03394
 配列:
 GATCTCAAGA CCAAAGACAG ATGTCAGTGG GCTGCTCTGG CCCTGGTGTG CACGGCTGTG 60
 GCAGCTGTTG ATGCCAGTGT CCTCTAACTC ATGCTGTCTT 100

【0614】

【配列表524】

配列番号: 2874

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03395

配列:

GATCTTACT TTTTACTTT TTATTCATCT TTGTGTTTT ATTTATCTAA AATGGGTATT 60
GATTTTAAGG ACGGTTTGA AAAAGAAAAG TCTTGGAAT 100

配列番号: 2875

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03396

配列:

GATCCGCTGT ATTGTGGAGT ATCAGAACAA GGGCCGCGGG AACGAGNGCG TGCAGTACCA 60
GCATGTGTTA CATAGAAATC TCATTTATTT GGCTACCATT 100

配列番号: 2876

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03397

配列:

GATCGGCCTG CTGCTCCGCA ACTTCGACCG CTACGGCGTG GAGTGCTGAN GGACTCTGCC 60
TCCAACGTCA CCACCATCCA CACCCCGGAC ACCCAGTGAT 100

配列番号: 2877

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03398

配列:

GATCCTGGGT GTTNTGTAA GGGTNTGCC AAAGGAGGTT AACATTGGAC TCANTGGGCT 60
GGGAAAGGC AGACCCACCC TTAATCTGAG TGGACACCAT 100

配列番号: 2878

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03399

配列:

GATCGAGTCT ATACGCTGAA GAAANNTGAC CCGATGGGAC AACAGACCTG CTCAGCCCAT 60
CCTGCTCGGT TCTCCCCAGA TGACAAATAC TCTCGACACC 100

【0615】

【配列表525】

配列番号：2879
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03400
 配列：
 GATCCTGGGG GCCTGGGTTG GGGGCTAGGG AGACGCCATG TGATGGACAC TCCAGGGACA 60
 CACAGCCTAG CACAGCAGCT TATAATGGGC TCTCCGGGGC 100

配列番号：2880
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03401
 配列：
 GATCTGAAA GGACATGACT TCTGAAATAG CCGCTGCTGG GTTTTAAAG CTGAGGTCTC 60
 TCAAAGTGTG GAGGAGACGT TGCCGTCAGN GGGAGCCAAG 100

配列番号：2881
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03402
 配列：
 GATCTAAAC CCAAAGTACG AGAAATGTTT CTGTTGAATG TAATGCTACA TGAATGCTTG 60
 ATTTATCAAG CGCCAAAAAG GCATTGTATA GTAGGAAATG 100

配列番号：2882
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03403
 配列：
 GATCCAAAGT GACCCACCA GGGGACAGCC AGAGGAAGGG GACCATGGGG TATCCNHAGT 60
 GTCTGGTCT ATCACCACAG CTTCTTTGTC CCCCAGTACC 100

配列番号：2883
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03404
 配列：
 GATCTTATTT TCTGAGAAAT TGATAGCAAA TATGCCAGAA AGTGGACCTA GTTATGAATT 60
 CCATCTAACC AGACAAGAAA TAGTATCATT ATTCAACGCA 100

配列番号：2884
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03405
 配列：
 GATCACTTCA GCTGCCTGCT GTGGACAAAG AACATCAAAT TACAGCATCA CGAGTGCTAT 60
 TTTTGCCTGT GGTGGTCTCC CTGTCCAAGC GGGNCCGCTT 100

【0616】

【配列表526】

配列番号： 2885

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03406

配列：

GATCGGCGTG ACCACCCCTT GCCGGAGGTG GCCCATGTNA AGCACCTNTT TGCCAGCCAG 60
AAGGCACTGA AGGAGAAGGA GAAGGCCTCC TGGAGCAGCC 100

配列番号： 2886

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03407

配列：

GATCTACAGA GTTAGAAATT CGAAAACTAT TCCAGGACTA ATTCTTAATC GGCATTATTT 60
ATACAAGAGG TCAAGTAACA TTTACTAGCG CAATACTGCA 100

配列番号： 2887

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03408

配列：

GATCACCTC CTCCCAAAAA GCAAGAGCTT GTTTATGGCT GAGGAATCGG CGGATTGTCT 60
GAATGACACA TATACAGAGC CCCACGGAT TTCTNCACAC 100

配列番号： 2888

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03409

配列：

GATCCAATCA CCTCCACCA GGCTCCACCT CGAATACTGG GGATTACCAT TCAGCATGAG 60
ATTTNGGCAG GAACACAGAC CCAAACCATA CCACACACAT 100

配列番号： 2889

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03410

配列：

GATCTATGGA ACAGAGGAGG AGCGATGCAG TTGGGAGAGG AAGCTAGAAG GGTATGGTT 60
GGAGTTCTGT ACAGTGTGA GTTTCGACA GGGAAAGAGG 100

【0617】

【配列表527】

配列番号: 2890

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03411

配列:

GATCTTCAGA AACCTTGCTA GGAGAAGTTA ATGAAAATAG AGTATCAATA GCATTGAAAA 60
 AAACCTCTGA AATCCTTCAC GATATTGACT GTCTTCTATC 100

配列番号: 2891

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03412

配列:

GATCCAAGCG GAGATTGACG CTGCAGCGGA NACTCATCGA CTTCTTCCGG TTCAATGCCA 60
 AGNATGCCGT CGAGCTGGAG GGGCAGCAGC CCATCAGCGT 100

配列番号: 2892

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03413

配列:

GATCCTCCTT CTAGCTCATC TGTAGATACT AGTAGTAGTC AACCAAAGCC TTTCAGACGA 60
 GTAAGACTTC AGACAACATT GAGACAAGGT GTCCGTGGTC 100

配列番号: 2893

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03414

配列:

GATCTGCCCC TCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTATGAGCCA CAAGCCCCAN 60
 CCATCATTTA TCTTTTTCAC TCATTTTTC ATGAGTATGC 100

配列番号: 2894

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03415

配列:

GATCACCTNT GCGGTGTTCC TNCCAAAACN GCATAGCCCC AATCTAATAT CATCCCGAGG 60
 AAATACCAGA CACACGCAAG GGAAAGGACA TTCTACAAAG 100

配列番号: 2895

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03416

配列:

GATCTCCCTT CGTGGAGACG ACACCGGGGT CCTCCTGCCC ACCCCAGGGN AGGCCCAGGA 60
 TGCTGATTTG AAGGATGTAA ATGTGATTCC AGCCACCGCC 100

【0618】

【配列表528】

配列番号：2896

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03417

配列：

GATCTCTGCT GTGNCTCCCA GAGTTACTGC TGCCAGACTG AACTGGAAGG GGAGGATGTA 60
GGAGCCTGCA CAGCTCACAC CTACTCCTGT GGCTCTGGAG 100

配列番号：2897

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03418

配列：

GATCTTGACC ATGACAGTTT TNCACITTTA ATGAAACGGG GAACCAAGAG GAACTTACTT 60
GTGTAACINA CAATTNCTGC AGAAATCCCC CTTCCTCTAA 100

配列番号：2898

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03419

配列：

GATCTAGAAG ACGATTAAGG GAAGGTCGTT CTCAGTGAAA ATCCAAAAAC CAGAAAAAAA 60
TGTTTATACA ACCCTAAGTC AATAACCTGA CCTTAGAAAA 100

配列番号：2899

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03420

配列：

GATCTTGAGG GCAGACAGCA GAATTCCTCT TATAAAGAAA ACTNTTTNGG AAAATACGTT 60
GAGGGAGAGA NGACCTTGGG CCAAGATGCT AAATGGGAAT 100

配列番号：2900

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03421

配列：

GATCTGCCGT GTCCTTATAA AGTGGATGAA AAATNTTTTG TACCCATCTN GAAAACCAAC 60
AACTTGAAAT CTNAGGTATT CCAGGTCAC TACATGAATT 100

【0619】

【配列表529】

配列番号：2901

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03422

配列：

GATCCACTGA TGGCTCCAGA CCCCAACTTT AGCCATTGCA CGTGTGAAC TCCAGGTTGA 60
GCCTTTGCTG GAGCCGCCGT CAAGGNGCAT GTTGACCAA 100

配列番号：2902

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03423

配列：

GATCAGGAAA GTCATACTGT TCACITTCAG GNTGGCTGTC CCCCCGCCG AGCCCCCCTA 60
CCCCCATATG TACAGATGAT ANTAGGCTGT GGAATGTCGT 100

配列番号：2903

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03424

配列：

GATCACCGGA CACAATCCTG CAGAAGGACA CACGACTCTA TTTCCTACAG TCGGAAACTT 60
GTCATTCTAG ATGTTCTGTT GCCAGTATCA AAACCGGCTT 100

配列番号：2904

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03425

配列：

GATCAGATAG GAGCACAAGC AGGGGACGGA AAGAGAGAGN CACTCANGCG GCAGCATTCC 60
CTNCCAGCCA CTGAGCTGNC GTGCCAGCAC CATTCTGGT 100

配列番号：2905

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03427

配列：

GATCGGGGGA GGGTAAATAA TGCAAAAATT GCACAGTGGA AGAAGGGGTC TCACAAAAAG 60
CAATCCATCC TGTAGTATAG GTANNNGGT TGGGGGAAGC 100

配列番号：2906

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03428

配列：

GATCTGGGTG CCTTGGGAGA NCCAGTCCTT CCTTTTACC CACCCAGGA AGATGGAGTH 60
CTCTTTNCTA GGCCCATGTC CTGCCAGCAA CCGGGATGCC 100

【0620】

【配列表530】

配列番号：2907

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03429

配列：

GATCTGTGCN GTGGTCCTNA GGCAGTTGTN TCCACACAAG TACTACTTCC TCGTGGGCTA 60
CAGTNAAACT TTGCTGTCCT ACTTTAACAA ATGTCCTGTG 100

配列番号：2908

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03430

配列：

GATCTACTCT GTATGGGTAC CAAAATCACC TTCTCTCTTC AAGTCAAAGT TGAATTTAGA 60
ACTTTGAATA CAGGTCAAAA AATGTAGAAA ATATCATTTT 100

配列番号：2909

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03431

配列：

GATCCCAAAC CAAATCTTAG AATCANTTCA TTTAAAATAC TGAGCGGTAT TGANTACTTC 60
GAAGCAGAAC AGGCAATGTG CAGCCCTCAT TTATGAGAAA 100

配列番号：2910

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03432

配列：

GATCTGAAAT AACATTAATT TGATTGTAAC CCTATTGGGG TTAGTTCCCA CCCTTTGTTC 60
CATCTTGAGC AGAGATGNGC TGCATTTCTT AACGTTTGGT 100

配列番号：2911

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03433

配列：

GATCTTCCCA CACCAGCCTC CAAAATACT GGGATTACAG GCTTGAGCCT CCATGCCTGG 60
CCCAGGTAAC ATGTTTATTG AGCTGTACAT GCATATGAGA 100

【0621】

【配列表531】

配列番号：2912
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03434
 配列：
 GATCCAAGAC CAGGGTGGTT GGGGGCTGCC CCTGGCCGAG TCACTGAAGC GACTNATGTC 60
 CCTGTNTCCA GGACGANCTC CTCTCCTACT TTGGGACGCC 100

配列番号：2913
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03435
 配列：
 GATCTGCNCG GGCNTGTNCA GCTGCAGCAT TCCTGAAAGA TTTCGTAACCT CATCCTAAGT 60
 GGGCACATTT AGACATAGCA GCGGTGATGA CCAACAAAGA 100

配列番号：2914
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03436
 配列：
 GATCAGCTCT TTCTATTTTT ACTCGTAAAA ATTATGGAAA TAAATAATTT TGCTAACAAC 50
 TTGAAATTT CAACTTCTG GAAANATGA AAATATTCAT 100

配列番号：2915
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03437
 配列：
 GATTCCTTG TTAGTGGTGG TAGGGAGCTA GACAAGGATG GCAACTATTT CTGTATCTTA 60
 CATACCTTTT ATTTGAGGC CCTGTCAATG TTTTATATAA 100

配列番号：2916
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03438
 配列：
 GATCCCGGGA GACCTGGGGC TGCCGAAGAA GCTCTGCTCC AAATGGAGAG TGTAGCCTGA 60
 GGGCTGGTGT TGCCTGCCTC CCCTGTNCTT GTNCTTGTG 100

配列番号：2917
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03439
 配列：
 GATCCCCTCC CCAAGATAC TCTTTGTGGG GAAGAGGGGC TGGGGCATGG CAGNCTGGGT 60
 GACCGACTAC CCCAGTCCA GGAAGGTGG GGCCCTNCCC 100

【0622】

【配列表532】

配列番号：2918

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03440

配列：

GATCTGCTTA CCAAGCATAT TAGGAAATAC CTCTTAGGAA GCATTAGCGG TCTCAGGCCA 60
ATTACTGTGG AGCAGCTTTC ATTCCTACCC ACTTGCAAAC 100

配列番号：2919

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03441

配列：

GATCAGTGTT ATATTTTACT GGAGAAGCTA TTGAAGATGA TGATGATGAT TATAATGAAG 60
AAGGTGAAGA AGCGGATGAG GTAATGTTTA CCAAATAAGC 100

配列番号：2920

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03442

配列：

GATCCCCACC TGCCATCCTA TAGTGTGTG TTCCTGTGTG FTCCGGGGCT TCTGGGCAGC 60
TGGGCTGCC CGGGGAAGTC CTTGCAGGTG GGAGGCCATA 100

配列番号：2921

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03443

配列：

GATCTGGTTA AGTTGTGTAG TAAAGCATTG GGAGGGTCAT TCTTGTGACA AAAGTGCCAC 60
TAAACAGCC TCAGGAGAAT AAATGACTTG CTTTTCTAAA 100

配列番号：2922

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03444

配列：

GATCAGACCA CAGTTGAAAT TCATGGAAC TGCATTATTT AAGCAACCAG AATTCACAC 60
TGTAGGAAGG TTTTGAAAAT TGTTTCGTTA TAGATTTTAT 100

【0623】

【配列表533】

配列番号：2923
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03445
 配列：
 GATCGGTAGT GTTGTGTGTA GGCCATTCTT CTGGAGAGCC ACAAGCAGGA AGAGCAGCGC 60
 TGTGTTGCAG AATGGAGTTC CATGCATTTC TACCAGACCA 100

配列番号：2924
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03446
 配列：
 GATCCATAGT GAAATTGCCA GAGTTTTGCC TGCTGCTTTC CTCGTGGCCT CTTCTTGGGT 60
 AGTGAAATNA AGTGACATTT GGATTTTAAT TTGGGTGGGA 100

配列番号：2925
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03447
 配列：
 GATCGGACAT GAAAGNACCC TGNAGTCCA TTGTCTTANC TCCAGCGGCC CTGTCATCCA 60
 GCTCACTCAT CAATGGGGCC AGTCAGGCC AGGCACTGGG 100

配列番号：2926
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03448
 配列：
 GATCTGCTTT CAACACTTTT AGCTCTTCTA GAATTTTACA AAAATGGTAT CGGATGTACA 60
 GCATGGACCC TTCTNTGGTG GGCTTCTTTA CTGTAATGCT 100

配列番号：2927
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03449
 配列：
 GATCCATCCG CTTTGGCCTC CCAAAGTGCT GAGATGACAG GCATGAGCCA CTGCACCCGG 60
 CCATATAATC AAATTTTTAT TGATTTTAGA GCAAAGGACT 100

配列番号：2928
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03450
 配列：
 GATCTAATTA AAAAAAAGCC AATATTTTAA TATTAAGTA CTATACTAGG AGAGAATGTT 60
 TCANAACCTC CTGATGAATT TCTAAGTGAG CAACTTGATA 100

【0624】

【配列表534】

配列番号： 2929

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03451

配列：

GATCAAACCA GCTCTTNTNA CCCAAACCAN TGCCGCTGCA TTAAAGGGAG GCCCAGCTAC 60
TCCTTCCCAG CTGAGATGTG GGTACAGGTC AGATTNTCA 100

配列番号： 2930

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03452

配列：

GATCTGCCCT GTACAGCCAT GTAGGCTGTG CGCTGCATAA CTCCAGGGAC ATGAGTCACA 60
CAGACACAAT GTGAGTGTGC TCCCCCGTCA TGCAACATCT 100

配列番号： 2931

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03453

配列：

GATCCCCAC TAGTNCCCTC CCTCTNCCCC TGTAATCCTG GTCTAATAAC CCCCCACACA 60
TACACCTCTG GTGACCTATT TGCACAGACC GTNGTCTTCC 100

配列番号： 2932

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03454

配列：

GATCAAACCG GTTCTNTCCT TTCTTGTTT GCCATGTTAC TATGCCTCAA GCCCAGTTTN 60
CTTTTNCCGC AGCGATGGGG CCAGTCTCAT TCCTCCCCAG 100

配列番号： 2933

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03455

配列：

GATCCGGGGC ATGCAGAAGC TGAGCACACC CCAGAAGAAG TNAGGGTCCC CGACCCAGGA 60
GAACGGTGGC TCCCACAGGA CAATCGCTGC CCCCCAACCT 100

【0625】

【配列表535】

配列番号：2934
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03456
 配列：
 GATCCTTGTT TTGTTGTCAT GGAAACTTCG GGGCTGGTGG GACTTAGGCC AAAAGCTCAG 60
 AGGCACAGCC AAAATTTAGA AGCTTGCTAC TCCTACGACT 100

配列番号：2935
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03457
 配列：
 GATCCAGGCC GGGCCTATAC AGAGGTGCTG GCTGCTTGTT TACATTCTCC TCTGGGGCTC 60
 TACCTCTCCA CACTTCCCCA GAAGGAAAAA GGGCACCCCTG 100

配列番号：2936
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03458
 配列：
 GATCACAGCC TCCAGGGCCC CCCAAATCCC AGGGAAGGAC TTGGAGAGAA TCATGCTGTT 60
 GCATTTAGAA CTTNCTNCTT TGCACAGGAA AGAGTCACAC 100

配列番号：2937
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03459
 配列：
 GATCTCCTTT TGTGAAAACC AGTTTGATGT GCTAAAAGTA AAAAGTCTAN TTTCCAGTGT 60
 GGTCTTGTTT AGAAGCAGCC AGATTTCCAA TGTGTTTTT 100

配列番号：2938
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03460
 配列：
 GATCTATCCC TCGGNCCTCC ACACCTGAAC TTGCCTAACT AACTGGCAGG GGAGACAGGA 60
 GCCTAGCGGA NCCAGCCTGG GAGCCACAG GGTGGCAAGA 100

配列番号：2939
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03461
 配列：
 GATCAGGAAA CCAGAAATAC CACATTTATG GACCATGAAN GGTGGTTCT TGA CTCTGAA 60
 GGGACTTTTG AGTTAATCAG CGTAAGGGGA TTTCTAAAGC 100

【0626】

【配列表536】

配列番号： 2940
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03462

配列：
GATCCCAGCA GCCCTCCCTT CACCGTGACC CCTGACCTTT GTTAGGAAGG TGCAGTTTTT 60
NTTCTCAATC TAAATNCCTT TNAGGTGGGC CGCTTCCTTG 100

配列番号： 2941
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03463

配列：
GATCCCTAGC AGCTCATCCT GCCCTTTGAA TACCCTCACT TTCCAGGCCT GGCTCAGAAT 60
CTAACCTATT TATTGACTGT CCTGAGGGCC TTGAAAACAG 100

配列番号： 2942
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03464

配列：
GATCACCGGT TTCCGACTGA GTCTGGGGAT TTTGGCCTTG TTGACCCTCC TAGGTGCCCT 60
GGGAATTGCA AACAGCTTTC TGGATGAATA TCTGGACCTC 100

配列番号： 2943
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03465

配列：
GATCTACTGT GTGGTGTCTG GGCAGATGAA AGTACACTGC TTAGNGTGAT GCTTAGCATG 60
GGGCAGATGC TTGGTAAATT GTAATCACTT TTGTTGTCAG 100

配列番号： 2944
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS03466

配列：
GATCTATGGT GCAGACTGCC TTCGTCGGGT GCAGACTGAG CGACCGNAGC CCCAGACACT 60
ACAGCTGGAT TNCTTGATGA AAATCTTGCC AAATTACCAC 100

【0627】

【配列表537】

配列番号: 2945
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03467
 配列:
 GATCCTGTGA TATGGITTTT GGGCCAGCAA ATCTAGGAGA AGATGCAATT AAAAATTCA 60
 GAGCAAAACA TCACTGTAAT TTTGCTGTA GAAAGCTTAA 100

配列番号: 2946
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03468
 配列:
 GATCCCGCAT GCCTGAATTC ACTAAAGCCA AGGGTCTNTA AGCCACGCTN NNTCTTCTGA 60
 GACTTCCATT CTTTCTGAT TGGCACACGT GCAGCTCATG 100

配列番号: 2947
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03469
 配列:
 GATCTAAAT GITTATTCCT TCTGTAGTGT ATTAATCTCT GTGTGTTTTT TTTGGTTTTG 60
 GAGGAGGGGT ATGAAGTATC TTTGACATGG TGCCTTAGGA 100

配列番号: 2948
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03470
 配列:
 GATCCATCTN CCCTCATAAA AGTGTTGAGG TACAGCAGCT GAGGCTGCCC TGAGGAATCA 60
 NGGGGCCATT ACCAAGGGG AGGTAAAGG TATNTAAGAG 100

配列番号: 2949
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03471
 配列:
 GATCTCAAAT CCTGGAACCC CGATTTCAT CTACCTTCTA GTCAGTGGCC TCAAAGGACC 60
 CCACAGCACC TGGGCCAGAC CAACAGCTCG AGGGAGAACC 100

配列番号: 2950
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03472
 配列:
 GATCAGCAGA AAGCACAAAC ACAACTGCTT CTGTATTCAG GAGGTTGTGA GTGGGCTGCG 60
 GCANCCGTTG GTGCCCTGCA TAGTGGGGAT GGCTCGCAAC 100

【0628】

【配列表538】

配列番号：2951

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03473

配列：

GATCAGCAAA AATAAGGGG CTACAGAAAC ACTCATTTTT ATGCTGTTCC CTCTGGGCT 60
TCATGCAAAG ACAATTCTNT GTAAATNTAC AGTTGACTCT 100

配列番号：2952

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03474

配列：

GATCCCACCC CCAGCCATTT GCATTGCTGG CCCAGCGCCT GGCCTGGGGG GCGGGGAGAG 60
GCAGCAGAAG GGGCTGGGCA GGGGCGGTGG AGGACTCAGG 100

配列番号：2953

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03476

配列：

GATCAGCCGG AAACCCCTGG CAGCCAAGAA CAGATAAGGA AGGGATTGGC ATCGGCTGGC 60
CTTCAGCAC CTTCTCTCTC CAACACTTCA TTCTCTCTTG 100

配列番号：2954

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03477

配列：

GATCTTGCCC GGTGTCCTGG TCCTCTTGCT TCCGTGCGGG CCGCATGTGC GTGTGTCCAA 60
GCAGGTCCTG GCGGCTCAA CTGCTGCCCC TGGTTGAATG 100

配列番号：2955

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03478

配列：

GATCCGAGGG CGATGGGACA GTGCACCGCA GATAGAAGAG GAGGACGTGC AGCATGGTGG 60
GAAACGGGGA CACCACCTCC CAGGACGACT GTTTCAGCAA 100

【0629】

【配列表539】

配列番号：2956
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03479
 配列：
 GATCACCTGA GGTGAGGAGT TCGAGACCAG TCTGGCCAAC ATGGTGAGAC CCCATCTCTA 60
 CTAATACTAC AAAATTAACC AGGTGTGGTG ATGCATGCCT 100

配列番号：2957
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03480
 配列：
 GATCATGCCT GCGTGACAAA GCCTCCAGAA AAATCCTTGA AAGACAGGAC ATGGAGAGCT 60
 GCTGGGTTGG CGAACACATC CATGTGCCGG GAGGATGGTG 100

配列番号：2958
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03481
 配列：
 GATCTAAACA GTGAATAGTA CATGCAAAGG CATAGTCTAG AGGATAAAAG TGAATAAAT 60
 TAGTAGCAAA ATNAATGCCT TGTGGATGAG GTTTAGGGGC 100

配列番号：2959
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03482
 配列：
 GATCCCTTTG CTGTGAGGGT AGAAAACCTC ACCAACTGCA CCAGTGAGGA AGAAGACTGC 60
 GTGGATTTCAT GGGGAGCCTC ACAGCAGCCA CGCAGCAGGC 100

配列番号：2960
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03483
 配列：
 GATCTTAGAT TTGATGAAGC ACAGTATGCA GGTAGGCCTA ATGGGGGAAG ATGGTAATAT 60
 AAAAGCAAGA AGTATTTTTT TTTTGNAATG NCTGAAAGCT 100

配列番号：2961
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03484
 配列：
 GATCTCGGGG GTGTGGGGCC CTGTGCCTTC CTGAAGTGCT GGCAGCCCAG TGGCACCTCC 60
 TTCAGGCCTT TGGGGTATTC CCCTAGTGTG CCCAAGTNAG 100

【0630】

【配列表540】

配列番号： 2962

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03485

配列：

GATCCTCTCC CCTAGTATNT TCAGCACATG CTCACTGTTT TCCCCATCCT TGTCCCTTCCC 60
ATGTTCAATTA ATTCATATTG CCCCAGCGCT AGTCCCATT 100

配列番号： 2963

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03486

配列：

GATCTTTTCA GAGTGGTGT TCTAAAAGAG CATGTACAAA AGTGGCCTGT GGACATTTAG 60
GCCTAAAGTG ATGCATTTNC TCTTCCTNTT TGTGCCAATG 100

配列番号： 2964

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03487

配列：

GATCAAGGAT GAGGATTAGC ATCTGCAAAAT TGAACCTCTAT CTAATTNCA TTTTATTTT 60
TTAGAATTGT AATTAAATTT GTGTAATAAA TGTNTTCCAT 100

配列番号： 2965

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03488

配列：

GATCTATGTA AAAGAATACA ATTCTTTTTT ACATAATTAG TGAAATTTTA TTTTTTATTA 60
GGAAACACTA AATAGTGTA TATTTCTTTT GCTTTTAAAA 100

配列番号： 2966

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03489

配列：

GATCAAAGAA CTTTTCTTAT AACCTGCAAT CAGCTACTCA GCCAAAAAAC AAAACAAAAAC 60
CTTGACTGCC TATGGAGGAA GACTGTGTTT GGGGAGCTG 100

【0631】

【配列表541】

配列番号：2967
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03490
 配列：
 GATCTTCTCT GTGAATCCAC CCCTGGCTAC CCCACCCCTG GCTACCCCAA CGGCATCCCA 60
 AGGCCAGGTG GGCCTCAGC TGAGGGAAGG TACGAGCTCC 100

配列番号：2968
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03491
 配列：
 GATCACACTT HGGCCTTCAC TGCAGCGTGG TGTGGCCACC GTCCGTTTCC TCTGGCCTT 60
 CCTCCGAGTC CAGGTGGACT CTGTGGATGT TTGGATGTGG 100

配列番号：2969
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03492
 配列：
 GATCTGAAAA TTCTTGAAA TTGTTCCATG TGATTAACAT GGAAGTGCCT CTACTTAATC 60
 ATTCTGAATH ATAAATCGT TTCATTTTCT AAATGCNTTA 100

配列番号：2970
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03493
 配列：
 GATCTTNTCT GTNTGGGTGG GGAGCCGGCC GGCCGTGACC CAACGGCATC CCAAGGCCAG 60
 GTGGGCCCTC AGCTGAGGGA AGGTACGAGC TCCCTGCTGG 100

配列番号：2971
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03494
 配列：
 GATCGTATAT GTGGGTCCCT TCCCTAGAAG AATGGTTGCT GATATGGCTA CTGCTTCTAC 60
 ATCTNGAGTT TTINAATTTA CTTTTTNAC ACTGTAGCAT 100

配列番号：2972
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03495
 配列：
 GATCACAGCC GGAATGCAGC TGAAAGATTC CCTGGGGCCT GGTTCGAACC GCCCACTGTG 60
 GACTCTAAGG CCTCTGCATT TGTGGGTGGT CTGCTGTAA 100

【0632】

【配列表542】

配列番号：2973

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03496

配列：

GATCTCTAGT TTTTNTGGTT TAATTTTNAG TAGCAGGTCA AAAACCTGCC CTCCTGTNAC 60
TTATTCCTG AGACTTTTCA GGAGAGCCAG CCCACAGATG 100

配列番号：2974

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03497

配列：

GATCCTTAAT GCAGAGCTAG AGGACTTCTG GCAGGGAAGT GGGGAAGTGT TCCAGATAGC 60
AGGGCATGAA AACTTAGAGA GGTACAAGTG GCTGAAAATC 100

配列番号：2975

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03498

配列：

GATCTGTTTC ATTTATAAAA GGTCCAGTTT TTAGGACTAG TACATTCCTG TTATTTTCTG 60
GGTTTTATCA TTTTGCCTAA AATAGGATAT AAAAGGGACA 100

配列番号：2976

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03499

配列：

GATCCAAGAA TGTGCCAAGA GTCCCGCCAG CCTCAGCCAG GTGGGCCTGT ATATAGGGTC 60
CATGTGCAAT AGGGAGGGAC GTCTTCTATT TTTTNTCTGCC 100

配列番号：2977

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03500

配列：

GATCTGGGAG CAAGCTACCA ACAGGGGAGA CTCTTTCTG TATGGACAGC TGCTGTGGAA 60
ATACTGCCTG CTTCTCCAC CTNCTCANAG CCACAGGAAA 100

【0633】

【配列表543】

配列番号：2978
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03501
 配列：
 GATCAGCCTG GGCATCATGG TGGCCTGCAC CTGTAGTCCC AGCTACTCAG GAGGCTGAGG 60
 TGGGAGGATA GTTTGACCCC AGAAAGTTGA GGCTGCAGTG 100

配列番号：2979
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03502
 配列：
 GATCTGCTTC CCACTGTGAC TGGGCTATGG GATTCTGACT ACCTTGCTTA CAGATTTCATG 60
 GTTTGATAAA TTTGTGTAT TCAAAACTT GAAATGCAGG 100

配列番号：2980
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03503
 配列：
 GATCTTGCCC CCTTTGACCT TCCCCAAAGG ATGGTCACAC ACCAGCACTT TATACACTTC 60
 TGGCTCACAG GAAAGTGTCT GCAGTAGGGA ACCCAGAGTC 100

配列番号：2981
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03504
 配列：
 GATCAATCTG AACTATCTTA GCCCAGTCAG GGAGCTCTNC TTCCTAGAAA GGCATCTTTC 60
 GCCAGTGGAT TCGCCTCAAG GTTGAGGCCG CCATTGGAAG 100

配列番号：2982
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03505
 配列：
 GATCCAACGA GGAATATTTT GCCACACGGC AAATATATAC CGTATAATTT TCTGTACCAC 60
 TTGATAGAAA GGTAAAGAAT GAATATTGTT TTTNAAATAA 100

配列番号：2983
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03506
 配列：
 GATCAGAAAT GGAGCATGGC CTTGTCCTTT AATGGGGATG CAAATAAAGT TTGTGGGGTT 60
 AAAAGTTATA AGACAGNAGT GATACCCAC TCTCTCCATT 100

【0634】

【配列表544】

配列番号：2984

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03507

配列：

GATCACAGNG NTGGTGCAA ATNCTATTNN AGGTTTGAAC TCTTGAGCTG GAACCTCAGC 60
AAACTAGAGT ATATATTGTT CAGTATTTCT TTGGAAACAT 100

配列番号：2985

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03508

配列：

GATCTGAACG ATGCCGTGTC CAGTTTGGCA AGTCCTATTC CCCTCCTCCT GTCGTGTGCC 60
TTTGTTCAGG TGGGGATGTA TTTCATGTAG AAGGTGGAAG 100

配列番号：2986

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03509

配列：

GATCTGCTCT GCTGCCCTGA ACTCTTACGG CAATTTAGGT TTCTCATTTT NNTTTTCTTT 60
TTACATATGT ACAAATTGTT TTAAGCTTG GCCTCTATCC 100

配列番号：2987

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03510

配列：

GATCTCTAAT ACAGTATCTA ACACAAAAGA AGCTTTAAAA AGACAGTTTC TTTCCTTATT 60
TGATTAGCTA GAAGTTTATC TAGGTAAAAG CAAAAAAAAA 100

配列番号：2988

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03511

配列：

GATCCAGGCG GGAGCAGAAG CTAAAGCCAA AGCCCAAGAG AGTGGCAGTG CCAGCACTGG 60
TGCCAGTACC AGTACCAATA ACAGTGCCAG TGCCAGTGCC 100

【0635】

【配列表545】

配列番号：2989

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03512

配列：

GATCTCGGAT GCCATCCCCG AGCTGAAGGC CTCCATCAAG AAGGGGGAAG ATTTCTGAA 60
GACCCTGAAG TGAGCCGCTG TGACGGGTGG CCAGTTTCCT 100

配列番号：2990

配列の長さ：81

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03513

配列：

GATCACAAGA GGCCCATTTG TAGTGGCTGG TTGACAACGG CTGGNGCAA TAAATAAAT 60
AAAATAGCTC TMTCTTCAA A 81

配列番号：2991

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03514

配列：

GATCTHAGAC ATCCCCATCT TTGTAAGCAG AACAGTACGG CACTTCACCA CATCTNCTTC 60
CCACCATGCT TCTAAGCAGC TGTNTTCCCC CTGCTAATGT 100

配列番号：2992

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03515

配列：

GATCTCATTG CTGCTTTTCT TTTATGTCTT TTTGTCTCCA TGGGAGGTTG AGCTTCITTT 60
CCTACAAGTT TACTTACTGT TTGCATTTAC TTTTTCITTT 100

配列番号：2993

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03516

配列：

GATCTTGCTG CAGCCACAGT GCAGTCCAC ATTAAGTCTA CAGACCAAAC CATTTGTATC 60
TGGCATCACT TACTAACACA CGNCATGCGG CTTTTCTGCA 100

配列番号：2994

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03517

配列：

GATCTTCTGT GGTGCTTAAG GAACTTACT AGAGCTNCAC TAACAGTCTC ATAAGGAGGC 60
AGCCATCATA ACCATTGAAT AGCATGCAAG GGTAAAGAATG 100

【0636】

【配列表546】

配列番号：2995

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03518

配列：

GATCCCAACT CCCATGACCT CTGGCTTCAG TGGTGGGTGG GGCAGGGCAG ATGAAAGGGC 60
TTCAGTGGGA ACCTCTGAGA GCATTTTCCT GTTCCCCCTA 100

配列番号：2996

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03519

配列：

GATCAGNAGC CCACTGATAA GGGGCCCTAG GGTACAGGGT GCTGCCCAGC AGGTCGCCAC 60
CGAGTGTCTT CTCATTTTAT TTCAGCTCCA TTTTGCCCAT 100

配列番号：2997

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03520

配列：

GATCATTCCT TCTTTTNGGA TGTATAAGAN CCTTCCGGAC AACAGAACCT ATTTNTGGAA 60
TTGCAGAAGA TAACATATT CCCTTATTN NATTTAATCA 100

配列番号：2998

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03521

配列：

GATCGACTGC CAAGCAGCAG CCGCTGCCGA GGGGCTGCGT CTGACATCCT GACCTCCTGG 60
ACTGTAGGAC TATATAAAGT ACTACTGTAG AACTGCAATT 100

配列番号：2999

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03522

配列：

GATCTGGGCG GGGTGGTGCG CTCCTCAGGG CGGATGCCAC CGGGTTCCCC AGGGGAATAC 60
ATGTCCCCAG CTCTGGGAGG GGTGCTAC TGGCCTCCTA 100

【0637】

【配列表547】

配列番号：3000

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03523

配列：

| | | | | | | |
|------------|------------|------------|------------|------------|------------|-----|
| GATCAGTGTC | AGATATTGTT | GAGGGAAGTA | ATTTTATAAA | GTTACACAAA | GGTAGTTATA | 60 |
| AAAAAAGCCC | AGTTTGTTTT | TCAGAAGGTG | ACTTTNATGT | | | 100 |

【0638】

【配列表548】

配列番号：3001
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03524
 配列：
 GATCATGAAA TAATGTGCTT TGTAAGAGA TTCAAGTTA TTAGGAAGCA TACTCTGTTT 60
 TTNAATCATG TATAATATTC CATGATACTT TTATAGAACA 100

配列番号：3002
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03525
 配列：
 GATCCGCCTG CTTCGGCCTC CCAAAGTCT GGGATTATAG GTGTGAGCCA CCCTGCTCAA 60
 CCAGGTTTNA TTATTAAANT TAGTTAACT TTGGATAGAT 100

配列番号：3003
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03526
 配列：
 GATCACTTGT TGTITTAATA AAGAAAGATT ACTTAGAGGA AATAAGAAA ATCATGTTTG 60
 CTCTCCCGGT TCTTCCAGTG GTTTGAGACA CTGGTTTACA 100

配列番号：3004
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03527
 配列：
 GATCTGAGGT CTAACATTGT TATCTATAT CATTTCATC CCAAGTAGTG ATATCTGTGA 60
 AATCACAGGT TTGATGTGTG CTAATNATGT ATTCTTCTAA 100

配列番号：3005
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03528
 配列：
 GATCTCCATT TGATATTTTC ATTGTATATA CTCAATTTGCA GTCTGAAAAT TTTTTTATG 60
 GCCAGTCCCT GAACATATCA TTGAAAGTTA ATTTCTTTG 100

配列番号：3006
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03529
 配列：
 GATCTGTGCT AGCTGTGAGG CAGCTCTGGA ACGTGAAGAG CTGTTTGCTT TGAACCGTGA 60
 ACAAACCTGT GTTTTGAGTT TAGCTGACAT TATGGAAAAA 100

【0639】

【配列表549】

配列番号：3007

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03530

配列：

GATCTCTCTG TNACTGACTT TGTGACTGTC CTGTGGTTTC TCCTGCCATT GCTTTGTGTT 60
TGAAGGACA TGATGGGGT GATGGACTGG AAAGAAGGTG 100

配列番号：3008

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03531

配列：

GATCAAANCA CCTNGGAGTG GTCACCAGGG GGACAGGGAG CCCCCACCA ATGTATCANT 60
GGGTGATTTA TNATGCCTTC TGCCCTTTGG CGAGTGAATG 100

配列番号：3009

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03532

配列：

GATCCGAATG GNCTGGGTGA GCACGAATTA CCGAGGCCCTT CCCTTTGNTA CAGTCCAGGA 60
TTTGTAAGGN ATGAAGACCC CTGGNCCCCA TTCTNTTGGG 100

配列番号：3010

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03533

配列：

GATCTCCTTA CGTAGCAGCC AAAATAAATG AAGCAAAAGA CTTGCTAGAA ACAACCACCA 60
AACATTGATG CTTAAGGACC ACACTGAAGG AAAAAAAG 100

配列番号：3011

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03534

配列：

GATCTGATTT ACAAGAAAAA GTCAGAGCTA AACACTAGTG ATGGCATAGC ATTACTGAAA 60
TCATTGTTTC TTAATTTCAT TTTACTACAT TGTGAACCTG 100

【0640】

【配列表550】

配列番号：3012
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03535
 配列：
 GATCTATTTT TNAGTATGTG GTTCATGCTG TTGTGAAAAA TGTITTACCT TTNACCTTTG 60
 TCAGTTTGTA ATNAGAGGAT TTCCTTTNAC CCTTTGTAGC 100

配列番号：3013
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03536
 配列：
 GATCAAATTA GTAATTNNGT TTATGCTGCT CCTGATATAA CACTTTCCAG CCTATAGCAG 60
 AAGCACATTT TCAGACTGCA ATATAGACAC TGTGTTTCATG 100

配列番号：3014
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03537
 配列：
 GATCTCATTT ATAATTAAAT TATGCTCTATT GGATTGTTTT NATTGTACTT NATGTTTTNT 60
 NAAGAAATTG TGATTAAATA TAACTTAACG ACTTTCTATT 100

配列番号：3015
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03538
 配列：
 GATCATATAT GTNTTAGTGG ACAGGGGTCT GAAGTACACT GGAATTTACT GAGAACTTG 60
 TTTGTA AAAA CTATAGTTAA TAATTATTGC ATTTTCTTAC 100

配列番号：3016
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03539
 配列：
 GATCAAAC TA CACATGNGTT TTCATTCCAA AAGTGGGTTT TAAANGCCTG CCTGCATCTG 60
 TATCNAATCA AGGCACACTC CAGGAAGACT GCCGCGTCGC 100

配列番号：3017
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03540
 配列：
 GATCCCAGCA TCTTCTCCAC TTCAGCGCTG AGTTCAGTAT ACACAAGTGT CTGCTACAGT 60
 CGCCAAATCA CCAGTATTTG CTTATATAGC AATGAGTTTT 100

【0641】

【配列表551】

配列番号：3018

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03541

配列：

GATCATTGG ATATAGCAAT CTA CTCTGAG AAATGGAACA CAAGGAGTTA CCTATCACTT 60
TCACTTATAA TTCCAAAAGA TGACTACAAC CATGTCCATG 100

配列番号：3019

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03542

配列：

GATCCCTGTN TGCNCGNCCC CTCTGCAATG TATGCCCTT GCCCTTCCC CACACTAATA 60
ATTTATATAT ATAAATATCT ATATGANGCT CTAAAAAAA 100

配列番号：3020

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03543

配列：

GATCCAGAAG CAAACACAAG CAATGCAAGA CCTCCACAGA GTGAGCTTGG AGAGAGAGAA 60
AGCCAAGATA AGAGAGGAGT ATGANGAGAA ANTCAGAAAG 100

配列番号：3021

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03544

配列：

GATCTGGAGA TAANTTTATG CCTTTGGCCA TAGACAGGAC TGAATCCCA GTTCTGCCAC 60
TTACTGGCTG TTTGACCTTA GGCAAGCCAC TCCTCCTTTN 100

配列番号：3022

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03545

配列：

GATCAGGGCT GGGGCGGGGA AACAAGGGAA GGACCTTGGA AGGGGCTGNN CCCAGGCCTG 60
GGGGGCAGTC GTGGGAGCCC CTCTCANCTG TGGGGCTGGC 100

【0642】

【配列表552】

配列番号：3023
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03546
 配列：
 GATCTCAAAA ATAGGTAATT TTTCTTTGCC GACCTGTAAA AGTGTGCCAA TACACTAAAT 60
 TTGTGATTTT AAATTAATTC CTCCAGCTGT TGAATGAAG 100

配列番号：3024
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03547
 配列：
 GATCCTAAAA GGGAAAATTG CCTTGGAAC TTINAGATTG CTGTGGAATT GTGAATNCAT 60
 ACTAAGCTTT CTGTGCAGTC TCACCATTTG CATCACTGAG 100

配列番号：3025
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03548
 配列：
 GATCCTAGGA TGGTCCCAG ACGCTCAGTC AGAAGTNCCTG GAGGTGGGGC CTGGGAAGCT 60
 GTATTGTAA TNACTCTGG TGTITTTTGT CCATTAAAGT 100

配列番号：3026
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03549
 配列：
 GATCCAGTTC TACTTAAGTC TGTAACAGGA ATATTTTGCA GAATATAGGT TTAAGTGAAT 60
 GAAGCCATAT TAATACTGC ATTTTCCTAA CTTTGAAAAA 100

配列番号：3027
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03550
 配列：
 GATCATCGTG CTCTCAGACT CTGATTAGCT GCCTCCCTT CTCCCTGCCT CCAGAATGTT 60
 CTGGGATAAC ATTTGGAGGA AGGTGGGAAG CAGATGACTG 100

配列番号：3028
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03551
 配列：
 GATCAGTCCA CCCAGAGTTA GACATTGTTT TTGTAGAAAA CAGGTATTTA TTATGTCTAG 60
 GGTITTTGTGT TTTTTTTTTT TCCTNAHAGG NTAAAAGCCT 100

【0643】

【配列表553】

配列番号：3029

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03552

配列：

GATCGCTGTG GTTCTTATTA TCAAAATTAA GTTTACTTGT ATACGGAACA ACCACAAGAA 60
ATTTGATTCT GTAAAGAATC CTCTTTAGCT GTGGCCTGGC 100

配列番号：3030

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03553

配列：

GATCTTTTAA TTTTGCAATC CTGGGCCAGC TAGAAGCCAG GAGCTGATTG ACCTTTTAAAC 60
TTTTTTCAGT GGCCACATTT TGGTTATCGA TGTACCTAGA 100

配列番号：3031

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03554

配列：

GATCATAGAG AATGGTGCTT TTTACTACAG TTAGCACATG CATTTTTAGA AACTACTACA 60
TGTTTTAGAG AATCTTTGCT GTGTATATGT AACTGTATT 100

配列番号：3032

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03555

配列：

GATCTGCCCT NCTCCTTCTA AAGGGTAAGT CATAATCTGT GTAATACTAC AATTNATGGG 60
NTGCTCACTA TGCCCTGTTT CTNTNCTAAA CAATTTACAT 100

配列番号：3033

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03556

配列：

GATCCCCAGC TGCCTCACTT CTCTCTTGAG AACTTGGCTC AGGGCTCCTG AGGACCTTTC 60
CCAGCATTAC CTTCCCTTCC CTTGAAAGGC AATTGTTGGC 100

【0644】

【配列表554】

配列番号： 3034
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03557
 配列：
 GATCAAATGT GCCTTAATAA ATTTNTTTC ATTTAGATT CAAACAGTGA TAGACTTGCC 60
 ATTTAATAC ACGTCATTGG AGGGCTGCGT ATTTGTAAAT 100

配列番号： 3035
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03558
 配列：
 GATCTAAAGA AACAGTTGGC TGTAGCTGAG GGGAAACCCC CTGAAGCCCC TAAAGGCAAG 60
 AAAAAAAGT AAAAGACCTT GGCTCATAGA AAGTCACTTT 100

配列番号： 3036
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03559
 配列：
 GATCCCAGCA ATGAACTGTT CTAGGGAAAG TGGCTTCCTG CCCAACTGG ATGGGACACG 60
 TGGGGAGTGG GGTGGGGGA GCTATTTCCA AGGCCCTCC 100

配列番号： 3037
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03560
 配列：
 GATCTCAGCT TTGAGAAGCC TTCAGCTCCA GGAATCCAA GCCTCCACAG CGAGGGCAGC 60
 TGCTATTTAT TTTCCTAAAG AGAGTATTT TATACAAACC 100

配列番号： 3038
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03561
 配列：
 GATCACGAAG GTGGTTTTCC CAGGGCGAGG CITATCCATT GCACTCCGGA TGTGCTGACC 60
 CCTGCGATTT CCCCAAATGT GGGAACTCG ACTGCATAAT 100

配列番号： 3039
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03562
 配列：
 GATCTATCTT NCAGAAAGTA TGTITTTCTT CATAAAAGTG CCTCTTAATT GGCCATTGTA 60
 CCAGCCACTT GTCCTAGCCA AATGTCCAAA ACACGCCCTT 100

【0645】

【配列表555】

配列番号： 3040

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03563

配列：

GATCACTGTN ATGTGTGGTC CATCTCTGAC CAAAACGTTA TGCAGTACGT GACTGTATCC 60
TNATCCTCAA TAATCCTTGG TTATTATTCT AGAATTTCAA 100

配列番号： 3041

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03564

配列：

GATCCAGTGA ATATTCAAGA GAGCTACATT TGAAGCCTGT ACAAAGCTT ATCCCTGTAN 60
CACATGTGCC ATAATATACA AACTTCTACT TTCGTCAGTC 100

配列番号： 3042

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03565

配列：

GATCCTGAGA ATTACTTTTA ATAAAATCAT TTTTGTCTG TTATTAAAC TAGNCNNGAA 60
TTGCCTAAAN CCAAGAACTC TGCTTGATAA AATAAGCATA 100

配列番号： 3043

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03566

配列：

GATCATCGAC CCCCAAGGGA CCCGCAGACC CTAAAAAAA TCACCCACAA CCCTCTGGAA 60
GTGGCCTTGC CCGGTCCCCT TCCCAGGGGC GAGGTCGGCA 100

配列番号： 3044

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03567

配列：

GATCACCTTT TTTTTTATGC GTTGTGAATA GCAGTCTGCA TCCTAAGTTT AAAATATTTG 60
AGAATCCTCT ATGGGACTCT CTGTAAATNT TTTAAATACT 100

【0646】

【配列表556】

配列番号：3045
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03568
 配列：
 GATCAGCTGT CCTCTCTGAA AAAAATTGCA CCNNTTTTTC TTTTAAAAA TTTTGTGCA 60
 TCTTCGTAGT AATGTAATTG TATTTTATGC CTGCTTTTTT 100

配列番号：3046
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03569
 配列：
 GATCTAAATN TGACTGTGGT TGCACATATC TGTGNATATA CTA AAAACCA NTGATTGTGTA 60
 CACTTTACAT GGCTGAGTTG TATGGTGTGT GAATTATATT 100

配列番号：3047
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03570
 配列：
 GATCCCAGGA TTCAGTATTC CTGGCCGAGA GGNCNTTGCT GGCTACTGGG TGTTAGTTTG 60
 CAGTCCTGTG TGCTTCCCTC TCTTATGACT GTGTCCCTGG 100

配列番号：3048
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03571
 配列：
 GATCCTACGA CAGGACCCAG ATGCCAGTGA AAGTGACCAC AGCCCTGCTC TAGTCACCCC 60
 GGAAGCTGAC CAGTCTACGC ACGGCCGAAG CTTCGTCAAG 100

配列番号：3049
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03572
 配列：
 GATCTAGAGT ATAAGCTGCG CAAGGCCAGA AGTTTTATC TGGTTTGTTT ATGCATGTAT 60
 TCTAAGAGCT GAGAACAGGG CCTGGACACA ATAAGCATTC 100

配列番号：3050
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03573
 配列：
 GATCCATCTC AGTCACTTTT TCCCCTGCAA TGGCTCTTGT GAAATTGTGT ACAGTGTTTG 60
 TGAGCTTTTT GTTCCCTCAT TCTGCATTAA TAATAGCTAA 100

【0647】

【配列表557】

配列番号： 3051

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03574

配列：

GATCCAGTTT TNCTACAAAG AACAAAGTGG TTGACAACAG TGACAGTAAT TNCTGGAGCA 60
AAACCAAAAG ACATAGGTAA AGANCATATA ATTGTTAATA 100

配列番号： 3052

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03575

配列：

GATCCAAGTN TTTAACAATT GGGGCTGTTA AGTCTGACCA TACATCACTG TGATAGANTG 60
TGGGCTTTTN CAAGGGTGAA GATACAAGTN TTAACCACAG 100

配列番号： 3053

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03576

配列：

GATCAGAGCA AGCCTTGCCT CTTATCTTCG GGAACCCAGA ATATGTTTGG GGTGGTAGGA 60
GCCACACAGA CTCTTCTGAG CCCCCTCACT CACTTCCTTC 100

配列番号： 3054

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03577

配列：

GATCTCAAAG ATACACAGTA CCTACTTAAT TCCAGCTGAT GGGAGACCAA AGAATTTGCA 60
AGTGGATGGT TTGGTATCAC TGTAATAAA AAGAGGGCCT 100

配列番号： 3055

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03578

配列：

GATCCCTACC TNCCCCCGC TCCTNTNGCC AGCAGCACTC ACTGCACTCC TTTGTCATAT 60
ACTCTGCATC ACTGTCATC TCACAACCTNC GTGAATAAAG 100

【0648】

【配列表558】

配列番号：3056
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03579
 配列：
 GATCAGGGAC CTCACGCATC TTTTCTCAT ATACATGGNC TCTCTGTTGG CCTGCAAACA 60
 CATTNCTTC TCCGCTTATN AGACTATTTA NCTTAATAA 100

配列番号：3057
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03580
 配列：
 GATCTAAAGC TNAACAATGA AAATCTTCAG CAGAAATAGA AATNGCCGTG GATTGTAATA 60
 CACACTGAAA TTCTNACTTT CTGAATTTAA ATGTAGAATA 100

配列番号：3058
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03581
 配列：
 GATCTGAAAT GTCTGAGAGT AATAGTTTCT GTTGAATTTT TTTTGTTC TTTTCTGCA 60
 CAGTCCATTC TGTTTINATT ACTATCTAGG CTGGAATAT 100

配列番号：3059
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03582
 配列：
 GATCAGAATA TGAACATTGC AGTAAAGAGC TTAAATAGTT TNATCTTTGG TTTTTTTTC 60
 TAGACACTTT TCTTINATCC CAGTNATCTC TNAATTNACA 100

配列番号：3060
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03583
 配列：
 GATCATGACA CTNAAGCGTG ATGAGACGCT CCAGGATGGC TGTNATACTC ACTTCTGCAA 60
 GGTCAATGAG AGAGGAGAGT ACTTCTGGGN GAAGAGGGTC 100

配列番号：3061
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03584
 配列：
 GATCCCTAAA AATGTTGAGG GACTTCTGTT CATTTCATCCC GAGAACATTG GCTTCCACAT 60
 CACAGTATCT ACCCTTACAT GGTITAGCAT TAAAGCCAGG 100

【0649】

【配列表559】

配列番号：3062

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03585

配列：

GATCGGACCG TTCATGCTGC CTATAGGCAT TATGTCCTC AAAAAAAAAAC TCCTTTNCCT 60
GCATCCTGTG TACAACATGA CATTTTAAAC CAATCCAATC 100

配列番号：3063

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03586

配列：

GATCAGAAGT GGCAGTCTAT AACTNAAAAAT GTGGTAAAGT ACTTGANGCA AACATCCCGC 60
ATCGCTGTTG GACCTCTNAN ACTTTCTACT TTAACAGTTT 100

配列番号：3064

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03587

配列：

GATCTCCTCC ACCCTGTACC AGGCAGCAGC TCCAGTCCTC AÇACCAGCCA AGGTCACAGG 60
CAAGAGCAAG AAGAGAAACT GACCCTGAAT GTTCAATAAA 100

配列番号：3065

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03588

配列：

GATCTGAAAT CNNGGTCTTC CAAGGNAGAA AATCGANCTG GGAATAAAAG AGAAGACCTG 60
TGATGGGGCA GCAGTCACGC NCTGTGGGGG GACAGGTGGA 100

配列番号：3066

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03589

配列：

GATCCTGAAG AAATCATATG TTAACATAC TTTNACACCT ACTGTGTTAT AAAATATATC 60
ATCAGATGTG CCTTGAGAAT AGTATATGTA ACATTAATAAA 100

【0650】

【配列表560】

配列番号: 3067
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03590
 配列:
 GATCCTTGGG CTTTGTGTT TTGATTNTAT GTTGATATTC TAAAAACATC TATTTTAATG 60
 TTATTTCTGT TCTAAAAATA AGATAATAAA TATTAACAAA 100

配列番号: 3068
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03591
 配列:
 GATCTCAACA AGAAGCTGTA TTTTAAGTAT TAAGACAGTT CTTTGTTAGC TGGTTTCTAG 60
 TTGGTTATCT AGTTACCAAT GCTGCAGTCC TGCAGTCACC 100

配列番号: 3069
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03592
 配列:
 GATCCTGAGG AAAGACTTGG AAGAGACCAG CATGTCTTCA GTAGCCAAAC TACTTCTTGA 60
 GCATAGATAG GTATAGTGGG TTTNCTTGAG GTGGTAAGGC 100

配列番号: 3070
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03593
 配列:
 GATCTTGGCT TTCTNTTTC TCTTCTCCTN CAGGGTGTCT GTNACTGCNN GGTACTTCCA 60
 GCCAACCTCG TGAGCCAGGC GCCCCAGATA GGCAAACTTT 100

配列番号: 3071
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03594
 配列:
 GATCTGTATA TGCTATCCTA ACTGTTAATT GTATTATTGA TTATNTTGAT TATCTTGCTT 60
 GAAGGTTTCACT ACTTTTCAAT TTGATAGAAA TAAAGTTTTT 100

配列番号: 3072
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03595
 配列:
 GATCCTCTCT TCATTTTACT CAGCCAGGTT TTGTACTGAT GTACAGGTGT TAAATNACTT 60
 CAAGTATTTT TGTAAGAGGT GTATATAATT CAATAAAAAA 100

【0651】

【配列表561】

配列番号：3073

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03596

配列：

GATCGACAAG GAGTACTTGC TAAAAATGGC AACAGAGGAG TGAGGAGTGC TGCTGTAGAT 60
GACAACCTCC ATTCTATTTN AGAATAANNN NCCAACCTCT 100

配列番号：3074

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03597

配列：

GATCCGNACC CCAAGCCCAT GCAACCCACG CTCGGTCCCG TTCCGGGCCCC TGCNCCCCGC 60
TGCNCTTCGC TCCCCGNCCT TGCNCCGTTA GTAAACATCG 100

配列番号：3075

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03598

配列：

GATCTAACAA GTTACATTGT ATAGTTTCTG GGACTGTTTG AATATTCTAT TCCAATGGGC 60
ATTTATTTTT TATCCTGTCA TTAAAAAAG AAGACTGTTA 100

配列番号：3076

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03599

配列：

GATCTCCTCC ATCCTGCTGC CCACCCCTCT TGAGTGTCTT AAGGGACAGA NCTTTCCACC 60
CCTGGAAGAT GGAAATAAAC CTGCGTGTGG GTGGAGTGT 100

配列番号：3077

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03600

配列：

GATCAGAGTG TTNTAAATCA TCACGCCCTT AGCTTATCCC TNGTCGAGCC AGGACACGGG 60
GTGCTTCAGT GGGTCTGTNA CCCTCTCTCC TTGAAGCATG 100

【0652】

【配列表562】

配列番号：3078
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03602
 配列：
 GATCCCTGAA TGTGAACCTG AAGTTCAAAG GACTTGGAAA GCTCTGGAAT GTGTTGGTTT 60
 TTCCCCCCTA AAATGGGTCC TAAGGAGGGT AAAGTGACTT 100

配列番号：3079
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03603
 配列：
 GATCAGTTTC TTTNGCTTCA AGATTGAAA CCAGAAAGGA AAGTCCNACT TGCAGATGAT 60
 TGTCTTAAAC ACCTAATGGA AAANTAAAAG ANAGACATAC 100

配列番号：3080
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03604
 配列：
 GATCCATCAT TGTTCACAAA CTTCACTGTC AAGAACCCTT TCGTTGCATA ATGTGCAAAAT 60
 AGTTAAAACC ACTGTACTAT ATACTTAAAA ATGATTAAGA 100

配列番号：3081
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03605
 配列：
 GATCTGCAGC TGAAGCCCGA GGCAGGGTTG GTGTGATGCC AAGGCCAAAGT GGTGAGGAGA 60
 AAACAGGAAA CGGGCTTCT CTGANTTGGT AAATGGGAAA 100

配列番号：3082
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03606
 配列：
 GATCAACAAA ATAACCTGTA TCTCCTGCTT AANTCCTTTA TACTACCTGG NGAAAAGTAT 60
 TTCCCATATT TCCAATAAAT GTCAGACACT ATTGAGAAAG 100

配列番号：3083
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03607
 配列：
 GATCCTGNAT NANGCCCGGG CCAGCGAGTG CAGGGACGTG GAGGGNTTCA AAACCGAGAT 60
 GGCCATGCTG GTGACCCAGG CCAGGAAGAA CACCATCACC 100

【0653】

【配列表563】

配列番号：3084

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03608

配列：

GATCCTCACA GTCAAGTGAC GAGGCTGGGG CTGAAAGCAG AAGCATGCAC AGGGAGGAGA 60
CCACTTTTAT TGCTTGTCTN GGTGGATGGG TCAGGAGGGT 100

配列番号：3085

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03609

配列：

GATCCTATCG CCTTTNAGTA GAATATGAAA TATTCTTTNA GAAATCCAAT ATAAATAGGT 60
TATAATAGCC ATATNCTTNA TNACTTTTATT GAGATATAAT 100

配列番号：3086

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03610

配列：

GATCTNAGCT CCCACCTCCC TTCCCACCTA CTGCACTTTC CCCCTTCCCG CCTTCCAAAA 60
CCTGCTTCCT TCAGTTTGTA AAGTCGGTGA TTATATTNT 100

配列番号：3087

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03611

配列：

GATCTCAGAC AGTGTGCGGC GGCACATGAG CGGCTTTCCG CAGTGTCCCTG TTTGAGCCA 60
CTGCAGTCTG GGCCCCATCA TTAAACGGGC TCGGTTTAAA 100

配列番号：3088

配列の長さ：98

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03612

配列：

GATCTCCAGT NAGACTCCAG GGTTCAGAC AGAGGCCAGT NTTGGCCACT CACCCACAC 60
CCCGCGGACC CCAATAAAGG CTTGCATAGC TCCAGAAA 98

【0654】

【配列表564】

配列番号：3089
 配列の長さ：98
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03613
 配列：
 GATCCTGAAG CTTNACCGGG CTCCAAAGGG CAAATGGAGC TGCCCTCNC TGTATCAGGT 60
 TTATTGGTTG TACATATAAA TNATACTNC CTTTCAA 98

配列番号：3090
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03614
 配列：
 GATCCTGTTT AACAAAGATA CTTGAGACAT CCATTTGTTT TAATGAAATC TGFATGGATA 60
 TGGAAATNCT TGCCCTAATA AAAGCCTACA TATACCTTCT 100

配列番号：3091
 配列の長さ：97
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03615
 配列：
 GATCTNTCCG TTCTCAGGCC AGACCCCTGG TGCTGCCGTT AATTTTTTTT TCTCTGTCTT 60
 TGCTGCAATN TTNAATAAA ATGCCAAGA ACACAAA 97

配列番号：3092
 配列の長さ：95
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03616
 配列：
 GATCCTAAAC AAATCATCTT TGTCAGTTAA GTATAGTTGC GCAAAAATTG TTAAATCCTT 60
 TGTCTTTATT AAAGAAAAAT TTGAGTAACA TTAAT 95

配列番号：3093
 配列の長さ：94
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03617
 配列：
 GATCTAAGTG ATGAGTCTAG GTGTGTTATT GTNCAGTTTT TNCAACTTTC CTGGAACG 60
 AACTTTTCAA AATAAAAAAT TGGAAAAATA GAAA 94

配列番号：3094
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03618
 配列：
 GATCACTTTG AGAAACAAAC TTTTATTAAA TGTAAGGCAC TTTTCTATGA ATTTTAAATA 60
 TAAAAATAAA TATTGTTCTG ATTATNACTG AAAAGATGTC 100

【0655】

【配列表565】

配列番号：3095

配列の長さ：91

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03619

配列：

GATCTGCCAT ATTTGTTTG GTTTTTATTT NCATATCCAG CCTAAAGGTG GTTGTTTATN 60
ATATAGTAAT AAATCATTGC TGTACAATAA A 91

配列番号：3096

配列の長さ：92

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03620

配列：

GATCAGGCTG CCTCCTGGNT TGGTGTCCG GGGAGCTGTC CGGCAGCCTG GCAGGGAGAT 60
GCAAGGCCTA AAGTAAAATT TTNTCAAGTA AA 92

配列番号：3097

配列の長さ：91

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03621

配列：

GATCTAGCCC CTTCTTCAGG CCGAGAGAAT TTCGAGCGTT ANCCGTCTCT TGGCCACCAG 60
CTAAATAAAC GGATTCTTCA TGTGTCTCAA A 91

配列番号：3098

配列の長さ：91

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03622

配列：

GATCTGCTAT TGTTATTTCT CCTCTTTATT GGAAAAAGGC CTCAGTTTTA ATTATTTTCT 60
TCCCAAAATA AATNACACAT TTGGTTACAA A 91

配列番号：3099

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03623

配列：

GATCCTGCAT CAGCATTGTA TATATGGNCT TAAGTGCCTG GCCTCCTTAT CCTTCAGAAT 60
ATTTATTTNA CTTACAATCC TCAAGTTTTA ATTGATTTTA 100

【0656】

【配列表566】

配列番号：3100
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03624
 配列：
 GATCCCTGCC CTGCACCAGC ACCCTGANAT GGAGCTGAGA CTTTATTTAT TGGGGGTAGG 60
 GGGATGGAGG AGGTCCCTCC AACATGTTTG GACCCAGCTC 100

配列番号：3101
 配列の長さ：90
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03625
 配列：
 GATCTGTGTA CTGTNTACTT CCCACTTCCC AGAATCCTTT GTATCTCCAA NNTGGGGAAT 60
 TGTATTTCCT AATAAATGAC ATTTGAGAAA 90

配列番号：3102
 配列の長さ：90
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03626
 配列：
 GATCTCTGGA AGTGTAATTN TGAAAGAAAC TTNCTTGCAG CTTTAACAAA ATGAGAAACT 60
 TNCCAAATAA AACTTGTTTT GAACTTTAAA 90

配列番号：3103
 配列の長さ：89
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03627
 配列：
 GATCCTCGGG AAGAACAAAG CTAAAGCTGC CTTTGTCTG TTATTTTATT TTTTGAAGT 60
 TTAAATAAAG TTTACTAATT TTGACCAA 89

配列番号：3104
 配列の長さ：88
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03628
 配列：
 GATCAATCTT TGATGGTGAG GGTTTTAGAA AGGAAAAATA TAGTAAATG TGTAATTTGT 60
 CTTAATAAAA TCTATCTNTA CATCTAAA 88

配列番号：3105
 配列の長さ：85
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03629
 配列：
 GATCTAGATT GGGTGAGGGG GACGGGGATG TCAGGGAGGC AAGTNTGTTG TGTTACTGTG 60
 TCAATAAACT GATTTAAAGT TGAAA 85

【0657】

【配列表567】

配列番号：3106

配列の長さ：89

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03631

配列：

GATCTGAATT TCACAAAAAG TTCATGGAGA AATATATTAA ATAGTACAGT TTTATGTGCT 60
TAATTAAAGA CTGTAAACG TAAAGGAAA 89

配列番号：3107

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03632

配列：

GATCATACCA CGGCACTCCA GACTGGGGAC CAAAGTGAGA CCTTGTTTCT AAAANTTAAA 60
ATATTTAGAA TGTTCCTAG CAAA 84

配列番号：3108

配列の長さ：82

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03633

配列：

GATCCNAAGG NTGGNGAACA ACTTACCCAG TAGCTAGAAT GTTAATGGCA GAAGAGAAAN 60
CAATAAATCA TATTGACTCA AA 82

配列番号：3109

配列の長さ：81

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03634

配列：

GATCTCCAGA TGTGCATTTT CCTCTCTTAT TTTAAGTTAT GTTAAGATTA CTAAAACAAT 60
AAAAGCTCCT AAAAAATCAA A 81

配列番号：3110

配列の長さ：79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03635

配列：

GATCCAACCG TGCCTGAAGC TAGAATATCC CCTGGACTTT TCAGTTATGT GAACCAATAA 60
ATACCCTTTT TTGCTTAAA 79

【0658】

【配列表568】

配列番号：3111
 配列の長さ：78
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03636
 配列：
 GATCTGNGAN ATATTATGGT AATTGTGTCG GGGCGCCATG AACCGCACCC ATATAACACC 60
 GTAAACTTAA TCAGCAAA 78

配列番号：3112
 配列の長さ：77
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03637
 配列：
 GATCATGCTG AAAACCACTC AAACGATTAT ATTTTTTACA TTATAAGAAG TAAAATATAT 60
 TATTCTGAAT AATGAAA 77

配列番号：3113
 配列の長さ：75
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03638
 配列：
 GATCTGTGCA TTGCTCCTTC TGATTTGTGC TAAGTTGTTA AATAAGAGGG ACCCTGAGAA 60
 AGGCCTTACT CTAAA 75

配列番号：3114
 配列の長さ：75
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03639
 配列：
 GATCACACAG CTAACGAGGC TGCCTCCAGC ATTTCTGAT TTCCTCTGTG GTAATAAAAG 60
 CTTTCTGTGC TAAA 75

配列番号：3115
 配列の長さ：78
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03640
 配列：
 GATCAGAACT TACAAACCAA ACTTTTATTC TGAGAAACTG GCTGTACAAT ATNTGAAAAG 60
 AAAGTGACAT GNAGCAAA 78

配列番号：3116
 配列の長さ：74
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03641
 配列：
 GATCTTTTTN AAGTNTTCTG AAAGGAAGTA GACAGTATTA CACCCTGAAT AAATAAGGTG 60
 TTGTTTTCCA CAAA 74

【0659】

【配列表569】

配列番号： 3117

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03642

配列：

GATCTACTTC CCATGCAGAA GAGAAGTCAC ATCTNCCAGG GAATCGCAAT GTTGTGGCGT 60
CTNANTTGTA TGTX 74

配列番号： 3118

配列の長さ：73

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03643

配列：

GATCATGGTG ATGTACGGGG TGAATTCTCT TGCCGTGTTG CAAATGTGTA AAATAAAGAT 60
TATCTGGCAG AAA 73

配列番号： 3119

配列の長さ：71

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03644

配列：

GATCCNAGNT CTANCGTCAT ATAATCATTT AATATAATTA AAGTTTAATT GCTGAAATAC 60
TTATAATGAA A 71

配列番号： 3120

配列の長さ：69

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03645

配列：

GATCATGCAA TTCCTTCAAT TATGATGGAA AGACTTGAAC TTTCTGAAAT AAAACAAAAA 60
TACAGCAA 69

配列番号： 3121

配列の長さ：67

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03646

配列：

GATCCATTTA TTGCAATTCA TGCTGAATCT AAATTATAAA ATTTAAAATT AAATGCATAT 60
CCTCAAA 67

【0660】

【配列表570】

配列番号： 3122
 配列の長さ：65
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03647
 配列：
 GATCCGAAAC CTGTTAAACA ATAAGATGTG TTCTCGGAAA ATNAAACAAG AGGTATCACA 60
 AGAAA 65

配列番号： 3123
 配列の長さ：64
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03648
 配列：
 GATCATCTCT TCTCCATAAG ATAGTGTGAT AAACACAGTC ATGAATAAAG TTATTTTCCA 60
 CAAA 64

配列番号： 3124
 配列の長さ：64
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03649
 配列：
 GATCGCTCCA ATAAACATAT ATTGTGAAAA TGCATCCACA ATAAATGGAA TTCCTTCCTG 60
 CAAA 64

配列番号： 3125
 配列の長さ：63
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03650
 配列：
 GATCTACCTG TCTTGTGCC ACATGTTTCT AAAGTTTCCA ATAAATCACC TTCTACTGAC 60
 AAA 63

配列番号： 3126
 配列の長さ：68
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03651
 配列：
 GATCAGCATC AGGCTGTTAT CAAGTCTGTT GGTGCTAAAA AGTAAANAT GAAATGTTC 60
 AAGAGAAA 68

配列番号： 3127
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03652
 配列：
 GATCTGTCTG GCTCCNTTGT TTCTATTAA ATAAATTCT GTCTTCTATT GTTTCAA 58

【0661】

【配列表571】

配列番号： 3128
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03653
 配列：
 GATCAGCCTT NNTATAATGT TTTTAAATC ATTTCTAAAT AAAACAGAAA TACAGAAA 58

配列番号： 3129
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03654
 配列：
 GATCTAGACT TATATGAATA AATNAAATTA CATGCCAAGG GCCCTAAAA GCAAA 55

配列番号： 3130
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03655
 配列：
 GATCAGGGCC GAGCAGAACC GCACTCTTCC CAAATAAAGC TTCCTCCTTG AAA 53

配列番号： 3131
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03659
 配列：
 GATCATATTT TTTTATACAG GTATTTCAAT TAAATGTTT TTGTACATAA A 51

配列番号： 3132
 配列の長さ：76
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03661
 配列：
 GATCCAATCA NTTAAATAAA CCTGTATGTA TATGCATATG TNTACATGCA TATCCCCTCC 60
 TGCTAAAACT CATAAA 76

配列番号： 3133
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03679
 配列：
 GATCCCTCAG TTTCTTCTTG ATTTACAGCAT GTNTCGGGTT CCTAATTTAT GGTATGAGTT 60
 AGCAAATTTA ACCATTGTGT TTGTGCCCTA CCCAGGGGAC 100

【0662】

【配列表572】

配列番号: 3134
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03680
 配列:
 GATCTAAGGA TGACTTGGAC ACACTCCNTG GCACTGAAGA GTCTGAACAN TGGCCTGTNA 60
 TTGGTCCATT CCAGGACCTT CATTTGCATA AGGTATCAAA 100

配列番号: 3135
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03681
 配列:
 GATCGGCGCC ACTGCTGTCC TGCTGGCTTC HNCTGGCGAG CANGGGGTAC CAAGTGTTH 60
 CCCAGGGAGG CCCCGCGCTG GGACGCCCCT TTAAGGGACC 100

配列番号: 3136
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03682
 配列:
 GATCTTGAAG TGCTTTTAT ACAGCTCTCT AATAATTACA AATATCCGAA AGTCAITTTCT 60
 TGGAACACAA GTGGAGTATG NNAAATTNNN TATGAATTTT 100

配列番号: 3137
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03683
 配列:
 GATCAAAGTA TTATATGCTG TGTGCTTTTA AGGTGTTTGT AAGTACTGAA AAAGGCAAAA 60
 ATNCTTTCTA CATTGACATT CATTCTATT TNACTGGGCA 100

配列番号: 3138
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03684
 配列:
 GATCAAAAAT ATTAGAAAAA ATAAAANTAA TACAAATAAA AATACAGTAT AACAGTTATT 60
 TAAATAGCAT TTACATTGCA TTAGGTATTA GTCTAGGGAT 100

配列番号: 3139
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03685
 配列:
 GATCGAGACC ATCCTGGCCA ACATGGTGAA AACTCATCTT TACTAAAATA CAAAAAATTA 60
 GCCACGCTG GTGGCGCACC TTGTGGTCCC AGCTACTCGG 100

【0663】

【配列表573】

配列番号：3140

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03686

配列：

GATCTATGAC TTCTCAAAGC CGGGTCATGA ATGTCCATAA AATGCTAGGC ATTCTATTT 60
CCAATATTTT NATGGTTGGA AATAATGCTT CANATTTGGA 100

配列番号：3141

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03688

配列：

GATCTGAGGA CCCTGTACTG GTTACTCCTG TACACGTTCA CAATTTTCNT GTAAATNTAT 60
TAATATACTG AGCAGTCCAG GAGCAGCCAT TAGGCAAACA 100

配列番号：3142

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03689

配列：

GATCAGTTTG ATTCTGTAAT GAGCACAGCA CCTAATATTT TGAGGAGCTC TGTTTTGAGG 60
ACCAATGCTT AAGGTGGACT TTGTTCTGTA ACAATATCCC 100

配列番号：3143

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03690

配列：

GATCAACATC CACAGCGAGA CCTCCGTGCC CGACCATGTC GTCTGGTCCC TGTTCACAC 60
CCTCTTCTTG AACTGGTGCT GTCTGGGCTT CATAGCATTC 100

配列番号：3144

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03691

配列：

GATCCTTCCT ACTTTGCTTC TCTCCACCCA TGACCTTTTT CACTGTGGCC ATCAGGNCTT 60
TNCCTNACAG CTGTGTACTC TTAGGCTAAG AGATGTGACT 100

【0664】

【配列表574】

配列番号：3145
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03693
 配列：
 GATCCTNAAT TTNAAAATTT NACACCATCA TAAATNAACA AAGGTAGGAA GGAGTTTGGC 60
 TTCAATAGCT TACAGTAAAA GGAGTAAAGG AGTTCAGCCT 100

配列番号：3146
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03694
 配列：
 CATCAAGTAA CATGTTGCAT GTGGCTTACT CTGGATATAT CTAAGCCCTT CTGCACATCT 60
 AAACCTTAGAT GGAGTTGGTC AAATGAGGGA ACATCTGGGT 100

配列番号：3147
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03695
 配列：
 GATCTAAGGA TGACTTGGAC ACACTCCCTG GCACTGAAGA GTCTGAACAC TGGCCTGTNA 60
 TTGGTCCATT CCAGGACCTT CATTTGCATA AGGTATCAAA 100

配列番号：3148
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03696
 配列：
 GATCTCGGCT CACTGCAACC TCCACCTCCC GGGTTCAAGC GATTCTCCTN CCTCAGCCTC 60
 CTGAGTATCT GGGATTACAG GCGTGACCA CCATGCCCTG 100

配列番号：3149
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03697
 配列：
 GATCTCGGCT CACTGCAACC TCCACCTCCC GGGTTCAAGC ATTTCTCCTG TCTCGGCCTC 60
 CCGAGTAGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAC CATGCCCAGC 100

配列番号：3150
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03698
 配列：
 GATCTGCTAG TGCTGTAATA TTGTAAATAC TGGACTCAGG AACTTTTGT AGGAAAAAAT 60
 TGAAGAAGCT TAAGTCTCGA ATGTAATTGG AATCTTCACC 100

【0665】

【配列表575】

配列番号：3151

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03699

配列：

GATCGTGGGT TGCCGAGAGG ACCTGAGCGC TCGGGCTCTG CTGAATGGAN CCGGGTCCCT 60
CAGGCCGTGG ACGCCCTCGG AAGGGGGGTG ACTGTGGCTT 100

配列番号：3152

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03701

配列：

GATCCAACCC AAGGGCAAGG GCATCCTGGG AAATACCATC AAGTGAACT TCACCAAGTN 60
CCTCATNGAC AAGAACGGCT GCGTGGTGAA GCGCTACGGA 100

配列番号：3153

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03702

配列：

GATCTTGGGA AAATTGCGGA GTGTACATTT ACAAAGATGC GTTCAAATAG TGCTCTAAGA 60
GTTTTGTTCA GTGGCTCACT TCGGCTAAAA TGCAGAAATG 100

配列番号：3154

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03703

配列：

GATCAAGAAA TGCATTGACA TTCTAATTGA GAAAGAATAT TTGGAGCGAG TGGATGGTGA 60
AAAGGACACC TACAGTTACT TGGCTTAACC CTTCTGGAAG 100

配列番号：3155

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03704

配列：

GATCCCTGAT TAAGCTGATG ACTAGACCTA CAATTAATTT TCCTGCAGTA TATGAAGTAT 60
TGTACCAGAG TATTAAAAGA TATGTAATAT TTNATTGATA 100

【0666】

【配列表576】

配列番号: 3156
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03705
 配列:
 GATCTGACC AGCAAGCCCC CCCCAGCCC CCCTTCCAAG TGACTCCGTG NCTTGAGTGT 60
 GTCTGCGTGT TTACACCCGT CCCTCTGCTG GCCGCCCCG 100

配列番号: 3157
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03707
 配列:
 GATCTGGTGG TCAGCCCTAG GATAAAAAGC CAGGGCTGGA GAACAAGAAA GGGCCAGGAG 60
 ATGGAATTCC TTCAGGCCGG CACCCACACC CTAGGACATG 100

配列番号: 3158
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03708
 配列:
 GATCAGGGGA TAGTGAAGTT TACCAACTGG GTGATGTCAG TCAAAAGACA ACATGGCACA 60
 GAATATCAGT ATTCCGGCCA GGCCTCAGAG ACGTGGCATA 100

配列番号: 3159
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03709
 配列:
 GATCTCAGTC TCTCTGTCTC TCTTTCTCTC CTTTTCTTT TGCTGTATCA AATATTTNAT 60
 TGACAAAGTA AGGGCCTTGA TTAGGACCAA ATTCTCGTGT 100

配列番号: 3160
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03710
 配列:
 GATCTTCAGA ATGTCCGGCC TCATGCTAAA GCTGAAGAGG TGTGCANNGC ACGCTGTCTA 60
 CTGCTCCTTC ATCAGCTTTG CCAACTCTCG GAGCTCGGAG 100

配列番号: 3161
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03711
 配列:
 GATCTTGATG AGGGCCAACT TTCCCTCTTC CACAAGGGAT TAATCTTAGA ACTATAGCCA 60
 ATTTATTATA AGTACTATTT AGCTACTCTG TGCTCCACAC 100

【0667】

【配列表577】

配列番号： 3162

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03712

配列：

GATCTGACCA CTGTTCTCCA GCAGGCCTCT GCTGCAGCTT TTNCTCTCAG TGTTCCTGGCC 60
CTCTCCTCTC TTGAAAGTTC TCTGCTTACT TTGGTTTTCC 100

配列番号： 3163

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03713

配列：

GATCTGTTCC AGCTGCAGGT GAACACCCTA CGACGTTATA AACGACACTA ACAAGTTGCA 60
GACCAGACCA GGCTTCAATA AGGCCAGTT AGCAGAAACT 100

配列番号： 3164

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03714

配列：

GATCCAGATG CAGAGGCCAG GATGTGGGCC CAGCCCTGTG CAGGAGGCT NGCTGGAATA 60
AAGGGATGGG CAGGCTGGCA TGGGGGCAGC CGCTGCCCCT 100

配列番号： 3165

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03715

配列：

GATCACACCT GAGCTTATGC TAAAAGGTGG GATGACTCAG AGCTGGGGCT GGTCACCAGA 60
CAGACTGACC ATGTGATTAG AGGTTTGAGG CTTTGAGTCA 100

配列番号： 3166

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03716

配列：

GATCTGACCT GTGACAAGTC TGTACTATCC ACTATGTAAA TGGCTCACAA GTCAATTGCA 60
AACAAACTGA ATGTACAAAT CTTAGTGCTG GTGCTGAAAT 100

【0668】

【配列表578】

配列番号：3167
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03717
 配列：
 GATCACAGGC AAACCCATCA AGCTGACTCA GGTGGAACAC GAAGCTGGCA NNTAAGTGG 60
 ACATGGATGG GCGGGGAACC ACCCCAGCC CAGGGCTGCA 100

配列番号：3168
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03718
 配列：
 GATCTNCTGC CGAGTGAATG GGGAAAGTNT CCAGAGCGGC AACACCAAAT AGATGGTATT 60
 CAAGACAGAG GACCTGATAG CCTGGGTCTC CCAGTTTNTN 100

配列番号：3169
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03719
 配列：
 GATCTTTGAA GTCTATTTAA ATATTCATTC CATTACATCT AGACTCACCN AGAACTACAT 60
 GTTATGATGT TAAGTTGAAG TTGAAACATG ATGTTTTGCA 100

配列番号：3170
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03720
 配列：
 GATCTNATCA GTCCTAAGCG GGTGATGGG CAACACGGTT AGCGGGGAGA GCACGGGGTA 60
 GCGGAGAAG GGCTCTGGA GCAGGTCTGG AGCGGCCATG 100

配列番号：3171
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03721
 配列：
 GATCCTCTCC CTGGGATAAG CACTCCCAGC CCCGTTTATC AGAAACACAG GCAAGGAAAT 60
 TGGAACTGCC ACCCAGCCCA GCATGATGGC TCAATTGGTT 100

配列番号：3172
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03722
 配列：
 GATCAGAGGC AGACAATGAC GAGTGAAGAT GGTGTAAAG CCCTCTTCAT TCCTGGAGGA 60
 GCCTGCATCT AATCTNTNAG GCCCTCTTTC TCTGTGGGTC 100

【0669】

【配列表579】

配列番号： 3173
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03723
 配列：
 GATCTGCATT CCGACTGCCT ATNAACGGGT GTGGGGGCCG GGGGCTGGAN TTGCTGAAGT 60
 NTTCAACTTG CACTCGGAGC TCCTTTNATA CCTCAAAGCT 100

配列番号： 3174
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03724
 配列：
 GATCAAAATT TGTGTACTTG CAGGGCTTTC TTTCTTTTTN TTCAAATTTA CAAGGGTTCA 60
 TTTTGGAAAC TACATTTTAA ACTTTGGAAT CAAATTGTTT 100

配列番号： 3175
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03725
 配列：
 GATCTTCGCA AGCCAGCTTC TTCTGCATCT NAGGGGCTGC TGGCGCCCAN AGGAGGCAGA 60
 CAGATGTCTN NTAGCTGAGT TTCTAACCGC ATGATGAGAC 100

配列番号： 3176
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03726
 配列：
 GATCTACTGC AAATCCTGCT ACGGAAAGAA GTATGGGCCA AAAGGCTACG GTTATNGCCA 60
 GGGCGCTGNC ACGCTTAACA TGGACCGTGG CGAGAGGCTG 100

配列番号： 3177
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03727
 配列：
 GATCGGGCGC ACGGNCCGCT TTGGCAAGAG GGGCCTGGCA GTGAACATNN TGGACAGCAA 60
 GCACAGCATG ANCATCCTGA ACAGAATCCA GGAGCATTTT 100

【0670】

【配列表580】

配列番号：3178
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03728
 配列：
 GATCAAATTT ACTNGAACAA TTGTTAATTT ATCCATTGTG CTTAGCTTTG TGACACAGCC 60
 AAAAGTTACC TATTTAATCT TTTCAATAAA AATTGTTNTT 100

配列番号：3179
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03729
 配列：
 GATCTGAATT TGGACCAITTT CACTAAAGAG AACATGAGTT TGCTCAGCCC TTTCCTCACA 60
 AGAGGGAGGG CCCCGGTTCC CCAGACTTCT CCACGCGCTG 100

配列番号：3180
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03730
 配列：
 GATCTTGGTT TTAATTAAC TATTACTCTA TTAATATAAC CTTGGAATTC TATTCTAATN 60
 ATGTTGTTCT GGCTGCTTGT AGTATCAGTT CGCCCTCTT 100

配列番号：3181
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03731
 配列：
 GATCTGACTT TTTTCCTTCT CAAAAGAATC ATACTTGGGA TTACAGGTAC ATTNATGTT 60
 ATATNATGGA TAAGTGAAAA NTTTTTAAAG CAGATTTTAT 100

配列番号：3182
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03732
 配列：
 GATCTGAAAA NAAACCTTAA TACGCTCATA TGGTTGGAGT GTTAAGTGAA CCTNTGATTT 60
 TTTNAGGGTT TTTNTACGTG TAGGCGTGAA TAGGGGGCAC 100

配列番号：3183
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03733
 配列：
 GATCAGCTAG CTTATTCTTG TGTACNTTTT TNAAACTGTG GGTTTTCCTA GTAAATNTAA 60
 TTTACAGAAA TCAATGCTAG CATTAGTAA TCTACAAAGG 100

【0671】

【配列表581】

配列番号： 3184

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03734

配列：

GATCAGAATT CCGATTTGAC GGGCAACCAA TCAATGAAAC AGACACACCT GCACAGTTGG 60
AAATGGAGGA TGAAGATACA ATTGATGTGT TCCAACAGCA 100

配列番号： 3185

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03736

配列：

GATCTAGAGC CAGGCTGGTC AAGACAAGAA TTGGCTGGAA TAGGCTGCTC TTCCCCCATT 60
CCATCATGTG CTGTCCCCAC CCCTTTGGCC ACCTGGGCTG 100

配列番号： 3186

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03737

配列：

GATCAAGGGC AATGCCAATG AACATCGGCA TGGATTATAA TJATGCCCTC CTGGAACCTCA 60
AAAAGCCCCA CAAGAGAAAA TTTATGAAGA TTGGGGTGAG 100

配列番号： 3187

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03738

配列：

GATCTTGATA TGTITTAACA TTATCATGGC AGGGAAATAT ATAAAGAAGA AAAATATTTT 60
NACATTAAAC CTTTTCTAAA ANTTGTAAAT AGAAAAATAA 100

配列番号： 3188

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03739

配列：

GATCCTTTAC AGAAAAAGTT TTCTGACCTC AATTCTAAAG TAATTGTAGT AGGGAGCTGG 60
AGGACTTTCT TTCCCTTTAT GGTAATTTTT TGAGCTACAA 100

【0672】

【配列表582】

配列番号： 3189
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03740
 配列：
 GATCATACCC AGAATTCAAT GTTTGATATT TTAAGAATGT ATGTTCTAGT GTTTTINAGA 60
 GTGAGTCTAC CATCTGTATA AAAACACCTT GGGGGCAGGC 100

配列番号： 3190
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03741
 配列：
 GATCTGTCAT GTTTAAACCC CCTACTTCTA AGGGAAGTTC TCTAATCTCT TATCCTCATC 60
 CCAAATAGT GTTTTCTTCC TCTGGGTTC TATAATNTTG 100

配列番号： 3191
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03742
 配列：
 GATCTCCAGT GGTCAAAAGA CATTACCCCT TAATATCAGA CAACATTTAT ATTTTAGTGA 60
 AGAAACAAGT TCTCGGTGG GGAATCTATG TTCACTCAG 100

配列番号： 3192
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03743
 配列：
 GATCTCCGGG AGGGACAGAT GGCCAATNTC TCCCCTTCCA AAGCAGGCCC TGCTCCCCGG 60
 GCAGCTCCC GCCGAGGGGC CCAGCCCCCA ACCACAGGC 100

配列番号： 3193
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03744
 配列：
 GATCACTTTT NAGCTCTGAA GCTTTGAATC ATTCAGTGGT GGAGATGGCC TTCTGGTAAC 60
 TGAATATNAC CTTCTGTAGC AAAAGGTGGA AAATAAGCAT 100

配列番号： 3194
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03745
 配列：
 GATCAGCAAA CACGATAGAG GAGACCAGTC AGTACTTCTT GGAGGGGGCN GGAGGAGAGA 60
 GGAAAAGGGA GGGCGAGAAT NACCACACAA CACAGCCNTT 100

【0673】

【配列表583】

配列番号： 3195

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03746

配列：

GATCAAAGTT GTCATGAATA CTGACTTGGG CGTGGGACCC ATCCGAGATG TGCTGCACCA 60
CATCTACAGT GCGCTGTATG TGGAGCTGGT GGTGAAGAAT 100

配列番号： 3196

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03747

配列：

GATCTGAATT ACTACAGAAA AATAATTATG TTGCTTGCTT AATNATTCCC AGGAAACTTC 60
GTTGTAGGCA TATATTTTAT AAGAGTATTA TACAGTGTTA 100

配列番号： 3197

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03748

配列：

GATCAGAGTA TGGGTTCTCC ATGTAGCAAT ACTTCAGTGA GATTAAGTAT AAACAGTTTT 60
TGGCAAAAAA CAACACAGTC TACTCTTTCT GCTTACAAAG 100

配列番号： 3198

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03749

配列：

GATCTNATTA CCTTCACGGA AGGAAGCGGA CGCTCACCAC GCTATGCCCT CTGGTTCTNT 60
GTGGGGGAGT CATGGCCCCA NNACCAGCCG TGGACCAAGA 100

配列番号： 3199

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03750

配列：

GATCATCACA TTTCGTGAAT TGAGGCCATG TTCAGGTGCT AAGGAAGTAT GCCTTTNACA 60
CAGAAGATTG AGAAAATTC CTAGATATAA ATACAGATAA 100

【0674】

【配列表584】

配列番号：3200
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03751
 配列：
 GATCCCAGCA CTACTTTTNA TTACTGGAGA AATGGGGGGG ATAGAAAATT CTACTTTGAA 60
 TTATTTAGTT TTTTAAAG AGTGGGTGT GTTGTNCTT 100

配列番号：3201
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03752
 配列：
 GATCAGTTAA TGCCTAAGAG TGAAAGTAGT TCTATTGACA TTCCTCAAGA TATTTAATAT 60
 CAACTGCATT ATGTATTATG TCTGCTTAA TCATTTAAAA 100

配列番号：3202
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03753
 配列：
 GATCCGTGCT GGAAACTCGC AGGGGGACTT TTACATTAGG CAAATCAACA ACGTCAGCGC 60
 CATGCTGGTC CTCGCCCGGC CGGTGACGTG CCCCCGGGAG 100

配列番号：3203
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03754
 配列：
 GATCTGTGGA CTTTNAATTT TTTAAGAGAC TTACTCAATT TNATGACTGT ACTACCTGAA 60
 ACAAAGTGAG AAAGGACAGG TGTATTTTTC TAAGTNATCA 100

配列番号：3204
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03755
 配列：
 GATCAAGATG ACCAAGATGT ATAAAGGGTT CCAAGCCTTA GGGGATGCCG CTGACATCCG 60
 GTTCGTTTAC ACCCCCGCCA TCGAGAGTGT CTCCGGATAC 100

配列番号：3205
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03756
 配列：
 GATCAGCACT TNANTCGGAA AGTTGGAACC TCTGACAAGA CCAAGTACTA CCTTCAAGGT 60
 AATCCGTGGC TTCCCAAAA GTTCCACATT TAACTTCCTC 100

【0675】

【配列表585】

配列番号：3206

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03757

配列：

GATCCAGATG ACTGAATTC AGATAGCATT TTTATGATTC CCAACTCATT GAAGGTCTTA 60
TTTATATAAT TTTTCCAAG CCAAGGAGAC CATTGGCCAT 100

配列番号：3207

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03758

配列：

GATCCCCAAA AAGTGAATAT CAATGGAGGA GCTGTTTCTN TGGGACATCC AATTGGAATG 60
TCTGGAGCCA GGATTNTTGG TCATTNACT CATGCCTTGA 100

配列番号：3208

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03759

配列：

GATCAGCAGC TGTGGAATA AAGCTTGTNA GCCCTCTGCT GGCCACAGTA NAGGAAAGTA 60
GCACAAATAG GATACAGTTG TATGTAGTCA TTGGCAACAA 100

配列番号：3209

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03760

配列：

GATCTCACCA TTATGACATC CATCCCCCTA GCTCACCACA TAGCACATAG AATGATATTT 60
TTAATTTGTA AGAGGCCATC CAGGTACTAA GGNCCCAAGG 100

配列番号：3210

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03761

配列：

GATCTCGACT CCCCCCTGGC CACAGACCCC CAGGGCATTG TGTTCACTGT ACTCTGTGGG 60
CANGGATGGG TCCAGAAGAC CCCACTTCAG GCACTAAGAG 100

【0676】

【配列表 586】

配列番号: 3211
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03762
 配列:
 GATCTGGAGA AGTAAGATGG CCAAATAAAA GCCTCTACCA ATCATCCTCC CCACAGGAAC 60
 ACCAAATTTA AGAACTATCT ACACAAAAAA GCACCTTCAT 100

配列番号: 3212
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03763
 配列:
 GATCTGCTCA AATGCACCAA CACTGCCAAG TGACTAAGGT AGAAAAGAAA AATAACAGGT 60
 ATCGTCATCT GAAGGACAGA TGAATCTTTT TCTGCCCCCTT 100

配列番号: 3213
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03764
 配列:
 GATCACAGGG AGCCTGTGTT TGTTGGAGGT GTTCCAGAAT CTNACTGAC ACCACGCTTG 60
 GCCCCACGA AACCTTCAC AGGCTGCATA CGCCACTTIG 100

配列番号: 3214
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03765
 配列:
 GATCACAGAA GCCACTGCAC TCCAGCCTGG GTGACAGAGT GAGACTCTGT CTCAAAAAA 60
 AATTAATAA ATTATTATAA CCTTTCAGAA ATGCTGTGTG 100

配列番号: 3215
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03766
 配列:
 GATCTCCTGC TGGTCAGTGG GCGGGCGGCA GCACTACCGT GGCCTGGTAC CAGGTGAGCC 60
 CGCTG6CCGC CCGCCTGCTC TACCCCTACC TGGCCTGGCT 100

配列番号: 3216
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03767
 配列:
 GATCCCATCT HTTTCCCTT CTTTCCTCCT GGTTCGGTC AGTTCAGAGG ATTTAACAAT 60
 CACAAGTGTG CTGCAAAAAT GCCTGAACAT TATTCTTAGG 100

【0677】

【配列表587】

配列番号： 3217

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03768

配列：

GATCCAGCGA GGGGTCCAGG CCCTCTGCAT CTCCTCAGGC TCCAACCCTG CTCCTCAGC 60
AATNAGCTCT CCTCCAGCTT TGGCTTTGGG AAGCCAGACT 100

配列番号： 3218

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03769

配列：

GATCCCCTGG AGCCCAGGAG GNAGGTGTGT NAGCTCAATC CGGACTGTAN CGAGTTGGCT 60
GACCACATCG GCTTTNAGNA GGCCTATCGG CGCTTCTACG 100

配列番号： 3219

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03770

配列：

GATCTGAACC TGTCAATTGA AGTACAGGTT AAAGACTGTG TCCACTTTGG GCATGAAGAG 60
TGTGGAGACT TTTCTTCCCC ATTTTCCCTC CCTCCTTTT 100

配列番号： 3220

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03771

配列：

GATCTGACTT GGGGAAAGGG TTATCAGAGC CTAGAGGGGC TAAAAAGTA ATCAATTGAT 60
GTACATACCA CACTCCTTGG CTTCCTTTCT CTTCCTTAA 100

配列番号： 3221

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03772

配列：

GATCTCAGCT CACTGCAACC TCTGCCTCCT GGGTTCAAGC GATTATCCTG CCTCAGCCTC 60
CTGAGTAGCT GGGATTACAG GCATGCGCCA CTATGCCAG 100

【0678】

【配列表588】

配列番号：3222
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03773
 配列：
 GATCCACCTG CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAC CATGCCCANC 60
 CACCTTTTCT ATNTTTAGAT ACATAAACAC TCACCACTGT 100

配列番号：3223
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03774
 配列：
 GATCCCAGCT TATGGCCTTG ACCCAGCCGT CCTCACAGAT GCCGGGTGAC CCTCTAGCTC 60
 TCTCTGCATC TCCACCCCC CGACACCCTG GGACCCTCGA 100

配列番号：3224
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03775
 配列：
 GATCTGCCCCG CGGNGGCCCCG TGTGTGNT TGTGCTGTGT CCACGCGCTA AGGCGACCCC 60
 CTCCCCCGTA CTGACTTCTC CTATAAGCGC TTCTCTCCG 100

配列番号：3225
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03776
 配列：
 GATCTGACAC TTCCTTTCCA TTGCTTGCC TGAACAGACT GACCTTGTA ACTTAAGCCT 60
 GGAGTCCATG CCTCGTCTC CTTTTGTTCA TTGCTGTTAC 100

配列番号：3226
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03777
 配列：
 GATCTCTTTT NATCATATAT GACATTAAGG CTACAGAAGT TTTGTGCAAN AATCTTAATT 60
 CATATTTATN AATTTCAAGG GAATATTGAA AGGTTTTAAA 100

配列番号：3227
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03778
 配列：
 GATCCCAATT CGAGAGGTTT TAACCCAGAG ACGGACATC TCGATTGCAC ACGTTCTGGT 60
 TGCCCGAGCC GACCTGTCTT GTCTCGTCCC AGCCACCAGC 100

【0679】

【配列表589】

配列番号： 3228

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03779

配列：

GATCATGNTT CATGTGCTAA AAATAAACTT GAAACACGGA AGTAGTGGTT GGTCCAGTTT 60
GAAAGCTCTT ATNAGTATTC TTCATCCTGG CTGTAATAAT 100

配列番号： 3229

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03780

配列：

GATCAAGCTG TCCGAACCTA CCAAGAGCAC AAAGCAAGCA TGCATCCCGT GACTGCAATG 60
CTGGTGGGGA AAGACTTAAA AGTGGATTAA AGACCTGCGT 100

配列番号： 3230

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03781

配列：

GATCTTGTGT TCATATGAAA GTNCAAGTCT TTATTAATTT GGATTGCCTG AACAGTGTAT 60
CCCATGATGA TGAAGGAAAA TGGAGAGATT TTCCTNTTNA 100

配列番号： 3231

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03782

配列：

GATCTTACTT GCTCCTGCTT ACGAAGATTN CCCAATNACT GGTCATCTGA CCCTACTTGA 60
ACACTCCTGA ACAGTCATGT TTTTNAAAAT NTTCTTTTAT 100

配列番号： 3232

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS03783

配列：

GATCTAGACT GAGAATCAGC CTGAGCTTTA CACAGCTGGG GTCTGTTACT CGCGTTTTGT 60
AGACTTTTGT GTAACATTTT GTACCGTAGA CAGAATGTGA 100

【0680】

【配列表590】

配列番号：3233
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03784
 配列：
 GATCTAACGT GTTCCAGTGT CTGTCTGAGG TGTCTTAAAA AATCAGAACA AAACITCTAT 60
 TATCCAGAGT CATGGGAGAG TACACNCTTT CCAGGAATAA 100

配列番号：3234
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03785
 配列：
 GATCATAGGT CTGGACACTC CATCCTTGCC AAACCTCTAC CAAAAAGTGG CCTTAAGCAC 60
 CGGAATGCCA ATNAACTAGA GACCCTCCAG CCCCCAAGGG 100

配列番号：3235
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03786
 配列：
 GATCAAAC TG CCATTCACAG TGTAAGGCAG CACTTAAATT TCGAACCTAA AGTTTAGATG 60
 CATTGTATAA AAAAACCTAA AAGCAGTATC TGTNNNTNN 100

配列番号：3236
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03787
 配列：
 GATCGCCACA CTGCCACTCT GCTGCCCAGC CACCAGGATT TCTGCCTGGA GCCCTTTGCC 60
 CTGTCCCTGC TGCCTGAGGT GCGGTAGAGC AGAGGAGAAG 100

配列番号：3237
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03788
 配列：
 GATCTGTATT GGATAAGGAC CAATGACAGC AAAGCAAAAA TGGCTTTAAA GCTTGGTGTT 60
 ACTTTCNTAA ACTNGTTTAA TTATAGTNAA GCAATTNCAA 100

配列番号：3238
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03789
 配列：
 GATCTCGAGT GTTATTTTCT GATTGTGGTG TTGAGAGTTG CACTCCCAGA AACCTTTTGA 60
 GAGATGCATT TATAGCCCTA GGGGTGGTAT GACCCAAAGG 100

【0681】

【配列表591】

配列番号：3239

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03790

配列：

GATCTGCATA GAAAATTTT ATACAATTTT TTGAAAGTNC TTAGGTGAAN CATTACCCA 60
TTAAAAAGGA AGCAGAAATA CTGAGACATG AAAGGCATTA 100

配列番号：3240

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03791

配列：

GATCCAGTGC TCTCCCATCT AACAACTAAA CAGGAGCCAT TTCAAGGCGG GAGATATTTT 60
AAACACCCAA AATNTTGGGT CTNATTTNNA AACTTTTAAA 100

配列番号：3241

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03792

配列：

GATCCACCCG CGTTGGCCTC CCAACGTGCT GGGATTATAG GCGTGAGCAC CACGCCCCGC 60
CTAAATCCA TATTCAAAGA AGCAATTTCA GTTCCTTTCT 100

配列番号：3242

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03793

配列：

GATCAGATTG CTGAAACACT ATGGGAACAG GTATTGAAGC CCCTGGGTGA TAATNTAATG 60
GAGGAAAACA TAAGGCAGTC TGTAACAAAC TCTATCAAAG 100

配列番号：3243

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03794

配列：

GATCCAGGAG GAGCAGCACC CGAGCCCTGG AGTGGCCCAG TACCCTTCCA AGAGGCCACA 60
GTCCCAGCCA GGACAAAGTA TCGGGCCCAT CCTGGTGCGA 100

【0682】

【配列表 592】

配列番号: 3244
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03795
 配列:
 GATCATAACT CATGATATGT TTGTAATCAT GGTAATTTAG ATTTTNATGA GGAATGAGTA 60
 TCTGGAAATA TTGTAGCAAT ACTTGGTITA AAATTTTGCA 100

配列番号: 3245
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03796
 配列:
 GATCTGACCT TTTTITTCCT GTTGAAATGT ATTAACACAC CTTCCACAAT NATTTTATAA 60
 GAGTCAGCAT AACATAGTGG ATAAGAACTG TGAGATCTTT 100

配列番号: 3246
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03797
 配列:
 GATCAAAATA TATTTGTCCA GAAACTCTTG GGCCAGTTCT CTGAGAAGGA ACTGGCTGCT 60
 GAAAAGAAAC GCATCCTGCA CTGCCTGGGG CTTCGAGAAG 100

配列番号: 3247
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03798
 配列:
 GATCCTCCCA CCTNCAGCCT CCCAAGTAGC TGGGACTACA GGCACATGCT ACCATGCCCA 60
 GCTAATTAAG AAAAATTTTT TTTTGTAGA GACGGAGTTT 100

配列番号: 3248
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03799
 配列:
 GATCAAAATT NATTGAATGG TTTGAGCTTG TAGCTCTATA AATAGTAGTT TTTAACATGC 60
 CTGTAGTATT GCTAACTGCA AAAACATACT CTTGTACAA 100

配列番号: 3249
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03800
 配列:
 GATCCAAAGC CATCCAGAC CTTCCCGGGC CCCTCTTCCT GGCAGATGAC TCTCCCGGCT 60
 TCTGCTCCT GCCTGCCAT TCATACCACT TTGAAGTCA 100

【0683】

【配列表593】

配列番号：3250

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03801

配列：

GATCGCCAGA GCCCAGGAGT TTGAGGCTGC AGTGAGCTAT GAGGGTGCCT CTTTGCTCCA 60
TCCTAGGCAA CAGAGTGAGA CGCTGTTTAA AAAGGAAAAA 100

配列番号：3251

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03802

配列：

GATCAGTGTA TCGGAAAAGG TTTTATAGGAA GTATGGCAAA AATGTTGTAT TGGCTATGAT 60
GGTGACATGA TATAGTCAGC TGCCTTTTAA GAGGTCTTAT 100

配列番号：3252

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03803

配列：

GATCACTAGC TAATNCTCAT ATCCATGCCT TTTTGTCTTG TTTACAGTCT TAAAAGAGGT 60
AAAACAGCAA ATATTTTTTN AAGGGAAC TAACCTTAGG 100

配列番号：3253

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03804

配列：

GATCGGTGCT TTGTGTAAAT ACATCTTTAA CATTTGGGTG GAGAGGGGCC TTAAGAAGGA 60
CAGTTCATTG TAGGAAAGCA ATTCTGTACA TGAGTTTAAG 100

配列番号：3254

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03805

配列：

GATCAAATTT TTNAGACAAT CCTTGGTCTG GATTGGTTAA TGAATATNTN TTGTTTAAGA 60
GGTTCATTA AAAAATATTT CTAGTGTATT AGTCATAATT 100

【0684】

【配列表594】

配列番号： 3255
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03806
 配列：
 GATCGATACA GAGCATCTGC ACTGGGATTG TCCGCCCCGC CTGTCAAGGA GGCCTCGGGG 60
 GCTAATNGAG CTGAGGGTAT AGTCGGCCTT GGACCCTCGC 100

配列番号： 3256
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03807
 配列：
 GATCAAAAAA ACITTTCTTC TTTTGCAAAG AAAGCTTTTT GTTTTAAACN GCAACGTACT 60
 TTTCCCTAC CTTGAAGAGA CATGGTGGTC GCAGCTTCTN 100

配列番号： 3257
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03808
 配列：
 GATCTGCATT TNCAGAAGAG GACAATCAAT TGAAGCTAAG TAGGGGTTTN TCCTTTTGGC 60
 AAGACTTGTA CTCTCTCACC TGGCCTGTTT CATTTATTTG 100

配列番号： 3258
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03809
 配列：
 GATCTACTAT AAGGTATTCT ATATTTATAT NACTTCAGAG ACGCGTATGT AATAAAGNAC 60
 GCCCTCCCTC CAGTGTCCAC ATCCAGTTCA CCCCAGAGGG 100

配列番号： 3259
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03810
 配列：
 GATCGGTGCT ACCAAGGAAG AGAGCACACA GATAAGACAG AGGGGAGGAG GTGGGCATTT 60
 CCTACATTCC TCCTTGTTTN CCGCTGCTGA NATTCAGTA 100

配列番号： 3260
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03811
 配列：
 GATCTATATG AAGTGGGAAT ACAGCATATA TCTGGATATT CTTATAGTTA TCTTTTAAAC 60
 ATCTTATTTT TTTCATTAAT TACATATCAA CATTAATNTT 100

【0685】

【配列表595】

配列番号: 3261

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03812

配列:

GATCATAAGA CCAGGAGTTC AAGACCGGTC TGGCCAACAT GGTGAAGCCT CATTNTACT 60
 AAAAATACAA AATNAGCCAG GTGTGGCGTC ACATGCCTGT 100

配列番号: 3262

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03813

配列:

GATCATCGAG GACCAGAAGA TGGTGGTGGT GGCGNTGCAG CCGACTGCAG AGCTNGAGGT 60
 GGGCTCGGCG GAGGTCATTG TGGAGTCCCT GGCCCAGGGN 100

配列番号: 3263

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03814

配列:

GATCTGGGGA GCTNTGACTG AAGGGGCTTG GTCTTCCACT CAGCATCAGC NTGGCAGTCA 60
 CCACCCAGT NAGGACCTCG ATGTCCAGCT GCTGTCAAGT 100

配列番号: 3264

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03815

配列:

GATCTCTGTA GACTAGAGTC TTGCAGCAAC ACAGAATGTA ATATAAGGCA AATGCATCTG 60
 GGAATTGACC AAAGTTGTTT TGTITTGTTT TTTTAACTGA 100

配列番号: 3265

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03816

配列:

GATCTATTTT TGCAGTGGAA TATCTGAGAA TTGCAAACT AGACAAAAGT TTCACAACAG 60
 ATTTCTAAGT TAAATCATTT TCATTAAGG GAAAAAAGAA 100

【0686】

【配列表596】

配列番号：3266
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03817
 配列：
 GATCTTTTAC CACTAAAAGA GCATTATTCT CATGTCATAA TGAGAATAAT AATTACATA 60
 CTTGGCATAA TAAATGCCTA AAAGACATT TATTNTCTGA 100

配列番号：3267
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03818
 配列：
 GATCAGAAGT GGCTAATTTA TTTNATTTCT NATTTATTTTA TCCAGAGGGT ACTTTTTTAA 60
 TGGATATTTG TAAATCTNCC ACTTAACCAC TGAAAATAAT 100

配列番号：3268
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03819
 配列：
 GATCTCCATT CTTTGCCATG AGGGCCAACA CATGAGACCC CACCTCCCTC CCTGCCCTGCC 60
 AGCCCTAGAC TTGTTGGAGC ATAGAGCCCT TCCTCCCCAG 100

配列番号：3269
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03820
 配列：
 GATCCCCAGA GTTGGTCCAA GGAGGGAGAG TGGGTTCTCA ATACGGTACC AAAGATATAA 60
 TCACCTAGGN TTACAAATAT TTTNAGGACT CACGTTAACT 100

配列番号：3270
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03821
 配列：
 GATCTGTGTG GTCCCCGACG TAACATCTGG CGAGACCCTG CCCTCTGCTG TTACCTGAGT 60
 CCTGGGGATG AACAGGTCAA CTGCTTCAAC ATCAATTATC 100

配列番号：3271
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03822
 配列：
 GATCTAATTC TNCACCTCTG CTCCAAGGGC TGGGCTGTGG GTGGGATACT GGGATTTTGG 60
 GCCACTGGAT TTTCCTTAA TTTGTCCCC CTTTACTCTC 100

【0687】

【配列表597】

配列番号： 3272

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03823

配列：

GATCTCATT NAATGATT TAAGTAAATA CTAATCAGAC ATTATTAATA GCAAAACAGG 60
AAAAAGGTAA ACTTCTTAAA TTTAGTTACC TATAAAAATT 100

配列番号： 3273

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03824

配列：

GATCCCTAAA AGACAAAAGA GTCTTGAAA-GGACTGCTGG CTCGTCTTG AACGTTCCGC 60
CCATCACCAG TGTGAGTCCG TGGGGAAGTC TTCCTCAAGT 100

配列番号： 3274

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03825

配列：

GATCCTAATG GTGCTGCCCT ATTTATACCT GGGTCTGTAT TAAAAGGGAA AGTCCCCCCT 60
GTTGTAGATT TCATCTGCTT CCTCCTTAGG GAAGACTGGG 100

配列番号： 3275

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03826

配列：

GATCAAGCAT TTGCGTTTGG ATGGCAATCG CATCTCAGAA ACCAGTCTTC CACCGGATAT 60
GTATGAATGT CTACGTGTTG CTAACGAAGT CACTCTTAAT 100

配列番号： 3276

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03827

配列：

GATCTTTAAT TTGNATGGTG ATGAATGTCT TAGTCATGAA GAGTTTCTAT GGGGTGTNAA 60
AAAACAGAAT GCATCGAGGT TNATGGGTAC CACAACATCA 100

【0688】

【配列表598】

配列番号: 3277
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03828
 配列:
 GATCTAGTAG GTTCTATTT TTCCTTCTC TTTACAATGC ACATAATACT TTCCTGTATT 60
 TATATCATAA CGTGTATAGT GTAAAATNTG AATNACTTTT 100

配列番号: 3278
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03829
 配列:
 GATCCCTTTT TTNCTGGAG CTTCCTGCC TCCCCTGCC CTTCCTAGCC CTGTGAATCC 60
 TCCTTCACAG GCCAGCCAGA TACCTGNTG GCCTNTGGGC 100

配列番号: 3279
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03830
 配列:
 GATCTNAGAG CCTGCCCAAC AGCAGGGAAG CCAAGCACCC ATTCATCCCC CTGCCCCCAT 60
 CTAATGCGT ANTGANAGG GGAACAGTGC CATGTACCAC 100

配列番号: 3280
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03831
 配列:
 GATCCCTTC CTATCAATCA CCTGATAGCA ACAGGGACAG CTGCCAATAC CCTGCTCTTT 60
 ACTCAATGTT ACCCAGGGAG GGAGCATGGG AAGAGGGTGA 100

配列番号: 3281
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03832
 配列:
 GATCAACAAG GCCACGCCCT ACAACTACCC AGTGCCCGTC CGTGATGATG GGAACATGCC 60
 CGACGTGCC AGCCACCCCA AGGACCTCA GGGCCCCAGC 100

配列番号: 3282
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03833
 配列:
 GATCCACCAA TGTTCAAAT AGGACTATAA CTTATTCAA GGCCAATNAT ACTTCGCATA 60
 ATTCAATTTT AATATTATTC ACATTTTCATG TCACAAATTI 100

【0689】

【配列表599】

配列番号： 3283

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03834

配列：

GATCGCACCA CTGCACTCCA GCCTGGGCAA CATAGCAAAA TCCTGTCTCA AAAAAAAGT 60
TAAAAAATAT TGCCCGGCTC CTAGAATTTA TTTATTTCT 100

配列番号： 3284

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03835

配列：

GATCTCTCTG TGTGGAATGC CTTGGTGAGA GAGATGCTTA TAATNACTAT NATNATTTCT 60
AACCAAGCTT CTATNAATNT AATTTCTAAT AATACACTAT 100

配列番号： 3285

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03836

配列：

GATCCCTGGA CCATCTGCAT CCAGAGGACC GTCCGTAACG GCCGGGGGTC CAGGCGGACC 60
TTGTGGTGAC CCGGCTCGGG CNTNTCCTCG GTTTCNTTGC 100

配列番号： 3286

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03837

配列：

GATCTAGTTC AGAAGGAAGC AAAATCCCTT AATCTATGTG CACCGTTGGG ACCAATGCCT 60
TAATTAAAGA ATTTAAAAA GTTGTAAATAG AGAATATTTT 100

配列番号： 3287

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03838

配列：

GATCACTTCT CCTTGGCTTC CTTCTTTTCT GTGCTTGCAT CAGTGTGGAC TCCTAGAACG 60
TGCGACCTGC CTCAAGAAAA TGCAGTTTTT AAAAAACAGAC 100

【0690】

【配列表600】

配列番号： 3288
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03839
 配列：
 GATCACTTTA TTNGCTAGGG AGGGAAGTCC TAGGGTGGTT TCAGTTTCTC CCAGACATAC 60
 CTAAATTTTN ACATCAATCC TTTTAAAGAA AATCTGTATT 100

配列番号： 3289
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03840
 配列：
 GATCATAGGA GAAAACCATT TCAATGACA AGAGCACCTC AAAGGCAGCA GCCTCAAGGA 60
 GCAGCCATGG CCCAGACTT GTCGCACGGA TGCAGAAAAC 100

配列番号： 3290
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03841
 配列：
 GATCAAGGGC AAAAAGTGGT CATTAAGTNA TCTAANATTA AATNATTTAG CCACTAAGTA 60
 ATTTNTTTAC TCTNACTTTA AACTCACCAA AGAAGATTCT 100

配列番号： 3291
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03842
 配列：
 GATCCTCCTG CCCAGCATT CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTGTGAGCNA CTGCTTGCC 60
 TGGCCGTAGG TTGTAACTG TTTCATAGAA GAGCCCTGGA 100

配列番号： 3292
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03843
 配列：
 GATCAGCTTT GTTTTCCCA GAGTTCATGC AAATAGAATC TGGCTTCTNT AAGTNAGCAT 60
 CATGGACTTG GTTAAATTC GCCCGTNTG CTGAGTGTAT 100

配列番号： 3293
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03844
 配列：
 GATCAGAGCA TTGTGCAATA CAGTTTCATT AACTCCTTCC CCCGCTCCCC CAAAAATTTG 60
 AATTTTTTTT TCAACACTCT TACACCTGTT ATGGAATAATG 100

【0691】

【配列表601】

配列番号：3294

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03845

配列：

GATCTNTTTT TTTCCCTTCT TGTATCATCC CTTTGGGTTT TTCGTTTGC TTTGGTTTTT 60
AATTTTNCTT TGTTTTTNCT ATAAATCCTG TTTTAATCTT 100

配列番号：3295

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03846

配列：

GATCTCAGGA ATNACATTTT CCAACAGACC AAAAAATGTT TTCATGTAGC AGCAATGCAG 60
ATTTGGTGAA TATTTAATAT ATATTTAAGT ATGTATTTCA 100

配列番号：3296

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03847

配列：

GATCCCTTNG TTTGCTTAAT AAATTATAAA ATAATGGCTT GGAAAAGCAG GCTAGTCTAA 60
CCATGGTGCT ATNATNAGGC TTGCTTGTTA CACACACAGG 100

配列番号：3297

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03848

配列：

GATCTGTTCT TGGTATTTNN TTTTGTGTTG TTTTGGTTTT TAAATGTAAT CACCCATTGG 60
TCAGGCCCGAG GACTGGTCAC CATGAGCTCT GCTAGCCACG 100

配列番号：3298

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03849

配列：

GATCTGGGGT CCCTAAGTCC CTCTCTTTAA AGAACTTCTG CGGGTCAGAC TCTGAAGCCG 60
AGTTGCTGTG GCGGTGCCCC GAAGCAGAGC GCCACACTCG 100

【0692】

【配列表602】

配列番号：3299

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03850

配列：

GATCCTAGGA ACTCCTATNT TCAGAAAAGA ATTTTNTTCC TACTATATAA TTACAGTATT 60
TAGCTGTCAA TTTTAAGATG AATTTGCTAG AGCCTTATAG 100

配列番号：3300

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03851

配列：

GATCAAGAAG TAGCCGAGGT TGATAAAAAC ATAGAACTTT TGAAAAAGAA GGATGAAGAA 60
CTCAGTTCTG CTCTGGAATA AATGGAAAAT CAGTCTGAAA 100

配列番号：3301

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03852

配列：

GATCGTGGGT CAGGGACACC GAGAGAGTGA GGTCACCTCC ACTTCAAACC TTCAGTGAGG 60
GGGTGGGATG GAGAGAATGC TGAATCTTTT TTTTACGGG 100

配列番号：3302

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03853

配列：

GATCAGGACT ATAATATNT ACAGTTATTA TAGGGCTTTT GGGGAAGGGN AGGATAGCNA 60
GAAGATGCTC TGGGGGTTTT TTTTTCCTT TTCCTTCAGG 100

配列番号：3303

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03854

配列：

GATCGATGGT GCGGCTTTCT CCTGTGCCCA CCGCTCTTCA ATCTCTGTTT TGCTCCCAGA 60
TGCCTTCTAG ATTCACTGTC TTTTGATTCT TGATTTTCAA 100

配列番号：3304

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03855

配列：

GATCTCATCA CAAGATGACC AAAAGAGTTT GAACTGTGTG TGCTATTTAG AAGATTTAAC 60
TTTATGTAT CTATAGATAC CACAGCTGTT GCTTCTAATA 100

【0693】

【配列表603】

配列番号： 3305

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03856

配列：

GATCTGCCCTC ACGTGCCTG TGGTGGCCGT GTGCTACGGC TCCTTCTACA ATCTCCTCAC 60
CCGAACCTTC CACATCGAGG AGCCCCGCAC AGGTGGCCTG 100

配列番号： 3306

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03857

配列：

GATCTCAACA CCTATGCCTC CACGTAAATT ATTTTTTICA GCCTTATTTT CCTCAAAATT 60
GTAGAGTCCT AATCTTCTTC TATCTTGTTG TGTGAGACCT 100

配列番号： 3307

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03859

配列：

GATCAGGTGA TTTGTAAAAT TGTATTTATC TGTACATGTA TGGGCTTTTA ATTCCACCA 60
AGAAAGAGAG AAATNATCTT TTTAGTTAAA ACCAAATTTT 100

配列番号： 3308

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03860

配列：

GATCTTGCAA CTCCATTTCC GAAGACACCG AGGAAGAGGA GGAAGATGAA GACCAGGACT 60
ACAGCTTTCC TATATCTCCT ATTCTAGAGT GGTAAACTCT 100

配列番号： 3309

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03861

配列：

GATCAGTGGG CACAGTTCTT CAGCTACATT GAGACCCTGA AATAACAAT NATATTCTNA 60
CTCGACATCT TGTCCCAAT CCTTCCAAA ATATTGATGG 100

【0694】

【配列表604】

配列番号： 3310
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03862
 配列：
 GATCAGNATT GTACGTATTC AAGGTGTAAT ATNTGATAAT TTGTCGTACA CGTACATTGT 60
 GCAATAACAG TCACAATNAA TTCCTCAGCG CACCCATCAC 100

配列番号： 3311
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03863
 配列：
 GATCATAATA GTGACCAAAA TATACATGCA GACTTGTTTT TTATTATTGT TGTTTAAGCA 60
 TAATTTAAGA AAAAAAATTT TTACCTGGTG AACTTGCTAT 100

配列番号： 3312
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03864
 配列：
 GATCTTCTTT CTTTTACAG GAACAATTGG CTTCTTTGCA TGCTTTTGGT TTGTNACCAA 60
 AATATACAGT GTGGTGAAGG TTGACTGAAG AAGTCCAGTG 100

配列番号： 3313
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03865
 配列：
 GATCATGGTG AACTTACCAA AGCAAACAAT GCCTGTNAGA TGGTCCTGCA GCAGCCAACC 60
 AGTGAACCTT TTTGGTGACA TCCTGTTCTT GTTGATAAAC 100

配列番号： 3314
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03866
 配列：
 GATCCAAAAT NAGAGCTCAT CAGAATTGTC ATTGAAAGTN TTAACAAAAG TAATATCAAA 60
 TNACATTTGA AAAATATCCT TGTAATAATNA CTATATTAAT 100

配列番号： 3315
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03867
 配列：
 GATCAGGACA CTTAGCAAT GTAAAAATAA AATCTAATCT TCATTTGACA AGCAGAGAAA 60
 GAAAAGTTAA ATACCAGATA AGCTTTTGTAT TTTTGTATTG 100

【0695】

【配列表605】

配列番号： 3316

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03868

配列：

GATCCGNTAG GAGTAGTAAA TGNAGACAC AATNGCTTGA TTATACCTCN TATNTGGTTT 60
AGCTTCAGTA TTAAACAAG GAAATAAACT TGAAAATTAT 100

配列番号： 3317

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03869

配列：

GATCTCAGAG GCTCAGAGAC TGCAAGCTGC TTGCCCAAGT CACACAGCTA GTGAAGNCA 60
GAGCAGTTTC ATCTGGTTGT NACTCTAAGC TCAGTGCTCT 100

配列番号： 3318

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03870

配列：

GATCTNCTGT CCTCCTTTCA CTACATACCA ACAACCCTCT GGCATTAAAC TTCCAGTGAT 60
AGTGCTATNA ACTTTGTGTC CTCAGGTCAA CAAGGGACCT 100

配列番号： 3319

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03871

配列：

GATCGCCCTC TACATGGCTT CGCAGCCCAA AAACAAATNA GTTAGGCTGC AGAGGACTGG 60
TTTGTTTTTT GGCATAAACC CTTTGAAGTT CCTTTTTTCAT 100

配列番号： 3320

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03872

配列：

GATCACCAGG GTCAGTTTNT TTAATAATGG TTTCCAACCTG GCCTAATACA TTAAGTAAGA 60
NTGGNTGATA ACATGACCAG ACAGACATAA AGACCCTGTT 100

【0696】

【配列表606】

配列番号： 3321

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03873

配列：

GATCCGCTAC TAAAAGTAAA AATAACCGGT TTGTAACA TTAAGAGAAA AANTAGGATA 60
TTAATACAT GTGCTGAGTG GAGANCAAGG TAACITTAAN 100

配列番号： 3322

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03874

配列：

GATCTAAAAA AATTAAAAAG AAATATGAAT GAAAGNAAAA AAAATGCNAA AATNAGCAGT 60
TTCTGGAGG AGCAGTTCCA GCAGGGCAAG CTTNTTGCCT 100

配列番号： 3323

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03875

配列：

GATCATNTTA TTTTACAATC ATTTATAATG AATNAATGTT NCAGTTAGCT TTAAGAGGTA 60
TACGGTGCTA ATNAGTAAAA TATTGAAGGC AATATTTTAC 100

配列番号： 3324

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03876

配列：

GATCTAGGGT CCTGGGTNTC TTGCATTTAT ATGTCAGAAA AGGGGCGATA TGCTGCTGAG 60
GGGTGAGTGC ATATAANTNT GGCCCTGAGG ACCAGGGCTG 100

配列番号： 3325

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03877

配列：

GATCTNACCC CCAGCATGAT TGTATTTCTT TCCCCTCCAG TCAAACCGTA ATACAGTTTC 60
CAGAAAATTC GACAGTCTGC AATGCCAAAA GGGTAAAAAT 100

配列番号： 3326

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03878

配列：

GATCTAAAAA TAACTGTAAT TATTTAAATG ACTAANAGGA AAGTACATTT TTTAAAAATNC 60
TGAAAATTGC CTTTNTGTGT TTATNCAAC TGAAGAGCTG 100

【0697】

【配列表607】

配列番号： 3327

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03879

配列：

GATCCTCACC AACCTAAGCA AGAGGAAGTG CCCCTCTCAA CCTGTGCGGG CTGCTGCGTC 60
CCAGGACTGA GACGCAGGCC AGCCCCGGCC CCTAGCCCTC 100

配列番号： 3328

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03880

配列：

GATCAACAAG AGCACTGTAC TCCTGGCAAT NATTACATAT GTNAGAACAT GGATTTTGCA 60
CTGTAGACAA CATTTAACAC CAGTCTATGG GGTACTGCAT 100

配列番号： 3329

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03881

配列：

GATCCCTTTA CTGGAGCCCA GTATGTGCTG TGTGAGTTAG AAGTCATTCT TGCTGAGAAG 60
TGGAATAGGT AGGGATTGTC CTTGTTTTGT AAGTCTACAA 100

配列番号： 3330

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03882

配列：

GATCTGCACA TTTAATCGTG GCTGTTTCTG TATAGCCTAT ACTGCATTAG CCNAAGANAT 60
TGTTGCTTTG TAACTTTTTG CACTATTGTT TTGGCTGGAT 100

配列番号： 3331

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03883

配列：

GATCCCTAAG CCCCCAGCT GTAAATAGGC TGTGGCCAGT GCCTGGTCAT NAGAAGAGNG 60
AGGAGGAGCC CAGGCGTCTG TTTATGTATT TATTTATTTA 100

【0698】

【配列表608】

配列番号： 3332
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03884
 配列：
 GATCTTGGCC TTCGCAGTGC CCAGTGATGG CATTACTCTG CACTATAGCC ATTTNCCCCA 60
 ACTTAAGTTT AGAAATNACA AGTTTCAGTA ATAGCTGAAC 100

配列番号： 3333
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03885
 配列：
 GATCTGGAAG ACAAGTAACA TCTTCCTTTT NTTGGTGCTC GCCTGCCGTG CTCTAGGTGC 60
 TTTTAGAGAT GCTGGTCTGT GTGCTAGGGA AGCGATGAAC 100

配列番号： 3334
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03886
 配列：
 GATCTATCTC TGTGTCCAAG TCTCCTCTTT TTATAAGGAA ACCAGTCATA ATGGACCCAC 60
 CTGAATNACC TCATTTTAAC TTGATTACCT CTGTAAAAAA 100

配列番号： 3335
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03887
 配列：
 GATCAACAAA TCTCCTAGGC CTNTKACCAC ATACATTIAC ACCNACTACC NCAACTATCC 60
 ATAAATCTAA GTATAGCCAT TCCACTATNA GCTGGAGCCG 100

配列番号： 3336
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03888
 配列：
 GATCCCACCT TCAACACCTT ACAAGTAAAG ACAATGAAGA ACAGTTGAAA CATGCAAAAT 60
 ATGGAGCTTT TCATGTAATT ACTCTTTTAC TGTTTACCAT 100

配列番号： 3337
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03889
 配列：
 GATCTGTGTA GTTAATGTAT TTATTAATGC TTGACTTTTA AAATCCTGGG CATAAATAGT 60
 GCAGAGCCTC GTATGTTTGT CAGTTCATGC CGAGATGAAA 100

【0699】

【配列表609】

配列番号： 3338

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03890

配列：

GATCTGTGGA GTGTGTGTTT CAAAGAGAGA ACTACAGAAA TTTAAAGCA GGAAACCTG 60
AATGTNATGT GCACATTTTC ATCCACATG GACAATGTAT 100

配列番号： 3339

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03891

配列：

GATCAAATGT GGGCCCGTTT TTGGCCGCCG CCGCCCTGCC CCGTCCCTNC GGCCACCACC 60
TAATTANTTG CCGTGCTTCC TGCTGCTGTA ACTGCTTTNT 100

配列番号： 3340

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03892

配列：

GATCATTATT ATTGTAATAG TCTCATGTTT AAATGGGATT ATATAATGAN AACAGTTTAA 60
AGAAATNAT AATCTTATAT NTCAAATGTG GATGCAATA 100

配列番号： 3341

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03893

配列：

GATCATATTG CTGTAACCTC TTTTAAGTAG TTGATGTGGA AAACATTTTA AAGTGAATTT 60
NTCAAAATNC TGGTTTTGTG TTTTATCCAA CTTTTGTGCA 100

配列番号： 3342

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03894

配列：

GATCCTCAGT GTAGTTCTGA AACTAAGACT ATAGATATTT NNTTCTTTT AATTTCTCTT 60
TATACTAAAG AATCCAGAGT TGCTACAATA AAATAAGGGG 100

【0700】

【配列表610】

配列番号： 3343
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS03895
 配列：
 GATCTTAGAG TTTGCACAGC TTAATAAAT GGAATATTG GAATCTGAAT CAAAACAGC 60
 CTGACTCAA ACAATGTNCT TNCCATTATG CAAGGGAAAA 100

配列番号： 3344
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS03896
 配列：
 GATCATAGTC TTAGGAGTTC ATTTAAACCA TAGGAACCTT TCACCTATCT CATGTTAGCT 60
 GTACCAGTCA GTGATTAAGT AGAACTACAA GTTGTATAGG 100

配列番号： 3345
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS03897
 配列：
 GATCCACCCA CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTATAG GTGNNAGCCA CCGCGCCGGG 60
 CCGGTTGCTG GCATCTTAAT GTTCTGTAGG TGAATATTT 100

配列番号： 3346
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS03898
 配列：
 GATCTGGTAA ACTTNNATC AATTAAATTA ATGCANCAAT AGATTATNAA TATTAAGTGA 60
 CCATTTAAGT TTTTNAATAA GTTTTTTACA AAAAAAGTT 100

配列番号： 3347
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS03899
 配列：
 GATCTGGAAA TTTTAAATC AGTTAAATG TGCAGCAATA GATTTTAAAC TTAACTGAC 60
 CATTTAAGTT TTTNAATAAG TTTTTTACAA AGAAAAGTTA 100

配列番号： 3348
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS03900
 配列：
 GATCCTGTAG TGCCTCTATA GAAGTACCCA CAGAAAGTAA AGTATCACAT TTATAAATAC 60
 CAAAGATGTA ACATTTTAA AATTTTTTAG ATTACTCCAA 100

【0701】

【配列表611】

配列番号： 3349

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03901

配列：

GATCCATCGC GATACTATGT GTGCATTATT TGAAAGTTAT TGGAAATTTT ATTCAAACCG 60
TGGAAACAAAT GTATGTNATT TTTTATACT TCTTAATTTA 100

配列番号： 3350

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03902

配列：

GATCAGCCCCT TTGTACAGAA AAATGTGTCT ATAAAAATTA TGTGTTATTT AATTCTGATA 60
CTTTTTGGCT TGTAATAGC TTCTTGAAC TTTTACAATA 100

配列番号： 3351

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03903

配列：

GATCATGACC GGAACATGGN CTGGGTTTCC ACCCAGCTCC AGGCCACATG CAATGTCCAC 60
AAGTNTGCCT TCAATNACTG GTTCAGTGA CACCTCAACT 100

配列番号： 3352

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03904

配列：

GATCGATTCA ATGCCCGATG CTTCTGTTTC ATTCCCGACC CTTTCTACTA TGCATTTTCC 60
TTTTATCAGG TGTATAAAGT TAAATACTGT GTATTTATCA 100

配列番号： 3353

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03905

配列：

GATCCTCAGG CGGCCCCCAC CAGGGCACAC CCTACTGTCC TTGTGCCTCA CGCCCCCTCC 60
TCATCCTGCA CCCCTTCCAT CCCACCTTCC CTTTCAATAA 100

【0702】

【配列表612】

配列番号: 3354
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03906
 配列:
 GATCTGATTT TTTCCCCCTT TACCTAGCTG TGCCCCCTCT GGTATATAT TTCCTTAGTG 60
 CCAGGAGGGC ACAGCAGGGG AGCCCTGATT TTAAATAAAT 100

配列番号: 3355
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03907
 配列:
 GATCACCAGT GCATCCTTCA TCACAGCATG TGCAATATGC CAAGATTACC CTCGGTCATT 60
 CCTGTCAACA AGGGGTCAAT GTCATAAATG TCACAATAAA 100

配列番号: 3356
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03908
 配列:
 GATCCATGAG GAAAAGATGC TCTCCACCT AAGGCCAGGA ATCTGAGAGC AGGACTGGCT 60
 GAGCTCCAG GGCAAGGGGT TCACTAATGC TTATCAATAA 100

配列番号: 3357
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03909
 配列:
 GATCAGATTG CATGTNACTC TNAAGCTGAC GAACTTCCAT GGCCCTCATT AATGACACTT 60
 GTCCCCAAAT CCGAACCTCC TCTGTNAAGC ATTCGAGACA 100

配列番号: 3358
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03910
 配列:
 GATCACCATG AACAAAGNTA TATTCCTAT TTATTIATTA TATGTGCACT TCAAGAAGTC 60
 ACTGTCAGAG AAATAAAGNN TTGTCTAAAT GTCATGTTGG 100

配列番号: 3359
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03911
 配列:
 GATCAGGACT TCAAGGGCCA GACCACAGAC TACTTATAGG AGCATCTTCA AGGCGGTCAC 60
 AGTGAAAACC TTGAAATGCC CTTTTTNAAT ATATATAANT 100

【0703】

【配列表613】

配列番号： 3360

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03912

配列：

GATCCAAATN ATGGCCACAG ATGAACTTCC ATGCAAGCNA TGGCTGAGTT TCATTGCTTA 60
AAATNCTCCT CTGTTTAGAG GGGCCTGGTA GAAATAAAAA 100

配列番号： 3361

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03913

配列：

GATCCTCCTG GCCGCCCCGC AGGTCTNTGG AAGGGCTGGA CGGCAAGTCC GTNTAGCTCA 60
CGGGCCCCCTC CAGTGGAAATG GNTCTTTCCG GTGGAGATAA 100

配列番号： 3362

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03914

配列：

GATCCCAGGT GCGTGTNTCT CTGTCTCTCC TAGCCCCCTCT CTCACACATC ACATTCCCAT 60
GGTGGCCTCA AGAAAGGCCC GGAAGCGCCA GGCTGGAGAT 100

配列番号： 3363

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03915

配列：

GATCATGCCG CTGCACTCCA ACCTGGGCAG CAGTGCAAGA CTCTGTCTCA AAAGGGGAAA 60
AAAAAAAANT TNCTGATGTG NCCCATGAAG GGACCTCATT 100

配列番号： 3364

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03916

配列：

GATCGGCCGT ACCAGCCGCC CCGCCCGCCG GTGGGCGCTC TCGGACTACT CGCTGTACTT 60
GCCGCTCTGA GTCAGTGGCC CCTTCGTTCC TTGTAATAAA 100

【0704】

【配列表614】

配列番号: 3365
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03917
 配列:
 GATCCAGACA AGTGGGAGAG CCCGTGGGGG CAGGGGACCT GGAGCTGCCA GCACCAAGCG 60
 TGATTCTTGC TGCCTGTATT CTCTATTCCA ATAAAGCAGA 100

配列番号: 3366
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03918
 配列:
 GATCTCATAA GAAATGTAAT ATGTAAATAA TATCTTGCTT TATGTTGTAA AATATACATT 60
 GTTTCNCCTA GAATAGAAAT AATTTCTTTT CAATAAAAAG 100

配列番号: 3367
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03919
 配列:
 GATCGTTGTG TTGTTATTTT ACTGCACTTT TTAATTTTTT NCGTGTGGAG CTGTATTCCC 60
 GAGACCAACG AAGCGTTGGG ATACTTCATT AAATGTAGCG 100

配列番号: 3368
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03920
 配列:
 GATCAAGGCC AAATAACCCG ATTTGGTTTG GGCACCTCAAG CAATAGTAAA GCCTGTAAGA 60
 CATGATAGGA TTATNTTCCC CTTTGGATTT AAATNTAATA 100

配列番号: 3369
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03921
 配列:
 GATCCTGTAG ACCCTTTCCT TTGGCCCAATT TCCCCCTTTT TGGGATGGAA ACATTTACCC 60
 AATCCCTATA CCCCCATTGT ATCTTGAAG TAAATAATTT 100

配列番号: 3370
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS03922
 配列:
 GATCTCTTCA CTGTNAAAAG TTGCCCCGGT GCAGCGCCTT TCCCTTCTAN CATGGGAAAT 60
 GCAGGCTGGG CCCTTGGGNT NAGCCTGCGG GGCTCTGGTG 100

【0705】

【配列表615】

配列番号：3371

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03923

配列：

GATCCACTGT TTGCAGCAGA ATTATATATA TGTATAGGAA AAATCCACTT TGAATAATCC 60
ATGTTTTGTA TTTGGAAATT GTTTTTAAAA ATAAAAAGGA 100

配列番号：3372

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03924

配列：

GATCTAGGCA GTGGGTAAAG CCAGACCCCT AAAAGTGACC CTTTCCTCTT CTGCCCTATT 60
CTNCTNAGAC CCTCAGAAAG NNNTCCAATT TTTTAAATC 100

配列番号：3373

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03925

配列：

GATCTGATGA ATTGGTTTT GAATCCCAGA AANGGTCTGC CATGGAGTTG GCAGTCATCA 60
CGGTAGATGG CGTATGATT TCCTGAATTT TAAATAAAT 100

配列番号：3374

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03926

配列：

GATCAGAGCT GTTAGGTAAA GGCCTAACCA CCTCCCTGCA GNCTCTTAAN TCTCAAGCTT 60
TAGGAACCA TTTCTAAANG TACACTAGCG GAGANTTTAT 100

配列番号：3375

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03927

配列：

GATCACGGTA CGTCCATAAA GCCAGTATTA CACTTAAATN NAGTATTCTT TTTTGTAAATC 60
GTTTTTTTTA GAAGGTAAAC AAATTTAATA AAGCTACCAA 100

【0706】

【配列表616】

配列番号： 3376
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03928
 配列：
 GATCTAGAAA NTGCCCTCCT TATACCCCTA CCATGAGCCC TACAAACAAA AAACCTGCCA 60
 CTAATAGTAT GGTCATCCCT CTNANTAAAN CATCATCCTG 100

配列番号： 3377
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03929
 配列：
 GATCTTTGCA ATTNAAGGNT TAGCCACGTG GCTTGCTTCA GCNAGTAATG TGAATGGAAA 60
 TAACGTGTAT CANTGCTGGA TAGAAAACCTT AANAGCCAAC 100

配列番号： 3378
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03930
 配列：
 GATCCCGTAG AATATATATT TAATAATCCC ACAAACGGAG GCCAGACTTC TGCCTTAAC 60
 TCAGTAACAC AAGCTTCTTT AAGCCAAATA CATCACTTGC 100

配列番号： 3379
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03931
 配列：
 GATCTCCGTG GTGGTCGTGG GCCGCCAGGT GAATNANCCC CACATCCGCH TCCTGGTCAC 60
 CGGCAAGACG GCCGAGTACG ACGTGGCCTA CGGCGAGAGC 100

配列番号： 3380
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03932
 配列：
 GATCATTGGA AGCAATCATT TTA CTCTTCC CCACCACAGT GGTAAAAAGG CGTTTTNTC 60
 TAANACTATG TTTNTTTTTN AAAATAAACT TTTGGAACA 100

配列番号： 3381
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03933
 配列：
 GATCCACTAA TGTAGCTTAA GGTATTAGA TTTGGGCTTT TAATCATGGA ATANTCTTAT 60
 GAATTGGTGT AAGANTTGAT GAATGACTTT AGCTGTGTGA 100

【0707】

【配列表617】

配列番号： 3382

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03934

配列：

GATCANAGAT TTCAATNACA GTGCAGGAAA GCAGCACTGA GAAACTTTTA ATTGTNTTNA 60
ATTTCTNCTT TAATGTTTAC ACCACCACAT TCCCATTTCAC 100

配列番号： 3383

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03935

配列：

GATCTTCCCC TGACCTGCTC CCAGGGCTAT AACAGATACG GACTTTGAAA CTGTATGGAG 60
TATAGAGCAG TGCTCTATAA TTTAAATAT ACATATATTG 100

配列番号： 3384

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03936

配列：

GATCTTCAGC TTGGTAGATT TAATTGCCCA GTGAATGGCA CTTACGTTNN CATTTTTTAC 60
ATGCTAAAGC TGGCAGTGAA TGTGCCACTG TATGTCAACC 100

配列番号： 3385

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03937

配列：

GATCTGGGGA GTNTNAGGAG AGGGTGGCAT CAGNAGCTGC TCAGGCTTGG CGGAGGGAGC 60
GGCATGGCCG ATGTCACCTCA GCCCCCTCCC GGTCCGCCCN 100

配列番号： 3386

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03938

配列：

GATCGTTTTT TCCAGAGTCG CGGGGACACA GGAGTNTTCC TACAGTACAT NCACGCCCGC 60
NTCCACAGTT TGAAGAGAC TTTTGGATGT GGGTACNTGA 100

【0708】

【配列表618】

配列番号： 3387
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03939
 配列：
 GATCATCTAA AAAATGCCAT GANTGGAAAT NCGAAGGCC AGACACCAAT ATTTCTAGA 60
 AGTAAACAGC TCAAAGACAC TCTCCTATCT NAGGAAATNA 100

配列番号： 3388
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03940
 配列：
 GATCCAGTGG GGTCCGGACA CTGGGCCCG CAGCGAAAGC ACGNTCCAGC CACCAGGAGG 60
 CCACCTATT TTTCAAAATA AAGACTGCGT TCCTCTCTG 100

配列番号： 3389
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03941
 配列：
 GATCAAAAAA GAAGAGTTAA AACAACACAT GTAAATNCCT TTAAATATTT NATGGGAATG 60
 CCTCTCATTT AAAAATAGAA ATAAAGCATT TTGTTAAAAA 100

配列番号： 3390
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03942
 配列：
 GATCCTTTAT CTTTCCATAT GGCACACGTA AGAAAGTGT TTTCTACTAT TAATATTAAA 60
 TTAACCTT TACTTNTGTA TAATAAATNA AAACCTCAGAA 100

配列番号： 3391
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03943
 配列：
 GATCTGGAAG AGGCTTGTA CCTCAACTAN TATGTAGGAA GGCAGTACNA NCAGCCCACC 60
 AGTGTAATCT CCCTGNATTA AGGCATTCTT AAAAATTAG 100

配列番号： 3392
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03944
 配列：
 GATCCGCTCT GGTCAAACCC TTCCAGGCCA GCCAGAGTGG GGATGGTCNN THACCTGCTG 60
 GGAAGGCANN CTGATGGGGC ACACCTTGC CCTCTCGTCC 100

【0709】

【配列表619】

配列番号： 3393

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03945

配列：

GATCAAAATT TTTTGATAAT TTAAAAATTG TGTGTGATTT TNAAATTTNA AGAAATTGCT 60
GAAACTTAG AAAAATATAA TGGTATACAT ACAATAGNNA 100

配列番号： 3394

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03946

配列：

GATCAATAAT TTAAATGTAA CTAGTTGGGA TTTTATAGTT AAAATNATAT TTNTNTATAT 60
AACATAACTA ATCTGTAAAT TGTAAATAAT ATATTNNCAA 100

配列番号： 3395

配列の長さ：99

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03947

配列：

GATCATTTAG TACTTTTGTN TTCTCCCATG TGCTTGAAGG AAAAAATAAG TGCTACTACC 60
GTATTTNTTG TTTTCATCAA AAAATAAAAA TAATTTAAA 99

配列番号： 3396

配列の長さ：97

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03948

配列：

GATCTTTAGC ACAGTGATAT NACCATGACT TCACAGACAT GGTCTAGAAT CTGTACCCTT 60
ACCCACATAT GAAGAATAAA ATTGATTAAA GGTAAAA 97

配列番号： 3397

配列の長さ：97

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS03949

配列：

GATCAATAAT AATNAGGAAA GCATGATATG TATATTGCTG AGTTGAAAGC ACTTATTGGA 60
AAANATTAAA AGGCTAACAT TAAAAGACTA AAGGAAA 97

【0710】

【配列表620】

配列番号：3398
 配列の長さ：94
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03951
 配列：
 GATCCCCCTC CTCCCCCCTC TCCCCATTGT ATTTATTTGC CTGCTGGAAA ATNACATCCG 60
 GAAATAAAAT AGAAATATGT CTTTNNATTT TAAA 94

配列番号：3399
 配列の長さ：93
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03952
 配列：
 GATCCTAAAC TTTTGGATA ATCTTTTATA TTTNTAACCT TTGAATTTAA TCATTGTNCT 60
 NAGATTAAAA TAAAAATGC TATTGAACT AAA 93

配列番号：3400
 配列の長さ：91
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03954
 配列：
 GATCTGGAAA TCCCTGCTGT AATCTTTTTA AGGGAATCCA CTGGAAATAA TTAGTTTTTG 60
 TTTTAAATAA AACCATTCTT TACTTAACAA A 91

配列番号：3401
 配列の長さ：91
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03955
 配列：
 GATCTATGCC CTCTGGTGCT TTGTCTGTGA TTGGTTTTAA TTTTTTTGTC CTAATCTCTT 60
 CAATCAATAA AATTGTGCGT ATTTAACTAA A 91

配列番号：3402
 配列の長さ：91
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03956
 配列：
 GATCAACTNA ATGTTTAAGA CTTTAGATGT CTTGTATTAA AAATTACACA AAAAAAGTAA 60
 AACTTTTTAT ACTTACCCTT TTAACCTCTAA A 91

配列番号：3403
 配列の長さ：89
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03958
 配列：
 GATCTCTGTA ATNTTATNTA GAGTTTGAGC TGAAGCCCCG TATATCTAAT NTATTTTGT 60
 AAACATGAAA GTGCATCCTT TCCCTCCAA 89

【0711】

【配列表621】

配列番号: 3404

配列の長さ: 88

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03959

配列:

GATCATACCT ATTAAATAA TGCCAAACAC CAAATATGAA TTTNATGATG TACACTTTGT 60
 GCTTGGCATT AAAAGAAAA AACACAAA 88

配列番号: 3405

配列の長さ: 88

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03960

配列:

GATCAAGAAG ACGNNTAAGG GAAGAACGTA CACAGTGAAA ANCCAAAAA AGAAAAAAT 60
 GTTTATACAA CCCTAAGTCA ATAACCTX 88

配列番号: 3406

配列の長さ: 87

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03961

配列:

GATCTAGGCA CACCTNGCTC TINGCTGCAT GTGGTTATNA AGANCTTCCA GTGGAAGTCG 60
 AATAACAGT TTTTGGTAAA TCTCAA 87

配列番号: 3407

配列の長さ: 85

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03962

配列:

GATCCTGCCC TGAATCTCCA TAGTCTCCAC TGTGAACTGA GGAGGGGAGG GGTGTGCTGG 60
 GGAATAAATC TTGTATGAGA ACAA 85

配列番号: 3408

配列の長さ: 84

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03963

配列:

GATCCATTTA NAGGCCAAAT NTCATTCTGC AGGTGCCTTC CCGATGGATT AAAGGTGCTT 60
 ATNTTTTTTT AAGTTTNAAG TAAA 84

【0712】

【配列表622】

配列番号：3409
 配列の長さ：81
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03964
 配列：
 GATCGTGTTT ATTTTGNTTT CCGATTCTAG ATATAAGTTT TGNATGGGCA GGAAGACTAA 60
 AATAAAAGTT TTTAAGGTAA A 81

配列番号：3410
 配列の長さ：81
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03965
 配列：
 GATCTCCAGA TGTAATTTCC CCTCTTTAAT TTAAANTAAT NTAAAGATTA CTAAACAAT 60
 AAAANCTCCT AAAAANTCAA A 81

配列番号：3411
 配列の長さ：88
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03966
 配列：
 GATCTTTCTT TCCAAAACAT TTCTGGACAG TACCTGATTG TATTTTTTTT TTTAAATAA 60
 AAGCACAAGT ACTTTNGNCH TTGTAAA 88

配列番号：3412
 配列の長さ：76
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03967
 配列：
 GATCCCCCA CAGCCCCTGG TCAGTCTGCC CTGTCTACTG GTCTGAGGTC ATTAAATNA 60
 CATTGAGGTT CCTAAA 76

配列番号：3413
 配列の長さ：75
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03968
 配列：
 GATCACAATC ATTTTGAATC CCTCTTCCTC ACTTTTTTTT CTAAGAAAAT AAACATTTTA 60
 CTGTTTTTAT GAAA 75

配列番号：3414
 配列の長さ：73
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03969
 配列：
 GATCACAGCT GACATTTACA AAATATTTTT NTACCTTAGA ATTTCTGCAT TAAATAAAAT 60
 ATTTTGTITT AAA 73

【0713】

【配列表623】

配列番号: 3415

配列の長さ: 67

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03971

配列:

GATCTTTTGC TAATGCAATT AGCATTATGT TTTGCATGTA TGACTTAATA AATCCTTGAA 60
TCATAAA 67

配列番号: 3416

配列の長さ: 67

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03972

配列:

GATCCTCTAA ATNTGGAATT TTGATGTAAT AACTGCTAAT AAAATNATAT TGAAACTGTT 60
TTATAAA 67

配列番号: 3417

配列の長さ: 65

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03973

配列:

GATCAAAGCC CGGAAAGGCA AATGAAGCNT CATGTGTAGT GTAATAAAGN TGTCTGCTGT 60
TCAAA 65

配列番号: 3418

配列の長さ: 65

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03974

配列:

GATCGAAGCC TGTGTAAAAT GCTACCAAAT GGCAAAAAGC AACAATAAAC AGTTTGATTT 60
TTAAA 65

配列番号: 3419

配列の長さ: 64

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS03975

配列:

GATCCCAAT ATATCTACCA TTGTATGTTA AATAAATNAC CATTTTTGTA GAAAAAATTC 60
TAAA 64

【0714】

【配列表624】

配列番号：3420
 配列の長さ：65
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03976
 配列：
 GATCTGTAAA TAACTTTAAA AGCTATTTTA GTAATTTAAA TAAATTTACT TTCTTGGTTT 60
 ATAAA 65

配列番号：3421
 配列の長さ：63
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03977
 配列：
 GATCTCTATA NTTTTTTTAA AATTTTCTCC AGCCTGGGTG ACAGAGCGAN ACTCCGTCTC 60
 AAA 63

配列番号：3422
 配列の長さ：63
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03978
 配列：
 GATCTCCTGC TGCCTTTCCT GGAGTTTCTA AAATTNTNCC TGAATACAAG CCTATGCGTG 60
 AAA 63

配列番号：3423
 配列の長さ：62
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03979
 配列：
 GATCCAAGCA TAGTAGAAAA GCTTCATGTG TTTTAAAAAA TAAACAATAA CAAAAAATTA 60
 AA 62

配列番号：3424
 配列の長さ：61
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03980
 配列：
 GATCATGTGT TCTGGAGAGT GTTCTTTATT CAATAAAGTT TTAATTTAGT ATAAACATAA 60
 A 61

配列番号：3425
 配列の長さ：61
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03981
 配列：
 GATCTAATTT TTCAAACCTT CACTATTTTG AAAATATAAC CAAGGCCGGT TCCGGTGGAA 60
 A 61

【0715】

【配列表625】

配列番号：3426
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03982
 配列：
 GATCATGAAA CTGATTGTAA AGCTTTTGA CAACTAATAA ATGTCTTGGT AATTGCTAAA 60

配列番号：3427
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03984
 配列：
 GATCAATGGA TTTGTTTACA ATGTGATATT TTCTATTAAA TCCAGTATTT TCAAATAAA 59

配列番号：3428
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03985
 配列：
 GATCTTGAC TAACTTATGA TAGAATGTAT CAGAATAAAT ATTTTAAACA GTGTTAAA 58

配列番号：3429
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03986
 配列：
 GATCATNAAA GTATACAAAA TAAATAAAGT AGGAGATTTT TTTGCTGTTT AAA 53

配列番号：3430
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03987
 配列：
 GATCTGTTTA GTGAGATTTA GCATGTGTGA ATAAAGTATA TGCAGGAGGA AATTGCTTTG 60
 TTTTCCCAAT CGGTAGAAAT TCGGGACCAT AAAAATTGTG 100

配列番号：3431
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03988
 配列：
 GATCATTGTT AAAGGATTGC TGCAATAAAA TACACTTTAA TNTCAGTCAA A 51

【0716】

【配列表626】

配列番号：3432
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03989
 配列：
 GATCTTTAAA ACATTTTAA TGAATAAGT TGAATAAAGG CACAATTAAA AACTGTCAAA 60

配列番号：3433
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS03993
 配列：
 GATCAACAG AAGCAGCCGT GGGCAAAATA CAATTCATT TAACAAATTG AAA 53

配列番号：3434
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04020
 配列：
 GATCTCATAG GACGGAGGGG GAAATGGTTT CCCTCCAAGC TTGGGTTAGT GTGTTANCTG 60
 CTTATCAGCT ATTCAGACAT CTCCATGGTT TCTCCATGAA 100

配列番号：3435
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04021
 配列：
 GATCAGAAAT NACTGTGTCA TGGTGCTCAT TCACTGCAAA CTCCCAGTTG NAAGCTCCTT 60
 GGCTCCCCG GAGGAGCAAG AATCTCATAG TTCAGAGACA 100

配列番号：3436
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04022
 配列：
 GATCTCAGTG AACTAATACA CAGCTTGAGC GTTCCATGT GCTAATGTTG CACATTTACT 60
 AAAAACTTT GGAAATGGAA AATAATGTAT TAGTGCAACA 100

配列番号：3437
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04023
 配列：
 GATCTGTTTT TTCATCGAGG TNTCGAGGTA TNCTTTNAAA GATAGTGANA NGCAGACACT 60
 GCTCCTTGTC CAGCTCTGGT ACCTCCTGCC CACTGCTGTC 100

【0717】

【配列表627】

配列番号: 3438

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04024

配列:

GATCAATAT ATTTCAAGCT ATAAAAGCAG GAGGTTATCT GTGCAGGGGA CTGGCATCAT 60
GTATTTAGGG GCAAGTAATA ATGGAATGCT ACTAAGATAC 100

配列番号: 3439

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04025

配列:

GATCGCCAGG CTGATTGAGA AGAACAAGAT GAGTGACGGG AAGAAGGAGG AGCTCCAGAA 60
GAGCTTAAAC ATCCTGACTG CCTTCCAGAA GAAGGGGGCC 100

配列番号: 3440

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04026

配列:

GATCACCTTC CTGTTTGGAG GCCAGAGTGA GGAGGAGGCG TCCATCAACC TCAATGCCAT 60
TAACAAGTGC CCCCTGCTGA AGCCCTGGGC CCTGACCTTN 100

配列番号: 3441

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04028

配列:

GATCTGGAGG GGTCAACGGA AGACGGAACA TGTCCACTTC CAGGCCCGAG CTTCTNAGCC 60
TGCCGTTTGC CACTCTCCAG CATCTGGCCC AGCCTGTCCA 100

配列番号: 3442

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04029

配列:

GATCAAACT AACCTTTCAG CGTATTCTCA GCTATGACAC AGTGGTGCAA ACAACTGGAG 60
ACTCGTGCCA CATACCATAT GATGAAGACT TGGTAGAAAG 100

配列番号: 3443

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04030

配列:

GATCCCAAGT ATTAGGAGCT ATTTCTTAAA TAGTTTAAAT TTGCCTTTGA AAAAAGTTCC 60
ATTACTTAAA AGTATTAATT TAAGCAAAAT CATGGAACAC 100

【0718】

【配列表628】

配列番号： 3444
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04031

配列：
GATCTTGTA AAATGCTGTT AGTATCCAAC CTTAAAATAT ATTAGTATAT GGGTTTTTAT 60
TAAAAGAATT ACTTTGAATT TNCTATTTAA TTCATATGTA 100

配列番号： 3445
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04032

配列：
GATCTAAGAA ATCATGTGCA TATATCTTTC AGATTTCTAT TTTGGGAAAN TGAAGGTTTC 60
TACAACATAT TGTTTCAGTG TTCAAATAAA CTGAAGGACT 100

配列番号： 3446
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04033

配列：
GATCCAAACC TTACACCTGA GTCTGTTAAG AGCGCCCTGC TACAGGAGGC CACAGACTGC 60
CTGATTCTNN NGGACCGCTG TTCTCAAGGA CGGGTAAAGG 100

配列番号： 3447
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04034

配列：
GATCTCNGAG CTACAATACT CACTANATAT ANTTTTCCAA TCAAAATATN CTATTCTATA 60
TTCTAAGGGT TAATATGTGA TTATAGTGTC CACTTGCCAC 100

配列番号： 3448
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04035

配列：
GATCTTTCCA CCTCAGCCTC CTGAGTGGCT GGGACTACAG GTGCATGCCA CCAAGCCTGG 60
CTAACTTTTT GTAGAGATAG GGTTTTNCCA TGCTGCCAC 100

【0719】

【配列表629】

配列番号: 3449
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04036
 配列:
 GATCTTAGCT TCTTTAATCA GACTTTGIGA CTTAAAAGTT TGGGGGTTTT CTTTGAAAGT 60
 TTCCAGCCCT ATTCAGAAAG CAACTCTTGG CTGTGTGCAT 100

配列番号: 3450
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04037
 配列:
 GATCACAACA CCAGTACCAG CACGAAGAGC CTCCTCCCGA AAGAGTCTCG ACTGGACACC 60
 TTCTGGGACT AGCAGTGAAT CGGGACACAA ACCACCCACC 100

配列番号: 3451
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04039
 配列:
 GATCAAGCTT GTGTACTTGA CCGTTTTTAT ATTACTTTTG TAAGTATTCT TGTCCACATT 60
 CTACTTCAGC TTTGGATGTG GTTACCGAGT ATCTGTAACC 100

配列番号: 3452
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04040
 配列:
 GATCAATCTC AATTCCTTTT CATGCCCTCC TGCATTGCTG CTGCGTGGGT ATTTGTCTCC 60
 TTAGCCATCA GGTACAGTTT AACTACAAT GTAAGCTATA 100

配列番号: 3453
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04041
 配列:
 GATCCTGGAG AACCTAAGAC TCCAAAAGCG TGGTACTGGA GGAGTGGACA CTGCTGCCAC 60
 AGGCGGTGTC TTTAATATTN CTAATTTGGA CCGACTAGGC 100

配列番号: 3454
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04042
 配列:
 GATCGTGGGG TTGTTGGCAG AGGGCAACCC TGGGCCCCAC ACCGTGTGGA CAGGCAGACA 60
 CCAGATTGTC CAGGAGCAGG AGCTGCTGGG ACTCCGCTGG 100

【0720】

【配列表630】

配列番号：3455
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04044

配列：
GATCTAGAAA GCAACTTGA AGTGTAAGA GTCACCTTCA TTTTCTGTAA CTCAATCAAG 60
ACTGGTGGGT CCATGGCCCT GTGTTAGTTC ATGCATTACG 100

配列番号：3456
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04045

配列：
GATCATTAAT GAGGAGCTGA TGGCCTCCCT GGACCAGCCA ACACAGACAN TGGTGATGCA 60
CCGCACTGAG CCCACTGCCC AGCAGAACCT GGCTCTGCAG 100

配列番号：3457
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04046

配列：
GATCTAATTT ATTTATTTAT TGCCTGGCCG GTGACTCGGG GGAGGAGGCG ACCCTGTCAT 60
CTGTCCCACC TGCTGCTGCC CTTGGAGCA GCCTGCACCT 100

配列番号：3458
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04047

配列：
GATCTTGAAT CTCTTTCTTT GTTCTGTTTG TTTAGTTAGT ATCATCTGGT AAAATAGTTA 60
AAAAACAACA AAAAATCTG TATCTGTTTC TAGCATGTGC 100

配列番号：3459
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04048

配列：
GATCTGAGCC ACCCTCCCCG CACAGCCCTG CACCCCGCCC CTAGGGTTGG CAGNCTCANT 60
TGGCCCCTGG CAGAGGAACA AGGACACAGA CATTCCCTCA 100

【0721】

【配列表631】

配列番号: 3460
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04049
 配列:
 GATCTTCCCT GGNGGCCTTC GGCTGCNTGC NTGCCTGAGG TCCGNGCTGC CAGTCCCGGG 60
 CCGTGGAGAG CAGATGCTGT CTTGTNATGT ACAGGAGGAC 100

配列番号: 3461
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04050
 配列:
 GATCCATGTG ATTATTA AAA TGACTGTAGC TGAGAGCTCT AATTTNCCTG TCTGAAACT 60
 GTATAAGANC TCATGTGATT AAGTTCACAG TTTATTGTTT 100

配列番号: 3462
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04051
 配列:
 GATCTGCTCA GAAAGGAAGA GGCAGGCGCC AGGGGGAACC CCCITCGTTT TTTNTGACCC 60
 TCCCTTTTAG GTGAAGCCCC TTTTNTTTGC TAAACCGGC 100

配列番号: 3463
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04052
 配列:
 GATCCTTGGG CTGGCCTAGA ACCAGTATCT GTAGTGGATA TAAGCCAACA ATACAGCAAT 60
 ACTCAAACAT TCACAGGCAA AAAAGGAAGA TACTTTTNTT 100

配列番号: 3464
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04053
 配列:
 GATCTGCCGT TNAITTTGCT TTCTCCTTTG TCCTCTTGGG CTTGAGGGCA TTGTGAAAAG 60
 CTTTGCTGTG ATTTAAAAAT GCCAGCAATT TTAATCTAGC 100

配列番号: 3465
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04054
 配列:
 GATCTACATA AAAACTGCTA CATGNC AAAA ACCACACCTA AAGAAATTTT AAGAATTTGG 60
 CACAGTTACT CACTTTGTGT AATCTGAAAT CTAGCTGCTG 100

【0722】

【配列表632】

配列番号：3466

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04055

配列：

GATCAGCCTC TTCCTCTATA AACAATGACC AATTAGACGT TTCCGTAATT CCATGTATTA 60
TGTATAGTAC ACTCTATAAA TGTAATGTA ATGCTTGTCT 100

配列番号：3467

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04056

配列：

GATCCAAGAA GCGGGTCCCT GAGACGGGGG GTGGCTGCCC TCCCCAGACC ACCCCGGCAG 60
CCTGAGCAGN TCCAAAGCAC TGGCTTGGGG TCCGAGACCT 100

配列番号：3468

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04057

配列：

GATCCAATCT CAGTGTCTAA CTCATCATCC CAGATTATTC TGAAGTGGAA ACCACCCTCC 60
GACCCCAATG GCAACATCAC CCACTACCTG GTTTTCTGGG 100

配列番号：3469

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04058

配列：

GATCAAAAAA AAGCTNGAAG CCTACATTC CCAGAGCCCC TTTCAGCTTG AATTCCAAAT 60
GTGACTTAGC TTCCTCTATG CAGATGTACC TACTTGAAAC 100

配列番号：3470

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04059

配列：

GATCCACTAT ATGCCTCAGC ACATGGAACC TTAATGACCA AAGTGAAGAG CAGATTATTC 60
ATACGGTGTA ATAAGCATCT GGAATGGACC CATCCGTGTA 100

【0723】

【配列表633】

配列番号: 3471
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04060
 配列:
 GATCAGAAAA ACTGAAGATG GAAGTTTGG CCGGTGCTCA TTAGACATGA GTCCTCACTC 60
 TGTNTCCTGA GCCCGTTTCA TTCTTCCAAC CTCCTGCCC 100

配列番号: 3472
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04061
 配列:
 GATCTGGCCG TTCTACTTG AGGGCTTCTT TGACCTCATT GCTGTGGTAN GCCGGCGTAG 60
 TCCAGACCAT CCTATACTGT GACTTCTTCT ACTTGTACAT 100

配列番号: 3473
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04062
 配列:
 GATCTGATTT TATGTTCTGA ACTTTCTGTA AAGAAAGACA CAAGGACTTT TCAAAGACAG 60
 TTTATATCTT TCCAAGGCAG GAAGCTTTGC ATTTGCAATC 100

配列番号: 3474
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04063
 配列:
 GATCTGGAAG ACAGACGTAC AGCTTGGAGG GCAGGGGGAC TCTAAGGCAA GGAGATTAC 60
 AGTTGGGAAG GAGGCACTG CAGAGGGGTG AGGGACAGGG 100

配列番号: 3475
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04064
 配列:
 GATCTCAATG CTGTCTGGGG ACCCTGAAGA GTTTTNTNAC CTGTTCACTC TCATCTAACC 60
 TTCCAATGTH TGATGTTTCT GCCAAATTCC TGCCTGATTC 100

配列番号: 3476
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04065
 配列:
 GATCCTCAAA AAACCCAAAA ACACCATCTCT CTAATAGTCA TGACAAATGG CTTCAGTATG 60
 GCTTGTTTT NATTTNCCAG ATGGCTTTTN CTCTTATTTT 100

【0724】

【配列表634】

配列番号： 3477
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04066

配列：
GATCTGAGGC TGTGCTCTG CCTTGTTTT AGAGGACTTC AGCGTCCAAG ACTGGGGCCC 60
ACCNTTNTCA CCAGCACTAA ATGCACTAAC AAGGACTCCA 100

配列番号： 3478
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04067

配列：
GATCTTTCCG GGGCCTACAG GCGTGTAAGA CAGCTTGGTC TGGTCTGTGC AGAAGTGGGG 60
AGTGATGGGC AGGTTCCGCA GCCTAACATT GTTCAGGCGC 100

配列番号： 3479
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04068

配列：
GATCAGCACC ATTTGTGGTA TGTTCCTGA TGAGCGTTTA GTGAGCCTNN TGGCTGCAGA 60
GCACTATGAA ATCATGGTAC GTAGTCCCCG GCACCTGTCT 100

配列番号： 3480
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04069

配列：
GATCTAGCTG GTCACGACGA TGTTTTCACC AAGGTCACAG GAGCATTGCG TCGCTGATGG 60
GGTTGAAGTT TGGTTTGGTT CTTGTTTCAG CCCAATATGT 100

配列番号： 3481
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04070

配列：
GATCAAGCAG AGAAANTAAT TAATTTTCATG GGAATAAATG AACTAGTGAG GATAATATTT 60
NCATAATTNT TNATTTGAAA TTTTGCTGAT TCTTTAAATG 100

【0725】

【配列表635】

配列番号：3482
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04071
配列：
GATCAGATAG TTTCCTGAGG CTAAAATGCC CCAACATGTA AAAGACTGCN ACAAGGGTTA 60
ATGAGCCAGG AACTGCGGAT GGTAACCTAC ATCTCTATAA 100

配列番号：3483
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04072
配列：
GATCAAGCTA CAGATATGGG ATACAGCAGG CCAGGAGCGA TTTCACACCA TCACAACCTC 60
CTACTACAGA GCGCAATGG GTATCATGCT AGTATATGAC 100

配列番号：3484
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04073
配列：
GATCCGGTCA TACATCCACA TCAGGCCTGG CCAGCTGGAT GTTCTTAAAN AGTCCACAA 60
GCAGATTACT GCACGGGCAA CAAAGGATGG GACTTTTGTG 100

配列番号：3485
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04074
配列：
GATCTACTTT AACATTCTCA AGTTTTCTN ATCTNCATTA GAGGTGCCCC GTAGGTTCCC 60
AGGTTCCAGC GTGCCCCCTCC CTCANACACA CGGACACAAT 100

配列番号：3486
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04075
配列：
GATCTGACCT GGTGAGATTA TTTCTNATGA CCTCATCAAA AAATAAACAN TTCCCAATGT 60
TCCAGGTGAG GGCTTTGAAA GGCCTTCCAA ACAGCTCCGT 100

配列番号：3487
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04076
配列：
GATCTACGTH ATCTCAGGGC AGTTCCTACA GATGAAGCAA CAGCTTTTNC AGAAAAGAAT 60
GGTTTGTNAT TCATTGAAAC TTCGGCCCTA GACTCTACAA 100

【0726】

【配列表636】

配列番号：3488

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04077

配列：

GATCCACCTT CTTCCCTTAGG TCCCCTCCTC CATCAGCAAA GGAGCACTTC TCTAATCATG 60
CCCTCCCGAA GACTGGCTGG GAGAAGGTTT AAAAACAAAA 100

配列番号：3489

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04078

配列：

GATCAAAGCA CTGGGCTTGT CCAGGCNCAT AATAAATGCT CCATTGAANG TACTATTCTN 60
GTTTTCCACT GCTGTGAAA CCTCCTTGCT ACTATAGCGT 100

配列番号：3490

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04079

配列：

GATCTCTTAA GAGATGATGG ACTTATGTAT GTTACAAGAC TTCGAAATGT TGGAGTCCAA 60
GTNGTTTCATG AACATATTGA GGATGGAATT CATGGAGCTT 100

配列番号：3491

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04080

配列：

GATCTTTTGA TTCCTCTTGG GCTGAAGCAG ACCAAGTTCC CCCCAGGCAC CCCAGTTGTG 60
GGGGAGCCTG TATTTTTTTT AACACATCC CCATTCCTCA 100

配列番号：3492

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04081

配列：

GATCCAAAGT CCTGTGGTTA ACGCCTTCAT TTATAGATGA GGCAGCTGAG GCCTGGGGAT 60
GTGAACAACC TGCTCACAGT CCTCATTTAC TGGATTTGAC 100

【0727】

【配列表 637】

配列番号: 3493
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04082
 配列:
 GATCCAAAGT GCAAGGNTTT GATTATAAAC ATAATTTCTT AGACTGAAAG TTTTGGAAA 60
 AGATGCAGGG TCTGAGTCAG GCCTTCTGGT TATATTGTGC 100

配列番号: 3494
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04083
 配列:
 GATCTGTTTG TCACTGACAG ACTGTAGTAG TGTCTGTGTG CTGACTGATA GATAGACTAT 60
 AGTAAATTT GGGTGTGGC TGAATAACGG TCTAGGGTCT 100

配列番号: 3495
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04084
 配列:
 GATCCCAACA CTGAAGGGGT AGAAGGCCAG GGGGGCATGG AGAGTGCAGC TCCATTATAG 60
 TGAAGAGCCA AACATATGTN AACTGTTTGC TGTGTGGAGC 100

配列番号: 3496
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04086
 配列:
 GATCTTAAC TGTTCATTG AAACCTGTG CGTTTGAAGT GGTGGAGACA GGACCTTTAT 60
 CATATTCTGA GCTTTAAATA TATAAACNGG TAAATCATC 100

配列番号: 3497
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04087
 配列:
 GATCTTTCCA AATACCCAAA TGTCCCTGCA AGCCCGTTAA ATAATTCCTT ATGCTACCCT 60
 TAATAACATA CAATGACCAC ATAGTGTGAG AACTTCCAAC 100

配列番号: 3498
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04088
 配列:
 GATCCTCTCN ACCCTCCTCT AGCCATCCCT TGGGGAAGGG TGGGAGAAH TATAGGATAG 60
 AACTGGACA TGGCCCATTC GAGCACNNGG GCCCCACTCG 100

【0728】

【配列表638】

配列番号：3499

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04089

配列：

GATCTTGATA TTNGGCCTCT TTGAAGAGAC AGCCCTGGCT GCTTTCCTNN CCTACTGCCC 60
TGGAAATGGGT GTTNCTCTTA GGATGTATCC CCTCAAACCT 100

配列番号：3500

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04090

配列：

GATCACCAAC AGGGAAAGAC ATCCTGGTTC TTTTGATGTG GTGCATGTGA AGGATGCCAA 60
TGGCAACAGC TTTGCCACGA GGCTTTCCTAA CATTTTGTG 100

【0729】

【配列表639】

配列番号：3501
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04091
 配列：
 GATCCCTGGA GTGCCTTGGT GTTCAAGCC CCTGCAGGAA GCAGAATGCA NCTTNTGAGG 60
 CACCTCCAGC TGCCCCCGGC CGGGGGATGC GAGGCTCGGA 100

配列番号：3502
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04092
 配列：
 GATCGGGAAC AAATGNAATC TGTGGATGCA TCAAGCTATC GTCAGTCAA CCCCTTTAAA 60
 ATGTTGCTTT GGCCTTGTAA ATTTAAATAT GTAAGTGCTA 100

配列番号：3503
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04093
 配列：
 GATCTACATT TTGTACATAT TTATATAAAA TTTACCTTTA AGTATTTACT TTAAAAAATT 60
 TAATGGCTTA ACTCGAAGCT GAAGACACAT ACTTCAACTG 100

配列番号：3504
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04094
 配列：
 GATCTGAAAT NAGAAATATC CAACATTGCA CGAGTATCTT TTTTATNCC TCCACAGACT 60
 CCGCCAGAGA CACCTAGTCC TGATGAAACG TCTGCTCCTT 100

配列番号：3505
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04095
 配列：
 GATCTAGGTG GTTTGTAATT GTGCATTACT GACTGCATAT GTTTGTGTAT GTGTAAATGT 60
 GGGCTCCCTG TTAAGTGGG CTCATGGATA CGAGGCCTGA 100

配列番号：3506
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04096
 配列：
 GATCCTAGTT CCTTCCTTCC CGAGTGATAC CCATGAACTG CCAGTAGAGG CTGCTATCGT 60
 TCCATGTGTA AGGAATGAAC TGGTTCAAGG CGCGTCCTAC 100

【0730】

【配列表640】

配列番号： 3507

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04097

配列：

GATCATACGG CCTTCCAGGA GACGCTGGGA TGTAAGATAC TCTTGGAGGN TGGCTCTGAA 60
CTCGGGTGTG TGAATCACAG GGCAAGGGTA GGCCTGGGCT 100

配列番号： 3508

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04098

配列：

GATCAAAGAA GAGAGTAAAG CTATGTCTTC AATTTAATTT CAATACCTGA TTTGTACTTT 60
CCTTGAAAGC TTTACTTTAA AATACCTTAC TTATAGGCCT 100

配列番号： 3509

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04099

配列：

GATCTGTGTT GTAGAACATG AGGGTGTAAG CCTTCAGCCT GGCAAGTTAC ATGTTGAAAG 60
CNCACACTTG TGNAGGTTTT GTTNACAAA TCACTTGATT 100

配列番号： 3510

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04100

配列：

GATCCTGATG ATATTTGGCA GCTGTCCTCC AGTCTTAAAA GGTTTGATGA CAAATACACC 60
TTGAAGCTGA CCTTCATCAG TGGGAGAACA AAGCAGCAGC 100

配列番号： 3511

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04101

配列：

GATCCTGGGT ACTGAAAGNC TTAGGGAAGC TGGCCTGAGA GGGGAAGCGG CCCTAAGGGA 60
GTATCTAAGA ACAAAGCGA CCCATTGAGA GACTGTCCCT 100

【0731】

【配列表641】

配列番号：3512

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04102

配列：

GATCTGGGGA AAGGAGAGAC CATGGTGTGA ATGTAGAGAT GCCACCTANC TCTCTCTAAG 60
GCAGGCCTGT GGATGAAGGA GGAGGGTCAG GGCTGGCCTT 100

配列番号：3513

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04103

配列：

GATCTGTGTT TCCTCCCCAG TCATCTTTNT TGTTCCAGAG AGGTGGGGCT GGATGTNTCC 60
ATCTCTGTNT CAACTTTATG TGCACGTGAGC TGCAACTTCT 100

配列番号：3514

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04104

配列：

GATCCATAAA AGATTGTATT TTTATTACTA TTTAAACAAG TGATTAAATT TAGTCTGCAC 60
ANNAGCAAG GGTTCACATG CATTCTTTTA TACTGCTGGA 100

配列番号：3515

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04105

配列：

GATCGACTGT AAATAGAGGA CTTCTGGAAC ATTCCAAATA TTCTGGGGTT GAGGGAAATT 60
GCTGCTGTCT ACAAATGCC AAGGGTGGAC AGGCGCTGTG 100

配列番号：3516

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04106

配列：

GATCATGGAG ACCTGGCTGG TAGCTGTAAC AGAGATGGTG GAGTCCAAGG AAACAGCCTG 60
TCTCTGGTGA ATGGNACTTT CTTTGGTGGC CACTTGGCAC 100

配列番号：3517

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04107

配列：

GATCCAGAAC TGAGGTCACT GGTTCTAGA ACNGNACAT TTACCTCGAG GCTCTTCCAT 60
CCCCAACTG TGCCCTGCCT TCAGCTTTGG TGAAAGGGAG 100

【0732】

【配列表 642】

配列番号： 3518

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04108

配列：

GATCTGCAGC CAGGCCTTTC TGAAGGNGTT ATTCTGNTAA AAATGGTCTN AGTTNTCTGA 60
AAAGCCAGCT CTTGAACCTC TTCACAACAG TATCAACACT 100

配列番号： 3519

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04109

配列：

GATCCCAGTT TGCAGCAAAC CCCACACCCC AGCTCACACA GCAAAAACAA TGGACAGGCC 60
CAGAGGGTGA AGCAAACAGT GTCCCTTCTG GCTGTNTTGG 100

配列番号： 3520

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04110

配列：

GATCGGGAAC AAGCACGTTG TACCCTTGGC TGGACATGGC CAAGACACAA GGCATTCCAC 60
GGCGGCAAGC TGACCGCACA GCAGTCTGGC TTGATTTTCA 100

配列番号： 3521

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04111

配列：

GATCCAAGTT TGATAACATT GGCATGAATG CCATGGCTAA CAAAGATAAT GCAAGTNTCA 60
AACAGCTTAG ATGGGAGGCT GAACGTGATG ACTGGCTACA 100

配列番号： 3522

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04112

配列：

GATCTAATTG TATTAGTATT GTGAATAATC ATGTGAAATG TTTTGAGACA GAGTACTATA 60
TTTGTGAATA TAATNNTATG GTTTTTTTCA CTTAGAACCT 100

【0733】

【配列表643】

配列番号: 3523

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04113

配列:

GATCTGGACA CCCTGTCTCC TGAGGAGCGC CGGGCCAGGC TCGGGAAGCG TGAGGCTCAG 60
CTCCAGTCGA GGAAGGAGTA CGAGCAGGAG CTCAGTGATG 100

配列番号: 3524

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04114

配列:

GATCATGCCG AAAAAGTGGC GGAAAAGCTA GAAGCTCTCT CGGTGAAGAN GANWCCAAGG 60
AGGATGCTGA GGAGAAGCAA TAAATCGTCT TATTNATTT 100

配列番号: 3525

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04115

配列:

GATCTNTTCT TAATGTACAT AGTGCTAACA TGAAGACCTT TTTNTGCACT ATATGCAAAC 60
AGGGTAACATA ACTAAAACAA AGCCACTTTC AATCTTCAAT 100

配列番号: 3526

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04116

配列:

GATCTAATGT AAAATCCAGA ACTTGGAATC CATCGTTAAA ATTATTTATG TGTAACATTC 60
AAATGTGTGC ATTAATATG CTTCACACT AAAATCTGAA 100

配列番号: 3527

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04117

配列:

GATCAGAGAT GCTGTTTCATC AGTCCCAACA AGATGGCCTA GAAATCGCAT TCTCACCTCG 60
CCTTGCTGCT GCTTTAATTC CAAGTTCTAT TTCTTCCCTT 100

配列番号: 3528

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04118

配列:

GATCGAGATN CAAAGCCACA TNCCTCTCTCA CCAAGNTAAA CTATTTAAT TAATTGTAG 60
CGGTGTTATG CTGCTTTCTT CTTTGACAAG GCCATGACTA 100

【0734】

【配列表644】

配列番号： 3529

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04119

配列：

GATCCCTCT TNAGTCNCT GCCCCITCCA AGGACACTAA TGAGCCTGGG AGGGTGGCAG 60
GGAGGAGGGG ACAGCTTCAC CCTTGGAAGT CCTGGGGTTT 100

配列番号： 3530

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04120

配列：

GATCCAAGCA TATAAAAAGC CTNTATATTT TTNAAAAACA CATCTTAACT CCACGCTTTA 60
CGATATTATA AAAGTTGAAT GGTTCTCTT GGTAAGGATA 100

配列番号： 3531

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04121

配列：

GATCCGNCCA CCTNGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTGTGAGCCA CCGTGCCCGG 60
CCTCTTTTAA TTTATNCCTA AAATATTACC TTGAGGCCAA 100

配列番号： 3532

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04122

配列：

GATCCCTCAC TTTATTTATA TTCCCACTAT AACCAGTAAG TTCATTTTCAT AGGCCCTATC 60
ATGCATTAAT CATTGNATGN NAGNAGTTAA TGAAAACTT 100

配列番号： 3533

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04123

配列：

GATCTAAAAC GGCTATTTAA TATGTTACAA GGCAC TTGAG TATGGTTGCA TGTCCAAATA 60
TAAATGTTTT TAAATTAAC TTAACATTTG GTTATAAAG 100

【0735】

【配列表645】

配列番号: 3534

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04125

配列:

GATCTCTCTC ATTCATTTC AATGATTTTT ACTTTAAGAT GAACCAAAAT TATTAGACTT 60
ATTTAAGATG TACAGGCATC AGAAAAAGA AGCACATAAT 100

配列番号: 3535

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04126

配列:

GATCCAATTT ACATCCACAT TTTAGGTNCA ACAGCAAGAA GTTCAGAGAG AGATTTCCCA 60
ACCAGACATT GGGTCACTCA CTGGTCACCT TGCCAGTNCA 100

配列番号: 3536

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04127

配列:

GATCTTAGTT TTCTTTTGT TATTCCCAAG CTCATTTTTT TCTTCTGGTC AGTTTTTTTA 60
AGGGGGGGTG TTGTGGTTTT TTGTTTTTGT TTGCTTCTG 100

配列番号: 3537

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04128

配列:

GATCCATTCC CTGCAACTTA AGATTCTAAG GAACTGGGTT TCTCAGTATA CAATGGGAAT 60
GGTTGGNAGG AGGTAAAGAG TAGAAGACAG TATCAAGANT 100

配列番号: 3538

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04129

配列:

GATCATGAAT AGGAGCCCAT GCTAGAAGTA TAGGCTCTCA GATTGAACC AGTGAATAT 60
GATGTATTN TGAGCTAAA CTCAACTATA GAAGACATTA 100

配列番号: 3539

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04130

配列:

GATCCAGGCA GCCAAGAAGT TGATGAATGC TGTGGTGCAG ACAGTGAAGN CATCCTACGT 60
CGCCTCTACC AAATACCAA AGTCACAGGG TATGGNTTCC 100

【0736】

【配列表646】

配列番号： 3540

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04131

配列：

GATCTCCCC AAAGATTCCA GCGGGTGCAA CCCTGCNTGT TCGAGGTGGA GCTGCTCAAA 60
ATAGAGCGAC GAACTGAGCT GTAACCAGAC TGGGGAGGGG 100

配列番号： 3541

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04132

配列：

GATCGAGACT CTNCCAGAAA ACAAACAAA ACAAAAAAAAA ATCCGTTTCT AAGGACGGCG 60
GGGATTCCGT TCGAGCCCGT GGCTGCTCTG TTTTGTTTG 100

配列番号： 3542

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04133

配列：

GATCAGATGA CCATTGAGGA CTTGAATGAA GCTTTCCAG AAACCAAATT AGACAAGAAA 60
AAGTATCCCT ATTGGCCTCA CCAACCAATT GAGAATTTAT 100

配列番号： 3543

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04134

配列：

GATCCCATCC GAGCTAGGGT ATGGAGAGCG GGGAGCTCCC CCAAAGATTC CAGGCGGTGC 60
AACCCTGGTG TTCGAGGTGG AGCTGCTCAA AATAGAGCGA 100

配列番号： 3544

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04135

配列：

GATCCTACCT AAGGGGCACA ACTAGTAAGG GAGTAGAGCT GAGATTGGCT CCAGAGTTCT 60
TGTTTTCAGC CACCATTTTA TGCTGCCTCT CCAGTNATTT 100

【0737】

【配列表647】

配列番号: 3545
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04136
 配列:
 GATCGCACTG CGCAGGGGTG CCACGGAGCT CACCCACGAG GACTACATGG AAGGCATCCT 60
 GGAGGTGCAG GCCAAGAAGA AAGCCAACCT ACAATACTAC 100

配列番号: 3546
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04137
 配列:
 GATCTCAGGC ATCGGATTAT TTCTCCTGTA AATATTTTCA GATGTATCTN TCCAAGATGA 60
 GAGCTCATTA AAAGACAATT ACAAAGCTTA TCACATCCAA 100

配列番号: 3547
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04139
 配列:
 GATCAAAANG AGTNAANCTA TCCAAAAAAA ATTTGTATAT TTGGGAAAAA TGGATTTTTA 60
 CATAGCTTTT GTATGCAGAT ATAAACTGT AATTATGAAT 100

配列番号: 3548
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04140
 配列:
 GATCAGCCGA TGACAGAGAT TGTAAGCCGT GTGTGGAAGC GAAAGTTGGA GCCGCCACGT 60
 CGGGGCNCTG GTGCTTNANC TGTGCTGTAA CGACGAGAGC 100

配列番号: 3549
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04141
 配列:
 GATCCATTG AAAGTNATTT TGACATAAGG AGTAAGGTTA CTACTGATTC CTACTCAGGA 60
 GGCTAAANTG GGAGGACCAC TTAAGTATGG NAGGTCGAGG 100

配列番号: 3550
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04142
 配列:
 GATCCTGTGT TTGCAACTGG GGAGACAGAA ACTGTGGTTG ATAGCCAGTC ACTGCCTTAA 60
 GAACATTTGA TGCAAGATGG CCAGCACTGA ACITTTGAGA 100

【0738】

【配列表648】

配列番号：3551

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04143

配列：

GATCAGTCAT CCACCAGGAA CGAAGATTTC CTGAAGAAGA CCTGGTCCCT CTGGAGGTTG 60
CGGTGGCTGA AGGATGCATC ATGTGCTCCT ACCCTGCTCT 100

配列番号：3552

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04144

配列：

GATCTCGTGA AGCCCGCAAG GACCGAACAC CCCCACCCCG ATTTAGACCT GCGGGTGCTG 60
CCCCACGTCC CCCACCAAAG CCCATGTAAG GAGCTGAGTT 100

配列番号：3553

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04145

配列：

GATCCTTACA GTAGAGGTGA CCCCTGTAAT ACCATCTGCT GCCGTGAGGA CCTGAACTCA 60
CCNAACCCAA GTCCTGGAGG TNGTTATGAC ACAAAGGTGG 100

配列番号：3554

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04146

配列：

GATCAGATTA AACCATTGAA GTTGGAAGTT CATNAGGCTA AGCCTGTNCC AGAAAATCAC 60
CCACAGTGGG ATACAGCAAT AGAGGGGGAT GAAGACCAGG 100

配列番号：3555

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04147

配列：

GATCCGCCCG ACTCGGCCTC CCAAAATGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAT TCAAGTCTGG 60
CGAGAGAGAT TGTCTCTAGA TGAGGGGTGGG GCGGGGTGTC 100

【0739】

【配列表649】

配列番号：3556
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04148
 配列：
 GATCTACAGC AAAACACAGC GGGAGAGGTT CGCCTGGGCT CTCGCCATGG CAGGAGAAGA 60
 CTTTGAATTC TAACGACGAG CCGTGTGAA ACTTCTTTTG 100

配列番号：3557
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04149
 配列：
 GATCTAGGCA ATGATTTAGA GGAAACCTCN TCACAAAAAC CCCAGAGGAA GAATATGACC 60
 TGTGTTTCAA ATTTTGCCIT TCTGAATAT TTTAAATTAT 100

配列番号：3558
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04150
 配列：
 GATCTATGAA AGCGGGGAGA GGGAACCTNA ATATNAATTA TNAGCACAAN TTTGAAGGAA 60
 AGAAAACAAA GAACCATTAT CTAATCAAGC TTTGAAAGTC 100

配列番号：3559
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04151
 配列：
 GATCTCTGCT TCCTGTACCT TGACATGCAA AAGGCTCTCC TAATACTCCA CATTCAAAC 60
 GAAGAGGAAA ATTGAAATCT CTAATGAAGC TGCTGTGTGT 100

配列番号：3560
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04152
 配列：
 GATCAACAAC TNGTACTCT CGGGAAGACT CCTCTACTCA CAGCTGAAGA AAATGAGCAC 60
 ACCCTTCACA CTGTATTAC CTATCCTGAA GATGTGATAC 100

配列番号：3561
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04153
 配列：
 GATCAGAGTA AACAAAAGGA ATCTCAAAGG AAATTTGAAG AAGAACTGT AAAATCCAAA 60
 GTGACTGTTG ATACTGGAGT AATTCCTGCC TCTGAAGAGA 100

【0740】

【配列表650】

配列番号： 3562

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04154

配列：

GATCGTGGCG CATGGCTTGG GGATTAACT ACCCTTGAG AGGACCCTTG TCCCAAACCC 60
TTCTTGTTCT CTCCTCCAAA AGTAGCTTCC TCCAACCCGC 100

配列番号： 3563

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04155

配列：

GATCTTTAAG GACAAGTTTA TCCAGCATCC AAAAACTTT GGACTAATTG CATCATACTT 60
GGAGAGGAAG AGTGTTCTG ATTGTTTTT GTATTACTAT 100

配列番号： 3564

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04156

配列：

GATCTGGGTT TTNATATCTT TATCTTCATT CAGTGAAGCA AGCCAAAAGC NCACATTTGT 60
ATGCNTTAGG TCTTCTTAAA ATGGTATCTG TAAACATGTG 100

配列番号： 3565

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04157

配列：

GATCAGCAAT GAAGAACTGG NCGGACAAAA TTNAACGTTN ATGTAATGGN ATTCCAGATG 60
TAGGCATTCC CCCAGGTCT TTTCATGTGC AGATTGCAGT 100

配列番号： 3566

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04158

配列：

GATCTAAATG GGCCCAGGTG TTTACCCTTA TNTNGTTTTT TGCTAAATNA TGGAGGTTTG 60
GGGAGTTCCT TCTCCACTTG TTTGTGGAGG CCTGGGGAGT 100

【0741】

【配列表651】

配列番号: 3567

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04159

配列:

GATCCCTGTA GAGGTGGTAT TAAAGATGGT CACTGAGATT AAGAAGATTC CTGGTATTTC 60
TCGAATTATG TATGACTTAA CATCAAAGCC CCCAGGAAC 100

配列番号: 3568

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04160

配列:

GATCCTAAAA TNNCTACTT TTGTNGCCTT ATCAGTNCIT TGCAATCTGC CTGTGGTTAT 60
CAGCACTTAA AGCACAATTT TGAAGGGGAA AAAAATGATA 100

配列番号: 3569

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04161

配列:

GATCTGGACT GGCTGGGAGT GGGGAGGGCG TGGAGACAGT CTACGGAAAG CGCTANAGGA 60
CCCCCGAGAG GGTGCAGTGG AGCCCTGAGC ATTGTAATAT 100

配列番号: 3570

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04162

配列:

GATCCTTTGC TGTAAGCTNG GAGAGACCAG TCCCAAACAG AGGGGAATTT TAAGCCCTTC 60
TCATCACCCA ATTGGATGTT TTTGCTTATA GCAAATTCCT 100

配列番号: 3571

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04163

配列:

GATCTATGGG AAGATACTTA TTTTCTGAG GTCCTTATGT CCTGTCATAT AATTAAAGAC 60
TCAAGAGAAT TTATGTGAAA TGCTTTCTGT ATGCCCAAAT 100

配列番号: 3572

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04164

配列:

GATCTCAGTT CCTAAAAA TGATAAAAT TTTTCATGTA TATTACATAT CTACCTACCA 60
GAAATCCITT TTACAATTT ATATACAATC ATTTTAAGAC 100

【0742】

【配列表 652】

配列番号: 3573
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04165
 配列:
 GATCACGGGG TGGNAGGNAA CCGNGGCGTC CCTGCNTGGG GCCCATGGGT GANACACTCC 60
 AGTACTGAGA CCTAGAGTCC AGATGCTTGT AGGAGCCAAG 100

配列番号: 3574
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04166
 配列:
 GATCCTTAAT TNTAGCCTTT GAAGGATGCC CTGTNTAGAT TATTCAGTGC CACANATTGA 60
 AAGCTTCCAT GNTTAATGTT ATCCTCTTGC TATATAATA 100

配列番号: 3575
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04167
 配列:
 GATCCCAAGG GCCCAGATAA CGCCCCAAC TTCTTGGGGT TCACACGGGT CCTGAGACAT 60
 CTGGGAAGTG CCTCTGCTG GNCCAAAGCT ATTCCATTAA 100

配列番号: 3576
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04169
 配列:
 GATCTGTGTA CAATTTTNGT CACTANGACT TTCCTCCAAG AACTAAGCCA ACTTGATGTN 60
 NCAAGCACA GCTGTATATA ATGGTGATGT CATAATAAAG 100

配列番号: 3577
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04170
 配列:
 GATCAAGGAC TCTGGATAAT TGGCATAACA TCCTGGAATA GCTGAAACAG AGATATTATT 60
 CTCTGCTGTC CTCTGTTGTC TTTGTCTTTT CACGCTTAA 100

配列番号: 3578
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04171
 配列:
 GATCAGAGCC ATACCCCTCT TCACCAATGG GAAGTCAAGA CACCTATGGG TAAAAGTTCT 60
 CTCTGATGCA TGAAACTCA GAGTGATAAA GTAATTTTAA 100

【0743】

【配列表653】

配列番号：3579

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04172

配列：

GATCTAAAAG TTTTCACACA TAAATTTTCAT TAATTTGAAA GATTATTTTT AAACCTGCATA 60
GGTCCACTTG CCTCTAAATA AAATNAACCT AAAATAAAAA 100

配列番号：3580

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04173

配列：

GATCTCCCCC AACCCACAAA AATGCTTAAA AGATAACTTA GCTCTTTTNT CAGGGCTCAG 60
TCCTTTGGAT GTAATCCGAC TAGGCCAGTN AACCTAAATA 100

配列番号：3581

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04174

配列：

GATCCTGAGT TTTCTGGGAC AATTCCAGCT TTAATCAATA GATTTTGTTA AATGTGCCAT 60
AAAATGAGAC TTTTACGCC TTTATAAGGC CITAGATGTA 100

配列番号：3582

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04175

配列：

GATCATTGTA TTCAGAGATT GTAAATGAAA AAATATAGAA ACTATTTAGT TTTGGTAGAT 60
TTTTTTTCTG ACAATGTGAC CAGACTGAAT TTCCTCATAA 100

配列番号：3583

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04176

配列：

GATCCAGCA TTTTCCATCG ACTTGTAATT GTTTCTGCTA CCTGACAATC ATCGCCTTGA 60
GTA CTGGGAC AACCTTTGAT TACTCATTAT ATCCTCAATA 100

【0744】

【配列表654】

配列番号： 3584
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04177
 配列：
 GATCCTGGCT AGANTGNTAA TTAAAAGTAT TTAATTTGAA GCACCATTTH ANTGTTTCGTA 60
 CTAGTAGAAA ATGATGTCAA TTTCNTTCT GTTCGGCTCC 100

配列番号： 3585
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04178
 配列：
 GATCCCAGCT ACTTGGGAGG TGGAGGCAGG AAAATCACTC GAATCCGGGA GACAGAGGTT 60
 GCAGTGAGCT GAGATTGCAC TCCAGCCTGG GCGACAGAGG 100

配列番号： 3586
 配列の長さ：82
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04179
 配列：
 GATCATAGTC GGGCATACTT ATCTATATCC NTAACCTCTA TATCTTTAAA TAAATGTGAG 60
 NACTGTTCTC ATGGAGANGA AA 82

配列番号： 3587
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04180
 配列：
 GATCTNAAGC TTATNTGTCA GATTATTTAA TATGATGACT TCATGCTTNA TTATGCCTTA 60
 TTATGGCTGA CGTATTACTG TGGNGAACA AAATATCITT 100

配列番号： 3588
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04181
 配列：
 GATCCCCNAA TGTGTATGAA TGAATGAGGC TTTGTAAATT AAGGGACGTT TGTITGAATA 60
 AAGTTATTTG ATGGGGTCAA AGAAGCCATA TGTGATTTGA 100

配列番号： 3589
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04182
 配列：
 GATCCTCTCC TTAGTCTTAG CTCATGGGGC TCTTTATAAA GGAGTTGGGG GGTAGAGCCA 60
 GNAAAATNGG AACCGAGCTG AANGCAGAGG CTCAGTTAGG 100

【0745】

【配列表655】

配列番号： 3590

配列の長さ：99

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04183

配列：

GATCTGCACT GCTTCACTGG AAATAATTTA TTCATTGCAG ATACTTTTAA GGTGGCATT 60
NATTCATTTC CTGTGCTTTA AATAAACAAA TGTACCAAA 99

配列番号： 3591

配列の長さ：97

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04184

配列：

GATCACCCTG GGCACATGTT GTCAGGACCT CCTGGGGTTG TGTGATGGAT GCGTGTCTC 60
AACCTTAGCA AAATAAACTT TCTAAATTAC TGAGAAA 97

配列番号： 3592

配列の長さ：95

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04186

配列：

GATCTTCAGT GTGTCTGCAT AAGCTAACTT AAGATGAATT TAAGTACANN TTTCTGAAAT 60
ATTTCTATTG AAATAAATTA CTAAAATTA NHAAT 95

配列番号： 3593

配列の長さ：94

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04187

配列：

GATCTTTGTG AATTCTATGA ATGTATTAAG TTATCATATG TACTCCCCAA AATAGGTACA 60
TCTATTATGT ATCAATAAAA AANTTTAAAA CAAA 94

配列番号： 3594

配列の長さ：93

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04188

配列：

GATCCCTTGA GCCGAGGAGG TTGAGGCTGC AGTGAGCTAT GGTCACACCA CTGCACTCCA 60
GCNTTGGTTA TNATGCAAGA CCCTGTTTAC AAA 93

【0746】

【配列表656】

配列番号: 3595
 配列の長さ: 89
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04189
 配列:
 GATCGCACAC CTTTGCAACA GATGTGTCT GATTCTCTGA ACCTACAAAA TAGTTATACA 60
 TAGTGGAAATA AAGAAGGTAA ACCATCAAA 89

配列番号: 3596
 配列の長さ: 90
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04190
 配列:
 GATCAGTGTCT TCTAGTCCTA CCCAGTTTTA AAGTTCATGG TAAGATTGGA CCTCATCTCC 60
 CTCAAATAAA TTTATTGGTG ATTTTNGAAA 90

配列番号: 3597
 配列の長さ: 87
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04191
 配列:
 GATCCGCCAG GTGCGGGCGC TACTGCAGGC ACAGCAGGCC TAGGTCTCTCC CACACCTGCC 60
 CCCTAATAAA GTGGGCGCGA GAGGAAA 87

配列番号: 3598
 配列の長さ: 87
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04192
 配列:
 GATCCACCCA CACCTAAGTC ACAGAATTTT TAAGTTCCTC AACTACTCTC ACACCCNTTT 60
 AAAGATAAAG TATGTGTGTA CCAGAAA 87

配列番号: 3599
 配列の長さ: 83
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04193
 配列:
 GATCAAACTG AATGAAACCC CCACACACAC ACACATGCAT ACACACACAC ACACAGCCAC 60
 ACACACAGAA AATATACTGT AAA 83

配列番号: 3600
 配列の長さ: 83
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04194
 配列:
 GATCCCTATT CTGCGTGTAT GTGTTTGCAC ATGAGTGTTT GTAGACCATA GACCATTAAA 60
 AAATACGGAA TTCAAAAGTT AAA 83

【0747】

【配列表657】

配列番号: 3601

配列の長さ: 80

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04195

配列:

GATCTATGAA TGTTTTCTT AAAATTTACA AAGCTTTGTA AATTAGATTA TCTATAATAA 60
AATGCCATTT GTGCAAGAAA 80

配列番号: 3602

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04196

配列:

GATCACATAA AGGCAAGAGG ATACTTCATG AATAATACAT TTNAATGCAA ATAAACAGAT 60
GGTTCAC TTC TAGCTAT NNCCCTGTCT TNNTATACAC 100

配列番号: 3603

配列の長さ: 74

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04197

配列:

GATCTATGTC TGTTGGTGGC AATGTGAGGG TGATACTCTC TCACTCTAAT AAACCTGGCA 60
CTTCTCCGAG TAAA 74

配列番号: 3604

配列の長さ: 74

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04198

配列:

GATCCTGTAT GTGTGTTGAG ATTTAGAGGT TTCATTTATN TTGCTGCTA ANAAATTGTT 60
ACTCTAATAA TAAA 74

配列番号: 3605

配列の長さ: 71

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04199

配列:

GATCACTGTA TAGACTGTTA AATTTGATTT CTTATTACCN ATTGTTAAAT AAACCTGTGTG 60
AGACAGACAA A 71

【0748】

【配列表658】

配列番号: 3606
 配列の長さ: 71
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04200
 配列:
 GATCTATTTT TCTGTCTACT TTGGANATGA TTGCATAATA AATAAAATTT TACTGTITTT 60
 TTAAGGAA A 71

配列番号: 3607
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04201
 配列:
 GATCTAAAGA TGTITAGGGA AGAGCTCGAC TAAAGAACAA TGAAATAAAN GGTCCAAGGG 60
 GAAGTCAA 69

配列番号: 3608
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04202
 配列:
 GATCAAAAAT GTAAGTCTAT TGGTAGAGAT TAAGTAAAGT ATTTATTGCT ACATCATAGT 60
 TGAAA 65

配列番号: 3609
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04203
 配列:
 GATCTGIGTT GCATTTCAA ATAACTGGT GTGTGCTCTG CCTGGNTTGG AAATACCTAA 60
 AAAAX 65

配列番号: 3610
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04204
 配列:
 GATCTCAGCC CAGGACGCA AGCAAGCAGG TCTTGTGAGC AAGATTTGTC CTGTTGAGAC 60
 ACTGGTGGA GAAGCCATCC AGTGTGCAGA AAAANTTCCC 100

配列番号: 3611
 配列の長さ: 64
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04205
 配列:
 GATCCAAATA AAGGTAGCTG CTGACCACTG CCTGGTTTGT TTTGTGGACT AGGGGATAGA 60
 GAAX 64

【0749】

【配列表659】

配列番号: 3612

配列の長さ: 64

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04206

配列:

GATCTCTCTA CAAGAGCCCC TGCCCTCTG TTGGAGGCAC AGTTTTAGAA TAAGGAGGAG 60
GAGX 64

配列番号: 3613

配列の長さ: 64

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04207

配列:

GATCCTTTGC GTGACAGTCT TGTATGAAA ACAGATGCTG ACAGAATTGT AGACTACCAT 60
NCCX 64

配列番号: 3614

配列の長さ: 63

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04210

配列:

GATCTCGCCT TGTTTCTTAC AAGCAACCA GGGTCCCTTC TTGGCACGTA ACATGTACGT 60
ATX 63

配列番号: 3615

配列の長さ: 63

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04211

配列:

GATCTTTGCG AATTACAATG CATATATGTC TATTTATTCA ATATCTGTCA TATAATANCT 60
ATX 63

配列番号: 3616

配列の長さ: 61

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04212

配列:

GATCGCGCCA CTGCACTAAA GCCTGGGTGA CCGANCGAGA CTCTGTCTCT AAAAATAAAA 60
X 61

配列番号: 3617

配列の長さ: 58

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04213

配列:

GATCTTAAGA AAACCTCATA CTGTATGAAT AAGAAAATAA AATATTTAAA ACTTGAAA 58

【0750】

【配列表660】

配列番号： 3618
 配列の長さ： 58
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04214
 配列：
 GATCGCCAAG TTCAAAGCTG TGCACATGTG GACACTCAAT AAATNTTCAT TGGTGAAA 58

配列番号： 3619
 配列の長さ： 56
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04215
 配列：
 GATCCAAAAA GAGTCGACCN GCATTNTTTA TATTA AAAAT AAAGTCAAGA TTAAAA 56

配列番号： 3620
 配列の長さ： 52
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04216
 配列：
 GATCITTGTT AATGTCTTGA TTCTGTTGCG AAAGCACAGA CTAGTGCTTA AA 52

配列番号： 3621
 配列の長さ： 52
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04218
 配列：
 GATCGCACCA CTGAGCTCCA GCCTGGGCAG CTGNATGAGA CTNCATCTCA AA 52

配列番号： 3622
 配列の長さ： 51
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04219
 配列：
 GATCTGGAGG GACACACAGG AGACACCTGG CATAACCAAA AAATGATTAA A 51

配列番号： 3623
 配列の長さ： 51
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04220
 配列：
 GATCGAAAAC ATATAGANAA AATAAAATGT GTGGTTGCAC CTGTACTGAA A 51

【0751】

【配列表661】

配列番号：3624

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04247

配列：

GATCTAGAGG AGGATTTGCA GGAAGAGCTC GTGGAAGAGG TGGTGACCAN CAGAGTGGTT 60
ATGGGAAGNT ATCCAGGCGA GGTGGTCATC AAAATAGCTA 100

配列番号：3625

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04248

配列：

GATCTATAAA TCAAGAAAAT CCATTGTCAT AACCATTTTT AAAAGTCAAT AATTAAGACA 60
TCCTTAATTA AAAAGTTTCA AATCTAGACA CTAAATGTGT 100

配列番号：3626

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04249

配列：

GATCTGTTGT TTGTTTTAA GGTGGTGTC TGTTAACTTC CAGCAGGATG CAGAATCTAA 60
CTGGTAAACC TATAAATTGG TCAAATTTNA CCCATGTTGT 100

配列番号：3627

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04250

配列：

GATCTGCTAG TTCCAGGCCT CTAAGACAGG AACGTATGTG CCATAAGTGN GTCTACTTCA 60
CAGACTCAAT GAGGCAGAAA TTATTGTAGT TTTCTCCTAT 100

配列番号：3628

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04252

配列：

GATCCGACAC AGAGAACAGG AGGNACTAGA GCGACANAN AGNAGGGCTT TAAGCCAAAC 60
TACATGGAAA ATGGTGATAA AAGAAAATNT GGCTGAAGTT 100

配列番号：3629

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04253

配列：

GATCCATGAA TTAACAGAGG CATATATTTA AAATGAAATT TAATGAGCAC TTAGTGACTT 60
CATTTGTTCA AGAATATTTG ATTTCTTATT GTGTGCATGG 100

【0752】

【配列表662】

配列番号: 3630

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04256

配列:

GATCTTACTT CGTTGACCCA TATTTTCCC CTGACCAAGT TACCTGTAAA CTGGAATTG 60
CAAGGGGATG CTGTGATGAT AACCCCTTC TATTGCTGTA 100

配列番号: 3631

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04257

配列:

GATCTGCCCCG CCTTGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG ACATGAGCCA CCACGCTTGG 60
CCGGGATAGT ATATTTTAT AGCACTTCCC CTACTGATTG 100

配列番号: 3632

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04258

配列:

GATCCGCCCCA CCTCCGCCTC CCAAATTGCN GGGATTACAG NCCTNAGCCA TNCCCACCCG 60
GCCAATAAAA ATTTTTTTAA AGCTAAAATT GACTCTCATG 100

配列番号: 3633

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04259

配列:

GATCCTAAGG GGTTCAGGGG GACCCTACCC CCACCTCAGG TTGGGCTTCC NTGGCCACTC 60
ATGCTCCACA CCAAAGCAGG ACACGCCATT TTCCACTGAC 100

配列番号: 3634

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04261

配列:

GATCCGACCG CGTGNTGCCG CTCTGCTCTC TCATACGCGT GTATGTTTGG TTCCATGTCA 60
CAGCCCCCTA GGAGCCAGTN ATGCTCGGCC TTGCGCCCGT 100

【0753】

【配列表663】

配列番号: 3635

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04264

配列:

GATCCCTTTG GGGCATGAAG TGTGACAAGT GTGGGCTCCT GAAAGGANTG TNCAGAGAA 60
ACCAGCTAAA TCATGACACC TTCAATTTGC CATCATGACC 100

配列番号: 3636

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04265

配列:

GATCCTAGAC CAGCATGCCA GTGTGCCAAG GCCACAGGGA AAGCGAGTGG TTGGTAAAAA 60
TCCGTGAGGT CGGCAATATG TTGTTTTTCT GGAACCTTACT 100

配列番号: 3637

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04266

配列:

GATCTAAATA TATATTTTGT ATATTATAAT ATTTTAGGAA TAGCTTAATT AAGANCTCAC 60
AGACTTTGAC AAAGTGGTAA CTAGACTTTT AATTACTAGA 100

配列番号: 3638

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04267

配列:

GATCTGAACT CCTTATACAT AAGAAGGTGT GSTATATTAAT CCAATTATGG ACTTAAATA 60
TTTTAAAAGT ATAAATACCC TTATTGCTG CAAAGACCAG 100

配列番号: 3639

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04268

配列:

GATCCCATTA TATAGTATGT ATAGCTGAAA TCTGTAATTC AATCACTTTT TCTCTTTTAT 60
CCTCTAACCA AAAAATTGTT TAATTTTGCA TCCCAAATGT 100

配列番号: 3640

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04269

配列:

GATCCCTGCT CAAGCAGCAC AGAGGAAGGG GCAAGACGTG GCCTGTAGGC ACTGTNTCAG 60
CCTGCAGAGA AGAAAGTNAG GCCGGGAGCN TGAGCCTGGG 100

【0754】

【配列表664】

配列番号: 3641

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04270

配列:

GATCGGCCCA GCTCCTGAAC TGTGAGGAGG CCATTTCATAT GGCATTTCCTG GAACAAAACA 60
CTGCACAGGT ACCAGCCTCT CCACTCCTGA CCGGGTTGGT 100

配列番号: 3642

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04271

配列:

GATCTGAAGC CTTCCATAAA TNAGAGGCCA TTCATATGGC ATTCTTGGA CAAAACACTG 60
CACAGGTACC AGCCTCTCCA CTCCTGACCG GGTGGTGGT 100

配列番号: 3643

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04272

配列:

GATCCAGGAT GTACTTGGAT GAGGAGGCCT GGCTTATCTA GGAAGTCGTG TCTGGGGTGC 60
TTATTGCTGC TCCATACAGC TGTACGTCAG CCCCTTGGCC 100

配列番号: 3644

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04273

配列:

GATCCAGATN CTTTCGGATG TCAGGGATAT TCACATTGAC ATGTCTNNNN AGTGTTCAG 60
GAGATTTTAG TTTGAATAGT ACAATTTTTT CTTCTTACAA 100

配列番号: 3645

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04274

配列:

GATCTACAGC AGCTGCATCG AGGACTCCCA CAGAGGTGCT ATAGGGCTGC GCATTGCACT 60
GGCCATCTCA GCTATAGCCG TCTTCCTGGT CTTGGTGTCT 100

【0755】

【配列表665】

配列番号: 3646
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04275
 配列:
 GATCCCCCT GACAGACACC AAAGCTGTGA ACAGAANGAC TGCCTGGCCN AGTAAACCTT 60
 GGGACATCAG CCTGGCCCAG CCTGAAAGCA TCCGCAGTGA 100

配列番号: 3647
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04276
 配列:
 GATCAGAATT AAAC TAGTAC TATGAAATGT CCTTTTGAAT GTNAGGTCAA GAAATCCATG 60
 TACAGAGTCG TGCATTTCAT TGGCTGTAAC TGTCAAACTT 100

配列番号: 3648
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04278
 配列:
 GATCTCCAGT NGGCCTTTGC AGGCCCCGCC TCCTGCCTCT NGAAGGCCA NCACGGGGCC 60
 GGCCTCGGCC TCGGCCTCAC AGCAGACTCT CCACGCCCAG 100

配列番号: 3649
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04279
 配列:
 GATCTTTATT AAGACAGTGG AAAGTATACT ATTAAGTCAT CATAGTCTTT TGCAGACTTG 60
 TCAAANACAG CAATNAGAAA ATAAGACCTA GCATACCGTG 100

配列番号: 3650
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04280
 配列:
 GATCAGAGGA GGAGTGTGAG TGTCTCATA CTCACAGCAA AAGGAGGGAA TTCAGGAGAG 60
 GATTGAAGAA GCGGTTCTG TTTTAAAGGC ATTTGCAATC 100

配列番号: 3651
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04281
 配列:
 GATCGACCTG TCATGTTTTT AAGGTTATCC AGGCTGTATA TCTCTGGAAN AGAAGGGAAT 60
 GGCAAAGAGT GGGAGTCTGA GTCAAGTTG GTTTTGTGTTT 100

【0756】

【配列表666】

配列番号: 3652
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04282
 配列:
 GATCATGGAA CCCCTCTTCC GGCAGTTGGC CAAATGTGTC TCCAGCCCAT ACTTCCAGGT 60
 GGCAGAGCGA GCTCTCTATT ACTGGAATAA TGAATACATC 100

配列番号: 3653
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04284
 配列:
 GATCTGCCAC ATGTTTGAGG GTTGCAGAGC CCGCTGTGGA GGTAAAGATTG GAAACACATG 60
 NAGCAGAGGG AAGACATTGA AGAAAACATC TCINCTGGA 100

配列番号: 3654
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04285
 配列:
 GATCCAGCCA GTATAGAACT AGCTCTGTAG GGGTCAGGAG GACTNTGCTA TGTATCATCC 60
 TNGATTGINT TCCTTCAAGG AGCATTGCAC TTGCCTTCCC 100

配列番号: 3655
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04286
 配列:
 GATCAGAGGG GAAACAAACG CCAAGGGGTT GGAATGGGT CGGCATCTGG AGTCTGAGAC 60
 AGCTGCCCTC CTGCGTCAAG GGCTGGGGGC CTCAGCTTCC 100

配列番号: 3656
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04287
 配列:
 GATCCCTGTA TGCNGCCAAG GATGGGACTT CCAGCTAATG AATTTGTACA TGCAGCCAAA 60
 TTTACAGGAA TTTTTTAAA AGGCAGAAAA ACTTGAATA 100

配列番号: 3657
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04288
 配列:
 GATCCCACTG ATTGGCCAGC CGAGCGAGAA CCAGGCTGCT GCATGCCACT GACCGCCGCT 60
 TCCAGCTTCC TCTNAGCCGC AGGGCTGCH ACGCGGGCAA 100

【0757】

【配列表667】

配列番号： 3658

配列の長さ： 73

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04289

配列：

GATCTGGCCA TTTGGTACAT AATCCAGCAC AGATAAGCTG GGTGGTAATG ATAATAAAAA 60
TGGTTTTCTC AAA 73

配列番号： 3659

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04290

配列：

GATCACCTGG GTTTCTTTAT TTATCGACTG TGTCATGACA AGGAAACTTA CAAACTGCAA 60
CGCAGAGAAA CTATTAAAGG TATTCAGAAA CGTGAAGCCA 100

配列番号： 3660

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04291

配列：

GATCCTGTGA ACCGTTACTT TGCCTAAATC ACTTGAGACT TGAGTNTTTA ATAACAAAGC 60
ATCAATATTC ACTAAAGTCA ATCTNTTTTN ANTTTCTGTN 100

配列番号： 3661

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04292

配列：

GATCCTTTCC CTGGATACAT AACCCCTAGTA GATAATGTGA CTGCAAGATG TAATGNCCAA 60
ATCCAACCTA CTGCAAATNT TACTATGGAA ATCTCAATGC 100

配列番号： 3662

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04293

配列：

GATCTGTTGT ATGTAATAAG TAACACAGAG TTTTAAAACA AATTAATTAT TTAGCTTTAT 60
TGAAGTTTGT NTTTTNCCTT CCGAACCTGG AGTATCATAT 100

【0758】

【配列表668】

配列番号: 3663

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04294

配列:
GATCCAAGAG TTTAGTGATT TCAAAAGCCT TGGTCTCAGG AGAAGATTAA ACTTTCATAT 60
TGGGCAGTGG TTCACTTTAA AACACACACA TACACACACA 100

配列番号: 3664

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04295

配列:
GATCGGAATT TCCACCAATC AGCGGGAAGC CTCGGCCCTG TAACTGCTAA TGGGAGACAG 60
CAGCGCCACG CCACAGGCTT TTCCCCTGGT TTCGGGAGGG 100

配列番号: 3665

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04296

配列:
GATCCAGTCA ATACATGCAG ACCAGTAAAA TCTGATTGTG GCAGAGTTCT CCATCTGACT 60
CTCACTTATT TCTGTAGATA TATACATATA TAAATACAAG 100

配列番号: 3666

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04297

配列:
GATCCAGTCT AGGCCCGTAT GTTGCAATTT GCTGTCTATG CTTCITAGTC TCCATCNCAT 60
CTCAGTGGTC TTTTCITTTT CATGACTGTG ACAGAAATGA 100

配列番号: 3667

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04298

配列:
GATCTGGAGC ACAAGGAACT CCCATACATT CCTAGTGGGA ATGCCTAATG TTACAGTCTG 60
GAAGACATTT TGGCAATTNC TTAACCAAGC TCTTCTTACC 100

配列番号: 3668

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04299

配列:
GATCGGGATT AATATTAGTG CATTTTAAAC AACTTAAAA GTTTTACAAN TGTATTTGTG 60
TATTTCCTGT TTTGGTGCCT GTTTTATAGA AGATGATTGA 100

【0759】

【配列表669】

配列番号： 3669

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04300

配列：

GATCATAGAA GAAGAANCCA GTAATTGANC AAATCCTATT TAATGACATC CTTGTAGCAT 60
AGATGGTCTA TAATGCTGAC CACAGATTTC TTAGAAATGC 100

配列番号： 3670

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04302

配列：

GATCCTGAGG CTTTGGCTGA AATTCTGCTT GAAACTTGTA AATCAATCAC ATATTCTTTA 60
GAAAATAAGA CCTACTCATC TGTGAGAACA GAAGCTTTAT 100

配列番号： 3671

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04303

配列：

GATCCTTCTC CTTCCCTGGG ATACAGCACC TCCACCCTGC CAGGCCACCC NTGTAAAGGC 60
AGCCAATTCA GAGCCACCTC TTATGCCTGC ATCTCCCCCA 100

配列番号： 3672

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04304

配列：

GATCTACACG CGGCTGGCCA CCATCTACCA CAACTNCCTC CTGGACCGTG AGAAGTCGCT 60
CTTNTTCTAC CAGAAGGCCA GGACCTTCGC CACAGAGCTC 100

配列番号： 3673

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04305

配列：

GATCTATGCA ATTTTAAAC TAGTAATGGG CCAATTAAAA TATATATAAA TATATATNTT 60
NCAACCAGCA TTTTACTACT TGTTACCTTT CCCATGCTGA 100

【0760】

【配列表670】

配列番号: 3674
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04306
 配列:
 GATCTGAATT CTAAAGCGTC TTTCATTGTT TACTTTTAGG ATGAGGAAGT ACAGACAATT 60
 GGTCAGATAG AACTGTGCCT CACTAAGCAA GACCAGCAGC 100

配列番号: 3675
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04307
 配列:
 GATCCTTGGG TTGTAAAGAG AGTAGAAACC CTAGGNAGCA GTGCTTTTGG GTCCTAGAAC 60
 CTGTTGAGTT TCTAATGAAT ATTTGTAGAA TCTNATAAAA 100

配列番号: 3676
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04308
 配列:
 GATCAGGACC AACCTGGAAG ATGCCAGATT TGGCTATGCT TTTTAANACA TTNATTGGAA 60
 CAGCTCACCA ACCCCTGAAG GGGCCGTAA GCGTGCTTAG 100

配列番号: 3677
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04309
 配列:
 GATCTAATGC AGAACTTATC AGATATTGTA AAAATCAGTG TGGGAGGTAT TCAGTCAAAA 60
 GTCAGAAGGA AATGTATTAT CGTTATAATT TCAAACCTTA 100

配列番号: 3678
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04310
 配列:
 GATCCAAGAA GAACTAGAAA AAAAGTTGTT TGCAGGCTTG CAACCTCTCA NAAATTTTAA 60
 GGCTAGCTCT TCAACTATGT CTTNAAAAA GAATATGTCT 100

配列番号: 3679
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04311
 配列:
 GATCCGTGCC CGCNTCCAGG AGAAGTTGTC ACCTCCCTAC AGCTCCCCAC AGGAGTTTGC 60
 CCAGGATGTC GGCCGCATGT TCAAGCAATT CAACAAGTTA 100

【0761】

【配列表 671】

配列番号： 3680

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04312

配列：

GATCATAACT GAACCAGAAT TTGGATTATA GANGTGCACT TCCTAGCTGT TTTTATTTA 60
GGTATAGGAA CACACAATGA GAACCTTATG TTTAGAATGT 100

配列番号： 3681

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04313

配列：

GATCTTAAAA GTGGAAAGCA GAAAAAATAC TGTTCCTGA AATTNAAAAG TTTTGGCAGT 60
GCCAGCAGG CCCTCAACAT TCTCACAGGC AAGGACTGGA 100

配列番号： 3682

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04314

配列：

GATCCCCAGA GAGGTGGCCC TGGACCTGGA GTCAGGAGGC GGTGTCCAGA AGAGTCGCTC 60
ATCAACCCCG GGTTCAGAG TAAGAAACCA GCTGGTGGCG 100

配列番号： 3683

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04315

配列：

GATCCCCTGA GCAAGTCAGA AGTTACTCTC ATCAGTCGTT CATGGTCACA ACCTGAGGTA 60
CTCTGCTGAG TGGGCAAGGC TGAAGAAGAG GCCTGTGGAA 100

配列番号： 3684

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04316

配列：

GATCTGTATT GATATTTGAT AGTGAAAATG TTTATTCAAT TTTTCCCCAA AATGTATTTG 60
TTCCTCTTAC TTGTTTATTC AGCTGTGGTG ACTTCAAAT 100

【0762】

【配列表 672】

配列番号: 3685

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04317

配列:

GATCTGCGGT GGGCCAAGAG TATCCAGGGA GAAACCTGTC CCTGGCAGGG CTGGAGCAGG 60
GACACTCCAG GCCCAGCTGA GGCTTCCTGC TCTGCATGGC 100

配列番号: 3686

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04318

配列:

GATCTGAAAG ATTACATTTA GAACATTTAG TACTATTACA CTCACAGAAA CTGTNGTAAA 60
AAGTCACATT TTCAAAACTT CATGCATATT GTATTCTTGT 100

配列番号: 3687

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04319

配列:

GATCCTCTCA GAGTGCCAGG CATCCCCCCC GNACCAGCAG AGGCTCATCT TTATNAGGCA 60
AGCAGCTGGA AGATGCCCGC ACTCTTTNTG ACTACAACAT 100

配列番号: 3688

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04320

配列:

GATCTGAAAA ATGAAGTTTG GTATCAAAAA NGTCATGACC CTGTATGTAA AGCAGAAAAAC 60
TTCAAACTCTG ACTGTTTCCC ATTACCTGCT GAAGTATGTC 100

配列番号: 3689

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04321

配列:

GATCACTAAT GGTCAAGTGG AACAAGCACT ACACCGACTAA CCCCTATTGG GGTTTTTAAC 60
TTAAGGGAGG CTAATTTTAA ATTTAAACTG CTCGAGATAT 100

配列番号: 3690

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04322

配列:

GATCTTTCTG GCTCCACTCA GTGTCTAAGG CACCCTGCTT CCTTTGCTTG CATCCCACAG 60
ACTATTTCCC TCATCCTATT TACTGCAGCA AATCTCTCCT 100

【0763】

【配列表673】

配列番号： 3691

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04323

配列：

GATCTCTGAA AGCTCAAATG GATGGAATTT AGTTTGCGGG AAAGAGGCTT TGCTTTGCGC 60
ATATCAGGCT TAGGACTGTG GGAGGCTTAA GAAGCAGATG 100

配列番号： 3692

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04324

配列：

GATCATCTCT ATATCTAATT TGTATTATNA CTAATCTTAT TCCAACATT TNCCTTATNA 60
TACTGAAACA GTTTGTNCCT TCAGTCTCTG CTTCGGCTAC 100

配列番号： 3693

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04325

配列：

GATCAAGAGG CCACCAGTTG TACTTCAGCA CCAATGTGTC TTACTTTATA GAAATGTTGT 60
TAATGTATTA ATGATGTTAT TAAATACTGT NCAAGAAGAA 100

配列番号： 3694

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04326

配列：

GATCTATAGT ATTTTAATGT GCATCTACTT TAAATNAGTC ATCTTGGGGT TTNATAATT 60
CCCTTATGTT CTTGCCCTC TACACTTGAA ATAACAAAT 100

配列番号： 3695

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04327

配列：

GATCAAGGAT GCAACCTCAG GTTGAGAAAG AAACAGGGTT CCCTGGGCCC ATTAGACTGT 60
TTGCAGGGCA TCACTGCTTC CCCCTGACAC CTCACAATA 100

【0764】

【配列表674】

配列番号: 3696
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04328
配列:
GATCTAAAGG CTCTGGNTTT GCCITCTTTC AGTCTGACAC TGAATAACAA CCTCGACAAG 60
GTGGGCATAT ACCTGGATTA TGAAGGAGGA CAGTTGTCCT 100

配列番号: 3697
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04329
配列:
GATCCCAAAA GCTGTTTTNA GGTATAAGGA CAAGGAGAGG AGACAAGTGA CGACAGCCAT 60
TCCCCTTTGC AGCTATCTAC TGTAGTGACA GCCATTTCTT 100

配列番号: 3698
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04330
配列:
GATCTATCCC TGTCTCACTG AAAGCCCCCTG TGTAGTGTCT GTGTTGTTTT CCCTTGACCC 60
TGGNNTTICC TATCCTCCCA AAGACTCAGC TCCCCTGTTA 100

配列番号: 3699
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04331
配列:
GATCAACCCC TGACCTAATC GGTATGTTA TCTACAGATT ACAGACATTG TATAGAAATG 60
CACTGTGAAA ATCCCTATCC TGTGTTGTTT TAATCTAACT 100

配列番号: 3700
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04332
配列:
GATCACAAAA ATGGAACCCC CTGTTTCATG CTCTACAGT CCAGCCAGCC AATCTGAAGA 60
TGTCAATCTT ATAAAAAGT ATGACCAAAT GGCTATCTNC 100

配列番号: 3701
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04333
配列:
GATCTCTGTG TTTGCAGTCA AAGGGCGGCT CACACATGGT CAAGTATTAT AAATNTCCTG 60
TGTATCTNAC AATGGAATCT ATTCTACAAT TTTAAGTATA 100

【0765】

【配列表675】

配列番号： 3702

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04334

配列：

GATCTGAGGT GATATGTTCT GAATGTAAGC ACCGTCAACA TCAGACACCT ACTCATGGAC 60
ATGTGGTTGC CGGATTTTCT TAAGATGTTT CCAGAAATGA 100

配列番号： 3703

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04335

配列：

GATCACTGTG CAGTGGGACC ACCCTCACTG GCCTTCTGCA GCAGGGTTCT GGGATGTTTT 60
CAGTGGTCAA AATACTCTGT TTAGAGCAAG GGCTCAGAAC 100

配列番号： 3704

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04336

配列：

GATCANAGAN TNACAACTGT TCATTATAGT GGTGCCTTAG GCAATCTTTN CAAAGTAAAT 60
TCAGGGCCCC ATTGCTACTT ATGCCATATT TGGACATACT 100

配列番号： 3705

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04337

配列：

GATCTTTCTT TACTTGATGT GTCCTTCTNT TCGCAGATTG ATAACAGAGC TGTGCTAGAA 60
CTGAATGCAA GCTTTCCAAA ANTNTTCATA AAAAAAGCT 100

配列番号： 3706

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04339

配列：

GATCTCCGCA GTCTTCAGCG CATTGGCCCG AAGAAGGCCG AGCTAATCGT GGGCTGGCCG 60
GAGCTCCACG GCCCCTTCAG CCAGGTGGAG GACCTGGAAC 100

【0766】

【配列表676】

配列番号: 3707
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04340
 配列:
 GATCAGGCCA GTAGGTTGTG AATGCAGGCT GGAGCCCCCG AATGCCCCAN NCACACTGCA 60
 GCATTGACCA GACCATCCGA AACCTGCGTC CCTGGTGATG 100

配列番号: 3708
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04341
 配列:
 GATCTACTTT CAGGATTATT TTTTGTNTT GAACGTGACA GTNTGGATGA GGCAAGTNAG 60
 TTAGATGCT GCGACCTGC GAGAAGCAAT AGCTAGTGAA 100

配列番号: 3709
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04342
 配列:
 GATCTCCTTC AGTNGTCTAC CCACTTCCGT CATTGTCTC CGCTAGAATA ACACAGTAGT 60
 TGGTAGTCAT GCCAGAAGG GGGGTGGGG CAGTGTGAGG 100

配列番号: 3710
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04343
 配列:
 GATCTCAGCT CACTGCAACC TTCACCTCCC GGGAGCATGC TGCTCTATCT TTTTTTNCAG 60
 ATGTTTGAGC TATTCCAGGT TTTTGGGAT TTCTGTTGNT 100

配列番号: 3711
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04344
 配列:
 GATCCTCAGT GCAAAATGTC TTGTGTANTT NTNTGTGAAT CCATGGGTCT GGCTAGAGGG 60
 CCCAAAGCTT GTAAATATGG GGATAGTCTG GGTGAGACCC 100

配列番号: 3712
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04345
 配列:
 GATCTAAATG TGAACAGTNT ACTAATGCAC TACTGAAGTT TAAATCTNTN GCACAATCAA 60
 TGTAAGCATG GGGTTTCTTT CTCTAAATTG ATTTCTAATC 100

【0767】

【配列表677】

配列番号： 3713

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04346

配列：

GATCTAAAAA GCTGAATAGC ATGTNAGTTA CTTGGTTTCA ACTTGAGTTT NCTTTTAATG 60
TTAATAAGAT TGAAACTTTA GTATTTAGTG GGAATGGAA 100

配列番号： 3714

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04347

配列：

GATCCCAGAC CTGTNGTCTC TCCCACCCCC TCCCCAAAGC CACTGGAAGG AGCACATACT 60
ACCTAGAAGT AAGANGNNGA GCCTCAGAAG AAAACAAAGT 100

配列番号： 3715

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04348

配列：

GATCTCAGAT AACTCAGTAC AGATAGCAAT TAGTCAGCTG ATTTGATTAC AATGGAGTAA 60
CCGACAATAT ATTTATTTAT AAAGCACATA TTCATAATAA 100

配列番号： 3716

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04349

配列：

GATCCTGGTT GGAAGGATGG GGACTCTCTC AAGGGGCTTT GGAAGAGCTC TTCTAGCCCT 60
TTATAAAAGG AGGGCAGCAG CTGAGACTGA TGAGAGGAGG 100

配列番号： 3717

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04351

配列：

GATCCTATTT TNATGAAATG TCCAGAACAG GCAAATCCAC AGAGACAGAA ACTAGACGAA 60
TGTTGCCTG AGGGTGAGGG GAAACAGGGA GTGACTGATG 100

【0768】

【配列表678】

配列番号: 3718
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04352
 配列:
 GATCCACTCC GCCATCGATG CATCCCAGAC CCCCAGATGC GTGTTCCGAA GCATCCTAGC 60
 AGCCTTCTCC AAAGCCACAT GTAAAGACTT GGTATGTTT 100

配列番号: 3719
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04353
 配列:
 GATCTCAAAA CCACTATTTT TATTATTTC TTTTTCATTA GAGGCTTAA AATTCTGGAT 60
 AAGAGAATGG AGGAAAATAC TCANCGGTAC TTCATTATT 100

配列番号: 3720
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04354
 配列:
 GATCTNTCCA CGGTAGCACT TGNCTTTTC GACGCTTAAC CTTTCCGCTG TCGCCCCAGG 60
 CCCTCCCTGA CTCCCTGTGG GGGTGGCCAT CCCTGGGCCC 100

配列番号: 3721
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04355
 配列:
 GATCAGCACT GCACTNTTAG CTGAGAGTGC GGGCAAGACA TAAACTGTCC AGAGTTTAA 60
 GNTTCTNGGA AAGACCGGAG GGCTTCTCCC CACAGAAGGC 100

配列番号: 3722
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04356
 配列:
 GATCACAGGT GATTACACG TACACACATA AACACACCCA CCAGTGCAGC CTGAAGTAAC 60
 TCCCACAGAA ACCATCATCG TCTTGTACA TCGTATGTAC 100

配列番号: 3723
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04357
 配列:
 GATCCATCCT TTATCAGGAA GTCTGAAGCG ACTATAAAGG TTTTINANTT CAGATTTAA 60
 AACCAACTTA TAAAGCATTG CAACAAGGTT ACCTCTATTT 100

【0769】

【配列表679】

配列番号：3724

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04358

配列：

GATCCGTGTT CTCCATTTAT TAATGCATTG TAGACCAATT TAACTGCTGT GTTTCAGGAA 60
AATTCTTCCT AGTTTAATAA GCAAGCTAAA AGTTTTATT 100

配列番号：3725

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04359

配列：

GATCCATCTG AACTATGAAG TGAGTACCTG GAGGAACCTC TACATTTAAG GCTTTCAAAG 60
GTTACAGGCT TTTCGTGTGT GTGTGTGTGT GTGTGTGTGT 100

配列番号：3726

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04360

配列：

GATCTGGAGT TGAGAGCCAT GGGTTTGGAC ATGACTGGCA CAAACAGCTG TCATATGTTT 60
ATGGTCAGAT GTCATACATT CTCAGCTGTC TTGTTCCACC 100

配列番号：3727

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04361

配列：

GATCATCAAC AAGATTTCTT TGTGCAAAT ATTTGACTAT NCTGTATCTT TNATCCTTGA 60
CTAAATTCGT GATTTTAAAG CAGCATCTTC TGGTTTAAAC 100

配列番号：3728

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04362

配列：

GATCAAAATT GAACCATTGT ACAGTTTGGN TTCTGTTTGC TTCAAAATAT GTAGAATTGT 60
GGTTGATGAT TAATTTGCGA GACTAACTTT GAGAGTGTAA 100

【0770】

【配列表680】

配列番号: 3729
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04363
 配列:
 GATCGCTACC CACCTTCCTT CCATGGTTCC CACCCTCCAC GTTATTTTCC CTTTCTGCAG 60
 CGGTTGCACT ACAGGTAGCT ACTGTGTATT ATGGACAAAT 100

配列番号: 3730
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04364
 配列:
 GATCCTCATC CAATTGGTGT TTTTCAGAAG TTTTCCAATA TTATGAATTC TGTGTTGTGG 60
 AGAAAAGCAA CCATGCATTT ACTGGTCAAT GCCTTCTGT 100

配列番号: 3731
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04365
 配列:
 GATCTATGAA AATNTGTTTT GACCAAACIT AGTATTAGGC AGGTACACAG ATAAGATTTT 60
 CCATTCTNAA CATTCTCACT GTAATGCACG ACATTTGANG 100

配列番号: 3732
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04366
 配列:
 GATCCTGAGA GCTTTGAGAG GGTGTTGCCA GTTTTAAGCT GAGATGGCCC ATTTGGAGCC 60
 TTACAGAACT AGACCAGAAG ACATTTGTGG ATAAATCTGA 100

配列番号: 3733
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04368
 配列:
 GATCTGGGCA GAATCCGCCA AGCGGCTGGG CCCAGGCTGT GGCATGATGN ACGGAGNAAN 60
 GAAGCACCTG GACTTCTAGG GATTCTCCT TAGTCGCTGC 100

配列番号: 3734
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04369
 配列:
 GATCGTATTC NTNATAAACT ATTACCAGTA CAGTAGCTAG TAGATATNNT GTGACTGCCT 60
 CATTGTTTAT CTGCTGCTT TGGTCCCTAT GGCTCTAGTA 100

【0771】

【配列表681】

配列番号： 3735

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04370

配列：

GATCAGTTTG CGAGTTTGA TGAGNTTGT AAGGTTTNN TTTTACAAAC TATGAATCAG 60
CAAATNTTTA AGATTGTACC ACATAGCAAA CATACAGCTG 100

配列番号： 3736

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04371

配列：

GATCATTTCTG TATATACATA TTTTAAATTA TGCAAGCAAA CTAGGAGGAG AATGTNCAAT 60
TTTAAGGGAT ACCTAATTTT CNTTCGGTTA GGGGATATTT 100

配列番号： 3737

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04372

配列：

GATCCAAAAA ATAAACTTG AAGCTATTCT GGAAC TAACA TGGAAAAATG AAATGGCTAT 60
TGTTTAAAAA AATGATAGAA ATACATTGTT GATGGGATAT 100

配列番号： 3738

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04373

配列：

GATCAAAAGT GAACACCCTG GCCTATCCAT TGGGGATACT GCAAAGAAAT TGGGTGAAAT 60
TGGGTCTGAG CAGTCAGCCA AAGATAAACA ACCATATGAN 100

配列番号： 3739

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04374

配列：

GATCAAAATGT GCTGCAGCTT TTGCAGAAAA CAACTCAGAA ACACAAAACC CCCCAACAGC 60
TCAATTATTA TTTTTCAT GTTTCCTAC AAGAGCCAAG 100

【0772】

【配列表682】

配列番号: 3740
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04375
 配列:
 GATCAAGAAT TCTACCATCC CTGGGTCTT TGTGTATAAA CAATGTATAA TACCAGGTAG 60
 ACTCAGTCTT TAAGATATTA GACAGTTTTT TTAGTCCATG 100

配列番号: 3741
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04377
 配列:
 GATCTTAGAG CTGAGGAATT GGCCTCCAA TCCGAACAGG TGTATAATC CTTTCTNAAT 60
 AGGTTGTGCT GTGGACCCAA TGTNAGGGCT GTNCTGGTGT 100

配列番号: 3742
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04378
 配列:
 GATCTCCTGA GCTCAGGCAA TCCGCCACC TCGGCTGTC AAAGTGCTAN GATTACAGGT 60
 GTGAGCCACC ATGGGTGGCA TCTTTAATAT AGATTATATA 100

配列番号: 3743
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04379
 配列:
 GATCTAGGAT TACTCTGGAC CTCATTCGGG TGTATGAGT ATCCCACGAA GGCCAGACGC 60
 TGATTNATT TNCATTTT CACAGATTGA CAAGGATAAG 100

配列番号: 3744
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04380
 配列:
 GATCCAAGGA ACGTTTGGG TTTCTAGGT GGCCACATC CAATCAGTGG AAGGTCTTAA 60
 GAGCAAAANC TGAGGTTCTT CAGAGAAGAA GGAAATGTTT 100

配列番号: 3745
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04381
 配列:
 GATCCTTTCC CCATGGACAG TGACAGAGCA ACTGGGCCGC AATGGCATAG GCAGAAGAAA 60
 ATNTAATCAC TCTGGGGTG ANTGGTGGT AAAACGACTC 100

【0773】

【配列表683】

配列番号： 3746

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04382

配列：

GATCACCTG GAGCTGTGGC TTCCCCGAGC AGCTGAGAGT GAAAGGAGGC AGTTCCTTTA 60
CTGTGAGCTC TCACGGCAGC GTGCTCACGC CCCACACAGG 100

配列番号： 3747

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04383

配列：

GATCCACGTA CAGTTTGGAT TTTCCTTCTA GCCTTCATGT GTGGCCCAAG CATCTATTTT 60
AGACTGTCAT GGTGGCATT GTTCTCTGAG GTTCTGTCTT 100

配列番号： 3748

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04384

配列：

GATCAAGCAG GCACTTCAAG CCTCAATAGG ACCAAGGTGC TGGGGTGTTT CCCTCCCAAC 60
CTAGTGTTCA AGCATGGCTT CCTGGCGGCC AGGNCITGCC 100

配列番号： 3749

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04385

配列：

GATCTCGAAC TGTACCAAAA TACATGGAGA CTAACAAACA GAACCACATG GAACTTTCAA 60
ACTGAAAAAA AAATTTGTCA CAAAACTTT GTTGTATAG 100

配列番号： 3750

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04386

配列：

GATCCAGAAG GCTTACGAGT ATTNATTAT CTTGTCCAGG ACCTGAAGTG TTTGGNCTTC 60
AGTCTTATTG GATTACACTT CAAGATTAAN CCAATCTAGA 100

【0774】

【配列表684】

配列番号: 3751
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04387
 配列:
 GATCATATTT AGAGGATATA ACAATTAGAA ATCTAGAAAA TAATTATCAC TTTNATAAAA 60
 TTTNAGTCA ACTGTACAAA TAATTACATA AAACATCAAT 100

配列番号: 3752
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04388
 配列:
 GATCAGCCGA ACTCTAGGGA CTGGGTGTG CTGGGAAGGC ATCCATACCT GCATTTTGCA 60
 TTCTTCGTAT GTAATCATAT TGCCAAAGAC AAACATTTTC 100

配列番号: 3753
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04389
 配列:
 GATCTAAGAT TAATTCCTCA ACTGTTTTC ACTCAACAAA GACATACCTC TGAGTTGGCA 60
 ACCAGCAGGG TGCATAACGG GCCAGTGCTG ATAAATCAA 100

配列番号: 3754
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04390
 配列:
 GATCCAAAAG TTTAAATTAG TGCATACATC ATGTCATTTC ACCTCCTGTT CCTAGGAACT 60
 CTCCATTCCC AAGCATTGCC AGTGTITTCC AGATAATCTT 100

配列番号: 3755
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04391
 配列:
 GATCTAAGGG AGTCCACTAT CTGTGCAATT GTATTTGGNT TTTTTTTGCA CTGTTTCAAT 60
 GCTGGTAATT GAAACCATTT TAATATATTT GGTGTATTTC 100

配列番号: 3756
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04392
 配列:
 GATCCACGGA GCAGAGGTCA TCTGTCCCA GCTTGGCCCA CTGAGGCCAG CATGGNTGGG 60
 CCCAGGATGC TTGTCTCTCA GCTCCCATCC TGTGTACTTC 100

【0775】

【配列表685】

配列番号： 3757

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04393

配列：

GATCAACTCC CCCAAGGCCC GAAAGGTGCT GCATACCACG TACCANAGCC AGGAGCGTGG 60
CACACACAGC CTGGACATCA AGTGGTGAAG TNAGGCCAGG 100

配列番号： 3758

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04394

配列：

GATCCTGTGC CCTAGGAGCA CCTAGGAAGA CTTGCTCCAT CTCCGCCCCG ATATCTGGGG 60
CACCAAGAGA GACAGAGTCG TGAGCCAGGC TCGCCTCATT 100

配列番号： 3759

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04395

配列：

GATCTGGCCC TCCCCAGAAC AATCTGGATT TCACGGAGAC AGCAACCAGA AGTTAAACCA 60
TGTGACTAAA AATGCATCTG GCTACTTTTT CATGTATGTA 100

配列番号： 3760

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04396

配列：

GATCATAAGT AGTGGAGGAT TTTAAACCAG GCTGGCTGGC TCTTAAGGCC TATGCTCTTA 60
ATTNACCATG TNGAATTAAT TTACCATATT GAATTACACT 100

配列番号： 3761

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04397

配列：

GATCCTCCGC ATCCCGTGCG AGGAAGAAGA TGTGGAGATG AGTGAGGACG CCTACACGGT 60
GCTGACCCGC ATCGGGCTGG AGACGTCAT CCGCTACGCA 100

【0776】

【配列表686】

配列番号: 3762
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04398
 配列:
 GATCTGGCCC TAAACTTGAA ATACCTCCTG CTCCTTTGGG GACTGGNCTT TGCNAAGAGC 60
 ACCTGGGGAG GAGACTGGTG CTAAC TAAGC CAGTAAGTAA 100

配列番号: 3763
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04399
 配列:
 GATCAAGTTC TGCGNCTGAN GAGGCTGCCA AAAGTCAAAA GNGGGGCCTG GGAAGGCAAG 60
 CTCATTCTC ACAACGGCCT TTCCAGGCCC NGTTTTCCC 100

配列番号: 3764
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04400
 配列:
 GATCTGCCTT CCTGCTGAAA CTTGTTCCAC CTCAGTCCCC TCATCTGTCA CACGCATGTG 60
 GGGTGGAGTA GGGAGATGCG GGGAGCAGGG TGGGCAGGAA 100

配列番号: 3765
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04401
 配列:
 GATCCCATCT NTACAANAAA CTTAAAAATT AGCCAGGCAT GATGGCACAT TCCTGTAGTC 60
 CTAGCTACTC AGGAGGCTAA GGTAGGAGGA TTGCCTGAGC 100

配列番号: 3766
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04402
 配列:
 GATCAAAGTC GTAAAGACAA TGTAATAATT AACATTTTAA TACTGATGTT GTACACTGTT 60
 TNTACTTAAC ATTTTGGGAA GTAAC TGCCT CTGACTTCAA 100

配列番号: 3767
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04403
 配列:
 GATCTTCGGA ATGATGAGCA CACAAGGCGG GAGCTAGCCA AGATGAAGCA GCGCCGGTG 60
 AACCTGAAGA AGGCAGAGAT ATGGCAAACA GGATTNGCGC 100

【0777】

【配列表687】

配列番号： 3768

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04404

配列：

GATCTGAGTG CCTCAAGATG GTTTTCAAAA AAATTTTTTTT AAAGAAAATA ATTGTATACG 60
TGTCAACACA GCTGGCTGGA TGATTGGGAC TTAAAAACGA 100

配列番号： 3769

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04405

配列：

GATCCGAGTT CCTCACC GCG GCGCGGGATG TGACCACCCT NTTCAGAGGT TGGACCCCAG 60
GCTTCAAGCA CCGAGTGAGG GGTCTGTTGG GCCCCCTGGG 100

配列番号： 3770

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04406

配列：

GATCTNNATA CTGTGAATAG CAGAATGTAC AGATGAAGAA TATTAATAATN AGGGGCGTCC 60
ACTCCAAAAC ATATCACCAG AGTGACAACT TCAGCCCTCA 100

配列番号： 3771

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04407

配列：

GATCAATAAT AGTACCTTTN ATTATACATT TATTATTGTN TCTCTCTCTG ATGTACTGTG 60
GATTGTACAT TTAACCTTGG AATGGCTTTG TAATAATCAG 100

配列番号： 3772

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04408

配列：

GATCCCCAGT GGATGCCTGA AACC GCAGAT AGTACTGAAC CTTATATATA CTGTTTGTTT 60
TCCTATGCAT ACATATCCCT ATGATAAAGT TTATGAATTT 100

【0778】

【配列表688】

配列番号: 3773
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04409
 配列:
 GATCAACAAT GAGCAGAAAC ATCATCAGTC CTTCCCAAGG ACCATGGCGT TTAATGTCTT 60
 GGGCACCCCT TGGAAATCAC AGAAAGTCAG CNGTACTGGC 100

配列番号: 3774
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04410
 配列:
 GATCAAAAAA TGTITATNCT GAATTCTNTA ATTTAAAAA NTCATACCTA TNAGGTGTGC 60
 TACAGGAATT CAGATACAAT AAGTTGCATA TAAAACCCGA 100

配列番号: 3775
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04411
 配列:
 GATCTGACCA ACAAGGCCAC AGGAAAATTA ATAGCACAAG GAAGACACAC AAAACACCTG 60
 GGAAACTGAG AGAACAGCAG AATGACCTAA AGAAACCCAA 100

配列番号: 3776
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04412
 配列:
 GATCTNCTTG GCCAGCAGGA CGTCCAAGGA CCAGAGCCTG TGTCATGTCC TNGAACAGGT 60
 NTGGCGCGTC CTCAAGCAGG GGAGCTGAGC CTTCCANAGG 100

配列番号: 3777
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04414
 配列:
 GATCTGGGCT GTGGGGCCCT TGGGCCACGC TCTTGAGGAA GCCCAGGCTC GGAGGACCCT 60
 GGAAAACAGA CGGGTCTGAG ACTGAAATTG TTTTACCAAC 100

配列番号: 3778
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04415
 配列:
 GATCTATGAT TTATNATGTC TTAATAGACC CTAAATTGTT CTTTAATTAC AAGAGTGGCA 60
 GTCTCTGAAG TCATTTGTGA GCTTGTATGA CTTTGTATT 100

【0779】

【配列表689】

配列番号: 3779

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04416

配列:

GATCAAAACA TAATTGTTTT AATTCTACAG CTGTAGGAGC TTTGTATTGC TGAACTTTCA 60
TCTGGAAGAAG TTTCACAGTG ACATTTTAA AAGAGAATT 100

配列番号: 3780

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04417

配列:

GATCTCAAGA AGCCCCACAT CTTCTAAGG GGCCCCATGG CCTNNTTTGG GNGCAGGGTA 60
GGTCTGGGG CACTGTGGGC CGCCTGCCTG CTGATGTGGG 100

配列番号: 3781

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04418

配列:

GATCCTGGGT GACTTTGGGT GCACAGGGTG ACCGAGCATT TCTGCCCCTG TGAATGTGGC 60
ACTAACCTG NGCACTGTCT CCACCAAGCA AGGTTTCCAC 100

配列番号: 3782

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04419

配列:

GATCAATAAG AAGANCCTAG TCTAGAGACA ATGATGCTAG TTTGCATATG TTTTCCTATG 60
CAATAGTTGT TTTCCAGTN ATNCAAAGCA GCTTTCTATA 100

配列番号: 3783

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04420

配列:

GATCAGATTT GTAATTTNCC TGTATTAAAT GCCTAGAACT CTACAGTCAA CAGATGGCGC 60
TCTAGTTCCA ATTGTNACAG AAGTNCTCTG CCCATCCGCA 100

【0780】

【配列表690】

配列番号: 3784

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04421

配列:

GATCTGTATG GAACTATAAA ATACTTATTT AATAATNTTT TAACCGTATG GCAGTGTAT 60
GCCAAAANTG TATAAAGNGC AATAGTTTTT TINGCTTACT 100

配列番号: 3785

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04422

配列:

GATCCCACCC TCTNTCCCAC CTGGGCMACT GACGCTCTGG CCTCTNTGGN AATNACACTG 60
GGCTGACCTG GCATTGGGAG AGGGAGGGAG GAAGGAAGGG 100

配列番号: 3786

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04423

配列:

GATCCAAGTC CCCTGCCTGG TCCCCACAA GGNCTCCCAT CCAGGCCCCC TCTGCCCTGC 60
CCCTTGATAT GCACCATGGT CGTGAGGAAG GGCTCATGCC 100

配列番号: 3787

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04424

配列:

GATCATTTTN CATCTGTNCA TAGCGTTTCT NCAGAAGGAA CAGTAGTCTC AAATCTTTCC 60
TCATAATCAT AACAAAATGC TCTTGCATGA TTTTNTAACA 100

配列番号: 3788

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04425

配列:

GATCGTGTGT TGCCATTNG TCTGGCTGTG GCGCCTCCTT CTCCCCTCCA GACCCCTACC 60
CTTTCCCAA CCCTTCGGTA TTGTNCAAAG AACCCCTC 100

配列番号: 3789

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04426

配列:

GATCTTGAGG TTGTTTGATG CTTTAAATTI TTNAATTATA TTATTTNNTA GGTGTTTATT 60
GGTACATTGC AGTTTTTTTT TTNAATTATA AAAATTTCTG 100

【0781】

【配列表691】

配列番号： 3790

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04427

配列：

GATCCGCAAG AACAAGTACC GCGCGACCTG CGCNGGCAGC CATCCGCAGG CCAGCGCATC 60
CTGCGACAGA AGCCTGTAAT GGTAAGAGAA GCGACCCGCC 100

配列番号： 3791

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04428

配列：

GATCCCAAAA CATCATNAGG CATTTTNAAG TTGGTCACGT CGCAAGTCCG ATATCACAAC 60
TTAATTGTAA AAGGAGGGAA TCTGGTTTTG TNACTTGGCA 100

配列番号： 3792

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04429

配列：

GATCTATTTG ATAATTTTNT GGGTTTTTTG AAGAATTAAT GAGCATGTAC ATAGAAATAG 60
TGACTGCTTG ANTACTGTAT TTNCTTGCAC TCTTTCAGTA 100

配列番号： 3793

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04430

配列：

GATCGGCACA AGATGCTCAG CTAGATGGGC TGGTGTGGTT GGGTCAAGNN CCCAACACCA 60
TGGCTGCCAG CTTCCAGGCT GGACAAAGCA GGGGGCTACT 100

配列番号： 3794

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04431

配列：

GATCTGAAGT GTGAGTAGAA TGTATTCAGC TGTTTAACAT GTAGTTTAGA TATTCAAAAG 60
TATGCATGTA GAGTTTAAAG AATATGTAA AANTNATTA 100

【0782】

【配列表692】

配列番号: 3795

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04432

配列:

GATCTGGHAC TCCTTGTAGT AAGCTGTTTT CTGCTCAGCC ACTGGGCTCT TTCACITTTT 60
TAGTTCITAA AAATTTATTT TTAAGTTCIA AAATAAAATA 100

配列番号: 3796

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04433

配列:

GATCGCAAAT CACAGCTCAG ACAGCCAGCT CTTAAGTGAG ACCTGAGTGC CAGAGAGGGG 60
TGGATACAAG GCCAACAGTT ACTAAATGAA TGAAAATTGT 100

配列番号: 3797

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04434

配列:

GATCTAGCCA TAAAACTAGT AATCTTGAAT TCCTCTTGAG CTGGATGGTG ATTAGCCATT 60
GTGAAAACAG ATTATATGGA AATTGTGCAT ATTGCTAAAT 100

配列番号: 3798

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04435

配列:

GATCTTTAGC TGCCTTTGTA TCAACTTCTN TGGAGCTTAT GTGATTTTCC AGAAAATATC 60
CAAGGCATAG TTTTGTCCCT AAGTCCCATG AATATGTAAT 100

配列番号: 3799

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04436

配列:

GATCCATCAA AAGGTTCTTT TTINATAATC CCTTTTGAAA ATAATAATCA AAGGAAGAGA 60
TGTGGTGTIT GGTGATGTGG AAAACTCAAT GTATAATTAA 100

配列番号: 3800

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04437

配列:

GATCCNAAAG CACACCAGGA AGATGCTAAA GATGCTTATA CTTTTCTCA AGAATTGAAA 60
GAAAAACCCA AAGAAGAGCC AGGAATACCA GCAATTCTGA 100

【0783】

【配列表693】

配列番号: 3801

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04439

配列:

GATCAGAGAA GTTTATGCTC ACTGTCTGAT GCAAATGTCT GGTCTATTTG TNAGTAAATA 60
ACAGGGAAAT CATTNNACT TTTTGTAAA AATAAGGTAT 100

配列番号: 3802

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04440

配列:

GATCTGACCC ACCAGTTTGT ACATCACGTC CTGCATGTCC CACACCATT TTTTCATGACC 60
TTGTAATATA CTGGTCTCTG TGCTATAGTG GAATCTTTGG 100

配列番号: 3803

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04441

配列:

GATCGGGACC TGACCTGGGG CTGGCCTCAG GCCCAGGTGC ACGTAACTGC CCTCTGTGGA 60
AGCCAGCTTA AACCCTAGCC CTNNAGAGC TTCCTGTGCC 100

配列番号: 3804

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04442

配列:

GATCTAGGGG GAAAGAGGAG CATTTCATCAC AAGTTTCCTA GAGAGAGGAG ACAAATCGGT 60
GTGCCATTGA CAACATGAGC CAGGGTAAAG GCACCCTTNN 100

配列番号: 3805

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04443

配列:

GATCTATGAC TCATTTGACA GAGAAGCCAA GGAAAAAAG CTTCCTTGGC CCATTAAGTC 60
AAATCCACCA AATACTTTTG TCTAAGTTCT CATTCTTTCA 100

【0784】

【配列表694】

配列番号: 3806
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04445
 配列:
 GATCTGTGTC TTGAAGCAGC TGCCCTCATT CCGACTTCAG AAAATCGAAG CAGCTGGCTC 60
 CTCCCCTTGT TCTCTCTCCC ACCCTCCCCC AAATCTGTTT 100

配列番号: 3807
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04446
 配列:
 GATCAAAATA AAAATGTACA TGACGGGGAA GGGAAAAACC TGTGGAGTT GCTTCCAGCC 60
 AGCCACGCTC CGGGCCAGCA TGTGGAATC CAGCGTGGAG 100

配列番号: 3808
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04447
 配列:
 GATCTCTCTC TCNTTTTACC CCCCTTAGGC TGAGGGTAAA AAGCTGGGAT TGGTAGGCTG 60
 GGTCCAGAAC ACTGACCGGG GCACAGTGCA AGGACAATTG 100

配列番号: 3809
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04448
 配列:
 GATCGGCCAA GTATGCTNIT NTTTAGAGCA ATGTTTTGCC CTAGAGANTT GTAAAATTTA 60
 TGTNATGACT CAGTACATAT GTGTTGCTAC ATATATGATN 100

配列番号: 3810
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04449
 配列:
 GATCTGTGTG ACCTCACCTG CATTTGATTG AAAAAAGTAT GCGCGTAATT GTACCCACCC 60
 AGTTCAAACC CGTGTGTAAG GGTCAACTGT AAAAAAAGT 100

配列番号: 3811
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04450
 配列:
 CATCAGTATT TAANATTATA CCAGTTTTNA ITAAACCCCTT TCCCTCCCCG ATAAAGAATG 60
 TTCTATTTCT GCCTCCCTT AAAGGGGAGA CCTCAGAAGT 100

【0785】

【配列表695】

配列番号： 3812

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04452

配列：

GATCCCCCTT CACCTTTTGC CATGGTCATA AGCTTCCTGA GGCCTCCCTG GAAGCTGAGC 60
AGATGCCAGC ACCATGCTTC CTGTACATCC TGCAGAACCA 100

配列番号： 3813

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04453

配列：

GATCCNCCAT GGTGGACACG TCTGTNCTGT ATGTAAAAGG CATTACAAAT GTTTTTTAGC 60
AGATGAGACT TGAAGCCTTT CCACAGTCCT TGTNCTCTGA 100

配列番号： 3814

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04454

配列：

GATCCCTACC CCTCANCAAC TAGCTCCCCT GTCGGCCAGC TAAGAGAGCT GGGACANTGG 60
AGGCTGGCAG AAGCTGAGAC GTGACTGTCT AGGAGTAACA 100

配列番号： 3815

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04455

配列：

GATCTGAAAA AGCAACCCAT TTCCTAAATT CATATTTTNC CTAAAACTTT ACTATGTTTT 60
NATTTTAAGA GGTTCCTGT TATATACACT TTTNACACAT 100

配列番号： 3816

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04456

配列：

GATCTGTTTA GAAAATACCT TTGAAAACGA GGGTAACTTT AAAAAATGGA AACTTTCAAA 60
TCCATTTATA TTTTNTTAT AANCAAACT TAATTAAGA 100

【0786】

【配列表696】

配列番号: 3817
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04457
 配列:
 GATCACTGAG CTGCCCNTCA AGGGGACCTG GANNCCGGGT CCTGGGGTCA TGCTGCCTCC 60
 NAGGCTCCAA GGTGAGGGTC ATCTTCACGA GCAAAGAGAA 100

配列番号: 3818
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04460
 配列:
 GATCCAGGGC TTTCCAGGCC TCTCCTCATT GAGTTCAGAG TCACATATCA GAGGNTTAAA 60
 TCCAAAAGAA ATATGCACAC CCTCTCCTC CCTCCAGTA 100

配列番号: 3819
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04461
 配列:
 GATCCCAGCT ACTCAGGAGG CTGAGGCGTG ACAATCACTT GAACCCAGTA GATGGAGGCC 60
 GCAGTGAGCT GAGATTGTGC CATTATACTC CAGCCTGGNC 100

配列番号: 3820
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04462
 配列:
 GATCTCTGTG CTGTAACTA AAACAAATTG TGCATTCCCTT CCGGGGCCAT CGTCTTTGTT 60
 TTCTTTTTTG TCTTGAATGA ATTTTAAAAG GAAATATATA 100

配列番号: 3821
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04463
 配列:
 GATCTGGGGG CCCCCCAGC TGGCGGGAAC CCCAAATGGA CACAACTGT ACATTTGCCA 60
 ATGGGTTTTT TTCAGACCAT GGTTTTTACT TGCAATAAAA 100

配列番号: 3822
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04464
 配列:
 GATCTAAAH NATACTNTGT TCCCTCATAT GCATGCCCTT CCTTCTATA TCCTTGACAC 60
 CTTACTTTCC CATTGTAACA ATAAAAAAG TATCAATAAA 100

【0787】

【配列表697】

配列番号：3823
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04465
 配列：
 GATCCTGCAG TGATGGAATG TTCTGTCTTG ATTGTAGCAA CACCAATATN CTGATTGTNA 60
 TATTATACTA TAGTTTGGCA TAACAGTTAC CATTAAAGGA 100

配列番号：3824
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04466
 配列：
 GATCTCTTAG CAAATAGGAA TCTAGGTGTA GAATTTATAC ACATATATAT TTTTAAAAGT 60
 ATAAAAATGA GAAAGTATGT ACAAAAAATC ATCTAAATC 100

配列番号：3825
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04467
 配列：
 GATCTGGGAG CCAGCAGCTG GATGCTGTGG CTGGCCAGAN ACACCTCCAG GCTGTGGCCT 60
 GGGGGCTGGG GGGAGCCCCA GGCTGAAAAG GGTCCAATTA 100

配列番号：3826
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04468
 配列：
 GATCACATTC CAGCCCTCGC TGCTGGGGTG CACACCCCTT CCTTAGNTGA TGTGCTTGGG 60
 AAACCTCCCTC CCCCTCCTC CCAAGAGAGA AATAAANCA 100

配列番号：3827
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04469
 配列：
 GATCCTGACC TCCTCCAAGG AAGAAATCCA GAAAGCCTTA AGACTAAGAC AACTTGACTC 60
 TGCTGATICT TTTTTCCTTT TTTTTTTTNN AAAAAAATAA 100

配列番号：3828
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04470
 配列：
 GATCAGAACT CCAAAACCAC TCCACCCCT GAAGGTCGGG AGGGTCTGAG CAGCCCTGGT 60
 GGCTNCTTGT GCTCAGGTCC TCAGCTCCAT GGGAAATAAA 100

【0788】

【配列表698】

配列番号：3829

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04471

配列：

GATCAACATA TTTAGCTTAT ACAGAAATAA AATTAAGTCA ATCCACTCAC AAAGAATTTC 60
TATTTTGTAA AAATGTAGCT TGTATTTTCTG TATAATAAAA 100

配列番号：3830

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04472

配列：

GATCANAGCT NTCCCAAAGA GGGAAAGCGG TGAGGTTTNA GGAGGGGCGC AAGCAGGGCC 60
GGCAAAGNTT GTACCTNCAT AAGGTGGTAT GGGGGGTTGG 100

配列番号：3831

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04473

配列：

GATCGAAAGA CTCAGGGAGA GCGGTCCTNA CCACCTGGAA GTAAGTCCCA CCTGGACCTT 60
ATNAAAATA CTCACTCCAC CTGGGCCCCCT GCTGAAGCCN 100

配列番号：3832

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04474

配列：

GATCTGTTTC GTGCATTGGA AGACCCACC CAAGCTTGGC ANACTAANTN TTGTATCCTG 60
GGGCTCCCT CATCTCCAGG GAGACCAAAC CCCGGCCCTA 100

配列番号：3833

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04476

配列：

GATCAAGACT AACAAATAAC TTTGTGATGA AAATNCTTCA AAAATATAGC TACTCTTTTC 60
AAGTATACCA TTAAAAATAT TTCATCAGGC AGAGCCCTGA 100

【0789】

【配列表699】

配列番号: 3834
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04478
 配列:
 GATCAAGAAN ANTNAGGACA ACGAGAAAGT TAAAAAGTTC GAAAGCAGCA AGATNCCTTT 60
 CCCCCCTGGT CAATCNCCTGA CACAAGAGAA GGCAGAGACC 100

配列番号: 3835
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04482
 配列:
 GATCTTCAAG CAAGGGAAAT GATTCTTAA AGGATTATCT GAAATTGAAA AACTAGTAAG 60
 CAAATAAATG ATAAACATAA GTAAATTTAA NCTGTTGTTT 100

配列番号: 3836
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04483
 配列:
 GATCTCCCCA AACTAAAAAG TACAGTACTT GGAATTGTGT TCTTTATGGT TGTAGTGTG 60
 GTAAAGCACT AATATGCAGA AAATAAAGGA ATTACACAGT 100

配列番号: 3837
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04484
 配列:
 GATCCNAAGC AGTGAACATG CTGTTAATAC TTGTAAGACT CCTAGCAAAC TGCATTTAAT 60
 TTTTAAATTT AGTTTTAGTG TACATAAAGG CATGTNTTTH 100

配列番号: 3838
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04485
 配列:
 GATCCATGGG ATTNATAATT GAAATAGAGA TTGGAGACCC TCCTATTTCAN TTCATAAGCA 60
 ATNGCACCAC AGGTCANATG CAGTTATCTN AACTCCAGGA 100

配列番号: 3839
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04486
 配列:
 GATCTTGCTA AATTATTAGT TCTAGTAGCT TTTTGTAGA TTCATTAGGA TTTNTACAT 60
 ACACAATCAT GCTATTTGCA AATAAAATAA TGCTTTTATC 100

【0790】

【配列表700】

配列番号： 3840
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04487
 配列：
 GATCGAGTCC AAGGNAGACT ATGTCCTCTN CTACCAACGN CAGGNCGTGG CGCGACGCCT 60
 GCTGTCCCCG GCCGGCTCAT CTGGCGCCCC AGCCTCCCCT 100

配列番号： 3841
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04488
 配列：
 GATCAGCACT GTGGTGAGCT CCAAGGAAGT GAATAAGTTT CANATGGCTT ATTCAAACCT 60
 CCTTAGAGCT AACATGGNTG GGCTGAAGAA GAGAGACAAN 100

配列番号： 3842
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04489
 配列：
 GATCCCAAAC CTNAGCTCAA TCAGTATTGC CAGANAGGGG TAAGACTGGT TGAAGCTGA 60
 CTGCAGACTT NNTTCCCCT TAGTATGTNC TGTGTTGTAA 100

配列番号： 3843
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04491
 配列：
 GATCACTAAG CAAAGCTGCT AGTGGGATTC TATATTTTCGT GTCATCTTTT TTATNATAAT 60
 NTATTGCAAA TATTTTCTG AATAAATATA TGTGTGTGA 100

配列番号： 3844
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04492
 配列：
 GATCCTGCCA CCAGGGTTNT TTTGAAATAG TACCACATGT AAAAGGGAAT TTGGNTTTNA 60
 NTTCTCTAA TCACTGANTT GTCAGGCTTT GATTGATAAT 100

【0791】

【配列表 701】

配列番号: 3845
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04493
 配列:
 GATCTTGTC AATCGGAAC CCCCCTTACC TCCTCTTTT CTTTCTCTT CTTTTTTTT 60
 TTTAACTNAA ANATTTTAT GATGATTAAG ANGGAAGTAC 100

配列番号: 3846
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04494
 配列:
 GATCCCAAAC ACTCNATCCT GTAAGNCGGG TACAGTCCTA TTGINTGTTN NCACACTGAT 60
 GATGTGAGCC TGTGAGATGA GCCAATCACC AGTTGTTATG 100

配列番号: 3847
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04495
 配列:
 GATCTCATGT ACTGAAAAA AATTCTTAAT TTTATTGGAG TTTATACCAC TGTGAAACTG 60
 CAATATGACT GTAAGAGAGT AAAAAGATTG THACATCTAA 100

配列番号: 3848
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04496
 配列:
 GATCTGGGAG TCTGAAATGG TAGCNTTTTG TCCCTGTCTT CACACTATCA TAGGGAGAAT 60
 CAAAAGANCT AACAAATATA ANCATGCTTT GTGAATNNCC 100

配列番号: 3849
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04497
 配列:
 GATCTNTTTT NTNTCTATTT TTTGAGGTAC ATGCTACATA CATTITNTNT GTAAACAACT 60
 ATTTAGCATA TTGAATAAAA TAACATTTTA AAAATAGAAA 100

配列番号: 3850
 配列の長さ: 97
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04498
 配列:
 GATCCACGG CNAACACTCA CCACNCGCTA CCATACGCCN TCCCAGAGCT AGGGGCTGCC 60
 TTAAGGAAA TTGTAGCCTA AGTAGTCAT GGCAAGX 97

【0792】

【配列表 702】

配列番号： 3851

配列の長さ：96

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04499

配列：

GATCAGCCAC ATCAACTCAG TTGTCCACCA CAGGGGAATT TTNAATGTCT TTTGTTTTTG 60
TNTTGTITTTG AAAAATAATA AACAGGCAAC TGTAAG 96

配列番号： 3852

配列の長さ：95

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04500

配列：

GATCTATTTG GCCTCTCAAA TGAAGTGAGA TTCCTGTAA AAAAGATTGA TGTATTGTC 60
TCTTGTAGAG GAAACTAATA AAGCTGCAGG NGAAA 95

配列番号： 3853

配列の長さ：94

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04501

配列：

GATCTATCAT AATTGCTTTT CTGATGCATT TAAAAATAAA TGGAACTT AAATGTATAT 60
TACCGATGCA AACTGTGGAT AAAGTTGAAA GAAA 94

配列番号： 3854

配列の長さ：94

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04502

配列：

GATCAGGCGC CTGGCCGCGG TAACAGACTT TTACATGGAA TTGTTTAATT ATTTGTACTT 60
TTCATGCCAG AAAATAAAG TTCAGAATCT TAAA 94

配列番号： 3855

配列の長さ：94

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04503

配列：

GATCACTACG ATTAACGACG GTCGTAATGT TAAGACGTCG TCTCCATGAN CTTTGGGGGG 60
ACTTTAATNT GGAATAAAGA AACTATCACT NAAA 94

【0793】

【配列表703】

配列番号: 3856
 配列の長さ: 93
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04504
 配列:
 GATCCAGATN AAGTGCTGAA GAAAAGAAAA AAGAAGTGA GAAGAGTATG NTTATNCTTC 60
 TCCTTATTAA AGAAATTTNC TCAAAACAGC AAA 93

配列番号: 3857
 配列の長さ: 88
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04506
 配列:
 GATCTATCCA GTGACGTGGC CTGGTGGGCG TTCTCTCTTG TACTTATGTG GTTTTTTGGC 60
 TTTNAATACA GACATTTTCC TCCAGAAA 88

配列番号: 3858
 配列の長さ: 86
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04507
 配列:
 GATCCGAAAA TATGGTAAAG TGAACCCATC TGTCTGCATT TTCTACTCTG AGCCCATTTG 60
 TTAATAAACA CTTATTTTAA TATAAA 86

配列番号: 3859
 配列の長さ: 84
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04509
 配列:
 GATCCGGGCC CCAGGCTGCT GCCGCTTTTT ATAACITTAT ATTATTTTNN TTTTAAGAAA 60
 AAAAGCTCTT TAAAATACCT CAAA 84

配列番号: 3860
 配列の長さ: 82
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04510
 配列:
 GATCTGAGGA GCAAACCTCC GTGGCACACA TTTACCTGCA TAACAAACCT GCACATCCTG 60
 CATGTGTACC CCAGAACTTA AA 82

配列番号: 3861
 配列の長さ: 81
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04511
 配列:
 GATCCAGGAG GCTCAAAGAG AAGCCAAGTC AGCTTTGTTG TGATTTGATT TTTTTTAAAA 60
 AACTCTTGTA CAAAACCTGAA A 81

【0794】

【配列表 704】

配列番号： 3862

配列の長さ： 81

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04512

配列：

GATCGCTACT GTTATGTGGG ATTATTATTT CTAAATNTTA CTCATTGAAA TAAGCATACA 60
ATAANANGCA TTTATTGCAA A 81

配列番号： 3863

配列の長さ： 80

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04513

配列：

GATCAAAACA AGACCCAGCT TATTTTCTGC TTGCTGGTAA ATTAAGCAAA CATGCTATAA 60
TAAAAACAAA ATGAAGGAAA 80

配列番号： 3864

配列の長さ： 78

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04514

配列：

GATCTGTTG AAAATTGTAT TTCTATGTAA ACTCAACGAT ATGTTTGTT TNCCTGAAAA 60
TAAATGATT TAAATAAA 78

配列番号： 3865

配列の長さ： 75

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04515

配列：

GATCCTCACA CCTCAGCGTC CCAGAGTGCT GGGATTACAG TTGTGAGCCA CTGTGCCTGG 60
CCTTTTTTTT TTTT 75

配列番号： 3866

配列の長さ： 74

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04516

配列：

GATCAGAAAT CTGAGGTTCA ATGAGGCCAG AATAACTCAG CTTCAAAATG AATAAATGTG 60
GAAGCCAGCA CAAA 74

【0795】

【配列表705】

配列番号: 3867
 配列の長さ: 72
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04517
 配列:
 GATCTCCCT TGGACTGATA CCCTTTTCCC ATTCAATCAC AAATAAATTA CAATGGGTGC 60
 TGAGAACTTA AA 72

配列番号: 3868
 配列の長さ: 73
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04518
 配列:
 GATCTGTGC ATGGTTTTAT AACCTTTNTN TTTTGTAAA CTGAATGTT CAAAATTAAC 60
 ATGCTGTTTA CTCTGAAA 73

配列番号: 3869
 配列の長さ: 71
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04519
 配列:
 GATCAGGAAG AACTAAACAA AACCCACACT CAAAAACTA ACAAAGAATA AATAAATAAT 60
 ATAAAAATAA A 71

配列番号: 3870
 配列の長さ: 71
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04520
 配列:
 GATCTCAGAA CAGANTTAAA ATATTGTGAA AATTACAGCT TAATAAATGT TTATTGTAAT 60
 TTTNTTGTAA A 71

配列番号: 3871
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04521
 配列:
 GATCTAGGAC TTGCCTTATT TTATCATTTT TCITTAATAA TCTCCAATAA ACTTTCTTTA 60
 TTCATTAAA 69

配列番号: 3872
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04522
 配列:
 GATCACCCT AAAGAACTTA CTCATATAAC CAAATACCAC CTGTNCTCCC AAAAACCTAT 60
 GGAAATAAA 69

【0796】

【配列表706】

配列番号： 3873

配列の長さ：69

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04523

配列：

GATCAGTATG CTGTTTAAAT AATTATGTGC CATTTTAATA AAATGAAAGG GTCAACGGCC 60
CNNTTTAAA 69

配列番号： 3874

配列の長さ：67

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04525

配列：

GATCTACACT GATGATTAAA TCAAATTGGC TAAGATTATT CGTTCTAATA AAAGCACTGA 60
CTCCAAA 67

配列番号： 3875

配列の長さ：67

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04527

配列：

GATCTCTTCC TGTITTGTAC ATAGATTTAT TTTTCAGTTC CAAGAAAGAT GAATACATTT 60
TGTNAAA 67

配列番号： 3876

配列の長さ：67

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04528

配列：

GATCTAGCAT ATGTATCTTT TTTAAAGGTA TTGTTAATAA ATATNCTGTC ATTTGTAAAG 60
ATANAAA 67

配列番号： 3877

配列の長さ：66

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04529

配列：

GATCCATCTT CAAATCAAGG GCTCCCTGGC TACCAAATNC TGTCTAGTAA AAATNATTCC 60
AGCAAA 66

【0797】

【配列表 707】

配列番号: 3878

配列の長さ: 64

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04530

配列:

GATCTATTCA ATGTACAAAA TATTTTAAAA GTTCTGTGA TTAAATGTNC TTTGAAAAACA 60
TAAA 64

配列番号: 3879

配列の長さ: 64

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04531

配列:

GATCTGTAT NAACACCTTT GTTGGCTTGG TTCAGTAATA AATATGTNAG ACTTTTCATT 60
TAAA 64

配列番号: 3880

配列の長さ: 62

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04532

配列:

GATCTGTGTA AGCTCTGAAT GAACTTCTTT ACTCAATAAA ATTAATTTTT TGGCTTCTTA 60
AA 62

配列番号: 3881

配列の長さ: 61

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04533

配列:

GATCCAAGAT ACGTCANITC TGTATTGGCA AAATGCCACT ATTAAAGTGT AATNCTTGAA 60
A 61

配列番号: 3882

配列の長さ: 60

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04534

配列:

GATCTCAAGT GCTTAATGAT AAGGTGTGA CTTGTAAAT TAAACCATTT GGAATACAAA 60

配列番号: 3883

配列の長さ: 60

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04535

配列:

GATCAAATGC CCTAAAATGT AGTGACCCGT GAAAAGGACA AATAAAGCAA TGAATACAAA 60

【0798】

【配列表708】

配列番号：3884
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04536
 配列：
 GATCTGAGAC TTTGAGTCTC CAGAACTGTG AGAAAATAAA TTTCTGTTTC TTAAGCCAAA 60

配列番号：3885
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04537
 配列：
 GATCTTTCCT GTCTTCCCCA AGTTTGCATT TCCGACATTA AAGTTTACTT TTNAGTTAAA 60

配列番号：3886
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04538
 配列：
 GATCAATCAG GGAGAAAATA CAGAAGAGAA TAAAAAGAGA CTCATTTCAGT GGAAGCCAAA 59

配列番号：3887
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04539
 配列：
 GATCTGAATT AAGCTGTCTG CCATTTCGAG AAATTTAAAT ACTATTTTAA ACACACAAA 59

配列番号：3888
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04541
 配列：
 GATCCACCCA GGCCTTTCNG TGAAATAAAA GCTCCCAAGT TGGGTACAAA CCAGGAAA 58

配列番号：3889
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04542
 配列：
 GATCCCAGTC TGAAGGATTA TTGTGAAGAA TAAATGAGAG AATGTGTAAA TGGCAAA 57

【0799】

【配列表 709】

配列番号: 3890

配列の長さ: 56

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04543

配列:

GATCTGTGTA TTTGATTTTG TACTTTAAAT GTGACAAATA AACCTTTTGG GAGAAA 56

配列番号: 3891

配列の長さ: 56

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04544

配列:

GATCGCGCCA CTGCACTCCA GCCTGGGTGA CAGCGAGACT CTGTCTCAAN AAGAAA 56

配列番号: 3892

配列の長さ: 55

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04546

配列:

GATCTAATTC TGAAAACATT GTAATAAAAT AATNAGCTAT AATGGTATTT TCAAA 55

配列番号: 3893

配列の長さ: 55

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04547

配列:

GATCTCGAGC GTTTATCTCG GCCTTTAATT TGCTAAAGCT NTGCACATAT GTAAA 55

配列番号: 3894

配列の長さ: 85

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04548

配列:

GATCTGCCAT GCACTCCAGC CTAGGCAACA AGAGTGAAC CTGTCTCAAA ATAAAATAAA 60
ATAAAAATAAT AATAGTAATA ATAAA 85

配列番号: 3895

配列の長さ: 53

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04549

配列:

GATCATGCCA TTGAACTCCG GCCTGGGTGA CAAGAGCAAA ACTCTGTATC AAA 53

【0800】

【配列表 710】

配列番号： 3896
 配列の長さ： 53
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04551
 配列：
 GATCACACCA TTGCACTCCA CCTTGGGCAA CAAAAGCAAN ACTCTGTCTC AAA 53

配列番号： 3897
 配列の長さ： 52
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04552
 配列：
 GATCAAAGGT CATTGTGTA GATGAGTAAT TAAAAATAT-TTAAATCACA AA 52

配列番号： 3898
 配列の長さ： 51
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04556
 配列：
 GATCAAATAG AAACAGGGTT TGCAAGTNTC CATACAGATG CCTCTACCAA A 51

配列番号： 3899
 配列の長さ： 50
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04557
 配列：
 GATCCTATGT AAAATATATA TTTATGTATT AAAAATACTG AAAACATAAA 50

配列番号： 3900
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04597
 配列：
 GATCCTATTT TATAAGGAAT CTTTTTTATA CGAATGTACT TATTCITTTA GATATCAGTT 60
 CTTGAATGTA TACTCCTTAT GATATACAGC AAGAGATTCT 100

配列番号： 3901
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04598
 配列：
 GATCTATGGT ACAGTTCATT GGCAGAGAAT CCAAGTACTG TGGACTTTGT GATTCCATAA 60
 TAACCATCTA TCGGAAGAG GGCATTCTAG GATTTTCCGC 100

【0801】

【配列表 7 1 1】

配列番号： 3902

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04599

配列：

GATCCAAATN ACCATCATCT CTGATGGAGA TGGGTGGGT ACCTGGCCTT CATGGCACCT 60
TCACTGCTAG GGATGCTCAA GGGGCAGGCC TGGGGCCTTC 100

配列番号： 3903

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04600

配列：

GATCCACCTG CCTCGGACTC CCACAGTGCT GGGATTACAG GTGTTAGCCA CCACCCCGAC 60
ATTATTTGAA ACTTTTATTT TATCATGAGA GAGTTCCAGG 100

配列番号： 3904

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04601

配列：

GATCCCAACA ATGGAACCTT CTTCTCTGC TGTCAACAAA GGACTAAAAA ACTTCTGTGT 60
GATTTGATAC AGACAATTTA GAAACTTTT GTTCAAAGT 100

配列番号： 3905

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04602

配列：

GATCTTGTC AATAAAATCTA ATTTATATCA AATTATGAG AGAAAGTATT TTCCTAATNA 60
TGGTCAAATA AATTGGTTA ACATCCTAGT GATTCTCTTT 100

配列番号： 3906

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04603

配列：

GATCTNAAGC TTNCTNCTTG GACACCCCAT ACCCANAGTC CTCCAGGCCA CCCTTAAGTA 60
CAATGTTCTC CTACCTAAGA AGGCATCTGG ATTTTNTCTT 100

配列番号： 3907

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04604

配列：

GATCTACCA CTGCACTCTA GCCTGGACGA CAGAGGGAGA CTGTCTCCAA AAAAAACAA 60
AGAAAGAAAG AAAAACTGT AAAAAAAT TTNCTGCAAT 100

【0802】

【配列表 7 1 2】

配列番号： 3908

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04605

配列：

GATCTTAAGG TAATTACAAA AGGGAAATTC CAAGAATGCA TAACACAATG ACAACATGGT 60
GAGAAAAGTG CAGTACTACT TCCAAGGTAG CTAGTGTAAG 100

配列番号： 3909

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04606

配列：

GATCTATTTT TCAGTAATGA GTGTGTNCTC ATGCCTGTTT CAATATTGGG TTTTGGAGCA 60
TTATTGTACC AGGCTGTTGA TTGCATACTG TAGAAGATTT 100

配列番号： 3910

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04607

配列：

GATCTGAAGC CAGAAGGGCT GAGTGTATTG TNAACTTATT CTTGCATGTN GCTGTCTGGG 60
AATGGACCAC ACTACAGCAG GTAGTNCTGG GGGCGATACT 100

配列番号： 3911

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04608

配列：

GATCTGTTCA CAAGCTGGTG TTCAGGAACC AATGTGTGAC TGGTCCATGC CCACTTCTGA 60
TTATATGGAC TCAGAGACAA TGTACATGGG AGTGCTTTGC 100

配列番号： 3912

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04609

配列：

GATCAAGGTG AAGCTCACAG TGTGAGGCTT TCTGGGAGAG CTCACCTCCA GTGAAGTCGC 60
CACTGAGGTC CCATTCCGCC TCATGCACCC TCAGCCTGAG 100

【0803】

【配列表 713】

配列番号: 3913
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04610
 配列:
 GATCAAAGTA GCTTACTATA TCTAAACTGT AAAACAATAT AGTTTCTCCT GAACACCTGC 60
 TTTCCTTCTG GGAGTCGGA ATTTTGGTAT GTGCCAGGCA 100

配列番号: 3914
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04611
 配列:
 GATCGCAAGT GACTGCTTCC GCTTCCAGGA CTGGGCCAGC TAGTGGGGGT GGCAGAGGTC 60
 TCTTTGCTTC ATTCAAGCCCT AGCTCTGTAG AGAAATGCAA 100

配列番号: 3915
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04612
 配列:
 GATCACTTGA GGCCAGGAGT TCAAGACCAG CCTGGGCAAC ATAGTGAGAA TGCATCTCTA 60
 CAAAAAATAA AAAAAATTAG CTAGGCATAG TACCTGAGGC 100

配列番号: 3916
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04613
 配列:
 GATCTAAAGG GGACACTGTA CTCAAGCTTT TNACCTCATG CCTTGTGTAG TAAAAAAGGA 60
 TTTGGGGGTT TTGTTTGGTT CCTCAGAGGC TTGTGTTTTG 100

配列番号: 3917
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04614
 配列:
 GATCIGATGG GCTCTAACAG TGCTTACTTG CAGCCTTGTG TCCACCACCA ACTTCTCATC 60
 ATGTTTCTCT CCGTTGGCCG TTGGGTTTCC AACTCTTCAA 100

配列番号: 3918
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04615
 配列:
 GATCAACCCA CATTAGAGTG TCTAAGGACT CCTGAGAATT CCTGTTACAG TAAACAAAAC 60
 TAACGTAATC TACCATTTC TACACTATTT GAGCATGGAA 100

【0804】

【配列表 714】

配列番号： 3919

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04616

配列：

GATCTACAAA TGTACGTTGT TACAGGGCTG CTCCTAAAG ATTTTITTTA CCTCAGGTTT 60
CTCTTAATAT AGTTCTCCAG TCACTGACCT TGAATTGACT 100

配列番号： 3920

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04617

配列：

GATCTCATTC TTNTTATGGC TGCATAGTAT TCCATGGTGT CTATGTACCA CATTTNCTTN 60
ATCCGGTCCA CCACTGGTGG CATTTAGGTT GATTCATGTC 100

配列番号： 3921

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04618

配列：

GATCTTCTTG TAAGCACATC CAGAGTGAGA CTTTTCTATG TTTGAAAGAA GAATGTGTGT 60
ACATTTCAAG AATTTGGGTT TTTTGGAGGG AGGAGGAACT 100

配列番号： 3922

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04619

配列：

GATCCATAGG AGGGTAAAAAT GTCCGTTTTTTC TTCATTAAAA CTTCTCAGCT CAAATTTATA 60
CTAAAGCATA TCCAGGAATT AAAAAAAAAG GTTTTGATGA 100

配列番号： 3923

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04620

配列：

GATCCCAAAT ACTGCCATTG TGTGTCTAC TTATGAGTTA ATTGTGTACC TGTTAGAAGA 60
CCGTACTCAG TAACAGGCCG GAAAATTGTG CTCTAGAAGA 100

【0805】

【配列表 715】

配列番号: 3924
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04621
 配列:
 GATCTAGAAT CTNTNCTNGG NTAAGCATAT AGGATGCCAC TTCITGCTAC CTCCACAGCA 60
 ATACATCACC TGGACAGCTT GCCACTCTTT GTTGCCTTGA 100

配列番号: 3925
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04623
 配列:
 GATCAGTGTA CTGTTACCCG GACATACCTA TTCCTTCACA AGTTCTGGTT CTTCAAGTGCT 60
 GCTTACTATT TTGGTAACTG GGCCTTCTT GGGGTATTTT 100

配列番号: 3926
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04624
 配列:
 GATCTGGTGC CCCTCTTCTC CTGGATTAC ATCCCCACCC AGGGCCCGCT TTTACTAAGT 60
 GTTTCGCCCT AGATTGGTTC AAGGAGGTCA TCCAACGTAC 100

配列番号: 3927
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04625
 配列:
 GATCAAGATA TAGAGCATCT CCATTATATA AGTTCCTTCA TGCTCCTTCC CAGCCAGCAA 60
 TTCTNCTTAC TGTCTGCTG ACTCCTGTTT TCACCTTCAT 100

配列番号: 3928
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04626
 配列:
 GATCCACTGG TAAAGGGCAT CCCAGAGGAC AAAAAATCCCT TCAAGGAGCT CAAAGGNGGC 60
 TATGTGATTT CATAATACAA AAAAAAGAA AAAAAATTAA 100

配列番号: 3929
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04627
 配列:
 GATCTCTATA AGTTATTAAT TTAACCTGAA ACCAAAGTGG TCTCCATTTA AAGTTACTTA 60
 ATCCCTTTGT ACCACCTATT TCTAGTTAAA TATATGTNGC 100

【0806】

【配列表 7 1 6】

配列番号： 3930

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04628

配列：

GATCCAACT GTGTTGTTCT TAAATCAAAA ATTGGATAAT TTTTAATATT TATGTATTAA 60
TCACACAGTG TGCTCTCTGA AGTTCTCTTA AGCCTTCAGT 100

配列番号： 3931

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04629

配列：

GATCTGCCGG AGTCTTGAAA TTCAGCTGAT TGGAAGTGGT TTCTTTGACT TTCAAGGTCA 60
TTCCCTATCA GTTACTACTA AGAGTTCTCT TACTGTCAGA 100

配列番号： 3932

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04630

配列：

GATCAAAGAC CAAAACATTT TCTTAAATAT ATTTTATGTA ATATTTTATT TGTATACAGT 60
GTTGTTGATG AAATATTTAA CTAGAGCATG ATATTTTAAA 100

配列番号： 3933

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04631

配列：

GATCTAATTA AGCTAAATTT TGGTGCACAG CAGGTTGTAC ATGATTTTCAT GTTTATGTAG 60
CAAAATGCAT TGAAATGTAT TAGTGTTGAA ACATACATGT 100

配列番号： 3934

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04632

配列：

GATCTGGCCC GAGCTCTCCT CAGACCTCCC CAGACCTGTC TTCTCATCAG CCACCGCTGT 60
TTTCTTTTGC CGAACGATGG TTGCATCTCT CGGACACAGT 100

【0807】

【配列表717】

配列番号: 3935
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04633
 配列:
 GATCAAATAC CGAAATTGAA CTTTCTAAAA CCTACACATA GCATGCGTTT AAATTCTATT 60
 ATATAAAGCC CCAAGTGCTT TACCTTCTAA AACATGCTTC 100

配列番号: 3936
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04634
 配列:
 GATCTGAGCA AAATGTGAAC TCAGTATGTT TACTATGCT CTTACTTGAA AACTTTTTTT 60
 CAAAAAAGC ACAAATTAAA GTAGTAAATT CATATCCATA 100

配列番号: 3937
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04635
 配列:
 GATCTACTCA GATGTCATNA TACTCCATAC CTGCTTTTCC CATGGCCGCC CTACGGAAAA 60
 TCCCATCCAC AGAGGCCAGG GCTACCCAAG NCCCTCCAGG 100

配列番号: 3938
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04636
 配列:
 GATCAAAGGT TCTTCATTCA AAAAGAAGCA ATATCCTTTT GCCTGATATG GGGTGGGAAG 60
 GGTAGGTGGC GATGATATT CAAATGAATT AGAAACCACC 100

配列番号: 3939
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04637
 配列:
 GATCCACTGG TAAAGGGCAT CCCAGAGGAC AAAAATCCCT TCAAGGAGCT CAAAGGAGGC 60
 TGTGTGATTT CATAATACAA AAAAAAGAA AAAAANTTAA 100

配列番号: 3940
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04638
 配列:
 GATCCACCTG CCTTGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTGTGAGCCA CTGTGCCCGG 60
 CCAACCATT TTTGTTTAA TTTATTCTA CATGGTCGTC 100

【0808】

【配列表 718】

配列番号: 3941

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04639

配列:

GATCACCAGC TCACGTCATG TTGCCTTCTC TTTTCTTTGT GTGTGTGTTT ATTTAAGTNA 60
TTTTTCTTCC TCCTCTCCCT TTTCTTTTTG GCCCTCCCTC 100

配列番号: 3942

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04640

配列:

GATCTAGAGG AAGTACAGCC ACCCACTGAC ATCTGANTTT ATATACCTNT TGAGTTTTGA 60
GTGCACCCAA AACTCGATA AACCAGGTGA AGAAATTTAG 100

配列番号: 3943

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04641

配列:

GATCAAATCT AAAATAAGTA TAATGCATTG TAATTCAGA GATAAATCCT AGACCCTTCT 60
TGGCCTCCTT CTNACATAAT TCTAATCCTA CAGTCTCAGA 100

配列番号: 3944

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04642

配列:

GATCTAATGC ATCCTATATC CAGTAAGTAG AATTATCTCT TCATCTGGGA CCTGGAAATC 60
CTGAAATAAA AAAGGATAAT GCAATAAACA CAGTTGCAGG 100

配列番号: 3945

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04643

配列:

GATCAGCTGC AGCAGGNTGG GTCCCTCTGC ATCTGTCCAT CACTGCGACT GATGGCAATG 60
ACTGAGTATA ACACCTTTCT TCATGGTCAA CTCTACCCAG 100

【0809】

【配列表 719】

配列番号: 3946

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04644

配列:

GATCCTCCCA GCTCTGTCTC CCAAAGTTCT GGGATTACAG GCATGAGCTA CTNTGCACAA 60
GCTAAGAATA TGTGCTTTTA AATCCCATAA GGAAAAAAT 100

配列番号: 3947

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04645

配列:

GATCCTGTTA TGAAGAGCCC TAAAAAATAG GGTATAGAGT TTGGGCATAT TTCAGAGGTA 60
ATAAGAAAGC ATTCTGCATT TTTAAAGTAA GGTTTAAAAA 100

配列番号: 3948

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04646

配列:

GATCAAGTAA TTCTTTCAGT AGGTTGGGTT TGGGGAGGGG GGAAGAGAGG GGCTTTTCCT 60
AGGAGAACGA TAAGAAATGG AAAGACTCCT TGAAGTGTG 100

配列番号: 3949

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04647

配列:

GATCTGCCTG CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GAGATTAGAG ACGTAAGCCA CCATGCGTGG 60
CCAATAAGAC TGACTTTTAA TTTTCCTTTC TTGTAAGTGT 100

配列番号: 3950

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04648

配列:

GATCTCAGTT GGATAGTTGT ACCTCAAAAA AGTAGGTGAG AACTGGCTTC CTCATTGTCC 60
CAGGATGTCA AATACTAATG ACATAAGAGC TCACTTACGT 100

配列番号: 3951

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04649

配列:

GATCAGAAAG GTGAAATGTT TCGAATTTAA AATGTTTAAA GCATGTTTGG TTTTATTATT 60
TTTACATAAT TGTTTACCAC TAGTTTTTCC ACTAGCTTTT 100

【0810】

【配列表 720】

配列番号： 3952

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04650

配列：

GATCTGGTGA AGGCCTNCTG GCAGCATCTT CTCAGTAAGA CCTCATGTGG CAGAAGGAAA 60
GGGAGCTATC TGGAATCTCC CTTATAAGGG CCCNNNGCC 100

配列番号： 3953

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04651

配列：

GATCCACCCG TCGTCGCCTC CCAAAGTGCT GGAATTACAG GCGTGACATG CATGCCCCGGC 60
CAACATATAA TTATTATACA ACCCAGCCAC TGCACCTCTG 100

配列番号： 3954

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04652

配列：

GATCCTATCT AAAAAATATGT AGTTATTAAA CATTCTGTGG ATATTGTNA ATAAGGTAGT 60
TNCTATGGTC CGAATATCTG GGCCTGCCCC CCCAAATNAT 100

配列番号： 3955

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04653

配列：

GATCTCACAG AAGTTATTCA ATCTCTAGGT TGCTTTAGCA TCTACTTGTG TAGTGAGAAG 60
AGTTATTTAC TTATATTGTG CATGAGGCCG TTTAGATATG 100

配列番号： 3956

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04654

配列：

GATCTGGGAT GTGAGTGTAT CAAATCTTAT CAAATCCATT GACAAATCAG TGGTGCTATA 60
CTGGAAATGG CTACTCCTTT GGATGAAGGA CCTCATTTC 100

【0811】

【配列表721】

配列番号: 3957
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04655
 配列:
 GATCCCAAGA TGACTGGGGT GGGAGGTCTT GCTAGAATGG GAAGGGTCAT AGAAAGGGCC 60
 TTGACATCAG TNCCTTTGTG TGTACTCACT GAAGCCTGCG 100

配列番号: 3958
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04656
 配列:
 GATCCTGAAG GGAAGGGGCA GGGATTTCCTT CTCTCTTTG GTCCTGGCTC CCAAGGGCTT 60
 CTGTCTTCAT CTCTGCATGA GCTCTCCTTC CCAGAGACCA 100

配列番号: 3959
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04657
 配列:
 GATCACCTGT TCCTACAGTG ACAACTGGAC CTGGCCCGAA CECCTGGCAT CTGGCAACAT 60
 TATTACCTGT CGAAACAGAA GTAGAGATTT GAAATAGAGG 100

配列番号: 3960
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04658
 配列:
 GATCTAATTG TGAATCGTT CACCTTGTTA AACATCTAAG TAAGTCTGTA GTCGCTCTGC 60
 AAACAGCCAT TATATTTATT TACTCTAGAA GAAACTGTAG 100

配列番号: 3961
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04659
 配列:
 GATCTGAGTC CTAGGNHCGC CCTCATTCAC TAGCAGTAAG AATTAAAGTG GTGCATGGCA 60
 CATAGCACTG TACTAGATTC TGCAGGGGCA CAAACATAGA 100

配列番号: 3962
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04660
 配列:
 GATCCACAGC TTGCAGGAGA AAGTCAGTGG CCCCAGACAC ACCTAACAGG GTGAGCACTG 60
 AAATAAGAGC ACGCTGGGGC GTCCACACCA AGGGACTACG 100

【0812】

【配列表 7 2 2】

配列番号： 3963

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04661

配列：

GATCCAATCA CATGGCAAAT GCCTCCTTTC ACAATAGAGC ATGGTGCTGT TTCCTCACTT 60
GANCTGAAAC TTCATAGAAG ACCAGGTGAG ACCACAGAAT 100

配列番号： 3964

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04662

配列：

GATCTTTAAA TTTTGTCTT TAGTTAAGTT CTGTATTTAG TGAATTAATT GCATCCTAAA 60
AAGTCAAAC TGAAAAGCAC ATTTTAAATG GCAAATCTAT 100

配列番号： 3965

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04663

配列：

GATCGACATT TAAAAAATGA GGTGAAAGAA AGCTATAGTG GCATAGAAAA AGTATAAAGC 60
TCAGTTAGTT TTTTATTAT TATTATTATT AAAAGTTAAT 100

配列番号： 3966

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04664

配列：

GATCTCCCTT TTACAGATAT CAGAAAGCAT GAAAAAATA GAATTGGATT TAATGCTTTG 60
CAGATATTCT GTTTTTTTC CCAATTATTI GATTTCACCT 100

配列番号： 3967

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04665

配列：

GATCTTACTG CAAAGGAACT GACAGAAGAA AAAGAAAGTG CTTTGAATT TTTTCCTCT 60
GCCTGACTAG ACAATGATGT TACTAAATGC TTCAAAGCTG 100

【0813】

【配列表723】

配列番号：3968

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04666

配列：

GATCCTAAGC CATAGACAGG CTAATTGCCC ACCACTCCCA GGAATATTGA AATAGCTACA 60
TGACCATAAT GTGTTTAAAA TGTGGTATGC TCTTCAGATA 100

配列番号：3969

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04667

配列：

GATCAACTGG CTITTTCTTA TTATGACTTT AGATGAATCG TTTTAATAGA TTTGCTAATG 60
TTAAGACATC TCTGCATTTT TACAAGAATC TGATGTAGTC 100

配列番号：3970

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04668

配列：

GATCGCGTCC AGATGGAAAA CGGAAGCAGA GGCTTCTAAT CGTCGCATTT ACTGGCTCCA 60
GTGCAACACA TCCATCTGAA AACACTCGGA AGTCTGGTGC 100

配列番号：3971

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04669

配列：

GATCTNGTGC CTGGAATAG CCTGAGGTGG CTCAGGAAGC GGAGAAAGGG TGCCAGACCA 60
TTCTCTGGCG GGGACCAGGG CCCAAGGCCC CAGGGCTGCA 100

配列番号：3972

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04670

配列：

GATCAGATGG TTTAAGGCTA CAACACGAGG CCAATATCTG TATGTNAAGG AGACAGAAAC 60
ATCAATGTTT GGAGTATATA TTGACCTTCA TTCTTACTTT 100

配列番号：3973

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04671

配列：

GATCCTGTGA AAGCTGATGC CCATGTGCCC TGAGAGCTGC CTCTCAATCC CTGTCCCAAG 60
CCACAGCTAT GCGTTAATG TCACCAGTGT TCTCACCCTC 100

【0814】

【配列表 724】

配列番号: 3974
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04672

配列:
GATCCCTAGG TCTTGGGAGC TCTTGGAGGT GTCTGTATCA GTGGATTTCC CATCCCCTGT 60
CGGAAATTAG TAGGCTCATT TACTGTTTTA GGTCTAGCCT 100

配列番号: 3975
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04673

配列:
GATCTAGNAA ATGCATATAT TTAGCGGGTA TTTGAAAGAT AGAAGCATT TTTATAACTG 60
AAGAGTATAA CACTTATCTN CTTAAGTAAA TGCTCTCATA 100

配列番号: 3976
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04674

配列:
GATCTCTAAA CTAGCTCTTT TGTTAGTATC GTCTCACAAA CTGATTATTT TCCTCTTTCT 60
TTGGTAAGGT CAATAACTGG GAGATGGACA AACTAGAGAT 100

配列番号: 3977
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04675

配列:
GATCCACACA CTACAGGAAA CAGTTGGCTT TGGAAATCCA TCTTTCTGAT ACCCCTCCAG 60
CTGAACAATT TTCTGCATGG GACTCTGAGT TCCTTTTCCTT 100

配列番号: 3978
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04676

配列:
GATCTGTTTG TAATACAAGG TATTTGGNCT TGTCTTTAAC TGTATAGTGA TTTGTGGGCA 60
GGCTGCAGGA GCCAGGATAA AGAATGCATG TTTGAAATCT 100

【0815】

【配列表 725】

配列番号: 3979
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04677
 配列:
 GATCTAAACT TGATATGTTA AATTTAAATT TAATTTCCCC AAGTGTGAGT ACTATATGTN 60
 ATTGTAGATA ATTTGCAAAC TACAAAAAAT AAAAATAATT 100

配列番号: 3980
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04678
 配列:
 GATCCTCACT CAACGAAAAC TCGNTTGGAA AC1GTTCCGN CTGGCAGTCC TTTTGTGTTG 60
 TTTTCCATCT CATTTCCCTT CCATCTGAAA GTGGCATTCA 100

配列番号: 3981
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04679
 配列:
 GATCCTAGTG CTGCAGCTTC AATCCCAGTG CTGNANTCAC ACATCCATTC TGCCCTGGGG 60
 GACCCTGGAG CCTACTTGTG CGCTTTGCAT TTCATTGATT 100

配列番号: 3982
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04680
 配列:
 GATCTACAAG GCCACACAGA TAATTNCAA TACATCTCAT TTCCTTCTGA TTCAGGCCTC 60
 GGNAGACCCC AAGGGGAAGG AGTTCTCATG GGNCACTATA 100

配列番号: 3983
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04681
 配列:
 GATCTGCCCCA CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG CCGTGAGCAT GAGTGCCAG 60
 GCAGAGAAGT CCTACACCAC GTGTCAAAC TCGGAACACAA 100

配列番号: 3984
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04682
 配列:
 GATCCACCGT CGGATTCCGT CTGCAGAGGA GGACGTAGGG GGGCGTCACA CCCACCAGGC 60
 CTCCTGCTG TGCTTTAACA CAGGCAGAAG AGGTTTCATG 100

【0816】

【配列表 726】

配列番号: 3985

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04683

配列:

GATCTGTTTT AAAGTTGGGG GGTGGGAAAT TTAGCTGACT AGGGACAAAC ATGTAAACCT 60
 ATTTTCCTAT GAAAAAATT TTAAATGTCC CACTTGAATA 100

配列番号: 3986

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04684

配列:

GATCCGGAGT CTTTGAGGCC ATTNTTGAAC TACTAATTCA ACTAATCCTG AACCACCATA 60
 TTTTCATATT CATCCATGAA GTGTTAAGTG TTCTTATGAT 100

配列番号: 3987

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04685

配列:

GATCTTCTAA CTTATAAATG TCAAATATAT TTTTGTATTA GATTGTGCCT ATNATGAGAG 60
 AAATCTTTAA TGTATATTN ATGTATGCTG AACACATTTT 100

配列番号: 3988

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04686

配列:

GATCCAACCTT CAAAGTAAAA GTTGGAAAGG GCAAGAGTCT TTAAAGCGGA ACTTCAATTC 60
 TTTTNNCATG GTTACTTATA TATAATGAAT ATAAATAGAC 100

配列番号: 3989

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04687

配列:

GATCCTGGAG ACGCCATTTT CGAGATTGTT CTGCATATTC ATTTGCACAT TGTTGTCTGG 60
 GTTGGACATG CGTGTGGGCT TCAGTGTGAG GCTTTTAATA 100

【0817】

【配列表 727】

配列番号： 3990
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04688
 配列：
 GATCGACATG AGATACAGAC GAGAGATTAT GTCTCTTATG GCTTTATCAT CAATTAAACT 60
 TAGCAAAGTC TGTAAATTT ATTTAGAGT CTCCCAGCTG 100

配列番号： 3991
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04689
 配列：
 GATCGGTCAT GCTGGGGCCA AAAACATGGC AAGAAACGTC CCACTGTCAA CCTCCGGGGC 60
 AAGCGTGTGC ACCTGCAGCT CAGGGCCAGC CCACCACACT 100

配列番号： 3992
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04690
 配列：
 GATCATGGAA AGTTTCAGTG AAAACCATCA TGCTGTCTTC CAGAACCACG TTCTCCTCTG 60
 AGGAGGATGA ATGAAGGTTG GGTTCAGTC ATCATGCCTG 100

配列番号： 3993
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04691
 配列：
 GATCATGCTT TTCCCTACTA AACTTCTGTA ACTGCATGTA TGATACATTA TTGCAGAGGT 60
 AAGAGATAGT TTAATGGATT TTTAAAAACA AATTACTATA 100

配列番号： 3994
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04692
 配列：
 GATCCAAGCC CTGTTCAGA TTTGGTGCCT GATAAGACAG GGGTTTCTCT TTTTGTGACC 60
 TTTATTATTA TTATTTTGTG AACTGTTGTA ACCAGTTAGC 100

配列番号： 3995
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04693
 配列：
 GATCTTCCTC CCATGAAAGA AAAANCAAGA ACCAGAGGCG TAGACTNACT NAAGACACAA 60
 CTCCTGGCTT TCTNAAAGCTA TGGACTTGGA TTGGATTGCT 100

【0818】

【配列表 728】

配列番号： 3996

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04694

配列：

GATCAAGGGT AAGAATAAGT ATCCACCTCT TTCCTTTTAA AAATTTTCCC TCAGAGTCCC 60
TATGTTGCAT ATTTNATTCT GTTCAGAATC TAACCTTTCC 100

配列番号： 3997

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04695

配列：

GATCCAGACT GGCCAGATTT GAACTCCAGC ACTATTCCTT GATACCTCTG AAACCTTGGA 60
CAAGTAACTT AGTCACTATG TATGAAAAGA GATAATAATA 100

配列番号： 3998

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04696

配列：

GATCAACCAG AAAAAAAAAA TATNATGAAA TGGATACACA CAGTGGACAC CTGTGAAGTT 60
ATCTTAGCTC CCCCAAAAC TACAGGTACA AATTAGTCTC 100

配列番号： 3999

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04697

配列：

GATCATAAAT GACAGGTGTG TGGAGGTCAT TGCAAAGGAA GGACAAAACC TGAAAGAGCT 60
ATATTNGGTG TCCTGTAAAA TCACAGATTA TGGTAGGTAA 100

配列番号： 4000

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04698

配列：

GATCGTAGAA GCCAAATGAA ATGTGACATA TCTACTGACT GATGACAAGG GAATTTTATT 60
AGGAAGAAGG TAAAGAAACA TCGTTGAGTA GCCTACCTTG 100

【0819】

【配列表729】

配列番号：4001
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04699
 配列：
 GATCTTCCAG TTTAGGAGCA ATTTGGTGAA AGGAGTCGGG TGACCAGAGC TGGAATAACC 60
 GTCTGCATGG CTGCACTCTG GTANCAGAGT GGNACAGAN 100

配列番号：4002
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04700
 配列：
 GATCCCTAAA TAAGTAGTTA TTCTGTTTTT CCTGATTTT AACTTTTACT AATAGAATGA 60
 GAGTAAATAT TTTTGGGTAT GTGGCTTCTT TTGTTCAACA 100

配列番号：4003
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04701
 配列：
 GATCCTCCTG CCTCGGTCTC CCAAAGTNCT GGGATTGCAG GTCTTGGTCT TGATNCCAAG 60
 TTTGGGAAAG NAGCTAAGAA GACATCCAC TAGGAAGAGA 100

配列番号：4004
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04702
 配列：
 GATCAACCCC GTGAAGGTGG CCAACCTGGT GAAGGCGTAC GTGGACAAGT ACAGGCACAT 60
 ANCNACGGCA CANGAAACCA GAGGCCGGGG AGGAGCCGCC 100

配列番号：4005
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04703
 配列：
 GATCATCGCA TTGAAATGGT TTTGGGAAGT ATGGAAAATT AAATGCATTT TTGAGACACT 60
 AGTTTATTGG CTATGCAAGT GACAGTTTTG AAAAAGGCTG 100

配列番号：4006
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04704
 配列：
 GATCGCTCTC ACTGGCCTGC TGCAGATNAG CCAGGGGGAG CCTAGGCCCA GCTCCTCCGC 60
 GGTGCCCCC CCAGACCATA CCTCTGACCC ACCCAGCCCC 100

【0820】

【配列表730】

配列番号：4007

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04705

配列：

GATCAAGTCT TGTCAATTCTG TGCCCTCTTT CCCCATGTTT CCTGGGAAGA CGGGTGGTGG 60
CAGAGTGAGA AGGCCACTGG TTCTGTGCCG CAGCACGCAA 100

配列番号：4008

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04706

配列：

GATCCACCTC TACACCAGCC CAGGAAGCCC CATCTGTGCC TGCCCTCAGG TGGTCCACCA 60
GTCTCCCCCT TTGGTTCCCT TCCAGTCTNT TCCCCCTTC 100

配列番号：4009

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04707

配列：

GATCTATTCC CACATGANGT GCGCCACCGA CACGNAGAAC GTCAAATTTT TTTTCGACGC 60
TGTCACCGAC ATCATCATCA AGGAGAACCT CAAAGACTGT 100

配列番号：4010

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04708

配列：

GATCCTCCCT GCCCAAGTCT TACTTCGTGA GCTGGCCTTG CTCCCCATCC CCCAAGTGCC 60
TCACCAGTCC CCCAGACTGG GTGAAGGTAC AGCTGGCTCC 100

配列番号：4011

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04709

配列：

GATCACTTGN GGTCAAGNCGT NCGAGACCAN TCTGGTCAAC ATGGCAAAAC CCCGTCTCTG 60
CTAAAAATGC AAAAATCAGC TGGGTGTAGT GGTGCGTNCC 100

【0821】

【配列表731】

配列番号: 4012

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04710

配列:

GATCCTGGGC CAAACTGATT TACTATTTTA AATTNAGTT TTAATGNGAC AGGGCCTTGC 60
 TATGTTGCAG GGTGGTGTG AACTCCTGGC CTCAAGCAAT 100

配列番号: 4013

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04711

配列:

GATCATCCTC TAAACATTTT ATCATTATTT AATCCTCCCT GCCTGTGTCT ATTATTATAT 60
 TCATATCTCT ACGCTGCAA ATTTGGGTCT CAATTTTAC 100

配列番号: 4014

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04712

配列:

GATCATCATC TGTGAAGCAT CATGGTAGCT TCCAAGCATT TCGGCCCCAC TGGCCAGNTG 60
 CATCCAAAAC ACATTGAGGA AACCCGAGAG TTGTAAGTTG 100

配列番号: 4015

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04713

配列:

GATCTTTTTA AGATNNNAAT AAAGAGCTTT CCTAAATAAA ATAAGCAATA TTTAACTTTA 60
 GAAACTGTAC TCTATGAAAC GTGTTTTATG AAANCATCTN 100

配列番号: 4016

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04714

配列:

GATCTGGCTA TCTCATIGAT TATATTTTTC TTCCCTTATA CTGCAAAGTA CATCATAGGT 60
 ATAATTTTAT TTTGAGAAAG AACTATATTC CAATTTTACC 100

配列番号: 4017

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04715

配列:

GATCTGTAA ATTGGATTTT ACATGTACAT TTGAATGCCA GAATTTCTAA ATAAATCCCC 60
 TGGTTAGGAA ATTTTAAAG TCAAAGCTTG TTTTCTTCAA 100

【0822】

【配列表 7 3 2】

配列番号： 4018

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04716

配列：

GATCTNATTA GACTTATACA TCTAATTATA GAAATACATA GACTTGATAG AATTTAATTT 60
TCAGGCATGA AGAAATATTC TTTGGAAAAG CTAAATTTT 100

配列番号： 4019

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04717

配列：

GATCAGCCTG GGCAACATAG CCATAGTGAG ACACCAACTC TCTACAACAG CAAAACAAAA 60
CAAAAACAAAA AAACATGCAG CTGGGCATGG TGGTNACACC 100

配列番号： 4020

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04718

配列：

GATCATTTTT TGAGGCAGGA GCATAACACC TTCTCTAGGA TTTGTCAGCT TCTAAAAAGA 60
GCCITTTGTA AGGACTTGTA TGAGCTTGGG TTTCAACATC 100

配列番号： 4021

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04719

配列：

GATCCAGACT ATAATCCTGC TGACCCAGAG AGTGACTCAG CTGACTAATG GACTGTCCCC 60
ATCTGCAGAG AGGCTTGACT GCCACAGCAT CTGTGGCTAT 100

配列番号： 4022

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04720

配列：

GATCTAAGGA AGAAGTTGCT GCTGCAGTAT TGAAACTGTG AAGAACTGAC ATTTGAAGAA 60
AAATAGATTA CCGTTGCGGG ACTAGAATGG GCGACTGCTT 100

【0 8 2 3】

【配列表 733】

配列番号: 4023
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04721
 配列:
 GATCCAGAGA CAGAGGCAGC CTGTCTTTTC AGTTGGTTTC TGCTTTTAAT TTACTTGTAC 60
 AATTCATTGT TACTGTTCTG TTTTCCTAT TAATCTTTTG 100

配列番号: 4024
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04722
 配列:
 GATCCGAGT TCAAGGGAAG AGGAAGTTGC CTCTGAGCTC CATCTCTCTG CGCTGCTAGA 60
 CATGGTGGAC ATTGAGCAG CCTGACCTGT GGGGAGGGGG 100

配列番号: 4025
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04723
 配列:
 GATCGAAACC AGCCTGGTCA ACATGGTAAA AACTGTCCC TACTAAAAAT ACAGAAATNA 60
 GCCAGCAATA CAAAAATTGG CAGCTGTAGT CCCAACTACT 100

配列番号: 4026
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04724
 配列:
 GATCTCAGNA ATTGGA AAAA TTGTCCTGTC TGTCACCTGT TTTGTTGCCT TAATAAGCAT 60
 CTGAATGTTT GGTGTG GGG CGGGTTCTGA AGCGATGAGA 100

配列番号: 4027
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04725
 配列:
 GATCAAGGCT ATGAACATCT TGTGAAGTAG GATGTTAAGT CTGCAATAT CAGAGTGAAT 60
 CCAAACTTAT CAATTCACA CTGGATTGTA AAACAGCTCA 100

配列番号: 4028
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04726
 配列:
 GATCGAAACC ATCCTGGCTA ACACGGTGAA ACCCGTCTC TACTAAAAA TACAAAAAT 60
 TAGCTGGGCG CAGAGGCAGC GGCCTGTAGT CCCAGCTACT 100

【0824】

【配列表734】

配列番号: 4029

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04728

配列:

GATCAGCATT CATACCATAG TAACTGATGT TGAAAACAGC ACAAATAAAC CAGAAGTTGA 60
AAATGGCAAT AACATGCTAA AAATTTGCAA GTCAATTTGA 100

配列番号: 4030

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04729

配列:

GATCCTATGA ATTAATTCAG AAAGCAACTA AAATAACAAT GGCCTGCCAA ATGTCATTTT 60
GTAAATATAC GTCTATGACT TTAGGAGCTG TCCTGGTTTG 100

配列番号: 4031

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04730

配列:

GATCGATGAA GCACTTTTTT ATTAATATTT TCCTTTGTTA AAGGAGGAAC CGTAACTNTC 60
CATAGCTGTA CATATAACCC TTTTCTCCTA AAGAGGAGTC 100

配列番号: 4032

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04732

配列:

GATCTTTCCA CATACACTAC ATTGTATTGT TCAAAATTCA TAGAAATNAC TTGCAATATA 60
TTGATTTAAG CCTTATGTAG TGACTGTTGC TATATTTAAA 100

配列番号: 4033

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04733

配列:

GATCCACATC TCAAAGAAGT GGGACTTCAC CAAGGTNCAA TGCTGATGAA TTTGAACNCA 60
TGCTGGCTGA AAAGGGGCTC ATCCCANGAT GGCTGTGGGG 100

【0825】

【配列表 735】

配列番号： 4034

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04734

配列：

GATCTACATT ATTCAGCAGC CTCGAAAATG TTAAGCCTGG ATTTAAAACA CAGCCGTCTG 60
GCCAGCTGCC TCGAATATCT GACAGCTTAG CAAAAAGGGC 100

配列番号： 4035

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04735

配列：

GATCTGGGAT AAAACCAGAC TGAAAGGAAT ACCTCAGAAG AGATGCTTCA TTGAGTGTTG 60
ATTAAACCAC ACATGTATTT TGTATTTATT TTACATTTAA 100

配列番号： 4036

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04736

配列：

GATCTNCTTT TTATCACTAT AGTTTGTATT CCTAGAATTG TATATAAATG GAATCCAACG 60
GGCACAGTGA CACATGCCTG TAGTTCCAGC TACTTGAGAG 100

配列番号： 4037

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04737

配列：

GATCTGAAAA GAATTTNTAT TTAAATTGGG TTGAGGGAGA GTAGATACAA TGAAACCTTA 60
AATTTAGCT TTNATTCTAA ACCCTTTAAT TTTTATGGG 100

配列番号： 4038

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04738

配列：

GATCCTCTTC CTGCTCCAGT TGCTGGCCGA CCACGTCCCT GCGGTTGGCC TGGTCACAAG 60
GCCGCTCATG GATTACTTGC CCACCTGGCA GAAAATCTAC 100

【0826】

【配列表736】

配列番号: 4039
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04739
 配列:
 GATCCTATTT GTACAAAAA ATGTAAACT TAAATTGCA CAAAATTTGT NACCTGTACC 60
 AGCTTTTGA ACTGTTTATC TTATCCTCCT CAGTGATACA 100

配列番号: 4040
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04740
 配列:
 GATCTCATTT TATTTAGCAT CAGCTCAAGA AACTNAAGTC TTAGTGCACA GTATCACAAC 60
 AAAGAAAAAG CTTTGTTTT ATAAC TGCTA AAAACAAGAA 100

配列番号: 4041
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04741
 配列:
 GATCCAAGTT GCCCTTGGG TATAAACTT GACAGCAGAG GCGCTTCAGG GTCCCTCAGC 60
 TGCAGTGTGA AGTGGGACAC ACAGGTGAGA CTCCATCTGC 100

配列番号: 4042
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04742
 配列:
 GATCTGACCT TTCTTCAGA TACATAAGCA TTATTTTCTC TGTTTAGGTC CAAGGAAAAA 60
 CAAAAGGTAA AGGNAATAAA GGAATATAC ATAAGGCCAA 100

配列番号: 4043
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04743
 配列:
 GATCCTATGA CTGACATCAA CTAAAATTTA AAAGAAGAGG AAGACTCAGT TGGGAAATTT 60
 THCCATGAGG AAAATGTGCT TTGGTGCAAG GTACAAGGCC 100

配列番号: 4044
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04744
 配列:
 GATCTTTCAA GAATGAACCA AGGNTTTTAA AAAGAATTAT AGGAAACACT TCATTCTTTA 60
 TAAACTTTT TATAATGCCT TATTTGAATG TTAATCTTAT 100

【0827】

【配列表737】

配列番号：4045

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04745

配列：

GATCTGAGAG GCAGTAAAGC AGTGATGAAG ACAGTGCAGC AGAACATTGA AGTCCTGATT 60
GCAGCAGTGA CTCTGCAACC TTGGATAAAT TATTTTCANTC 100

配列番号：4046

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04746

配列：

GATCATGTGA TTTCTATTTT TCCCCACAG GGTAAGGGAC GAGTCTTCTG GAAGGCTCTG 60
CCATGGACAT TTGTCCTCGG GCTCAGAGGC CCCACCCTGC 100

配列番号：4047

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04747

配列：

GATCACGCCG CATGTATTGA GGTGTGGCAT GCAGCATTTC GGAAGGAAAA TTGAAGACGT 60
GTTCAAGAAA ACATGAACAG AAGCAAATNA TGAANAATGAG 100

配列番号：4048

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04748

配列：

GATCCCTACC GCCAGCTGCG AGAGAAGGAC CCCAAGTACA GTGCTCTCCG CCAGAATTTT 60
TTCCGCTACC ATGGGCTGTC CTCTCTTTGC AATCTGGGCT 100

配列番号：4049

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04750

配列：

GATCATGAAG AAGCAGGGCC TCTACCTACA AAAGTNAATC TTGCTCATTC TGAAATTTAA 60
GCATTTTTCT TTAAAAAGAC AAGTGTAATA GACATCTAAA 100

【0828】

【配列表 738】

配列番号: 4050
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04751
 配列:
 GATCTGGTTC CAGGGGAAAA AAATAGCTGG TTGGTGTCTA GCCCCCAAC ACTTTTGTCT 60
 GTTGTGTATA AAAGAAGAAA GACTGGCATG TACCTTCATT 100

配列番号: 4051
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04752
 配列:
 GATCTAGAAG CTGCTAAAAA TGACAATATC AATCACATTA GGGGAACCAT TGTTGTCTTC 60
 ACTTAATCCA TTTAGCACTA TTTAAATAA GCACACCAAG 100

配列番号: 4052
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04753
 配列:
 GATCCAACAG CAACACCATT TTTAAATTAT TGTGAAAAGA TTAAGTGGCA ATGTACAGAG 60
 TTTACTCAA GGCCTTCTTA AGGGAAAACA CTACAAAAAG 100

配列番号: 4053
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04754
 配列:
 GATCCACGGT GGGCTCCAGC TGCCAAGNCA CCCAAGGGAG TCTGGGCCCT AGGCCTAGCC 60
 CCATCCCTCC CCATGAGGGG CCAAGACACT GCCTAAGGTG 100

配列番号: 4054
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04755
 配列:
 GATCCAGGAA GTTGGTGAAC CATCTAAAGA AGAGAAGGCT GTGGCCAAGT ATCTTCGATT 60
 CAACTGTCCA ACAAAGTCCA CCAATATNAT GGGTCACCGG 100

配列番号: 4055
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04756
 配列:
 GATCTTCACA TATTTTATAT GNATATATAT ATCAAGAAGT TATATATATA TAACTCAAGA 60
 AACTCAAGTT ATATATATAT GTCAAGAAAT GTATGATTAT 100

【0829】

【配列表 739】

配列番号： 4056
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04757
 配列：
 GATCTGGAAG TCACCCTCCT CTGGCCCACG GAAAATTTTG GTAATCTTCT AGGTTCTAAA 60
 ATGAAGATGT ATGGGTACTC TGGCAGACTG CATGTTGTAT 100

配列番号： 4057
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04758
 配列：
 GATCAACAAG TTCAAAACAC TGCTAAGTCT AAATCTAAAA CAGACCAAGA GTACCTTCAT 60
 TTAANTTTAG CTTGCACAGA GCTTGATGCC TATCCTNCAT 100

配列番号： 4058
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04759
 配列：
 GATCCAACAC AGAGACAATA GAAACATTGG GATTGAAGAG ATTCTTGGGA CTGTAAAAAT 60
 CCCAAGAATA TGGGATTGTA AAAAACCTGT CATCTTACTG 100

配列番号： 4059
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04760
 配列：
 GATCTAGCAT TTTAATTTCT AGCATTGCTA TTCACCGGCT TCCTTATTTT ATATGTAAAA 60
 ATTAAGATTT TATATTTAAT CTTCTTGTTT CTCATAGATA 100

配列番号： 4060
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04761
 配列：
 GATCAAGGTC TGTATATTAT CCCAAACTTT ATTAAGAATT GTTTTCTAAT TNGTTATAAC 60
 ATTTTTNAAT TAATAGTTTC AAAACAAATT GTTAATACAA 100

【0830】

【配列表740】

配列番号: 4061
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04762
配列:
GATCTTTAT CAATTAGCAC TCACTAATGT ACTACTAATT GAGCAACCTA CGCACTCAGT 60
TGACTACGTA AATCTGTCAG GTCTTTTGTG ATTCCTCTG 100

配列番号: 4062
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04763
配列:
GATCTGGAGT CCCACGTTCC CCAAGGCCAG CGGGATGTGT GCCCCCTCCTC CTCCCAACTC 60
ATCTTTCAGG AACACGAGGA TTCTTGCTTT CTGGAAAAGT 100

配列番号: 4063
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04764
配列:
GATCTGTTT GTACAAAGTC TTGCTTTTAT AAGGTTTCAA TAATATCTAA AACAACACAT 60
TAAAAAGCTG AGACCATTTT ATGAAGATAA TTGTTTGTA 100

配列番号: 4064
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04765
配列:
GATCTGGTT ACAGCCATTT TGTGTGATTC ACTTCGGGGG TTAAGTAATG CAGGATTCTG 60
CAAACAAGGT GTCGCCGTCC AAATGTAAGT TCCTGGCATA 100

配列番号: 4065
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04766
配列:
GATCATGTAT AAAAAGAAAA AAAAGAAGTC ATGCTNTGTG GCCAATTATA ATTNTTNNCA 60
AAGACTTTGT CACAAAAGTG TCTATATTAG ACATTTTGGA 100

配列番号: 4066
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04767
配列:
GATCAGGATT TGGGAAATT GTGGTCAATA TTGATTTTC CTTTTCTGTT TGATAGCCTT 60
ATCTAAATTC CCCTAGCTTG AATGTAATAA ATATGAGTGT 100

【0831】

【配列表 741】

配列番号： 4067

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04768

配列：

GATCTTACCT CCTAACCAAC TCCATACATC ATGACCAATG GCTCAGTCCA AGCNGTCATC 60
TCTTGCTTGG TCACTGCAGG TACTTGCTAA CTTTCTTCCC 100

配列番号： 4068

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04769

配列：

GATCTTAATA GCTAAAAATAT GAAAAATATT TGGNAAGTCT GAAATNAGGT CTCCTGGCCC 60
TGGTGTGCCC TTAATGCCTG TNACAGTTGG CCTCTGTGAA 100

配列番号： 4069

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04770

配列：

GATCCTCAGG ATATGCAGGG CTCAAGAGAA ATGAAATATC TTGGGGATAT GGTACTTAA 60
GACGTGATAC TGTCACAGTG AATTCACAG AAGATGGTGC 100

配列番号： 4070

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04771

配列：

GATCTTCAAA CATTA ACTTA AGCAGACCAA AAATTCTGAT GACCGCATCT AGATTATTTT 60
TTTATAAAAA TGATTTTCAC TATAGCTATG TTACGCTAAG 100

配列番号： 4071

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04772

配列：

GATCTTTAAA GATGTGCTAA ATGACTTTTT TGGCCAAAGG CTTAGTTGTG AAAAAATATAA 60
TTTTTAAATT ATACATTCAA GGTAGTGGCC AAATGTAACA 100

【0832】

【配列表 742】

配列番号: 4072
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04773
 配列:
 GATCCTTCCC AGTGGACAGA TGAAGAATTA GGTATCCCTC CTGATGATGA AGACTGAAGN 60
 TGTAAGACTCA GCCTCACTCT GTACAAGAGC CAGGTGAGAA 100

配列番号: 4073
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04774
 配列:
 GATCTAGTGT GTAGTGAGCT CAGTATAGAG GACAGAGCTT TCATCATGTA AATTNATATG 60
 CAAAGCCAAA TAAACGTGG TGTGTACTTC CTACTGATGC 100

配列番号: 4074
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04775
 配列:
 GATCCATACT GAAAAAATNC TGAGCCAGCC ATCTTTGGCA AAGNNCCCTG AGCTCTTGCT 60
 ATCTCTCAAG AGTGCTGAGA NCCACGGTGA AAGTNCCTCT 100

配列番号: 4075
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04776
 配列:
 GATCTCTGTT CTNGHTTGAA TGTATTTAAT TTCCAGCAGA ATGAGCCCCA TTCCTTATTT 60
 TGATTGCCCA TTTATCATGT ACATATGGTG AAATGCCTAT 100

配列番号: 4076
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04777
 配列:
 GATCTGCTGA AGCATCTHTC CAGCTGGTAT CCTNTGAAAG TTTGTTATTT TCTGAGTAGA 60
 CATTCTTATA GAGTATTGTC TTTAAAATCA GATTGTCTCT 100

配列番号: 4077
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04778
 配列:
 GATCTTGTCT CACAAAATAA ATTAATAAGA TTTTAAATA GCAGGTTTCT AAAACAATGA 60
 GAAAGACAGC ATTACATATC AGTGTCTACA ATTTAAACAA 100

【0833】

【配列表743】

配列番号：4078

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS04779

配列：

GATCGTTACT ATGTGTCAAA GGGTTTGGAG AACATTGATT AAGGAAGCAT NTTCTGATT 60
GATGAAAAAA ATAACTCAGT TATGGCCATC TACCCCTGCT 100

配列番号：4079

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS04780

配列：

GATCTATAAC TGTACTTTGC CTGGCGCTGT GCGANAGGGT CAGAAACTT ACTGCTAGTA 60
CCTAGAAACA CACAAGGCTG CCCAGCCAAA TCTTAATGTA 100

配列番号：4080

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS04781

配列：

GATCTTGTA GTAGGAAAGC TGTAACATAA AATTGTATTG TTTGCTTATT AGCCATGTAT 60
CTCTTAAAT TTTGTTATGT TTACAACGAT GTACCTTATT 100

配列番号：4081

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS04782

配列：

GATCCAAAAG CTGGCTNTCT AACCACCAGC CAAGGGCTCT CTTCAACCACC AAGCCAACTC 60
TCAGGGCAGC AGCAATGTGT ACCTTATTAA CCTCTGCACC 100

配列番号：4082

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS04783

配列：

GATCCCTGGT CCTGCCGACA CGCAGCTACT GAGAAGACCA AAAGAGGTGT GTGNTGTCT 60
ATGTGTGTGT TTCAGCACTT TGTAATAGC AAGAAGCTGT 100

【0834】

【配列表744】

配列番号: 4083
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04784
 配列:
 GATCGGCACC ACACCAGACA TAATCCTGGA CGACTTGCTG GAGACGGACC GCGTCACCGC 60
 CCACTTCTAG CCCCGTGGAT GCCGTCACCA CCAGCACACG 100

配列番号: 4084
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04785
 配列:
 GATCTAATTC TTTTGATAAA GTTCTAGCTC TAAAAGTGAT AGTGGGACTG TATGTTTTCT 60
 GATACTGGTG GCTTATGTTA TTAANCCTTT TTTAAAAAAG 100

配列番号: 4085
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04786
 配列:
 GATCTTGTGT TCTTTGTGCC AATATGAAAA GGAGAGGGTT GGTTCCTTCC TTTATTGTTG 60
 AATGCTCCCA TTTAATGCTT TATGGCTTTT ACTGTATTAC 100

配列番号: 4086
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04787
 配列:
 GATCACACTG GGGAAAAGTG ACAGAACCAA ATTTCAAACCT CCAGTCTTTC TGCTTCTAGA 60
 GATTGAACCTA CTAACATCTG CATTATATAA AATTAAAGTNT 100

配列番号: 4087
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04788
 配列:
 GATCCCAAGA TGATTAAAAT AGGGTTTCTN ATGGATGTTG AATGGCGTGG ACTCGCTACT 60
 CCGTTCTTCA CAGCTGCCTT CCAGAATGTC TTCAAAAAGAA 100

配列番号: 4088
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04789
 配列:
 GATCAGCCCC AGATTTGACG TGCACTCAAA GACCTGGAAA AATGGCAGAA TAATCTGCTT 60
 CCATCCCGCC AGTTTGTTT CATTGTACCT GACCACCCCTC 100

【0835】

【配列表 745】

配列番号： 4089

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04790

配列：

GATCTCATTG GTATGTTTTT TAATGTGTAG AATTAACACT TAAAAATAAA CAGGTGTGAA 60
AATTATAAAG GAATATATAT GACAATTATT TNCTGTACAT 100

配列番号： 4090

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04791

配列：

GATCTTAAAA CCCAAGACAT TATATTTGAA GGGGCACAGC AAACAGTGCA AGAAAATCTG 60
CTGATGGAAG ATNATTTTNA TCAGTCCTCA GANCCAGAAA 100

配列番号： 4091

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04792

配列：

GATCTAAGNA GGATTCAACA CCTTTNTTTG GTTGCTCAGT GTGTAATGAC TGAGATTTGT 60
AAATCTTTGT GAACATTCTG TACTGGTTCC CAAGAGCTAT 100

配列番号： 4092

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04793

配列：

GATCTTAGCT GTATGGAGTA ACTATTTTCTG AAAACCTTAT AAGAAGTTCA TTTTCTTTCA 60
AAAGTAACAG TATATTATTT GTACAGTGTA GTATACAAAC 100

配列番号： 4093

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS04794

配列：

GATCAGAGAA GGCTGAAGAA GGTGGAGAAA CTNAGGCACA AAAAGAGGGC AGTGAAGATG 60
CGGGCAACCT CCCTGAAGCC CAGGAGAAGA ATGAAGAAGA 100

【0836】

【配列表746】

配列番号: 4094
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04795
 配列:
 GATCAACTAT GGGTTTATAT AAATNCCAAA TTTAGTACAA CAAATTTAGG TCATCAGGTG 60
 AATACAAGTA TTTTTTTTAA CAGGNAACAT TTTATTATAN 100

配列番号: 4095
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04796
 配列:
 GATCTCTGTG ACCCATACCC TATTTNTACA CTCCCTCCCC TTTTGAAAAT CACTAATAAA 60
 AAATTTNCTG GTTTTATGGC TCAGGGGGCA TCACAGAACC 100

配列番号: 4096
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04797
 配列:
 GATCATTTTC TTGGGACCTT GAACTGTGAA TGTTTTGTCC TAACCATTTA ATATTTTCTA 60
 GGTACTTGCT GCAAGTNCCT GAACTATTTT ACCAGCTTTA . 100

配列番号: 4097
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04798
 配列:
 GATCAGAGAA GCAGATATTG ATTGAGACGG ACAAGTCAAC TATGAAGAAT TCGNACAGAT 60
 GATGACTGCA AAATGGAAGA CCTACTTTCA ACTCCTTTTT 100

配列番号: 4098
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04799
 配列:
 GATCTTTCAC ACACTGGTGA CCCTGAGAGA GGAGGGAGGA GGGAACCTGG CGGGGGTGTG 60
 TGAGGCCGCA CTGTCAGCTG GCCGGTCCAA GCCTGTGGCT 100

配列番号: 4099
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04800
 配列:
 GATCCCCCTC AAGTCTCTCT GACCTTTCTT CTGCCCTCCA GCCTGGGTGA CAGAGCTAGA 60
 GTCTGTCTCA AATAATAATA ATAATACAAT AAATAAATAA 100

【0837】

【配列表747】

配列番号: 4100

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04801

配列:

GATCTCATAG AGCCCAGTTC TTAGAGTCAA CTAAAGAGTT GATAGGAATT TACTAGGTCC 60
AGGGAGAAAA GGCAGTGGTT GGGGTTACTG GAAATTTTGC 100

配列番号: 4101

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04802

配列:

GATCTGAACT TACAGACAGT TGCCAAATTT CTCTAGATAA GAAAATAAAG AATAGAGGGA 60
ACCTAACTGG ATAACAAAAA AAAAGGAGAG AGAAAAATGC 100

配列番号: 4102

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04803

配列:

GATCAGGAGG GACCACAAGG ACAGGAGAAT TAGCAACGAG AGACTGGCTG GCACCAGTNT 60
TGGGAAAACT TCAGAGTGAG CTCCATTTCAT GGTCTATTAA 100

配列番号: 4103

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04804

配列:

GATCAAAAAA TTATTTTTAT TTATCCTAGC TTTACGTGCA TCTCACGGAA ACAGGATACA 60
CGGTGTATAT ATTATNATGC AGTTCGTTGG AACTAGAATT 100

配列番号: 4104

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS04805

配列:

GATCACTGGG CCTACCTGCA CTGTGGGGCC AAGCCCTGTC TTTTCCCAA GCCCTCAAGC 60
ACACGCATGA ATGTTTCATCC CGACTTGGTA GGGGGCTTTT 100

【0838】

【配列表748】

配列番号: 4105
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04806
 配列:
 GATCTGICAT NNTTTAGCAG TCAAGTGGGA TGGGCATTAT ATAAACAACG TTACAATGTA 60
 AGGAAAATCT NTAAGGNGAT GGGGAGAGAA AAAGGCAGCT 100

配列番号: 4106
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04808
 配列:
 GATCTGCCCTC TCAGGAAAAA GACTAACTT GTTCTTTTTG TTCTTGGCTT TCATCAGTTT 60
 GTGAGATTTT TCTATTTTTT TTAAATATAA TTTTATTTCT 100

配列番号: 4107
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04809
 配列:
 GATCCTGGCT AACCCCTNGCC TATTTAGATT CCTTCCTCTC ACCTGGACCT TCCCATTTC 60
 ATCATGCAGA TGGTTTCTTT TTGTAAAGAG TTCCGTTTGC 100

配列番号: 4108
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04810
 配列:
 GATCTTCTTC TCTCTTGTC ACCTATTAAT TGTTTACAAT ATTTGTTACA TCTTATGCAA 60
 AATACTTGAN TGGCCATGG TGCCTTTTTT CCTTGTAAGT 100

配列番号: 4109
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04811
 配列:
 GATCCCGTTT TCCCCATGAC AATGTTGTAG TGTCCCCCAG CCCCACCCCC CAGGCCCTTG 60
 TGCCCTTGT ATCCCTAGTG CTCCATAGTT TGGCATTTC 100

配列番号: 4110
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04812
 配列:
 GATCTGTGCA GCAAACCACC ATGGCACAGG TTTATCTATG GAACAAACCT GCACATCCTG 60
 CACGTGTACC CCTGAAATTA AAGTAAAAAT TGGAAATAAA 100

【0839】

【配列表749】

配列番号： 4111
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04813
 配列：
 GATCTATCAA AGGAAAAGGA AACTGAGACC GAAAACCTAG GGTCTAAGTT GTTCTAAACC 60
 CAGGGTTCTC AAATGTGTTG TACAAAAAGT TTCATGTAAT 100

配列番号： 4112
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04814
 配列：
 GATCACAATG TCATTTCCTA ATACAAGGCA GGATATGTGG GAAGAATATG TACAATTATT 60
 TGATTAAAAT TATTTCCAC TGACCTAAAC TTTCACTGAT 100

配列番号： 4113
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04815
 配列：
 GATCCACTGC CTCAGCCTCC CAAAGTGCTG GGATTATAGA CATTTCATGAT GAATTCTTAT 60
 TTTANNNTA ATATAAAGCA AATACAATTA TTGTTAGATA 100

配列番号： 4114
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04816
 配列：
 GATCCATGCC TGTAGTCCAA GCTACTCAGG AGTCCGAGGC ACAAGAATTG CTTGAACCTG 60
 GGAGGCAGAG GTCACAGTGA ACCATGTTCT GTCACCTGCAC 100

配列番号： 4115
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04817
 配列：
 GATCTGGTCC CTGTAGCACA GAGGTCCGAA GAACCGCCTT CAGAAAGAGG AGGCATATTT 60
 GGAAGTNATG GGAAGACTT TNTGGACAAG GATGGAGAAC 100

【0840】

【配列表750】

配列番号: 4116
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04818
配列:
GATCTACAAC ACCTGCCAGT GACCCCTGCC CAAGGCCTAC CCCAGTTCCT AGCACTGCCC 60
CACATGCATG TCTGCCTATG CACTGAAGAG CTCTTGCCCC 100

配列番号: 4117
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04819
配列:
GATCTGCTGA CAGTGAGTAG TATTTTGTIT TAGGATGTTG TGACTTAGCA AAAATAATAC 60
AGATGTCTTC CCCCCTTTTG TAGCTTTGAC AATTGAATT 100

配列番号: 4118
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04820
配列:
GATCCTTACA TATGCCATCC TTCTGTGTC TTTTGTGGCT GTTCTGTGTT TTTCTTCTCA 60
GTTATTTATT ATTGTTAATA ACTTACTTTT TCTTACATTC 100

配列番号: 4119
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04821
配列:
GATCAAAACAG AGGCATGCTA AGATATATTG GGGCTTGAAG CAAAGGGAAA ACTATTTGTT 60
GCTATATGTT TGTAGGGATT TTTTGCCAGT TTTAAAAATA 100

配列番号: 4120
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04822
配列:
GATCAGTGGG GGAGGGCACC TCAGCAACCT CTGAGTGTGG ACAATAGCTG CTTTCTTCTC 60
TATCCAAGAG CACCAGGCTG TGCTTGGNTC CTTGCTCTCA 100

配列番号: 4121
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04823
配列:
GATCGGGGGT GGGATGGGAT GGAGTGAGCC CCATCCAGTT AGTTGGACTA GTTTTAAATA 60
AAGGTTTTCC GGTTCGTGTT TTTTGAACC ATACTGTTA 100

【0841】

【配列表 751】

配列番号： 4122

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04824

配列：

GATCACAGAG GGAGGAGCTC TGAGAACAGT CTCCTTCAAC AGCTCGGCCA AGCAGAACTG 60
CTGTACCTCT GACCACTTGT GTTAGGAAAA CTATCGGCTC 100

配列番号： 4123

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04826

配列：

GATCTTTGCC TNTAAGCTTG AATATTTGGC TTAAANTTTG TNCATATGAA TACTGTTAAA 60
GGTATATTTN ACTACATTTT GAAAGGAAAA AGGTAGTCCT 100

配列番号： 4124

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04827

配列：

GATCTGAAAT TCTGAGATAT CAATCTAGGA ATTTCAAAAG AAACAGATTA TAGAATTTAA 60
AACTTAACAC CNGTCTTGTA TTAAGAGAAG TCAACATTTT 100

配列番号： 4125

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04828

配列：

GATCTCAGAA CTGTGCCAAG CAGACACTGG GACAAAGGGA GAATATCTTG CTCCCCTCCT 60
GAGTCAGCCT GGTGTTGCC TTTATTCCCC TTATGTGCAT 100

配列番号： 4126

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04829

配列：

GATCCTACAA ACAGACATTT TCCACTCGTG TTTCCATAGT TGTAAAGTGT ATCAGATGTG 60
TTGGGCATGT GAATCTCCAA GTGCCTGTNT AATAAATAAA 100

【0842】

【配列表752】

配列番号: 4127
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04830
 配列:
 GATCTTCTCG CCTCAGCCTC CTGAGTAGCT GGAGCTACAG GTGTGAGCTA CCCAGCATGG 60
 CTCATTTGAG ATTTCTGAGT AGAGAAGTAA CATGATTAAA 100

配列番号: 4128
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04831
 配列:
 GATCAATCTC TCCCTCAGCT TTCTTTCTTA CTTTTGAGC TTTGCTGGCT TTAACTGCT 60
 TCATTCTTCT GCTTCATTGG TATCCTTTTT TCTTTTGAAA 100

配列番号: 4129
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04832
 配列:
 GATCGACTGA GTCCAGAAAG TCAAGGCTGC AGAGAGCCAC ATTCACTGCA CTCCAGCATN 60
 GNTGNCAGAG GNAGACCCTG TCTCAAAAAA AAAAGAAAAA 100

配列番号: 4130
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04833
 配列:
 GATCGGTAGG GGGCCTGCTC CTCGGACTCT GGTACCTCT AAGGCTGGGA AAGGCCTGGT 60
 TGCCCACTGC NTCCNTCCCT GCCCCTCCTT TNATGTCCAT 100

配列番号: 4131
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04834
 配列:
 GATCACCCTT AAATCNGNGT TGGGAAAATA TCAATTAAC TGGACTCTCTG GTTTGAATTC 60
 TCAATATGTA TCTTAATATG AAATAGCTCA TTAATACTTC 100

配列番号: 4132
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04835
 配列:
 GATCTGGGTG GTAGTTACTG GGTGTGTTCT CTTTGTGATA CTCTCTCGAG ATGTACACTT 60
 AGGATTTGCA ATCTTTTCTG TAAAATATTT CAATAAAGA 100

【0843】

【配列表753】

配列番号： 4133
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04836
 配列：
 GATCTTAGCT AAATCTCGGT AGATGTCATT ACAACCTNGA AAATAAATCA CCCTAAGTGA 60
 CACAAATTGA AGCATGTACA AATTATACAT AATAAAGTGT 100

配列番号： 4134
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04837
 配列：
 GATCCTNCAC CTCTTGNA A TAAAAATTGT TGGTCACTGG GGAAAGCCTG AGTTTGCAAC 60
 CAGTTGTAGG GTTCTGTTG TGTTTTTTTT TTTTTTTTAA 100

配列番号： 4135
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04838
 配列：
 GATCAGACAA GGAATGAAGC AATGNCTGTG GGCTGGGAAA CTGTACCTAC CTCTCTNCCC 60
 ACTGCAAAATN NCTGGGATAG ACCAAAAGTG AATTTAATTA 100

配列番号： 4136
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04839
 配列：
 GATCCCAACT TGAACAACA GCCAGTGCCT GTGGTAACTT AANNTNTTGT CAAATACTTT 60
 TATTGATTGG TTTATATGCC ATTNTTGTTA TAGAAGAATA 100

配列番号： 4137
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04840
 配列：
 GATCAGCTCC GTGGGACTGA TATTGGTCCA CANCANAACA GGCACTGCCT CCTTCCCTCT 60
 GGGGAATGCA AAAGAAANCA TGGATTAAGN GAGAAGGGAG 100

【0844】

【配列表 754】

配列番号: 4138
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04841
 配列:
 GATCGCCCAA TAAACATTCC CTTGGATGTA GTCTGAGGCC CCTTAACTCA TCTGTTATCC 60
 TGCTAGCTGT AGAAATGTAT CCTGATAAAC ATTAAACACT 100

配列番号: 4139
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04842
 配列:
 GATCGGCATA TGCATATCAA AAACAGCTCC CAGCTCTGTA AGGCATTAGA GTGAAAGCAN 60
 ANAATTTTTT AATGAAACAT TTATTTCCT TCTTTTACTG 100

配列番号: 4140
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04843
 配列:
 GATCATACTN CTTTATCTAG AGNTTGTCT CAGCTTGCAG AGNTTGAGGA GAAGATAGAC 60
 CAGTTACATC AAGAACAAGC TTTTCCTGAC TTTAATATGT 100

配列番号: 4141
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04844
 配列:
 GATCACAGTG CAGATAATTA CCTCACACCT GTTAGGATGG CTTTCACCAA AAAGACAAAA 60
 GATACGTGTA GGCAAGGATG TGGAGGAAAG AGAACTCTTG 100

配列番号: 4142
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04845
 配列:
 GATCTTAGTC CGTTTTTTTT TTATATATTG TAACGTTAAA TGA AAAAAGA ACCCCCCCTNN 60
 TGTATTATAG TCATGCGGTC TTATGTATGA TAAACAGTTG 100

配列番号: 4143
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04846
 配列:
 GATCTGGGAC TTCCAGAAAA CAGAACTNTN AAAANACAAG TTTCTTTTGT TTAACCACC 60
 CAATCTNAAG TATTTTTTNA TGGCAGTCCT GGGCAGACTA 100

【0845】

【配列表 755】

配列番号： 4144
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04847

配列：
GATCTATCAT AAAAAGCAAT GTCTTCTCTG GAATGGGGCT TCAGTTTCCA CATTTACAAT 60
TAGTACATAT TACAATTAGT GATATGAATA AAGGCTGTTA 100

配列番号： 4145
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04848

配列：
GATCAAAACA GGTGACAGTG AAGTGGTTTC GGCCCTGCCA ATCTGATATC GTGTATGTAT 60
GAGAGTGGTC AGCATTITAC CACTGGTAAC AAGTTCCTT 100

配列番号： 4146
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04850

配列：
GATCTATATA ATTTATGTAT CACCTTCATT GTAAATTTAG CAGGAAATGC ATCACAATTA 60
TNATTTTTTT TTTTGNACC AGTGAAACAA TAAAGATGCT 100

配列番号： 4147
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04851

配列：
GATCATGTTG CTGGCTTTTA TAAACTCTAA GCGAAGGAGG AGCACTGCCT CAGCCTTTGC 60
ACATGGTAAT GAAGCACTGT TTTTAAATAA AAGAGAGAAA 100

配列番号： 4148
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS04852

配列：
GATCCGTGAG GGCCTGANTT GGGACTGGAC CCACTGCTGA TTCCCTGCAC CTAGCACAGT 60
GCTTGCCACA AAGTGGGCTC TCAATAAATA TTATTTGTCC 100

【0846】

【配列表756】

配列番号: 4149
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04853
配列:
GATCGTCTGT AGCCCTCTNT NCACTNTGCT GGGGCAGGGC ACGAGTTATT TAAACAGTT 60
ACACTGCAGG GTTTCGCCCA ATAAAGGTGG ACTGACATTC 100

配列番号: 4150
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04854
配列:
GATCTTTTAT ACTCAGHTTN AAACACTTTA CTGGGGTTTA CCAAGCCTCA ACTGGCATAC 60
CATAAACANG CCACANGGAC CGTTCCTGCA GGCCCAACCC 100

配列番号: 4151
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04855
配列:
GATCCGGAAC CCACTTTTTT ATTCACTCCC CATCGTCGTT TGGCCNTTCC ATCHNTCTTT 60
NTCTTTCCT CTGCCATCCG TGACACTGAT AGTTNGTCAT 100

配列番号: 4152
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04856
配列:
GATCTCCAAT CTCCTCGGTT GCAACACCTG AATAAGCCT TCITCCCTCA CAATACTTGN 60
NNNCTCAGTG ATTGGCTTAC TGTGCAGTGA GCAACCTAGA 100

配列番号: 4153
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04859
配列:
GATCAAAATC ACGTTTGTAG TATCATATCA AAAATTCTAA CCTGTTTACA TTGTTTNTAT 60
GTTTCATGTTT CTATGTTATT AAAATATTAT TTTGTACTTA 100

配列番号: 4154
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS04860
配列:
GATCTACGGC AATGTGAATC ATTCAGATGT TTACAATAAA AAACACCACA TGAGTAAATG 60
AATTCATAA TGTTAATGTT AAACCTCATG GAAAGNNNNN 100

【0847】

【配列表757】

配列番号: 4155
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04861
 配列:
 GATCCCCCT CAGGACAAAT CTACTCCAGC CACCATGAGA AGTGGGTGAG CCAGGGTCTG 60
 AGTTTCACAT TTGAACCAAA TAAAATGCTG TCAAGAGAAA 100

配列番号: 4156
 配列の長さ: 97
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04862
 配列:
 GATCATGCCA TTGCACTGCA CCTGGGCAAC AAGAGTGAAA CTCCGTCTTA AAAAAATATA 60
 GAAATAAAAA AATAAAAAACC TGTCCCCAGA CTGGAAA 97

配列番号: 4157
 配列の長さ: 97
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04863
 配列:
 GATCCTGAGC TAGGAGAGTA CATTITGCGC ACCTTTGGTT TCCATATTAA GAAATTCAGA 60
 TTTTATGTA CAATAAAGAA GTTCTGGAAT TCTCAAA 97

配列番号: 4158
 配列の長さ: 96
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04864
 配列:
 GATCTCTNTN CAGCCCTAAA GCTCCTTGGT TCTGTAATTC CACCAATAGC CCATTTCAAA 60
 AATAATTCTA CAGTAATCAG TGGGACTCCT GTTTT 96

配列番号: 4159
 配列の長さ: 95
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04865
 配列:
 GATCACACCA CTGCACTCAA GCCTTGGCAT CAGAGTGAGA CTCTGTCTCA GTAAAAAAA 60
 AATAAATAAA TAAAAATGTT TAATTAACCA TGAAA 95

配列番号: 4160
 配列の長さ: 95
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04866
 配列:
 GATCGTAGGG CATCAGAAAA ACAAAAAGAA ATAGAGAGAG TAAAAGAGAA GCAACAGAAA 60
 GAACTCAATA AACAAAAACA GATTGAAAAG GTAAA 95

【0848】

【配列表758】

配列番号： 4161
 配列の長さ： 95
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04867
 配列：
 GATCTTNATT GTTCCTCACC CCATTTTCCT CCTTGTGTAT GTACTTCCCC CACCCCCCTT 60
 TTTTAAAGTA AAATGTAAAT TCAATCTGCT CTAAG 95

配列番号： 4162
 配列の長さ： 94
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04868
 配列：
 GATCTAATAA GTATTGGAAT GCTTCCTATT TGCTGATAGA AGTACCAAAT AGTATTATTG 60
 AAGTCTAACA AAGACTTTTT GTTGAGAACA CAAA 94

配列番号： 4163
 配列の長さ： 94
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04869
 配列：
 GATCGAGGTA AGAGGGACTT TTTTAAAGGC CTAGTCTATG GGATGGGGCG GCGGAGGGAA 60
 TTTTTTGAGA AATAAAATGA AGCTGCAGTG TAAA 94

配列番号： 4164
 配列の長さ： 92
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04870
 配列：
 GATCACACCG CAGACATTTA GATTTTTATA CCCAAGGCAC TTTAAAAAAA TGTTTTATAA 60
 ATAGAGAATA AATTGAATTC TTGTTCCATA AA 92

配列番号： 4165
 配列の長さ： 92
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04871
 配列：
 GATCGCTTGA ACCCTGGAGG CAGAGGTTGC AGTGAGCAGA GATGGTGCCA CTGCCCTCCA 60
 GCCTNGGTGA CAGAGCAAGA CTCCTCTCA AA 92

【0849】

【配列表759】

配列番号: 4166
 配列の長さ: 91
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04872
 配列:
 GATCTTACT GATGCACTCA TGACAAGTAC CCAATGTATT TTAGCTATTT TAGTAGTATT 60
 TGTTC AATAA ATACGCAAGC TGTAAAGGTAA A 91

配列番号: 4167
 配列の長さ: 91
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04873
 配列:
 GATCTGCTTT TCTGCACTGT TGTCTGTGTG TCTGCGTTGT GTGTGATTTT CATGGAAAAA 60
 TAAAAATGCAA ATGCACTCAT CACAACTAA A 91

配列番号: 4168
 配列の長さ: 90
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04874
 配列:
 GATCAAAAAA AATAAATCAC AATGGTATTT AGAAAAATATT TTCACTGAA GGCTAACAAA 60
 ACACTACATA TTAAATTAT AAAATGCAAA 90

配列番号: 4169
 配列の長さ: 90
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04875
 配列:
 GATCTTTTGA TGTGCACTAA TGCCATTATT GGTAATGCCG GTTATTGGTG AATACAGCAT 60
 AGTTAAATAA ACTGTTACAG TAAATCTAAA 90

配列番号: 4170
 配列の長さ: 89
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04877
 配列:
 GATCTAGGGC AAACCTGTCC AACTGTTGGC CCATGGAACA GCTTTGAATG CAGCCCAACA 60
 CAAATCTATA AATTTCCTTA AACATTAAA 89

配列番号: 4171
 配列の長さ: 88
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04878
 配列:
 GATCAGTCTC ATGGGCCATC TCTTCCTCAG ATGTAAATAA TATCTGGTTA AGTGTATAT 60
 GGAATAAAGT GGACATTTTA AAACTAAA 88

【0850】

【配列表760】

配列番号：4172

配列の長さ：88

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04879

配列：

GATCTCAGTG ATGTTTGAAC CTTCTGTGTA ACTTTTTATT AAGTCTTTGT ATCTCTCGAC 60
TGATTAATAA AGAAGAGAAA CACGTAAA 88

配列番号：4173

配列の長さ：87

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04881

配列：

GATCTTTATT GGTGACCTTT TGTAAGACAT TAGTTTGAGG TACTACCTAT GTACTTGAAA 60
ATAATAAAGT GGCATTTCTT TATGAAA 87

配列番号：4174

配列の長さ：86

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04882

配列：

GATCCACTTT GTACTCCTAC CAGTAGGAAC GGTCTTCTAA CAGAGAAGAT TATAGCAAAA 60
AATAAAATCT CTTCTTAATT CCCAAA 86

配列番号：4175

配列の長さ：86

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04883

配列：

GATCCAAAGT CCAGCTCTCT CACTGAAGCC TTATCTTTCG GAAAGCTTCC AACAGTAACT 60
CAGGAATTNA GCTTACTTGC TTAAAA 86

配列番号：4176

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04884

配列：

GATCTAAAGA AGAAGGTTCA GTTTTCAAAC AGAATTTAGA GAAAATATAA AGAAATAATT 60
TCTTGTCTCA AAAGGCCAAA GTAAA 85

【0851】

【配列表761】

配列番号：4177
 配列の長さ：84
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04885
 配列：
 GATCCAGCTG TGCCTAAAGC CTGCCCTACC TCCGGACTTT AAAGTTTTGT GAGCCAATAA 60
 AGTCCCTTTC TTGTTAAGA TAAA 84

配列番号：4178
 配列の長さ：84
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04886
 配列：
 GATCTGAAAA GGCATTAATT TATGTACTAA TTCTATAAAC ATGTATTAAT AATTCAGTA 60
 TTATTAATA CAGATGGACT CAAA 84

配列番号：4179
 配列の長さ：83
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04887
 配列：
 GATCAGGCCC CCCAACTCTC CAGAACAGGC TACAAACATG CAAATTAGAA TTCTTTTAAT 60
 ATAAAAAAAA GTACTAAAT AAA 83

配列番号：4180
 配列の長さ：83
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04888
 配列：
 GATCAGAGGG NAGTACAGAA NCCCTGAACT AAAGCNTTAA GTACATACCA TACAGCAAAT 60
 AAATGGTAGC AAAACATTCT AAA 83

配列番号：4181
 配列の長さ：82
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04889
 配列：
 GATCTAAAAT TTGTAATATT TTTGTCATGA ACTGTACTAC TCCTAATTAT TGTAATGTAA 60
 TAAAAATAGT TACAGTGACA AA 82

配列番号：4182
 配列の長さ：81
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04890
 配列：
 GATCACATGG TTCCTACCA AATNACCCTC AAATAAGCCA GATGAAAATT TGAAGAAAAA 60
 GGTACCCAG TTCTCTGAA A 81

【0852】

【配列表 762】

配列番号： 4183

配列の長さ：81

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04891

配列：

GATCAGAGCG TAGTTTTAAN TGTATTTTGG ATACACTTGT GAAATATTTT ATAGAAATAA 60
AAATTTTAC TTAGGAGCAA A 81

配列番号： 4184

配列の長さ：81

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04892

配列：

GATCCTTCCT CCCACCCTAN GCCTTCCTTT CCTCTTTCCT CCTCACTCTC CCCGTCATGC 60
TCCCTCTGCC CNGNCCTCAA A 81

配列番号： 4185

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04893

配列：

GATCCAAANT AGTAACNTT TNTNATGAAC TGTACTACTC CTAATTATTG TAATGTAATA 60
AAAATAGTTA CAGTGACAAA 80

配列番号： 4186

配列の長さ：79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04894

配列：

GATCATTAGT CAATTGCTTT AATTATAAGC CCTGTTTTTT TTTAAATCTA AAAACTAATA 60
AACATCTATA AGAATTAAA 79

配列番号： 4187

配列の長さ：79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS04895

配列：

GATCNACTGT CAAAAAGAAG GGTTCAGTA AAATAAAATG AGAGCAATTA TATATATAAA 60
TATATATCAT ACACAGAAA 79

【0853】

【配列表 763】

配列番号: 4188
 配列の長さ: 76
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04897
 配列:
 GATCACCTGA ATTCTGGAGG TTGAGGCTGC ACCACTACAT TCCAGCCTGG GAGATAGAGT 60
 GAGAGCCTGT CTTAAA 76

配列番号: 4189
 配列の長さ: 76
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04898
 配列:
 GATCCCAAAT NTTCCACAA GCTTTATTCC AAAAATAATT TTATTTAATA GGTATTAAAT 60
 AATGTATAGA AGGAAA 76

配列番号: 4190
 配列の長さ: 74
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04900
 配列:
 GATCTTCCTG TTTCAGTCCC CAAGGTGTTG GGATTATGGG CATGAAGTGC TGCACCCAGC 60
 CCTTATACCT CAAA 74

配列番号: 4191
 配列の長さ: 73
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04902
 配列:
 GATCACTGGT ATGTAGATAA TAAAATGTGA AAATAAAAAAT TAAAAAATAA AACAAAAAAT 60
 ATGTGATAAT AAA 73

配列番号: 4192
 配列の長さ: 73
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04903
 配列:
 GATCGTGCAA CTGCACTCCG GCTTGGGCTA CAGAGTGAGA CTCCATCAGA AAGAAAAGAA 60
 GAGAGAGATG AAA 73

配列番号: 4193
 配列の長さ: 74
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04904
 配列:
 GATCAGCATG TAAAGTGTCT GCGGTGTAGT AGGCTCTTAA TAAACACTGG CTGAATATGA 60
 ATTGGAATGA TAAA 74

【0854】

【配列表764】

配列番号： 4194
 配列の長さ：72
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04905
 配列：
 GATCTCAACT CGTGGCACTA ACTTGAAAA GGGTTGATTT AAAATAAAAG GGAAGACTAT 60
 TTTACAAGCA AA 72

配列番号： 4195
 配列の長さ：70
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04907
 配列：
 GATCCTAAAC AGATGCATTG TTGCTTTTCT GTGCTGTCTC TGCAGATTAA AACATAATGA 60
 TTACACTAAA 70

配列番号： 4196
 配列の長さ：70
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04908
 配列：
 GATCTTTTAT GCTTTTAAAC AAAAAAATG CCTGTAAATN ATTGTAAATA TTAAAGGAAC 60
 TTNCCTTAAA 70

配列番号： 4197
 配列の長さ：69
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04909
 配列：
 GATCTCCCTG GAGGTTTCAT AGCAAGGTTT GACTTGATGA ATTAATTAAT AAAGCTAAAT 60
 ATCCTGAAA 69

配列番号： 4198
 配列の長さ：67
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04910
 配列：
 GATCACCCAC GGGGAGGAGA AGGAGGAGTG AGACCCAGCC GGGTCAATAA ACCTGGACGC 60
 TTGAAA 67

【0855】

【配列表 765】

配列番号: 4199
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04912
 配列:
 GATCTGCTTA TAAATAAACT TAACAAATAC ACTATGGAGA TTAAAAACAA AATACCACCC 60
 ACAA 65

配列番号: 4200
 配列の長さ: 64
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04913
 配列:
 GATCTGTTTC TCTAGAAAAA AAGTCCATCT CTGGCTTTAA TAAAATTATG CATCAGAAAT 60
 CAAA 64

配列番号: 4201
 配列の長さ: 75
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04914
 配列:
 GATCTCATGC TAGCAGAGCA AAAATTGTAA AATATTTTGA TTAAAAATCT AGGGACCTTT 60
 ATGTCCTATT TGAAA 75

配列番号: 4202
 配列の長さ: 63
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04915
 配列:
 GATCAGGAAG TGCCTTTGTC TCTTCCACA TGTATGTATA AATAAAGTGT TCTTTTAAGC 60
 AAA 63

配列番号: 4203
 配列の長さ: 63
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04916
 配列:
 GATCCTCATT TTTTCCATT GTAAAATTGG GCTAATAAAA GATGCTACCT ACTGACTATT 60
 AAA 63

配列番号: 4204
 配列の長さ: 62
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04917
 配列:
 GATCACGCTA CTGCACTCCA GCACTCCAGC GCAGGCAACA GAGGGAGACT CTTTGTCTCA 60
 AA 62

【0856】

【配列表766】

配列番号: 4205
 配列の長さ: 62
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04918
 配列:
 GATCCTGAAT TTCCAGCCA ACAGAACCA GTGCTAAATA AACTCTTTT TAATAAGTTA 60
 AA 62

配列番号: 4206
 配列の長さ: 62
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04919
 配列:
 GATCAAACT CTGTTCTCAA AAATAAATA AAAATAAAAA ACAAACAAC AACACAACA 60
 AA 62

配列番号: 4207
 配列の長さ: 61
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04920
 配列:
 GATCAGCCA CTGCATTCCA GCCTGGGAGA CAGACTGAGA AATAAATAAC TGTAATGTAA 60
 A 61

配列番号: 4208
 配列の長さ: 60
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04921
 配列:
 GATCCAAGCA AACTACTTTA AGCAAATATT TGTAATAATA AAAACGGAGG ACCGCTCAAA 60

配列番号: 4209
 配列の長さ: 60
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04922
 配列:
 GATCTAACAG TTCTCCAATA AAATAGTTCT CATTCCAGAG AGCAGATGAA TATATTTAAA 60

配列番号: 4210
 配列の長さ: 59
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04923
 配列:
 GATCTATGAC TGTACTACAC TCCAGCCTGG TCAACAAAGC AAGACCATAT CTCTTTAAA 59

【0857】

【配列表767】

配列番号： 4211
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04924
 配列：
 GATCCAAGTA TTTNATCTGT GTTGTCTCTC TAAACCCAAA TAAATGTGTA AATGTGAAA 59

配列番号： 4212
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04925
 配列：
 GATCCAATAC ACACATANCT TACAACATC ACAAATTCCT ATTAAATATT AAAAGTAAA 59

配列番号： 4213
 配列の長さ：59
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04926
 配列：
 GATCTCAAAH NGAAATCTTA TACCAGTGAC AACTGTATTA GAATATATCT GTTCTTAAA 59

配列番号： 4214
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04927
 配列：
 GATCTCATAT TAATATTTTA ATATTTCTTT TCAAAATAAA ACAGAAAAGC AAGTAAA 57

配列番号： 4215
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04928
 配列：
 GATCTGTGTG TTCTTTCAAA GACAAGTTAT GTCTAATTAA AATGTGTAAC GGACAAA 57

配列番号： 4216
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04929
 配列：
 GATCCGNGAG AGAACGACCA CAATTTAAAC ACATCAATAA ATACTTTAAC TTCCAAA 57

【0858】

【配列表768】

配列番号： 4217
 配列の長さ： 56
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04930
 配列：
 GATCAAGAAG GACTACCTGT CATGTGAGAC CATCACTAAG AAACCATTTC CTGAAA 56

配列番号： 4218
 配列の長さ： 55
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04932
 配列：
 GATCGCGCCA CTGTGCTCCA GCCTGGGCAA CAACAGAATG AGACTCCATC TCAAA 55

配列番号： 4219
 配列の長さ： 53
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04934
 配列：
 GATCACGCCA CTGCACTACA GCCTGAGTGA CAAGAGTGAG ACTCTGTCTC AAA 53

配列番号： 4220
 配列の長さ： 52
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04939
 配列：
 GATCATGCCA CAGCACTCCA GACTAGGCCA TGGAGCAAGA TTCTGTCTCA AA 52

配列番号： 4221
 配列の長さ： 52
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04940
 配列：
 GATCCCACTT CGGTCTGTAA ATTCCCTCAA TAAATCACCC AATATTGACA AA 52

配列番号： 4222
 配列の長さ： 52
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS04942
 配列：
 GATCGTGCCA CTGCCCACCA GCCTGGGCAA CAGAGCAAGA CCTTCTTTCA AA 52

【0859】

【配列表 769】

| | |
|---|----|
| 配列番号： 4223 | |
| 配列の長さ： 52 | |
| 配列の型： 核酸 | |
| トポロジー： 直鎖状 | |
| クローン名： HUMGS04944 | |
| 配列： | |
| GATCGTGCCG CTGCAANCCA GACTGGGCGA CAGAACAAGA CTCGNGCTCA AA | 52 |
| 配列番号： 4224 | |
| 配列の長さ： 51 | |
| 配列の型： 核酸 | |
| トポロジー： 直鎖状 | |
| クローン名： HUMGS04945 | |
| 配列： | |
| GATCCCCAAA GCTTAAAATA TCGACTATTT AGAGTGAGAC TCCATCACAA A | 51 |
| 配列番号： 4225 | |
| 配列の長さ： 51 | |
| 配列の型： 核酸 | |
| トポロジー： 直鎖状 | |
| クローン名： HUMGS04946 | |
| 配列： | |
| GATCAGCCCA CTGCACTCCA GCCTGGTGAC AGGGCTAGAC TCCTTCTCAA A | 51 |
| 配列番号： 4226 | |
| 配列の長さ： 51 | |
| 配列の型： 核酸 | |
| トポロジー： 直鎖状 | |
| クローン名： HUMGS04947 | |
| 配列： | |
| GATCAGCCAN GCATTCCAGC CTGGTGACAG AGCGAGACTC TGTCTCNGAA A | 51 |
| 配列番号： 4227 | |
| 配列の長さ： 56 | |
| 配列の型： 核酸 | |
| トポロジー： 直鎖状 | |
| クローン名： HUMGS04948 | |
| 配列： | |
| GATCTTGTTT GTTGAGGGAG ATGGGACTAT AATAAAATTG AATGCTGAAG TTGAAA | 56 |
| 配列番号： 4228 | |
| 配列の長さ： 50 | |
| 配列の型： 核酸 | |
| トポロジー： 直鎖状 | |
| クローン名： HUMGS04950 | |
| 配列： | |
| GATCGCGCCA CTGCGTTACA GCCTGGCGAT AATGCAGGAC TCAGTCCAAA | 50 |

【0860】

【配列表770】

配列番号：4229
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04965
 配列：
 GATCTGTCCT GTAAACCACA TTCTTGACAA CTATTTGCTT TTGAGTAGTT TGTATTTTAA 60
 TATGTGACTT TNGTCTTGAA AAGTAGTAAA GCCATAGACT 100

配列番号：4230
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04985
 配列：
 GATCAACAGA CAAATGCTCC AGAAATCTAT GCTGACTGTG ACACAAGAGC CTCACATGAG 60
 AATTACCAG TATCCAACCT CGATACTGAT AGACTTNTTG 100

配列番号：4231
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04986
 配列：
 GATCAATTTG TAATTNCTTA CATTTTTACA ATAAATAATC TGTACGTAAA 50

配列番号：4232
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04987
 配列：
 GATCTTTCTT TGGCAACCAC TTTTACTGT CGCCATAGTT CTTCCTTTTC TAGAATGTCA 60
 TATTGGAATC ATATAGTATG TAGCCCTTTC AGACTGGCTT 100

配列番号：4233
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04988
 配列：
 GATCTTTTCA GTCAAAAATC TAAGATGATT TATTTTGTAT CACTTTGTTA AAAGCTGAAT 60
 ATTGTTAACT ACAGTTAATA TTAACACTGT ATTTATACTT 100

配列番号：4234
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS04989
 配列：
 GATCCAGGNG TTGACTATAA CCAGATTIAC TCTTTGCTTA CTAGGNTTTC CATNNTCACC 60
 ATTGGATGAA CCNCTGGTTT AGCCACAGTT GTGAAAATAA 100

【0861】

【配列表771】

配列番号: 4235
 配列の長さ: 51
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04990
 配列:
 GATCCGCATC CAAGCTTAAC CAAGGCTCCA ATAAACGTGC TAGGAAGCAA A 51

配列番号: 4236
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04991
 配列:
 GATCAGTCGC TGAATCATTG GATGAACCAG GAGCCTGCAT GCTACAGCCC ACCTGCCAAA 60
 TCITGCCCCC ACCTGCTTTT TAAAAATAAG TTTTATTGGA 100

配列番号: 4237
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04992
 配列:
 GATCTTTGCT CTGTTTCCAG TGGGGTTTGA AGCAGAGTTC AGGGAACCCT GCCCAAGGTC 60
 CTCCTGTTCA GACATTCTTA TGTGAATAA AGTATGTTG 100

配列番号: 4238
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04993
 配列:
 GATCCACCT CAAATTAGCT TGATTGCAAA ACAGATATTG GAACATGGAG CTGAGAAGAA 60
 GATGGTCTGG GCTTCAGGCA CAGCTGGGTC CAGGGACTCA 100

配列番号: 4239
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04994
 配列:
 GATCAGGAAT GGGTGATTGG AGATTATTAG ATTCTAGGTT AACCTCTACC ACTTTACCCT 60
 AATACATAAA ACTTTTTCCT AAATAAATGA TGAAGGAAT 100

配列番号: 4240
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04997
 配列:
 GATCACCTTC CAGACCACAG CAGATGTGGG ACACACAGCC TCCTGACTCC AGGAAGAGCC 60
 AGANCTGTGC AGGGAGGAAG GGGTGAGAGG GGGGCCCCCA 100

【0862】

【配列表772】

配列番号: 4241
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04998
 配列:
 GATCATCCGC AGNCTCATGT TAAAAGGATT TTAGCTCACT AAAAGTGTA TAATGGAAAT 60
 GTGGAAAATA TCGTAGGTAA AAGAACTAC CTCATGCTCT 100

配列番号: 4242
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS04999
 配列:
 GATCACATCT NTHTGAAGCC AAAGCCCCGT GGTGCCCCAT GAGAAGTGT CTTTTCATT 60
 TTCACCCAAA TGAAGTGTGA ACGTGATGT TTCGGATGCA 100

配列番号: 4243
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05001
 配列:
 GATCGCACTG TGGGCCGGGG CCCTGGAGGG CTGCTCTGTG TTAATAAGAT TGTAAAGTTT 60
 GCCCTCTCA CCTGTTGCCG GCATGCGGGT AGTATTAGCC 100

配列番号: 4244
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05002
 配列:
 GATCTTACTT TCATAATTCT TTGATTCTAG CTTGCAGAGT CAAGACGNAA AGNTAACTCA 60
 TGGGATGGAC AACTGGAAG ATGTAAAATA AGTAAGGCTT 100

配列番号: 4245
 配列の長さ: 74
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05003
 配列:
 GATCTAAAAA AANNTAAATT ACATTAGTAA CACAACATAA GAAAAAGACA GGGACAAAAA 60
 CAAAAAATAA TAAA 74

配列番号: 4246
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05004
 配列:
 GATCCTATGT GGAAGGGCTG TTTTAAAGA AAAAAATTTT GGTAAACAGT ATTGTGTAAA 60
 ATTGCTTTTT GTATACCAAT ATATGCATGT TTGTGCTG 100

【0863】

【配列表 773】

配列番号： 4247
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05005

配列：
GATCTCAATC AAGTTAGCAT GCTTCTCCA GCTGCCCTAT NACCTGCCAG CTCATCACAA 60
AGAACCACGG CCACCCAGGT CATGGCAAAC TCTGCTGGAC 100

配列番号： 4248
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05006

配列：
GATCGAGACC ATCCTGGCCA ACATGGTGAA ACCCCGTCTC TACTAAAGAT AAAAAATTA 60
GCTGGACATG GTGGCGGGCG CCTGTNTCC CAGCTACTGG 100

配列番号： 4249
配列の長さ：71
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05007

配列：
GATCATGCTT TAAGGTTTAT GTAAAGAAAG TGTACTGATG TTCTTACATT AAAGCTTTAC 60
AAAGATTTAA A 71

配列番号： 4250
配列の長さ：67
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05008

配列：
GATCTTGGTG GTAGTAGCTG TCTATGATTC TNGCTCAGCA AAGTAAAATA AATGTTAAAT 60
ATGGAAA 67

配列番号： 4251
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05009

配列：
GATCAAATGA AATAATGTAC ATGAAAAGAC ATATATAAAA TGTATAATAC AGACAAAGGG 60
NCCTGTTACA CAGTTGGAAG TCATNCCCTC AGATTTTGGG 100

【0864】

【配列表774】

配列番号: 4252
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05010
 配列:
 GATCACAGCC ACTGGTCCAT AACAATTAGG AAAACTCATT GGACAATGGT TGTCAGGTT 60
 CTCCATTGGA GGAATTGTG TTTCATGATT AGGCACTGTT 100

配列番号: 4253
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05011
 配列:
 GATCTGNCAA GAGCACATAT GTGTCAGGGC ACAATTCCCN CTCATAAAAA CCAGACAGCC 60
 TGGAAATTGG CCCTGGCCCT TCAAGATAGC CTTCTTTAGA 100

配列番号: 4254
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05013
 配列:
 GATCACTACA ACANTTTNTT TGCCTCCAAG GTCTCTGAG GCAGCAGGCT CTGGGGCTTC 60
 TNCTGTCTT TGGAGGGTGT CTTCTGGGTA GAGGGATGGG 100

配列番号: 4255
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05014
 配列:
 GATCGCGCAG GATTTCAAAA CCGACCTGAG GTTTCANAGC GCAGCATCGG TGCGCTGCAG 60
 GAGGCTAGCG AAGNANCCTG GTGGGTCTGT TCGAAGATAC 100

配列番号: 4256
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05016
 配列:
 GATCAAAGTC CTACAGTGGC TGTCACGCAG CCACNAGGTC ATCTCCTTTC ATCCCCACCC 60
 CAAGGCCCTG GCTGTGACTC TGCTTCCTGC ACTGACCCAG 100

配列番号: 4257
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05018
 配列:
 GATCTGCACC AGACTGTTAC CTTCTGGGGG AGATGGAGAT TTGACTGTTT AAAAAGTGA 60
 AACAGCGAGG AGTCTTTCTA GAACTTTTGA AACTAAAAG 100

【0865】

【配列表 775】

配列番号： 4258

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05019

配列：

GATCCTGCAG TGTCTGTGG GTTCATCTCG GATGGGCGCT GCATAAACAG CCTGCAGGGA 60
ACGTCTGGGA GAACCAGCTT CACAACAGAT ATAATAAGGA 100

配列番号： 4259

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05021

配列：

GATCGCGTCC ACCTTCATCG CTGTGGTGCA AGCCATCGTC CGCACGGCTG GTGGCTGGGC 60
AGCTGCCTCG GACTCCAGGA AAGGCGGGA GCCTGCCGGC 100

配列番号： 4260

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05022

配列：

GATCACACCA TTGCACTCCA GCCTGGGATA ACAGAGCAAG ACTCTATATC AAAAAATAAT 60
AAATACAATG AAATGTTAAA 80

配列番号： 4261

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05023

配列：

GATCCACGGA AGACTGTCAG CAGACTTCAC CAGAAAATT TCACGCCAGA NGGCAGTCGT 60
GATATATACA AAANGCTGAA AGGAAANCAC TGCCATCCAG 100

配列番号： 4262

配列の長さ：64

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05024

配列：

GATCTGCATT TAAAAATATG GTCTTTGTTT TATATGATTA AATGGTTTGT TTTCATAGAT 60
GAAA 64

【0866】

【配列表 776】

配列番号: 4263

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05025

配列:

GATCCCGGCT GTTGGTGAGC AAAGAGCCCA GGCCCCTAGA GTGCGCATGT NCAGGCTCCG 60
CTGTTAGANT CACAGCGGTT CAAATCCGGC ATCTGGTCGC 100

配列番号: 4264

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05026

配列:

GATCAGACCT CTCATGCTGT GGAGATGAAA AAGCCCTAAA GTTTATGTTT CTAATGTGTC 60
ACAGAATAGG ACGATATGAT TCTACAACAT AATCAACTCC 100

配列番号: 4265

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05027

配列:

GATCCTCTTT CTAGCATGAA TGAAGGATGC CAAGAATGAG AAAAAGCAAG CGGTTTGTCC 60
AGGTGGCCCC TGAATTCTGC GCAAGGNATG GGCCTGGGGG 100

配列番号: 4266

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05028

配列:

GATCCTTCCG GAGCGACTGA ACAAGAGCCG GGTGAAGGAG ATGGTGAAGG AGTTCACACT 60
GCTGTCCCGG GGTCTCCATG GCACAGGGTA CACAGCTGAC 100

配列番号: 4267

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05029

配列:

GATCGCTGGA CGCTATGAGA GGGCGTCCCA GGGCCCAGCC TCCCACAGCC GTTTCAGCAG 60
GGACAGGGGC TGAACAGGCC CTATTCCAGC CCCCTTGCTT 100

配列番号: 4268

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05030

配列:

GATCTGAAAT AGTTTTGNGC CACTACATTG TTGAAATCAA TGAAGCAATT AGTTTCTCAT 60
TCAGAAATGT GCACACTAAT ATTTAGTTTT GCTTTCTCGT 100

【0867】

【配列表 777】

配列番号： 4269

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05031

配列：

GATCTTCATA TTGCTGTGAT TAATGCATCC AGATTGTTTT CCTAGTATTT CCAGGTTAGA 60
ACCTGTGGAT TGTTCATN GCATATAGCT TGGTTTCCAT 100

配列番号： 4270

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05033

配列：

GATCTGCTTT TTTNAAATGT TAAGGACATA TTTTNAAGTT ACTGCTGAGT GAAGAAAGAA 60
CATAGCTCCC CCTCATTCCC TCGCTAAGAA AGGAGCTTAA 100

配列番号： 4271

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05034

配列：

GATCAGGGCC TTCCTGCCTC CCGCTGGGCA GGTCTGGCCT TGCNCTCTTG GCAGGGCCCC 60
AGCCCTCTA ACCACTCTGC AGCTCACCAT GCAGCTGATG 100

配列番号： 4272

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05035

配列：

GATCATTTCA AAACATTTT CCTATGTAAC TGCATTGAGA ACTGCATATG ATTGCTGAT 60
ATATGTGTTT TTCACATTTG CGAATGGTTC CATTCTCTCT 100

配列番号： 4273

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05037

配列：

GATCTGTTTC GTGCATTGGA AGACCCACCC CAAGCTTGGC AGNCGAGCNN ATTGTATCCT 60
GGGGCTCCCT TCATCTCCAG GGAGTCCNNT CCCCCGCCCT 100

【0868】

【配列表 778】

配列番号: 4274
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05039
 配列:
 GATCGTTTTG TGATTTGTAT GCTTACAAA CTGGATTG ACAAAGAAA TGTATGNN 60
 NGAATTGCGA CAGTGTATTC GCAACTNTCC TCAGTTCAGA 100

配列番号: 4275
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05040
 配列:
 GATCATTACA ACANTTGTNT GCCTCCAAGT CCTGAGGCA GCAAGTCTGG GGCTTCTGTN 60
 TCNTTGGAGG GTGCTTCTG GGTAGACCGA TGGGAAGGAA 100

配列番号: 4276
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05041
 配列:
 GATCATCCGC GGC GGCCGGG CTCGTGGGG GCCTGGAGTG AGGGTTCTGG TTCCCGCCGG 60
 CGAGGATTGT TAAATNAGT CTTCCGAAGN AGACCCCTAG 100

配列番号: 4277
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05042
 配列:
 GATCGGAGTA CANAGTNACA NTTGGAGGGC AGGGGGACTN TAAGGCAAGG AGATTACAGT 60
 TGGGAAGGAG GCAGTGGCAG AGGGGTGAGG GACAGGGGCC 100

配列番号: 4278
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05043
 配列:
 GATCTTAAAC CCAGTCTTGA CAGACTAGAA GTTAAGTTTA ATACAGAAAA TGTCCTGTTT 60
 ACTTGAAAGA AAAGACCTAC TTTTAAATG GACACTATCT 100

配列番号: 4279
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05044
 配列:
 GATCTCCACT GTTGGGTGGG TGGGCCCTGC CGGGACCCTG CTTACAGGC AGGCTTTTCC 60
 TCCAACCTGT GCGCTGCAG CAGGGCAGGA AGGGGAAACA 100

【0869】

【配列表 779】

配列番号: 4280

配列の長さ: 65

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05045

配列:

GATCATT CAT ATGTGTACAT AAAATTTTAA AAATAAAGGG AATTGACTGC TTTGTTAATG 60
AGAAA 65

配列番号: 4281

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05046

配列:

GATCCAGAGA ATGAATCCCT GACCGCATCA CCTAAACTGT CTTCCAAACA TGAGACAAAG 60
CTGACTGTTC AACTGTATTG CCCAGCACAT ACCGTCTTGC 100

配列番号: 4282

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05047

配列:

GATCTCTGCT CCTAACGATG AAGACTGGGC CTATTCACAG CAGCTCTCTG CCCTCAGTGG 60
TCAGGCGTGC AATTTTGGTC TCGCCACAT AACCATTCTG 100

配列番号: 4283

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05051

配列:

GATCCTCCAC AGAGAGGAGG GGACCAATTC TGGACAGACA GATGTTGGGA GGATACAGAG 60
GAGATGCCAC TTCTCACTCA CCACTACCAG CCAGCCTCAG 100

配列番号: 4284

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05052

配列:

GATCTCTAAG TGACCACCAG GGGCTCTGAA CTGCAGCTGA TGTTATCAGC AGGCCATGCA 60
TCCTGCTGCC AAGGGTGGAC ACGGCTGCAG ACTTCTGGGG 100

【0870】

【配列表780】

配列番号: 4285
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05053
 配列:
 GATCTACATA GATTTGGAAA CTGTTTTCCT CTGTTTGGT CTCTTGGGCA ACATTTTGG 60
 CCCAAGTTG GGCAACATT GGCCCAAGT TGGGCATTT 100

配列番号: 4286
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05054
 配列:
 GATCNTTTC TTTAGNGTGT AAAGTNTGTC TCTGAACAGA ATTATTTGTA AAAGTTAGGA 60
 GTTCITTTTT AAATCATTAA AAGAGGCTTG NTGAAGGAAA 100

配列番号: 4287
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05055
 配列:
 GATCCTAGAG CCCTTCACTT CGGNTTACTC CCTCTTTTT GCCTCTNTTT NTTAGTTGGA 60
 AGAAATAAAC TCACAAATTA TGGTGCAGTA ATTTNCCGGG 100

配列番号: 4288
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05056
 配列:
 GATCAAGGAG CAATTATGAA GGTCTACAAG CAAGANCAAG AGGAAGAATT ATNGAAAAAG 60
 TTGGCAAATG NCCCCAGATG GAAGAGATAC AGGAGATGGA 100

配列番号: 4289
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05058
 配列:
 GATCTAATTG CATTGGTTAA AAGCAGCTAA CCAGGTCTTT AGAATATGCT CTAGCCAAGT 60
 TTAACITTTAT TNAGACGCTG TAGATGGACA AGCTTGATTG 100

配列番号: 4290
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05059
 配列:
 GATCANAACT CAAACGGGCC GGNNTTCTA AGGTGTNGGT ATGTGGGGAG TGGTACAAAA 60
 TGGTCTGATG CTCCTTCAA AACATTCAC TTTTACAACG 100

【0871】

【配列表781】

配列番号: 4291

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05060

配列:

GATCTAATAA AAATTGAAAT ATGCCTTTTA GAATGGCTTT CAAAGATAAC AAATGCTGGA 60
GAGGATGTAG AACAACTGGA ACCTCTCGGT TATTGCTGGT 100

配列番号: 4292

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05061

配列:

GATCTNTATT NTTTTNGCAA CAGACTTCAA GTGGTCCCTC TTTTTTCCCT ACACACTCAG 60
CTCTTCTCTA AAAGCAAGGA TTTGGAATGA NCAATTCAGT 100

配列番号: 4293

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05062

配列:

GATCACAGGA AGACTTTGTA AGGACAGTTT AAGTTCTCCT GCAAGGTTTA ATTTGTTATC 60
ATGTAAATAT TCCAAAGCAG GNTGCCTTGT GGTTTTGGCC 100

配列番号: 4294

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05063

配列:

GATCAGTTTT CTATTTTAAT GTGTAAAAAA AATAACTTGT CGTATCCCAT TTAAAGGCCA 60
ATTTCTGTAT TCAGGCAGGC ATATGTACAT ACATGAATAA 100

配列番号: 4295

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05064

配列:

GATCGGGGTG CCCCTCAGCC TTCAGACACT CTGAGCCCCA GANGCAGCAA AGGGTGAGCC 60
TCCTGCCTTG GTTTCTACCA CCATCTGGTG GTCAATGGCG 100

【0872】

【配列表782】

配列番号：4296
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05065
 配列：
 GATCAGACCT TCTTGGGGTC TTCTGGCCAG AGCTTGTCAC CAGCCCCATG GCCTCTCCAG 60
 GCGTGCTCAT GCCCACAACC CGCGGCCAGC CCCACGTGGT 100

配列番号：4297
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05066
 配列：
 GATCAGCGTG CGGGGTGTGA AGATAGGCGT CAAGGCCGAT GACTCCCAGG AGGCCAAGGG 60
 GAATAAATGT AGCCACTTTT TCCAGTTAAA AAACATCTCT 100

配列番号：4298
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05068
 配列：
 GATCTCCCGG ACCCCTGAGG TCANATGCCG GGTGGTGGAC GTGAGCCACG AAGACCCTGA 60
 GGTCAAGTTC AACTGGTACG TGGACGGCGT GGAGGTGCAT 100

配列番号：4299
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05069
 配列：
 GATCCAGGGA ACAATGACTA TAGGTGAGCA GATGCTTTAA ATTAAGGAAA GATGGAGAAG 60
 AAGCCAACTA GGAAATTAGA GAACACAGCA AGCAAAGAGA 100

配列番号：4300
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05070
 配列：
 GATCTTTNAG GAAAGACGGA TTGCNTTAGA AATAGACAGT ATATTTTNG TCACAAGAGC 60
 CCAGCAGGBC CTCAAAGTTG GGCAGGCTG GCTGGCCCGT 100

配列番号：4301
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05071
 配列：
 GATCACCATG AAAGAAGAAT AGTTTTTGT CCCCAGAGAC ATTCATTTAG TTGATATAAT 60
 CCTACCAGAA GGAAAGCACT AAGAAACACT CGTTTGTTGT 100

【0873】

【配列表 783】

配列番号: 4302
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05073
 配列:
 GATCTGTCCC CATCCGAAGA GGCTTTGTGA ACTGCCTGCT GAATGGAAGG AAAGCAACTT 60
 TAAAACATTT AGAGTTTTCG TGAGTATAGC CAAATGCCTG 100

配列番号: 4303
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05074
 配列:
 GATCAAGGAA GAGATGGAGG CTTTCCCCGA AAAGTTCTAG CTGAGTGGCA GAAGTGAGAA 60
 TTTGTAACT TATGTACAAT GTACGTGTAA ATAAATGGAT 100

配列番号: 4304
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05075
 配列:
 GATCTGGGAC AGATTTCACT CTCACCATCA CCAACCTGCA GCGTGAAGAT TTTCCAACNT 60
 ATTACTGCCA ACAGTATGAT AGTTACCCGC TCACTTTTCGG 100

配列番号: 4305
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05076
 配列:
 GATCTAGAAA CTGAGTTGTG GAGCTGACTC TAATCAAATG TGATGATTGG AATTAGACCA 60
 TTTGGCCTTT GANCTTTCAT AGGAAAAATG ACCCAACANT 100

配列番号: 4306
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05077
 配列:
 GATCCCATCC CCTTGTCTGA ACTGGAGCCA TGGGCACAAA GGGCCCAGAT TAAAGTCTTT 60
 ATCCTCAAA 69

配列番号: 4307
 配列の長さ: 54
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05079
 配列:
 GATCTTGCCT CCCATCAGCC ATCTTTCTCC CAATAAATTT TTGTTTTGTG CAAA 54

【0874】

【配列表784】

配列番号：4308

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05080

配列：

GATCTAACCA ATTNAAATAT GANTTCATAC TCNAAAGTAT CAACAAAAAA ATGAAAAGAA 60
ATAGCTGGTT TGGNTGTAAG AAATGGTGTA ATTAATGGNT 100

配列番号：4309

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05081

配列：

GATCACTGCT GGCCTACTCT GGTTACGGGG ACACTGACGC CCGGGTCACC GCTGCCATAG 60
CCAGTAACAT CTGGGCCGCC TACGACCGGA ACGGGAACCA 100

配列番号：4310

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05082

配列：

GATCTNCATA ANCAGGGTTC CTGAGCTCAC TGAAGAGACT ATTGTCCCTT AGGAAAAGCA 60
TTTCCTGTGT NTCGTNAGCA TCTGGCTCCA GGACAGACCT 100

配列番号：4311

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05083

配列：

GATCATTTCC CAAGATTGGT TTCCCTTGAG TTTTGTCTAA AACAAATCTT AGTAGTTTTG 60
CCCGTTTAAA ACAACTCACA ATCGTAAATG CTACTATTCC 100

配列番号：4312

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05085

配列：

GATCTAAAAC TNCTGTTGCT TTTGCCATTC CAAAACCTTG TCTTTGCCAG AAAAGTGTTC 60
GTAAGTATAA AGAAAATTAT ATATGANCAC GGCAGNTTGC 100

【0875】

【配列表 785】

配列番号: 4313
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05086
 配列:
 GATCGAGTCC GCCATGGAGA GGGACCGCTA CATGAGCCCC ATGGAGGCCC AGGAGTTTGG 60
 CATCTTAGAC AAGGTTCTGG TCCACCCTCC CCAGGACGGT 100

配列番号: 4314
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05087
 配列:
 GATCTGTGCT TTCCAGCTCA CCCCCACAC TCACTCCTGA GACCCCTGGC CTCGGGCGTC 60
 ACNTCCAGCN TCTGTTCCCC TAGTAAGTGC CTTCCATGTC 100

配列番号: 4315
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05088
 配列:
 GATCTAGCTT GGAGAGCTTG TGAATCTTAG GAGAGCTAGG CATAGAATGA CTAAAGTTTG 60
 TCACCGCATG AGATAAATA AATGAAAAGC CACTTCTGGA 100

配列番号: 4316
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05089
 配列:
 GATCGAGCCA CTGCTGAAGA ATGTCTAAAG CACCCCTGGT TGACACAGAG CAGTATTCAA 60
 GAGCCTTCTT TCAGGATGGA AAAGGCACTA GANGAAGCAA 100

配列番号: 4317
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05090
 配列:
 GATCTACAGT CACCATATAT ATCAGCAGGA CCTAAGGNAA AAGATTTTGG ATGTTGGGAA 60
 AAGGTTAGAT GTGACTGGAT TTTGCATGAC AGGNAAGCCT 100

配列番号: 4318
 配列の長さ: 77
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05091
 配列:
 GATCGTGCCA CTGCACTCCA GCCTGGACAA CAGAGCAAAA CTCTGTCTCA AAAAATAATA 60
 AATAAAAATA AATTAAA 77

【0876】

【配列表786】

配列番号：4319

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05092

配列：

GATCTGAATT GTNCGAAAAG CAGCCAGTGC CTAANTTGTA GCTCCACTTA TGCCAACTGT 60
ATATATACCT CTCGTGAGCA TAGCAAGTNA TTTANTATTT 100

配列番号：4320

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05094

配列：

GATCCCCAGA CCTCACTTGC CTCTGCCTCC ATCTTGGCCC TGATTCAACC CTAAGATAAT 60
AGCACAACAA AATTCTNCAT AAAGATATTT TAATTCACCT 100

配列番号：4321

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05095

配列：

GATCTTCATG GAGCTGAATG ACGCCTGGTC GGAGTTTGAG AACCAAGGGCT CACGGCCCCCT 60
CTTCTGAGGC CGCAGTGGTG GTGGCTGGCG ACACAGCTCC 100

配列番号：4322

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05096

配列：

GATCATATTT CCCCTTGGAC ACTTGGTTAG ACGCCTTCCA GGTCAAGGATG CACATTTCTG 60
GATTGTGGTT CCATGCAGCC TTGGGGCATT ATGGGTCTT 100

配列番号：4323

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05099

配列：

GATCCCAGTG GAGGCTGTAA CCCACCTGCC CCCGCACCAC CCCCNTGAC CCCTGTTACC 60
GCATTTGTGT GTATTAATGC TGAAGAATTA AATGTTTAAA 100

【0877】

【配列表787】

配列番号: 4324
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05100
 配列:
 GATCAGAAAT GTGAAGCACA AATGCTGCTT CTCCTCCCTCC TGTTCCCATG TCAGAGATGG 60
 AGAAGAAAGC ACAGTGAGCT GTTACCAAGT CCAGCGGTGA 100

配列番号: 4325
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05102
 配列:
 GATCCTTAAA TCTCCATTCT GTTTGTGTTT GCCCTCTCAA CCTCCCTAC ACCCTTCCTA 60
 TTCTTTTNC A TTCTTCTGC AGTTCTGGA GTAAAGCTCC 100

配列番号: 4326
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05103
 配列:
 GATCAAGTT GCGGGGGCT TGGCTGTCC CTCAGATTCC GCACCAATAA AGCCTTCAA 60
 CTCCTAAA 69

配列番号: 4327
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05104
 配列:
 GATCTTTNAT CCTTTGTTC AAAAGTGTG ACACCTTTNA NAGCTTGGCA GATTNAACT 60
 CCAGAAGCAC TTTATGAAAT GGTACACTGA CTAATCCAGA 100

配列番号: 4328
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05105
 配列:
 GATCTAGAG TCACTTCCG AATAAGNTCT TACATAATA CCCCCAGCCT TTTGAGAAGC 60
 GGGCTTGTTA AAGNACCGT ATGTAGGGCC CGTACCTACT 100

配列番号: 4329
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05106
 配列:
 GATCATATT TGCAGTTTA GTAAAAGGA AATATTGTTA TACATTTNTT AAATATACTT 60
 CCCCCATGAN GTGAAAAGGT TAATTTTNC GANTGTTTA 100

【0878】

【配列表788】

配列番号: 4330
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05107
 配列:
 GATCTGCCAT TTATTAGCTG TGGGATTTTG GGCAAATTTN TTGACTTTCT GTGCTTCANT 60
 TTTCTTAGCT GTAAAATTGG AAGAGTTGTT ATGAAAATNC 100

配列番号: 4331
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05108
 配列:
 GATCANCATC CCAGTCACCT TCGAGTCGCG GGCCCAGCTT GGGGGCCCAG AAGCTGCAAA 60
 ATCCGATGAG ACTGCCGCCA AGTAAAGCCT TAGCCCGGAT 100

配列番号: 4332
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05109
 配列:
 GATCCAGTGG GGATGTTGTN ATGACTCAGT CTCCACTCTC CCTGCCCGTN ACCCTTGGAC 60
 AGCCGGCCTC CATCTCCTGC AGGTCTAGNC AAAGCCTCCT 100

配列番号: 4333
 配列の長さ: 50
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05110
 配列:
 GATCTCTATG TATGTGTGTA TATAAATATA GTTTTTTATC TATATATAAA 50

配列番号: 4334
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05111
 配列:
 GATCAAACGA ACTGTGGCTG CACCATCTGT NTTCACTTTC CCGCCATCTG ATGAGCAGTT 60
 GAAATCTGGA ACTGCCTCTN TTGTGTGCCT GCTGAATAAC 100

配列番号: 4335
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05112
 配列:
 GATCAGCGCC TGAGAAGTCG TCGGGCGATG TCCCCGCGCC GTGTCCCTCT CCAAGCNCCG 60
 CCCCTGGGTG GGCTCGGTGG AGCAGACCCC CGGCAAGAGG 100

【0879】

【配列表789】

配列番号: 4336
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05113
 配列:
 GATCTAATCT NAGATGTAAG CATTCAAATT NACCCTGTAG ACTNGGGTGA CAAGTTTCGN 60
 TTGGTCATAG CTAGTACCTT GTATGANGAT GGTACCCTGG 100

配列番号: 4337
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05114
 配列:
 GATCTTACTT TCATCCAGTC TAATAGGTTT GGAGATTAAA CCTTTNCTCA ACTTGTGCTG 60
 TTTATATAGC CAAGCTTCCG TCAATAAGGC TTCATTGTGA 100

配列番号: 4338
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05115
 配列:
 GATCACTCAA GCACAGGATT TTAAGACCAG CCTGGGCAAC ACAGTGAGTG AGACCCTGTC 60
 TCTACAAAAA AATTAAAAAT TAGCTGGATA CTGTGGTGTC 100

配列番号: 4339
 配列の長さ: 52
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05116
 配列:
 GATCGGGCCA CTGCACTCCA GCATGGGTGA AAAAGTGAGA CCCTACCTCA AA 52

配列番号: 4340
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05117
 配列:
 GATCACCAAC AGCCGTCTCT CCTGCGTCAT CCTGTGACTG CACAGGACTC TGGGTTCTCTG 60
 CTCTGTTCTG GGGTCCAAAC CTGTGCTCTC CTTTGGTCTT 100

配列番号: 4341
 配列の長さ: 75
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05118
 配列:
 GATCTCCCTA GGGCCCCACC TGGACCATT TCCCTCCGTT TTATTTTGT AATTAAATTC 60
 TTTCCAAATT GGAAA 75

【0880】

【配列表790】

配列番号：4342

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05119

配列：

GATCTCAGTT CACTGCAACC TCCGCCTCCN AGGTTTCAGGT GATTCNTTG TCCCAGCTAC 60
TTGGGAGGCT GAGGCAGGAG AATCACATGA GCCTGGGAGA 100

配列番号：4343

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05120

配列：

GATCCCTGGT GTGTTGTGTG GGCCTCTTTA ACGTTTGCCA CTGAGCCTTA ACCTCACTGT 60
ACTTCACTGT ACTTCACAG CATTGGTGT AACATTTTAA 100

配列番号：4344

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05121

配列：

GATCTAAAAA CTCATCTTTG GGGTAAAGAG TTAAGTGTCC AAAGGTTGTC ACAGTTCATG 60
AGGTCAGAGG GAGCTAGCCT GGCACCTGGA CTCTGCCCCAT 100

配列番号：4345

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05122

配列：

GATCCCCCA TCTCTNCAGC ACTCTCTTGC TCCTCTCCCT TTTCATTTCC TTACTTTGTA 60
TCTTNTCAGA TTAGAACATA TTTTNTTGT CATGACAAAG 100

配列番号：4346

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05123

配列：

GATCTGAAC TCTTGNTTC TNTACTTAGT TCAAGCCCCA GCCTAGGAAA GCCAGTTACA 60
TAAAGTTGG CTCAGGNGTC TTAGAGCTTT ACCTAAATAT 100

【0881】

【配列表791】

配列番号: 4347
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05124
 配列:
 GATCAGAGTT TCTNTGGAAT TCTGTTTGT AAATCAAATT AGCTGGTCTC TGAATTAAGG 60
 GGGAGACGAC CTTCTCTAAG ATGAACAGGG TTCGCCCCAG 100

配列番号: 4348
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05126
 配列:
 GATCCTTCGA AGCACTCAGT TCACTCTTCC CCACCACAGT GGTAAAAAGG CGTTTGTATC 60
 TGCCACTATG TGTGTGTTTT AAAATAAAT TTTGGAAACA 100

配列番号: 4349
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05127
 配列:
 GATCAGGCTG ACCTGGCAGC GGGATGGGGA GGAACAGACC CNGGACACAG AGCTTGTGGA 60
 GACCAGGCCT GCAGGGGATG GAACCTTCCA GAAGTGGGCC 100

配列番号: 4350
 配列の長さ: 96
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05128
 配列:
 GATCTTTTCT CCATCATGTA CTTAGTATTT CCCATTAACC TACACACTGA TTTTNTGCT 60
 ACTCCTTGTA GAAACAAAAT TGTGGTGGG CTCAGX 96

配列番号: 4351
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05129
 配列:
 GATCTGCTGG TCCTTGCAGG CAAAGCTACA GCCAGANTGT CCGTTTGANA CTCCTAGCTC 60
 ATCTGTCAAC GAGCTTATC CGAATGTGCC ACGGAGCTTN 100

配列番号: 4352
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05130
 配列:
 GATCGCCAC TTTGGGCGG AGCTCGAGGA GCGGATGCAG CCGTTTGCCC AGCAGCATCA 60
 GGCCCGGCAG GCTGCCTCTT AGCCACCAC CCTGGCCTGC 100

【0882】

【配列表792】

配列番号: 4353

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05132

配列:

GATCCTGGCT TTCCAGGGTG GGCAAGGGCA AGGAGCAGGC TTGGAGCCAG GGACCACTGG 60
GGGCTGTAGG GTAAGCCCCT GAGCCTGGGA CCTACATGTG 100

配列番号: 4354

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05133

配列:

GATCTTTGAG GTGAACAACT TGCCTGTGGA ATCGTGGCAG TAACTGTTTC CACTCACAGC 60
CTGAAATTCT CCTNTGTCCC AAACCCGAGG GGGCCCCAGC 100

配列番号: 4355

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05134

配列:

GATCTCCGTG GATGAAGTGC GTCTGGACTC TTAGATTTCAT AAAATATTCG AGGGTTTGA 60
AGTNACAGAC CCTCCCCTCT CCTCAGTGCA CTTTGGCATT 100

配列番号: 4356

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05135

配列:

GATCAGGTTT GGNCTTCTCC CACTGAGCAT GACAAGCACT CGAAAGGCTA AATCAACCAG 60
AAACATCGAA ACAAAGCTC AGTACGATGC CAACTNTTAA 100

配列番号: 4357

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05136

配列:

GATCTGCCCT TGNTNGCCTC ATACCTCTGT GCTCCACACT GCGGCCAGGC CAGCTGAGTC 60
CCTCCATCCG TGGATGCTTT CCTGCAGCTA TGTGGTATGC 100

【0883】

【配列表793】

配列番号: 4358
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05137
 配列:
 GATCGNGNNA CTTGGGGNGN GGCCCTAGGC ACTACCAGCA GCGCACGCTC ACCTTCGCCC 60
 TCAGGGCTGA CGACCCCTG CTCAAGCTCT TGCAGGAGGC 100

配列番号: 4359
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05138
 配列:
 GATCAACAT GCATGGNTGG GTCCTCAGC AGACACACCC ACAGAAGGAC ACTAGCCTGT 60
 GCACGCGCGC GTCNATCTAC ACACACACAC AAGAGTTCAT 100

配列番号: 4360
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05139
 配列:
 GATCGAGTTA TTATGATAAC TGTGGTAATT TGTGTTATA AATAGCAGTA ACATAGGAAG 60
 GTTTTGGTAA CTNCTGACAA GAAATTTNAT GTAGAGAGTT 100

配列番号: 4361
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05140
 配列:
 GATCTGCATT ATTCTNGGAN AGTATTCAAG TGGTATCTTG ACTATTAAAC TACGTATAGT 60
 GTTNTGNAA TAGAAAGAAA ACAGCATTGG AATTGGATTG 100

配列番号: 4362
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05141
 配列:
 GATCCTGCCA CTGCACTCCA GGCTGGGCAA CAGAGTGAGA CCATGTCTCA AAAAAATAAA 60
 AAAAAATAAA ATAATATCAG GNTGCATACA TCAGAGGCTG 100

配列番号: 4363
 配列の長さ: 90
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05142
 配列:
 GATCGTTCTG CTGAGTATGT TAAGCTCTTT ATGACTGTTT TTGTAGTGGT ATAGAGTACT 60
 GCAGAATACA GTAAGCTGCT CTATTGTAAA 90

【0884】

【配列表 794】

配列番号: 4364

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05143

配列:

GATCTGCTGC TGCCATNTTA ATCTTGCTCA TTAACCTTAC TCCTTTGAGA ATTCTTTAAC 60
AATATTTAAA ATTGGTAACA AAAATAGTTT AGCCATAATT 100

配列番号: 4365

配列の長さ: 99

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05144

配列:

GATCTACACA TTTTATAGT CATTAAAAAT TGTATGACTC TGTCAAATNA TTTAAGTAAT 60
TTTGGTGGAT TTTTAAAAAT AAAAAAATAA AAATAGAAA 99

配列番号: 4366

配列の長さ: 80

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05145

配列:

GATCAGTTTT TATAGCATCT ATGGACATAG AAAATCAGTC ACTGAAAAAA ATAAACACAG 60
CTTTCAATGT CTCACTCAA 80

配列番号: 4367

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05147

配列:

GATCCAGAAT CACCAAGACC TCCAGCCCTG GATGATGCCT TTTCCATCCT GGACTTATTC 60
CTGGGACGTT GGTTCGGTC CCGGTAGCCT TGTTAACCCT 100

配列番号: 4368

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05148

配列:

GATCCTAANN CTGACAAGAT TCAAAGNACT AAATTTAATT CAGTCATNAA CACTACCAAT 60
TACCGTTTAT NGGTAGACAT CTTTGGAAT TTCCACAAGA 100

【0885】

【配列表795】

配列番号：4369
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05149
 配列：
 GATCTGACCT GTTTATTGTT GCGGCTTGTT GAAAACGAGC TTTCTTTCCC ATGATAGTGC 60
 TTCGTTTTTG AAGTGTTGAA GCTGTGCTCC CCTHAAATCG 100

配列番号：4370
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05150
 配列：
 GATCCTCCCG CCTCAGCCTC CCAAGTAGCT GGNATTATAG GTGTGTGCCA CTGTGCCAAG 60
 CTAATTTTTT AATTTTNGT AGAGATGNGA TTTNACCATG 100

配列番号：4371
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05151
 配列：
 GATCTAACCA ATTTGAATAT GACTTCCTAC TCCAACGTAT CACCAAAACA CTGAAAAGCA 60
 ATAGCTGGTT TGGTTGTTAG AAATGGTGTA ATTAATGTTT 100

配列番号：4372
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05152
 配列：
 GATCGCATTI ATATAACATT CTTGAGGTGA CAAAATTATT GAAATGAAGA ACAGATTAAT 60
 GGTGGCCAGG GATAGGGACT GGAGGGGCTG TGGCGTATGT 100

配列番号：4373
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05153
 配列：
 GATCAAGACG AGCCTGCACC GCCTGAAGCC CGACACGGTG CCAGCGCCCT GCTGCGTGCC 60
 CGCCAGCTAC AATCCCATGG TGCTCATTCA AAAGACCGAC 100

配列番号：4374
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05155
 配列：
 GATCCTCAGT AAACCTCTGAG AAATAATGAA TGTTGGTTGT TTTAAAATGG TAAATNTTGA 60
 GGTATTATGT TATGTGGCAA TAGATAGCTA ATATATAACT 100

【0886】

【配列表796】

配列番号: 4375
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05156
 配列:
 GATCGAGACT ATCCTGNCTA ACACAGTGAA ACCCTACCTC TATTAATAAT AAAAAAATT 60
 AGCTGGGCGT GGTGGCACAC GCCTGTAGTC CCAGCTACTC 100

配列番号: 4376
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05157
 配列:
 GATCTAAGGA AAGAAATGGA GCAACTAGTG CTTGACAAAA AGCAAGAGGA GACAGCCGTA 60
 CTGGAAGAGG ATTCTGCAGA TTGGGAAAAA GAACTGCAGC 100

配列番号: 4377
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05158
 配列:
 GATCGGGGCG GGGAAACAGC NGGAAGAGGG NCGCACCCGG TCTGACTACA ACANCCAGAA 60
 AGAGTCCACT CGGCACGTGG TCCNGCGCGT GAGGGGGGGT 100

配列番号: 4378
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05159
 配列:
 GATCAGTATA CAGTGTACGT AAACCTACACC ATCCTCAAAC CCCGAAAGC AAAGCAAATC 60
 AGGAAGAAAA GTGGAGGTTA GCAACACACC TNTGGCCCCA 100

配列番号: 4379
 配列の長さ: 54
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05160
 配列:
 GATCTAATAT TCAGGAATTT TTCTCCTAAA GACACCCAGT AAAAATATCA CAAA 54

配列番号: 4380
 配列の長さ: 89
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05161
 配列:
 GATCACTGTG TAAACTAAG TNTCTCTAAA TGTAATGCAT CGATTTAGTG TCTGGAACAT 60
 AATAAATATT TGCTCTCATG ATTGCTAAA 89

【0887】

【配列表797】

配列番号：4381

配列の長さ：89

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05162

配列：

GATCTACATC CCCATCCACC TATACGGACA TCTTTTCCGT TGTGGTTTGA GAATGTTTCT 60
ATAATAAACC CCTCTGCTTT GTTCTTAAA 89

配列番号：4382

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05163

配列：

GATCGTCTTG TATGGTGAAT TTTCTAGGAG CGATGATGTA CTGTAATTTT ATTTTAATGT 60
ATTNNGATTT ATGATTATNT ATTAGTTGNN TTTAAATGCT 100

配列番号：4383

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05164

配列：

GATCAATTNT GCANCANACA NCAATCTTAA CCATTTCAG AACTACTAG TTATATTAGG 60
CACGTTTAA AACTTAAAC AAAATAAAGG CCATCCCAA 100

配列番号：4384

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05165

配列：

GATCCAAACT TCTACAGCAA AAACCTACTT CTTTtagGAA AGACATACTT GAAACTACAC 60
AACAAAAAGC TTGCTGCTTT CTGGCTAATG AAAGCCAAGG 100

配列番号：4385

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05166

配列：

GATCAAAAAA TGTCTCCGCT CAGGGATTTA TGGTGGATTA TTGCAGACAN TGCTAAAAAT 60
ATAGAGCACA AGACAAGTTT ACTAAATTAA AATTTTATTT 100

【0888】

【配列表798】

配列番号: 4386
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05167
 配列:
 GATCCTGAAG AACITGGTAA TTCCTTGTAT CTGGAGCTCG GAGCTGCACC GAGGGCAGCC 60
 AGGACAGCTG TGTGTGCAGA CCTCATGTGT TGGGTTCTCT 100

配列番号: 4387
 配列の長さ: 52
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05168
 配列:
 GATCATTGT TTATTAATAA GTGTCCTATT ACACAGTGAG TTAACCTCA AA 52

配列番号: 4388
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05169
 配列:
 GATCCGAGCG ACCATGGTGG CCCGGGTGTC GTCGCTGATG AGGTTCTCA TNAAGGGAAG 60
 TGTGGCTGGG GCGCCGTCT ACCTGGTGTG CGACCAGGAG 100

配列番号: 4389
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05170
 配列:
 GATCCATCAA ATTGAACAAT CTGTTGTAAT TAAAAATTTT GGCCACTTTT TTCAGATTTT 60
 ACATCATTCT TGCTGAACTT CAACTTGAAA TTGTTTTTTT 100

配列番号: 4390
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05172
 配列:
 GATCTCAAGC CTCTTCTGAA CCCAGGCTT TCTTGAGTCT CCATATGAGC ATTTGCCTCT 60
 GTGGGCACAA CTTCAAGTGT CCTTTGTGAG GAAATGTGCA 100

配列番号: 4391
 配列の長さ: 73
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05173
 配列:
 GATCTGTCTA CTGAGAAGAC CCAAATCTTG GTTCTAAAT GCCATTCTTC AATAAAAGGA 60
 ATTGGGTTTC AAA 73

【0889】

【配列表799】

配列番号：4392
 配列の長さ：73
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05174
 配列：
 GATCTCCTTC TCCNTCCTGT CCTGTCTTG CCCCTCAGGA CTGCTGGAAA ATAAATCCTT 60
 TAAATAGTG AAA 73

配列番号：4393
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05176
 配列：
 GATCCAAGCA GGGGGATGAA AAACCTCAGCA GAGAAATTCG AGACCATTTT CCAAGACTNT 60
 CCCCTTCTCC TCAGGACCCC CTGGCTCAGT NCTTGAAAAA 100

配列番号：4394
 配列の長さ：76
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05177
 配列：
 GATCAACTGG AACCTCTGTA TCATGCGGCT GAATTCCTT TTTCTTTAC TCAATAAAAG 60
 CTACATCAGA CTGAAA 76

配列番号：4395
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05178
 配列：
 GATCAGGCTT TTAGGACCTA GGAAACAAAT AAAGAGGAAT TTGTTGCTGA AA 52

配列番号：4396
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05180
 配列：
 GATCCTTATT CTAGCTACAA GTCAAAGATA ACTCTGGTC CAGACAAAAC ACCTGGCCTA 60
 TCACAAGCTG ACTAAAAATC TGCACTTTGG GCCAGCGCAG 100

配列番号：4397
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05181
 配列：
 GATCTCAAAT ATAAATTGA GATTATACAT GTAGTTATGT ATAGNGNCAT GTAGTTACAC 60
 ATAGTTTTGT ATTTNCCTGT TTTTCTCTCA TATGAGCATT 100

【0890】

【配列表800】

配列番号：4398
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05182
 配列：
 GATCTACACG TGTTGTTTTG TTTTNCCTT ATTGATGCAC GNATGCTTTT GAACAGTAGA 60
 GNGAAATGCT AGACATGGAG AATCTGCTCT GTTGTCCCTH 100

配列番号：4399
 配列の長さ：85
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05183
 配列：
 GATCCTAAAT CCTATGTAGG CTNNGGTTAT TAGTGTATAT TTGTGTCITA AAACAATTTT 60
 GAAAGTNAAG AAAATATTTT TTAAA 85

配列番号：4400
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05184
 配列：
 GATCTNATTT TGAGATTAAA AAAAATACTT CTAGCTTTAG CCAGGTGTGC ATGTNGCTGC 60
 CATTTTGCAT TTTTGAATCA TCTTGTGTAA TTGTACCAT 100

配列番号：4401
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05185
 配列：
 GATCTGCTGT ATGTTACAGT TATGTAATTT GACTTGTTC AAAATTATTA AAGTTTAAAG 60
 TGTATGCATT CTACTGGTCA ATAAGTAAAT ATATTCAGGC 100

配列番号：4402
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05186
 配列：
 GATCAAACTC AAGCTCACAC CTGTACCTGA TGGGAATGAA CATAATGTGA AGAAACTTAT 60
 TTCCAGTGT AAACGCAGTT GTACAGAAAA AAAATGTTTT 100

配列番号：4403
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05187
 配列：
 GATCAGCCAG TCTCTTTCAT CATCAAGCAG ACATACTCAA GGTACCAACA CAGCAAAGGC 60
 ACAAATGTC TCTATATCAG TATTTTTCAT GGTATATGTG 100

【0891】

【配列表801】

配列番号： 4404

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05188

配列：

GATCCTTTCC CATTATTCCT GGGAAGATGT TTTTCAAACCT CAGAGACAAG GACTTTGGTT 60
TTTHTAAGAC AAACGATGAT ATGAAGGCCT TTTGTAAGAA 100

配列番号： 4405

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05190

配列：

GATCATTGG CTCTTTTTT CTTCCAGAA GAGTNGCATC AACAAAGTTA ATTGTATTTA 60
TGTATGAAA TAGATTNAA NCTTCATTAT AAAATATTGT 100

配列番号： 4406

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05191

配列：

GATCCTTCAT GGACANTATT CTAACGATA CGTAGACACT TACTTGGAAA TTTTGGACA 60
TTATATTAAG TGAGTGCTAT CTGTGAAATT GGTATATTA 100

配列番号： 4407

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05192

配列：

GATCTGAGGT CTCAGCTAG GAGAGACTGA GAATTTTAAT CAGTTGGGC ATATAGTTTG 60
GACTGAATCA CATCTGTAGT ACTTAGCCAA AGACAATTTG 100

配列番号： 4408

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05194

配列：

GATCTCTTGA CAANTGTGTA TGTAACTTT TTAGCACATG TTTTGTACTT AGTACACGAG 60
AAAACCCAGC TTTTATCTTT TGTCTGTATG AGGTCAATAT 100

配列番号： 4409

配列の長さ：58

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05195

配列：

GATCGTGTGC GAGACTTNA CACAGTTTAA ACACATCAAT AAATACTTTA ACTTCAAA 58

【0892】

【配列表802】

配列番号：4410

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05196

配列：

GATCGAGGTA GTAAAGGCCA TCCACATTTT AAAGGGTTAT TTGCTNTNN TATAATNCGT 60
TTGCTTTCAG AAAATGTTT AGGGTAAATN CATAAGACTA 100

配列番号：4411

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05197

配列：

GATCAAACAG GGACACAAA GCAAGTATCA TGGGAGGAAC TTGAAATCTC TGNGGACAGC 60
AGAAGCTGAC TTCAACTCTN ATAATTGTGG CATCCATAAA 100

配列番号：4412

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05198

配列：

GATCAATCCC TAGTAAAAGC CCTGGACACC TAGGCATGGG TGAGCTACTN TGTTTGGTAA 60
TACTCTGTGC ACACATCATT GTAGCCACAC ATCATTGCTG 100

配列番号：4413

配列の長さ：51

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05199

配列：

GATCGTTTCA TGCCTTTCCA GGGTTATTTA GTAAAGTTTG TTGAAAACAA A 51

配列番号：4414

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05200

配列：

GATCTCAGGT GATTACCCG CTTCTGCCTC CCAAAGTGCT AGGATTACAG ACATGAGCCA 60
CCGCACCTGG CCATACAATT GCCTTCTATA TGTITTTNAT 100

配列番号：4415

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05201

配列：

GATCACCCCA CCCTGTGAAG AGGCAGTTGG TGCTGGCAGT AAGCTGGTTT CCTCCTCTCC 60
AGGGTTTTCC TAGTAATAAA GGTGTTNCTG TTGANGCCGT 100

【0893】

【配列表803】

配列番号：4416
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05203

配列：
GATCACATTC ATTCCATAGG TAGCTTTACG TGTGGCTACA ACAAATTTTA CTAGCTTTTT 60
CATTTGCTTT CCATGAAACG ANNTGANGAA AATGATTTTC 100

配列番号：4417
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05204

配列：
GATCACATGC AGGACTCTTT CTTAATGCAG CCTGAGACAA ATCTTGCAAT ATGAAGAGAT 60
GATTTCAGG TTTTATTGAA TAAATGAATT GTAATTTTAA 100

配列番号：4418
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05205

配列：
GATCCCACGG CGAACACTGG CCACTGGCTA CCAGTATTCC TTCCCAGAGC TAGGGGCTGC 60
CTTAAAGGAA ATTNTAGCCT AAGTAGGTCA TGGCAAGGGC 100

配列番号：4419
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05206

配列：
GATCTAAACG AAAAATAGTT TCTTGTTTAA ATTCACATAA GGCAATGAGA TATGGAAAGA 60
TGACAAGATA CGTATAAACA TTGGTTTGCA TTTTATTAAA 100

配列番号：4420
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05207

配列：
GATCTTGGTC AATAACTGGG AGATGGACAA ACTAGAGATG GAAGATGCAG TCACATTTTT 60
GAAGACTAAA ATCTATTTCAG TAGAAGCTCT TCCTGTTGCT 100

【0894】

【配列表804】

配列番号: 4421

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05208

配列:

GATCAGCACC TTGGCCGTGA TTCCCAAGGT CCCAGCCAAA GCAAAGGGCC AGTTGTTTCA 60
GTTTAAACAG ACATGTCTTT AGTCTAATAA AATTAGTTAA 100

配列番号: 4422

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05209

配列:

GATCTGTTCT TTTTAAAGTT GATTGGGAG TGGCATTCTT TTATACCCAA AGACTGTAGT 60
GCATCTTGAA GAGCTCAAAG CACATGACCG CACAAATGCT 100

配列番号: 4423

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05210

配列:

GATCTCTGGT CAAAGTGAAA CTCTTNCCTC CNGTATTCAG GCAGCTCAGA NCAGAAAGTA 60
AGGGGCAGAG TCATACGTNT GGCCAGGAAG TAGCCANGGT 100

配列番号: 4424

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05211

配列:

GATCAAACTG TTGGAGGAGA AGCTGAAGGA GGCTGAGACC CGAGCAGAGT TTGCCGAGAG 60
GTCTGTGGCA AAGTTGGAGA AANCCATCGA TGACCTAGAA 100

配列番号: 4425

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05212

配列:

GATCAATGAA GGAGACATCT GGAGTGTCCG TGCTTCTTCA GA6GGACGGG TGATGGGCAG 60
ATTGGAAAAA GCACCGCAGA TGGGAACCTT AATCTTNCCT 100

配列番号: 4426

配列の長さ: 62

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05213

配列:

GATCAGGCAA AAATAGTTTT CCAAAGTTAT TTTTAAATAA GTATATACAA AATTCTTATA 60
AA 62

【0895】

【配列表805】

配列番号： 4427

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05214

配列：

GATCTAACGC CACACCTCCG TGAAAACACA ATCNCACAG CAGGAACCAC NTGAACCTGG 60
ACATCAGCAG TTTATTTCAGC AGATGCTTCA GGCTCTTCT 100

配列番号： 4428

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05215

配列：

GATCTATGGC AGACAACGT GTATTCTGTT TTATAACAGT TTGTTTNAAT TTACTTACAG 60
TTAAAAAATN TAAATATAAA 80

配列番号： 4429

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05216

配列：

GATCTGGGTG AAGGGGAGAA CCTGCCATCT TATCCCTACC CCCCCGGGNC CCTCAAGCTT 60
ATTTTCTTGT TGAAGAAACA CAAAACCTC GAGATTTCATG 100

配列番号： 4430

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05217

配列：

GATCTGCAGC CTTTGGGTA TCAAATGGGT CAAAACCATG GGACCTGCCA CCTCCCATCA 60
GCANTTCTGG AAATGCACTA TTTCTACTGG TATTCTTGCT 100

配列番号： 4431

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05218

配列：

GATCGTANTT AGTCCTTTTC ATCTCAGCTG CTCCTTAAAT CAGTGCAACC CCTCCAAATT 60
AATGTGAATT GAAACTTGCA TTGCTTTTCA ACTTAATTGA 100

【0896】

【配列表806】

配列番号: 4432
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05219
 配列:
 GATCAAAATT GGNTAAATTC TATTGTAACA ATTTGCTTGG TCATTTTGGG CCATAAAATT 60
 TTTTGTAAAT AGGAATTTGT ATAAAGCATT ACTCTTTTTC 100

配列番号: 4433
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05220
 配列:
 GATCNCACCA GTTNTCTNCA NCCTGGGCCA CAGAGCAAGA CCTTGACTCA AAAACAACAA 60
 CAACAACAAC AAAAATTCTT GAAGATTTTG CATTCTGTCC 100

配列番号: 4434
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05221
 配列:
 GATCCTNCGT TCTNTTGTTA TAGATTAGTT TGGCTTTCCT ACAATTTTAT ACACATGGAA 60
 TAATACTATA GGTACTCTTG TTTGGCTCCT NCCATCCAGC 100

配列番号: 4435
 配列の長さ: 51
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05222
 配列:
 GATCATGCCA CTACACTCCA TCCTGGCGAC AGAGCGAGAC TTNGTTTCAA A 51

配列番号: 4436
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05223
 配列:
 GATCCTNCTT TTCCTTCATG NCAGCACAAG TGCTACCCGG GGCCAGAGCC AGGGCATGGA 60
 TATGACAAGC AGGGCAGCCT GGACACTGCC CTCACAGGAC 100

配列番号: 4437
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05224
 配列:
 GATCTGCTT GGNCIATCAC AGAGCATTGA CCATTGGCTT CCCTCATCTG AGNCGTGGGA 60
 GAGCANACTG GATAGATGAG AATTGTTTTA AAACAATTGT 100

【0897】

【配列表807】

配列番号: 4438
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05227
 配列:
 GATCCTGATG TATGAGGAAA AAGCGAGAGA AAAGGAAANG CCAACAGGCC CCCCAGCCAA 60
 GAAAGCTATC TGTGAGITGC CCTGATTIGA AGGGAAGG 100

配列番号: 4439
 配列の長さ: 67
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05228
 配列:
 GATCCATCTG AGGAATCACT CTGTGTTGCA CTTATGCCCT CATAAANAT ATTTATTGAA 60
 GAATAAA 67

配列番号: 4440
 配列の長さ: 70
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05229
 配列:
 GATCAATGCA TTTNATACGG ATATAGACCT AGGGCTCTGG AGGGTGCGG ATTGTTAAAA 60
 CACATGCAAA 70

配列番号: 4441
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05230
 配列:
 GATCTCTATA GAGGCTGGAA TGGCCACAGA GAATCTAAAT NTGAAAACAA ACATGTCCTG 60
 AGGGTGTGCT CCAATACCAC CCNNTAATAC TCTCTGAGA 100

配列番号: 4442
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05231
 配列:
 GATCCYNGNT TTGAGCTCTC AGAATCACTC AGACAACATT TTGTAACINC TGCTGTTGCT 60
 TACTACATAC ACCTTATAAA GTGACATTC AAAAGAAATA 100

配列番号: 4443
 配列の長さ: 71
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05232
 配列:
 GATCCTGTTG CAAACTGTGA ATATTCTGAT GATGCCAGTA CAGTTTGATT TATTAAATGT 60
 GGGTCCTCAA A 71

【0898】

【配列表808】

配列番号： 4444

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05233

配列：

GATCTGAACC CGTCTCCCGG GTGCTGTAAA TAGTCTGATA AACGTTTACA CAGTCTAAAA 60
TTACCCCTTTA TATTTGCTGA ATACAACTCA TCTTTTGTAG 100

配列番号： 4445

配列の長さ：67

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05234

配列：

GATCAAGNAT ATTTTTTATT TTTAAGAAAG CATAACCAGC AATAAAAATA CTATTTTTGA 60
GTCTAAA 67

配列番号： 4446

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05235

配列：

GATCTAATTC CAAGGACTTC TCCACAGCTA AGTNAGATGC CTCANACCAT TAGGTGATGC 60
TTTGGACAGA ACAGAGTATT TNAATCTTGT GTTTAAAGCA 100

配列番号： 4447

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05236

配列：

GATCCCAGCA GTGATGTTGG TTGAGGCAGC AAACAGATGG CAGGATGGGC ACTGCCGAGA 60
ACAGCATTGG TCCCAGAGCC CTGGGCATCA GACCTTAACC 100

配列番号： 4448

配列の長さ：65

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05237

配列：

GATCAGAATG TTCTAAATNT TGACTAGTTA CTTTTTATTA TGAGTTAATA TAGTTTAGCA 60
GTAAA 65

【0899】

【配列表809】

配列番号: 4449

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05238

配列:

GATCTCTATA TTAAATNCTA AAATGGGATT AAAAGAAGAG TTGGAGAATT CACACTTATT 60
GAGTAACCTGA TGTACATACAA CCTGGAATTT CTGAATTCCA 100

配列番号: 4450

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05239

配列:

GATCTATGCA GTATACATTT INCAGGCTGA AATCAAGGG GAATCATTCT GATTATNCTT 60
ACTACAAATG GAGATGGCTA TTATGAAACA GCATGAGCAT 100

配列番号: 4451

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05240

配列:

GATCTTTTGG TATGTNACGT GTTAAGGGCT TGTITGGTAT CCCACTGAAA TGTCTGTGT 60
TGCAGACCAG AGTCTGTITA TGTGAGGGG ATGGGGCCAT 100

配列番号: 4452

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05241

配列:

GATCACCTGA GCTGCCTCAG ATTCATTTG GTCCTCTCCT TCCTGGAAGG CTTCTTTTA 60
TGTITGTITT TAATCCCAA TGTCTGAATG TTTTGCAGTG 100

配列番号: 4453

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05242

配列:

GATCCACCA CCGTGGCCTC CCAAAGTGCT GGGNTTACAG GCGTGANCAC CAAACCCAGC 60
CACCAATTTT ACTTTAGGTA AACTTTTATT TTCAAGCTTT 100

配列番号: 4454

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05243

配列:

GATCTGAATT TAGGNACATT TCCTTTTTCT GTGGGAATCA CAAGAGTTTA TCCACTAAAA 60
AAAGATATGT AAAAAAGATA CTTCCAGCA CATAAATAAA 100

【0900】

【配列表810】

配列番号： 4455

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05244

配列：

GATCAGCTAG CTACCTTCTA CTTTCCATTT TTCAAGTGGG TTGTTCTCTT AATTTGTATA 60
TAACCTGTTG TCTAAATTTT ATGTACAGTC TTTTATAATA 100

配列番号： 4456

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05245

配列：

GATCTGGCTC ATCCATCTGC ACACTGACCA CGCTAAGAGC TGCTGTCAGT GATGGAAACC 60
TTCTCTAGCT GTGCTGTCCT CTATAGTGGC ACCAGCTGCC 100

配列番号： 4457

配列の長さ：58

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05246

配列：

GATCTTAAAA TTCGTTTGCC TTTTAAAGC TATATTAATA ANGTATTGTT GAATCAAA 58

配列番号： 4458

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05247

配列：

GATCCACAAG ATTNAGAAAA TATTATATAG TTAGATAATA ACATTCTTGT CTAATGATAT 60
CCNANCINGT TACAAAATTN TTTAAAACTT AAATAAAAAAC 100

配列番号： 4459

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05248

配列：

GATCCCTCTA CAGAGCTTCC CTGACTCATT CTGAAGGAGC CCCATTCTTG GGAAATATTC 60
CCTAGAAACT TCCAAATCCC CTAAGCAGAC CACTGATAAA 100

配列番号： 4460

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05249

配列：

GATCACATTC AGGATAAGTG TACAGAAGAA AATACGGGTG TTTACTCTTT AGGGAATCGG 60
AAACACTCCC TGCATTGATG TACATTTTAA GAATGGCACT 100

【0901】

【配列表811】

配列番号: 4461

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05250

配列:

GATCACGAGG TCAGGAGATA GAGACCATCC TGGCTAACAC GGTGAAACCC CATCTCTACT 60
AGAAAAATAC AAAAAATTAG CCGGGCATGG TGGCGGGCGN 100

配列番号: 4462

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05251

配列:

GATCAAAGCA ATTTACAGAT TCAATGCTAT TCCTGTCAAA CCACCTATGA CATCTTTCAC 60
AGAACTAGAA GAATAAACTA TTAAGGTTT GTATAAAGTT 100

配列番号: 4463

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05252

配列:

GATCTCAACA GTGTGGGGTG AACAAGAAGA CTGTATCTTC AGCCTTTTTC CTATAATCAT 60
GGATGATTG GTCTTATTC AAGGACCGC ACATATTAGT 100

配列番号: 4464

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05253

配列:

GATCTGAATA TAATTCTGGT AAACAGCTGT CTTCATTTTT NTCCTCTAAA GAACTTAATT 60
CATTTGTAC ATAAATATA AGGAAATCTT TGTACTATTT 100

配列番号: 4465

配列の長さ: 58

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05254

配列:

GATCCCCGGT GGTTTTGTGC TCAAAATAAA AACTGATTAA ACCTTTGTGG CTGTGAAA 58

配列番号: 4466

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05255

配列:

GATCCITTTT TTTCTTATA AATCATCCTC TTAATGAAAA TIAGCCTAAC AAAAGTTTGG 60
AGACTGGAAT CCTACTTTGA GCCACTGACT TGAATAACT 100

【0902】

【配列表812】

配列番号： 4467

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05259

配列：

GATCCACCTG CCTCAGCCTC CCAAANTGCA NGGTATTACA GNCANGAGNT TCTGCGTCTG 60
GCAATAATGT AACTTTGAAG CTTAAAAATT AATCCCAGTT 100

配列番号： 4468

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05260

配列：

GATCTAGTCA TCTTCTGTAG CTACATAGTA CTCCTAATGT TAAGATTACC AAATTCAGCA 60
ATAAGCCAA AATCAAACT GAAA 84

配列番号： 4469

配列の長さ：75

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05262

配列：

GATCATAAAC CAGTGNATC AGACCTATGT GTAATAAGAC TCCTGTTAAT AAAAAATAA 60
AAAGCTAAAA GCAA 75

配列番号： 4470

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05263

配列：

GATCTCAAAC TTGTCTTAA TCAACAACCT TCTACTCATG TTAATGTCTT GATTAATAT 60
CACAATGCAA AATACACATT AAGTAAAAGA ATTCCAGCTG 100

配列番号： 4471

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05264

配列：

GATCTGCTCC CTCTCGCTCT CTCACTCCAC TACTTTTTGG AACAAAGTGA TGGCAGAATG 60
CGGTGCTGGT GGGGGTCTT TGTACTGTTG GATTAATAAA 100

【0903】

【配列表813】

配列番号：4472

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05266

配列：

GATCAGTATA ATTTTNNAAA GTTACTTTGT NAGAGGCACA AAAGGGTTTA AACTGNTTCA 60
TAATAAATAT CTGTACTTCT TCAAA 85

配列番号：4473

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05267

配列：

GATCACGTAG ACATGTAACC CAGCAGCAGT TTGCTTCTGT TGTCCACTGA TTAATCAGCC 60
TATGTGCCTG AACTGGTCT TGCAGTACAA CTGNAAGCCA 100

配列番号：4474

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05269

配列：

GATCTTTTAT TTNIGAAACA CTCAAACACC TTACAAAGTG CTGAGTAGGT AATAGTGACC 60
CAACTTGTTT GCTAAATGAT TATTTGTTA AATCTGTACA 100

配列番号：4475

配列の長さ：62

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05270

配列：

GATCTGTTGT TAGGATTCTA GTTAACACTT TTNTTTTAA AAACCTAAGGA CAAATGAACA 60
AA 62

配列番号：4476

配列の長さ：98

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05271

配列：

GATCCCAGGG GAGGGGTCTC TCTCCCCATC CCAAGTCATC CAGCCCTTCT CCCTGCACTC 60
ATGAAACCCC AATAAATATC CTCATTGACA ACCAGAAA 98

配列番号：4477

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05272

配列：

GATCGTATCC CGCTGACACA GAAGGNTGCC GGGTGGGGGG AGGGCACCCA TGAATTTCAA 60
AGAAAACCCCT AAGTGTGGAT GTTCAGAATT TTGGAAAAAT 100

【0904】

【配列表814】

配列番号: 4478

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05273

配列:

GATCTGCAAT GACTGGAAC T GCCGGTGCC TGGGGTGCCT TTCCCCCAGC CAGGGTCCAA 60
AGAAGCTTGG CTGGGGCAGA AATAAACCAT ATTGGTCGGA 100

配列番号: 4479

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05274

配列:

GATCTTCTTT TGGGAGGATT TGATGTAAGT NACTGACAAG CCTCAGCAAA CCCAAAGATG 60
TTAACAGTAT TTAAAGAAGT TGCTGCAGAT TCCTTTGGCC 100

配列番号: 4480

配列の長さ: 72

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05275

配列:

GATCAATGTT TCAGCCCTAG ACTGCCCAAG GAGTATTATT AATTATTAAT AAATGAATTC 60
TGTGCTTTTA AA 72

配列番号: 4481

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05276

配列:

GATCAGATTA TTTTACTACC AACAGTTATA GTTTGAAAGT CCAACTGTAT TAATTGACTG 60
ATAATATGAT AATATAGAGA TTAAATTGTT TGTNTTCAAA 100

配列番号: 4482

配列の長さ: 96

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05278

配列:

GATCACAAAG AGCAACAAA TGTCAATATC TCTTATGAAT GGTGAAAAA AGGAATTAAT 60
CGATGCAAT AACTTTTCA CAGTATTACT TTAAA 96

【0905】

【配列表815】

配列番号：4483
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05279
 配列：
 GATCTAGCAA GCCATGGCGA CAGGTAGCAT TTNTAAGATG NTGNACAGGA GCAGNATTAT 60
 CCCCCAAGAT ATTACAGGGT AGACACGTTT TAACTAAAAAT 100

配列番号：4484
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05280
 配列：
 GATCTGACAT ATATCACCTT CTGGGNTATT TACTCATTGT GCCAGGACCT GGCATTTTCA 60
 TGTGCCTTTG ACCAAGTGTT CAGAATTTGC TTGNTCTAA 100

配列番号：4485
 配列の長さ：90
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05281
 配列：
 GATCTATCTG GGGGTCTAG TGTACCACAA GCTGAACCTG AAGATTTGGA AAAATGTTTC 60
 TAATTAATAA AAACAGAGCA AAAAGACAAA 90

配列番号：4486
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05282
 配列：
 GATCTACATT TAAGTGGAAA AATTAGCAGT ATTTGAAAGC TCAGTTTNA TATTGTCTT 60
 AACTTCAGAT ACAAATAACT GAACAGAAAG TTTTAACCTT 100

配列番号：4487
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05283
 配列：
 GATCACAAAA ATGTATTTTA TAAAAATGTTT TGTACNATAA AGTTACANNC CAAAGTGTAC 60
 TCTTGAATG GNTTCTTTCC TGTAAAGTCT TATCTGCGAC 100

配列番号：4488
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05284
 配列：
 GATCATTATC AGTAATTTCA TAGCAACTGT TCTAGNGTTT TGNGTTTTTA AAACAGAATT 60
 AGGAATTTGA GATATCTGAT TATATTTTTC ATATGAATCA 100

【0906】

【配列表816】

配列番号： 4489

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05285

配列：

GATCAGACCG AGAAGCAGGG TGAGAGATTG TAACGACTGG ATGCTGCTAG TAACACATTG 60
TTTGTATTGC TTTACCATTT TTAAGTGTGA GATTTGAGAT 100

配列番号： 4490

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05286

配列：

GATCACTACA GTGAAGTATT ACAGTTGTAC AGTTCCTAGT CTGGCCTTGG CTGCTCGGA 60
TAAACTTTG TATGTATTTT GTATGCCATA GATTCTATAT 100

配列番号： 4491

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05287

配列：

GATCTGAAA CGTTTTGTAC CGATTATCCA CAGCAAAACA AAAATAAGCT TTTATTTTAT 60
TAATAATTTT GTTCCTCTTG TGCCCAATCA AATCTTTTAT 100

配列番号： 4492

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05288

配列：

GATCTCCCTG TGGCAGCAGG CATGGAGAGT CAGGGCTGCC TTCATGGCAG TAGGCTCTAA 60
GTGGGTGACT GGCCACAGGC CGAGAAAAGG GTACAGCCTC 100

配列番号： 4493

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05289

配列：

GATCTCTTAA AAATACCACA GTTTGTATTT TTCTTTTAAG GAGTAAAGAT TTGCCTTTAA 60
ATAACTTGGT ATTTTCCTGG CTTTCGTTTA ATACAATAGA 100

【0907】

【配列表817】

配列番号：4494
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05290
 配列：
 GATCAATGTG ACGGCAGGGA AATGTATGTG TGTCTATTTT GTAAGTGTAA AGATCAATGT 60
 CAGTTGTTAT TTATTGAAAT GATTTCACAG TGTGTGGTCA 100

配列番号：4495
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05291
 配列：
 GATCTAGGTC CTTCTATCTC GTCCCTCTAC AGATGTATTT TCCACTTGCA TAATTCATGC 60
 CAACACTGGT TTTCTTAGGT TTCTCCATTT TCACCTCTAG 100

配列番号：4496
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05292
 配列：
 GATCTGCTGC AACCATATATC TTNGTTCTTG AGTTCATCAT GCATTTAAAA TGAGATGCAA 60
 GAGCATTTAG CATACCATGT AAATATGGAC CTTTTAAAA 100

配列番号：4497
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05293
 配列：
 GATCATACCA CTCCACTCCA GCCTGGGCAA CACAGCGAGA CTCCATGCTC CCCCCAA 57

配列番号：4498
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05294
 配列：
 GATCAGGCTC TCCTCATGCT GTTTAGTGAT GGCAGTGTCC AGGTGAACTN CTACGGGGAC 60
 CACACCAAGC TGATTCTCAG TGGCTGGGAG CCCCTCCTTG 100

配列番号：4499
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05295
 配列：
 GATCTTTATT TTTGATTAAAT TTGTTCTGAT TTTTGGTTT GTTTTTTAAG GAACTGTAAT 60
 GAACAAATGT CAGGATATCC AATGCCAAAT AAAGATGTTG 100

【0908】

【配列表818】

配列番号：4500

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05296

配列：

| | | | | | | |
|------------|------------|------------|------------|------------|------------|-----|
| GATCACACCC | NGGTGAACCC | ANGGTGCTAA | GANTGAAAAT | AACCTTGGTG | AAATGTACAA | 60 |
| NTTAAAGACA | AAGAACTACA | TGTGAAGATA | GACTTGCTTT | | | 100 |

【0909】

【配列表 819】

配列番号: 4501

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05297

配列:

GATCTGGTGC TGCTTTCAGA TGTTTATCTT TTATTTTTTT CCCTTAAGCT TTAATCTTCG 60
TCATTGTCTT AAAGTCAACT GGTGTTTCTT GTTCATTGAC 100

配列番号: 4502

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05298

配列:

GATCCTTTTT AGTTAATACT ATGACAGTAC TAAAAATATA TGAATAACAT TTCAGATACC 60
ATTATATTAA AATATTGTG TATGTGTACA AAAGCGTTGA 100

配列番号: 4503

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05300

配列:

GATCTGGACC TAATGAATTC CTCAGAAAAT TCCCATGAGT CAGCTGATTT CAGTCTGCT 60
GAACAAATTN CTGTGTCTAA ATTTCTTCCT ATTTCTGGAA 100

配列番号: 4504

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05301

配列:

GATCTGGGTA AAGGACCATC TGGGGATTCT TTGTACTATT TTTCTTTCCG CAACTTTTCA 60
AGTTTCAAAC TATTTGCAAA TAAAGAGTTT TTGTTTCTTA 100

配列番号: 4505

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05302

配列:

GATCACATGG CTAAGGTGGT GTGTGCCAGG TTTCTCCACT GTAAAATTAG GAATTTTCCC 60
TTTGAAATTA ACAAGAATCT TCCACTTTGA AGCTGTGTGA 100

配列番号: 4506

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05303

配列:

GATCATGTTA ATTTAAAGCT TTATACACAT TGTGTTTTTT GCTGGTCTCA TCTTTGGTAA 60
TATGCTATAC CCCACTGCTG CCCGACACTG CCCINTAGCT 100

【0910】

【配列表820】

配列番号： 4507

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05304

配列：

GATCACTTGA TGTCAGGGAG TTTGAGACCA GCCTGGCCAA CATGGTGAAC CCCATCTCTA 60
CTAAAAATAC GAAAATTAGC TGGGTGTTGT GGTAGGCACC 100

配列番号： 4508

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05305

配列：

GATCTCTAAG GAACTCCTGT TGCTAAATAT GAAGAGTATG GAACATTCAT ATAGTCTCTG 60
TGAAGCATGG GGGGAGGGAA GACATTTCTN TTNCTTATAG 100

配列番号： 4509

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05306

配列：

GATCTTGGA GATATTAATA TCTGCTGGCC AGACCTAAAA AAAACTGAAG GCCCAAGGAA 60
AGTGA CTCACTGGAA AGTNTCTAAC AAATACTTTG 100

配列番号： 4510

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05307

配列：

GATCGCAAAT TGAAATATGG ATATTTGTAC CAGGCTGCGT GTTTTTCATT TTAAACACAC 60
AAGATTTAAT TGAAAGGACA TCAATAATCA TAATTGTGTA 100

配列番号： 4511

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05308

配列：

GATCGCACCT TTTATACCAG AGACCTGAGG CAGATGAAAT TNATTTCCAT CTAGGACTAG 60
AAAACTTGG GTCTCTTACC GCGAGACTGA GAGGCAGAAG 100

【0911】

【配列表821】

配列番号： 4512
 配列の長さ：64
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05309
 配列：
 GATCCTCTAA CACTGTACTA AAACATTTCA ATAAAATCAT TCTGACTGCG TTCATAAAAA 60
 CAAA 64

配列番号： 4513
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05310
 配列：
 GATCTATTAC TGACCGTATG ATGAGGCCAA CTTTTTNCCT TTGTGGTTAG CAAGACTGCA 60
 AGAGATGGAA AAAAAGTAGT TTGAATGTTT TGTGTGTAAG 100

配列番号： 4514
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05311
 配列：
 GATCACTTGA ACCCAGGAGT TTAAGTCCAG TCTGAGCAAG GCAGTGAGAC CCTGTCTCTA 60
 AACAAATAAAA ATTAAAATAA GTATTATCGA GAGTTCCTGG 100

配列番号： 4515
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05312
 配列：
 GATCACCAGG CTGCCAAGG GTGCTGTGCT CTACAAGACT TTTGTCCAGG HGGNTCCTGC 60
 CAAGCCTGAG GGCACCCGTC AACTCGGTAG CTATGCTTNG 100

配列番号： 4516
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05313
 配列：
 GATCTGGACA TGCTGTNACA AGAAATAGTG ACCTTGGGGA ATATGTACAG AAAAGACCTT 60
 TTTCTAAGAG TTGGGAGGGG GTGGGGGACT GTATAATGAA 100

配列番号： 4517
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05314
 配列：
 GATCGTAAAA ACATGTCTTA TCGGGAACCTT TCATGTCAGA TGCCTGGAGT GTGAAGTGT 60
 CATTGGACAT TCCATTTTAC TGTTCGAAGT ATGGACTTAC 100

【0912】

【配列表822】

配列番号: 4518
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05315
 配列:
 GATCAACTGT CCTTAACCAC AGCAGCATGA TACGCTGGNT TACCCAATCG CTTGTAAGGN 60
 AAGNCAGAGA TGACGTTATC CTGACTGCTG AGATGAGCAG 100

配列番号: 4519
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05316
 配列:
 GATCAGCCAC ACAACTGTTT TGTACATACT TATTTTCTCA TGCACTTTTC TGTATGCAAA 60
 TAAAGCTATA AATTTACTCA TTTCAATAAA CTGGAGTGGC 100

配列番号: 4520
 配列の長さ: 51
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05317
 配列:
 GATCGCGCAA CTGCACTCTG GTCTGGATGA CAGAGCAAGA CTCCATCTAA A 51

配列番号: 4521
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05318
 配列:
 GATCTGGGAC AGANTTCACT CTCACCATCA GCAGTCTGCA ACCTGAAGAN TTTNCAACTN 60
 ANTACTGTCA ACAGAGTTAC AGTGCCCCGT GGACGCTCGG 100

配列番号: 4522
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05319
 配列:
 GATCTGAAAA GAAGGTGAAT ATTTTGCACT TTTGATACTC TTAGGAACAA ATAAC TTATT 60
 TGGCAAAATTG TTTNTTTTTT ATGTTTTGGG TGTGTTTTT 100

配列番号: 4523
 配列の長さ: 73
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05320
 配列:
 GATCATGTAA AATTACAGTA CTCAACCCIT CTAGCAAAAGT ATTTGGNTGA AAAATAAACT 60
 AAATGCCCTTT AAA 73

【0913】

【配列表823】

配列番号: 4524

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05321

配列:

GATCCGCAGA GGGTGGTTGG GATACACCGG ATACCTCTGC TCTCATTGCT TGTTTCCAAA 60
TGCTCTATGG ACATTTGTGT GCTAAATCCT ATTAAATAAA 100

配列番号: 4525

配列の長さ: 56

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05322

配列:

GATCAAATTG AGAGACAATA AGTGTACATT GTTGAATAAA AAATTTTAAA GTTAAA 56

配列番号: 4526

配列の長さ: 90

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05323

配列:

GATCTTGAGA GTATGTTCTT ACTCATTTCT GTAATTGCAG TAGTGTAGTC ATCTGCATAT 60
AGTTTAAATA AATGCATGTT AAAATTTAAA 90

配列番号: 4527

配列の長さ: 58

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05325

配列:

GATCACGCCA TTGCACTCCA GCCTGGGGGA CAAGAGTGAA TCTGTGTCTC ACCAGAAA 58

配列番号: 4528

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05326

配列:

GATCTGGTGA CTGTNCTCTC CCTGTTTTCC TTTCTTTTTG GGTGTTTGAG GAGCANNGCT 60
TAGCTTGAGA CACACACAGA CACTGTGTAC TTCAGTNAAG 100

配列番号: 4529

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS05327

配列:

GATCATTTCT ATGTGTGTGG GTAATCTGGT CAGTAAGATT GAGACTTAGT TAAGATTCCC 60
CTTGGAAATT CCTTAATGTT TATTAGCTTC TAACTAGTGT 100

【0914】

【配列表 824】

配列番号: 4530
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS05328

配列:
GATCTAGTTC GTGTATAACT GTTAACTCAT TTTACATTTT TTNCTTCGTT GAATGTTTAT 60
CAGATTATAA ATATAGAGGC ATTTCTNCAT CCTGTTTAAT 100

配列番号: 4531
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS05329

配列:
GATCTHTGCC ATGCAGAGCA TCCTCCAGAA GACCAGGACT CTGGGAGGCG AGGAGAGCTG 60
AGCTGGGCCA CCTGGTCTCA GCCACCTGTT CTGGGCTCCC 100

配列番号: 4532
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS05331

配列:
GATCTTAACT ATGAGTAATT CACTATCAAG AGCTAATTAT TTGAAAAAAT ATAAGATGTT 60
ATGGAGCAGA TAGCTCAAGC AGTTAAAAGA AATTNTGCAA 100

配列番号: 4533
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS05332

配列:
GATCAAATCA GAGATTGACA GCCTGTGGAG GGTGCTGAAC TATACAGAAT TAGACACAAC 60
TATGTCATTA TTTTTTGTAC CTACTGNTCA GAATAAAAAC 100

配列番号: 4534
配列の長さ: 61
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS05333

配列:
GATCCCTTCT HTTGGTGTCA TGTGTAAAC ATTTCTTTCA ATAAACTAAA GAAAAATTAA 60
A 61

配列番号: 4535
配列の長さ: 72
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS05334

配列:
GATCATTTTT ATTTTGTAAG TATTACCTAA CTTTACATAA ACTATATCAT AATAAACTAT 60
TTTTCATCA AA 72

【0915】

【配列表825】

配列番号：4536
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05335

配列：
GATCTCCAAG CTGAACTTA CACGTTAAAA CTTTGCCTG TAAGAATTG CACATGAATG 60
TTAATGGAAA ACACAAAAC TAAGATGGCC CAAAACNAAA 100

配列番号：4537
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05336

配列：
GATCAAACAC ACACACCTAT ACACATACAT ATTAANATGC AGAGGATTTT AAATAATTGC 60
AAATGTCTTG TGGCTGTTTT ATTTCTACAA AATTCTGTAA 100

配列番号：4538
配列の長さ：57
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05337

配列：
GATCTGTAAT GTGTCAAAGC ATTTTTCCTT TTTCAAATAA AGATACCTAT AATGAAA 57

配列番号：4539
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05339

配列：
GATCAGAATC TNCCTACTTT AGAGGTGCAA TGAAGACAC TACGCTACTT GGTGAGCCT 60
GGTGAAGAAT GTATTAATGA GACTNCTTTG CATAAACTG 100

配列番号：4540
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05340

配列：
GATCTGAAGA AGTTGCTGTT CTGAAACAGA AGTTGGAGCG ATGTCATTCT GCTGAGCTTG 60
CACTTAACGT AATCACGAAG TAGAGGAAAG GCTATGNAGT 100

配列番号：4541
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05341

配列：
GATCACATCA CCTCTCTGCC TCAGTTTCCC CATCTGTAAA ATGGGAGAAT AATACTTGCC 60
TACCTACCTC ACAGGGGTGT TGTGAGGATT CATTGTGAAT 100

【0916】

【配列表826】

配列番号： 4542

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05342

配列：

GATCTCCATC ATTTCTTACA GGTTCCTC CCTCAAGCAA TTCGACATCT CAAGTGAAGA 60
CATGGCCCCT GAAGGGCAAT AAAGCTGCTA GTTTATTAAT 100

配列番号： 4543

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05343

配列：

GATCTACAGG NCAAGGGAG GGAGCAAGCC CTACTCGGAT GGGGCACGGA CTGTCCACCT 60
TTNCTAATGT GTGTGTCAG CCTGTGCTGT GGCATAGACA 100

配列番号： 4544

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05344

配列：

GATCAGACTG TTGCTTTCGC ATGATGTATG TAGTGTCTCA TGACTGGAGT TTGCTTTGTT 60
TTATAGTATC TGTACTCCTT GTATTTTNA AGAGCTATTT 100

配列番号： 4545

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05345

配列：

GATCTAGTCT TTACTTTCAG TTGTNTGTTA GGTCCATTCT GTTTACTAGA CGGATGTAA 60
TAAAACTAT GCGAGCCTGA NTGANTTCTC AGCCAAATTT 100

配列番号： 4546

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05346

配列：

GATCAGACTT GTTAAGTATG CCGCAAGTAA GAGCTAATTC ATTCATTCCA TGTNTGCCAC 60
TAAATAAAGA GATTGAGCAA GAAA 84

【0917】

【配列表827】

配列番号：4547

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05347

配列：

GATCTAAACC CCAGACATCA AGGATAACAT CGTTGCTCAG CTGAAGCAGC TGTACCGCAT 60
CCTTAAACC CAGGAGAGCT GGCAGCCCAT GCAGCCACCC 100

配列番号：4548

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05349

配列：

GATCAAAGTG TTAGGGGAAA AAAATTCCAA AAGTAGTTAC AAGCTATATC AATGTCAAAG 60
TAAATNCACT TCATCAAAGC TAAGAAGTCA CAGGAATTGT 100

配列番号：4549

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05350

配列：

GATCAGCCAG TTACCTTCTC CATTTGTTTA GTTCTGTCAC CCATTCGTC AAGTGACCTC 60
TCATCTTCTA TAAACTAATA CAGGAATTCT TTCCAAAGCA 100

配列番号：4550

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05351

配列：

GATCAGAGCA CTGAGAACT CCAGAGGCTT CTGGTTCACC GCCCTGATTC CACAGATGTC 60
GGTCAGAGGC AGAGATGGAA GTTGAATGG ACAAGCCTGC 100

配列番号：4551

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05352

配列：

GATCGCGCCA TTGCACTCCA NCTTGGGTGA CAGAGTGAGN CTCTGTCTCA AAAAATAATA 60
ATAATTAATT AATTAATTAA TAAAAAATA AACAGTGGCT 100

配列番号：4552

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05353

配列：

GATCATAAGA CTGTCATGTA AGAGGTGCTC TCCTGGCACC CAGAGAAAAG GAGCATCCTT 60
ACCTCCAAAA GCACAGGGAC ACAAGAGGA ATCTAAACAA 100

【0918】

【配列表828】

配列番号： 4553

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05354

配列：

GATCAGCAGA GTGGAGGCTG AGGATGTTGG GATTTATTAC TGCATGCAAG CTCTACAAGT 60
CCCGGTCACC TTCGGCCAAG GGACACGACT GGAGATTAAA 100

配列番号： 4554

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05355

配列：

GATCCTCCAC TCCAGAGCAC CTGAGAAGGC CGGGACCAGA GGCCCTGTGT GATGTGTACT 60
CCGCAGCTGT TTGGGGTGGG ACATTTCTGT ACTTCTCGAT 100

配列番号： 4555

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05356

配列：

GATCACTTTT CCCTGTCTAA ACTCCAGGNT ACAGTATCCA ATANATCCAA ACAGAACTCT 60
GGTGTCAAAG TGTAANTAAT NGTGTAATAAT AGCCTTCCCA 100

配列番号： 4556

配列の長さ：89

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05357

配列：

GATCTCACCA CTGTACTCCA GCCTGGNTGA CAGAGCGAGA CCCAGACTCA AAAAATAAAA 60
ATAAAAACCC TGAATATCTT CCTTCTAAA 89

配列番号： 4557

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05359

配列：

GATCTCTATA CCTCAGCTTC TTCATCTGCA AAGTGAGATA ATTGTACTAT TCTACTTTCC 60
TCATAGTGCN NTTATAACAG ATTATGATAA TATTACAAAG 100

【0919】

【配列表829】

配列番号: 4558
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05360
 配列:
 GATCTCTGGT AAAAAGCAAC ATCTGAGAAA ATTNCTTGTT TTTAGGAACC TGTGTACATT 60
 CATACTTAAT TCTNCCAATH ATGCTTTTCA GTTTTTTGGG 100

配列番号: 4559
 配列の長さ: 73
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05361
 配列:
 GATCACTAAA CTATCTCCCC TCTTGCTGAA GTTCTTTGTA GTAATAGCTC ATAAAAATTT 60
 GTTTATTAAT AAA 73

配列番号: 4560
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05362
 配列:
 GATCTTTTAA AAAGAGATTA AACCGAAGTG ANTTAAAAGA CCTTGAAATC CATGACGCAG 60
 GGAGAATTGC GTCATTTAAA GCCTAGTTAA CGCATTTNCT 100

配列番号: 4561
 配列の長さ: 95
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05363
 配列:
 GATCGCAGAA CATACTGTAT TTTNACTATA TCTTTTTTTT TAAATCTGAC AAACCTTTTTT 60
 NCTTTNATTT NAATTGACAT AATTGTACAT ATAAA 95

配列番号: 4562
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05364
 配列:
 GATCTGCTTT GGAAATTAAT TGCCTCTAAT ACATACCTAA GTAAACATAA CATTAATACC 60
 TAAGTAAACA TAACATTACT TGGAGGGTTG CANTNTCTAA 100

配列番号: 4563
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05365
 配列:
 GATCTGGCAC TGAGCTTTTT GTCAGTGAAC CTTCCCGATG CCAGCTGGGC TCTTGGACTC 60
 CCTCTTCTCT CAAGGGTAGA TGAGAGGAAC GATNNNTAGA 100

【0920】

【配列表830】

配列番号: 4564

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05366

配列:

GATCAGTTTG TAATTTTTTT NCTCCTTGAA GGCACAAAAT AATTGGTTTN AGGTATGTAA 60
AACACTAGAG GTCAACCTTA CATAGTATAT AGAACTNATG 100

配列番号: 4565

配列の長さ: 79

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05367

配列:

GATCACAGTA CACCATATGC ACTCTGGTAC CTTAATTTTT TTTTATAAAT AATAAAAGTG 60
AATATTGAAG CTTCCTAAA 79

配列番号: 4566

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05368

配列:

GATCTGTTGA ATTTGGGAAG CCTCCAGTTT TAATAAAATT TTTTATTAT GGTGGAAACN 60
TGTCTGTAAA NCTTAGGACT ATAGAAATGC AAAGAATAAA . 100

配列番号: 4567

配列の長さ: 51

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05370

配列:

GATCTGTCAG GGCCACTTAG TGATAATAAA TTCTTCCCAA CTGCAGACAA A 51

配列番号: 4568

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05371

配列:

GATCCGCATC GACTTGCCG TGGGCGACGT GGTCAAGACC TGGCGTTTCA GCAACATGCG 60
CCAGTGGAAT GTCAACTGGG ACATCCGGCA GGTGGCCATC 100

配列番号: 4569

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05372

配列:

GATCTGGAAT AATTATGGA AAATAATAGT ATTTGCTAAG ACTAGATGAT TGGTGTACTG 60
GATTTTCATCC GCTATTTTCT AAGTTTGTTA TGAACGCTTA 100

【0921】

【配列表831】

配列番号: 4570

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05373

配列:

GATCATGTGT TTGGGGGCTT TTAGGGGACC CAGCTGCACT GGGGCACTGC CCGTGGCCTG 60
GGTAGGACAT TTCCCAGCAA GGGCTGGAGG AGTTGCCGTG 100

配列番号: 4571

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05374

配列:

GATCTATGAA GCCCACCAAC AAGGCCGAGG GGCTCTGGAG GCATTGCTAT GTGGGGGACC 60
CCAGGGGGCC TGCTCAGAGA AGGTGTCAGC CACAAGAGAA 100

配列番号: 4572

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05375

配列:

GATCTTCTGA GCTTGTTCCT CTGCTGGGTG GGACAGAGGN CAAAGGAGAA GGGAGGGTCT 60
AGAAGAGGCA GCCCTNCNTT GTCCTCTGGG GTAAATNAGC 100

配列番号: 4573

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05376

配列:

GATCTTGATT GATAACTGCC ATGATATTTT GCTTTGATGT GTTTCTACAT GTGGTTGCAC 60
ACGGTTCAGT AAAAATAATG CTGCTATCGA GTATGCAAAT 100

配列番号: 4574

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05377

配列:

GATCGAGTCA GCATAAATTT CTAAGTCAGC CTCTAGTCGT GGTTCATCTC TTTCACCTGC 60
ATTTTATTTG GTGTTTGTNT GAAGAAAGGA AAGAGGAAAG 100

【0922】

【配列表832】

配列番号: 4575
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05378
 配列:
 GATCATGAAA CTGGTTTCTG TTTTATGCAG TTGTCATTG TAAAGNCTAA TAAAATATNC 60
 TCTATAATTN CTTCTAGATT ACAAAAATAT GACAATCTG 100

配列番号: 4576
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05379
 配列:
 GATCAACTAA TAGCTCTGCT AGTAATTGAT TTATTTTNC TCAATAAAGT TGCATAAACC 60
 AATGACTTAG CTGCCTGGAT TAATCAGTAT GGGAAACAAT 100

配列番号: 4577
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05381
 配列:
 GATCGGAGGA CGACCCGAGT CCCAAGAGTG GGGTTTGGT TTTTAAAAGG AGAGAGGAGG 60
 GGTGATGGCA GGGGAGTGGA GGGTGGCCGG GCAGGTCCTG 100

配列番号: 4578
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05382
 配列:
 GATCTCAGCT CCCGTTCCCC AAGCACACTC CTAGCTGCTC CAGTCTCAGC CTGGGCAGCT 60
 TCCCCCTGCC TTTTGCACGT TTGCATCCCC AGCATTTCCT 100

配列番号: 4579
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05383
 配列:
 GATCAGTTGG AGACTCTTTT TTTGCTGGTT TCTAGATAAC TCAGGTAAAT CAGACCTTTA 60
 CAGAGTACAG GGCTAGGTGA NAGANTTACT GANAAATCAC 100

配列番号: 4580
 配列の長さ: 87
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05384
 配列:
 GATCTATGCT GTGTTTGCTT ATTCTTTAGT TGAACACACT ATGAAGAATT CCAGGTGTAC 60
 TAGTGAATGT AATTTATAGT TGCCAAA 87

【0923】

【配列表833】

配列番号：4581

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05387

配列：

GATCGACAAC GAGGCCCTCT TCAGCTGCGA GGTCAAGCAC CCAGCTCTGT CGATGCCCAT 60
GCAGGCAGAG GTCACGNTGG TTGCCCCCAA AGGACCCAAA 100

配列番号：4582

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05388

配列：

GATCATAAAA TGAATTCTTT ATTGTATCTA CACACTCCAC ATTCTTTACT GTGTCCTACT 60
ACTGTATCTT GGCTCCANTG CTGTATTAAA CACCATCTTA 100

配列番号：4583

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05389

配列：

GATCCTCCTT TGCATGCAAC TGTAGCTGCA TTTAATGAAT AGTTTGAACC CTTGTNAATN 60
CATTTTTTNA AAAAGAAAGA AAAAAAAAAAC TTCGTGTATG 100

配列番号：4584

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05390

配列：

GATCCATACG TGGCCGCACC CACACAGCAC GTGCTGTGAC GATGGCTGAA CGGAAAGTGT 60
ACACTGTTCC TGAATATTGA AATAAAACAA TAACTTTTA 100

配列番号：4585

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05391

配列：

GATCAGTTCT GCAAGATGCC CATCAACAAC AAGATGGCCC AGTGGGGCAA CAAGCCTATA 60
TGCTGAGCAG GAGGCAGACT TGCAGAGCTT GTTTTGTTC 100

【0924】

【配列表834】

配列番号：4586
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS05392
 配列：
 GATCGAAAAT AGTTGAAAAA AAGAAGAAGA GTTGCATCTC TACTGAACAT GTACAGACTT 60
 TCTTCTTCTT ATTATTCCCT AAACAATACA GTGTAAACT 100

配列番号：4587
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS05393
 配列：
 GATCAGAACA NTNCAAAAAA TTCACACCCC CAAAAAGNC AAGCTATTAT ATGGCAATTT 60
 CGTGATAAAA TATTCATCCT ATTTGTCTTG CATTTCAT 100

配列番号：4588
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS05394
 配列：
 GATCTGGTAG GTTGCAGCAG AGAAAATAAA TGTGACTTGN GAGNCCACTC AGAGAGGGTC 60
 CAAGGGTGAT GGAGAAGGAA GCATGGCCTG GNAGCTTGA 100

配列番号：4589
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS05395
 配列：
 GATCTGCTCT TGCAATGGCC TCACCATCTG GNAGGAGCGA GGCCGGCCCA TCGTTGGCAA 60
 GGGCCGAAAG GAGTCAGCGC ANCCCTGCC CACCTTTNAG 100

配列番号：4590
 配列の長さ：72
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS05396
 配列：
 GATCTCCGTG TGTGCATGT ACTGTGCTGG GTTGAATGT GAACAATAAA CAGCAATGTC 60
 CAAGTGTTC AA 72

配列番号：4591
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS05398
 配列：
 GATCATGGGG GTGGATTICT TATGAATGGT TTAGTACCAT CCACTTTGTA TTGTCCCCGT 60
 GGTAATGAGT GAGTCTTAA GAAATCTGGT CATTGAAAAA 100

 【0925】

【配列表835】

配列番号： 4592

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05399

配列：

GATCTTCACA TCTTGGACCT TNGTCAGTTT TGCTATTCAT TATTAACAC TAAACTTTG 60
GCGGTTNTTG CAAA 74

配列番号： 4593

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05400

配列：

GATCTGAAAT CACATCCAGC TCCTGATGTT TTCTTCTCCC TCTGACTGCA GAGGAAGTGT 60
TCCTACCTGC AGGAAGGCAC CTGTCACACA GGGCGTTCAC 100

配列番号： 4594

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05401

配列：

GATCGGATGG GCAAGTCCCT GCCAGGGTCT CCAGATGGCA ATGGAAGCTC CTCCTTGCCC 60
CACTGGGAGT AGCGGCTAAA GCTGGGGGAT AGAGGGGCTG 100

配列番号： 4595

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05402

配列：

GATCTATGCT CTTTCAAATG GAGACTGGGA TATTGTTGTT TTAAGACCAC TGTTTTCTG 60
TTTCCTCCCA AATHTTAGTC ACATATATNA TTACCCTTAA 100

配列番号： 4596

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05404

配列：

GATCGACCAG CAGGTGGTCT ATATCCATCC TTCCAGTGCC CTCTTCAACA GACAGCCAGA 60
ATGGGTNGTG TACCATGAGC TNGTGCTCAC CACCAAGGAA 100

【0926】

【配列表836】

配列番号：4597
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05406
 配列：
 GATCGGGTTG AGCCCAGGAG GTTGTGGCTG CAGTNAGCTG TGATGTGCCC TTATGCTATA 60
 GCCTGGGCAA GAGCGTGAGA CCCTGTCTCA AAGAAGAAAA 100

配列番号：4598
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05407
 配列：
 GATCTCCCCC TTCCCTTGNG GGGCACAGCT GGCCTGGGCC TCCAATCCTG CGGANITITCC 60
 TGGGTGTGGC TTGACCTCA GAAGTGGCTC TGGITTTGCC 100

配列番号：4599
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05408
 配列：
 GATCAATGCA NCGACGTNGG GCTCATGGCC TACCTCGGCA CCATCACCAA AACGNGCAAC 60
 ACCATGAACC ATTTTGTGAA CAANTTCAAT GTCTCTACG 100

配列番号：4600
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05409
 配列：
 GATCTTTTTT CCATTGGTTA AACATTTAAC TCCATGNCAG ACCTTGTTTT AACCCCTCTC 60
 ACATCATGTT CTTTCCTTTT TTGCGAGTTA TTTTGCATTA 100

配列番号：4601
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05410
 配列：
 GATCCAGCTG GCTCATCCCA GCCCAGGTGG GCCAATTATT CAATTTTCAA GAATTTTGT 60
 GCAAGCCAGT TGTCAAACAC AGCCATTATA ATTATGTAAA 100

配列番号：4602
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05411
 配列：
 GATCTTNACA ACTGTTTAAT CAGTTTTATT TTTGTACAGT ATTAGTGACC TAAGTNATTT 60
 TGCTGTCCCG TTTTGTAAA TCAANTGAAA NTATAAAGA 100

【0927】

【配列表837】

配列番号： 4603

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05412

配列：

GATCTTCAGC ATCTTTTACT TTCACCAGCG TTTCTGGGTG AGCAAAAACA GGAAGGCAAA 60
ATGCCGCAAA AAAGGGAATA AGGGCGACAC GGAAATGTTG 100

配列番号： 4604

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05413

配列：

GATCCCAGGA ATATTGTAAA TTTTCTAACT TTA CTCTGCA TTTTGTATAT CTGGCCTCTA 60
TTGCCCTTGA AGGTGAAGAT GAAACTGTCT TTAGAAGATA 100

配列番号： 4605

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05414

配列：

GATCAACCCA CATTAGAGTG TCTAAGGACT CCTGAGAATT CCTGTTACAG TAAACAAAAC 60
TAACGTAATC TACCATTTC TACACTATTT GAGCATGGAA 100

配列番号： 4606

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05415

配列：

GATCCGCAAC CTGGACCCCA GTGAGAGGCG GTGGGCTGAC TGGGAAGNAG AGGCCCCCAA 60
CCTTCTCAGG ATTTGCACGT GTGAAGTAGG CTGCCTGTGG 100

配列番号： 4607

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05416

配列：

GATCANATAG TTGCTGTTTT GTAAAATGTA ATGTATATNT GGTTTTAAGT AAAATAGGGC 60
ACCTGTTTCA CAAA 74

【0928】

【配列表838】

配列番号：4608
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05417

配列：
GATCCAGAAA CTGAGAAGCT TATCCGAGAG AAAGATGAGG AGCTGCGGCG GATGCAGGAG 60
ATGCTACACA AAATACAAAA ACAGATGAAG GAGAACTATT 100

配列番号：4609
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05418

配列：
GATCGTGTTT TAACITTTTC TTTTCCTGTT TTTATTTTGG TATTAAGTCG TTGCCTTTAT 60
TTGTAAAGCT GTTATAAATA TATATTATAT AAATATATNA 100

配列番号：4610
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05419

配列：
GATCTGGAGC CAGCAGTCTT GGATGGAATT GTCTAGGCTG TGGCATGTTG GTTTTGTCTT 60
TCTTTTCTCC TTTGATTATG TAAGAGCTAT TTCATTATAA 100

配列番号：4611
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05420

配列：
GATCTCTTTT GTAGAGGATT TCAATGTATT TCTTTATCAT TTGAGTGTGT GTGTGATGGA 60
CGAATATGTG TGTGAGTTTG AGAAGCATAT CGTTCTGTCT 100

配列番号：4612
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05421

配列：
GATCCCCAAT TGAATCAGAG TTTGAGGAGT TAGTATCACA GAATTAGATT TTTTAAAGC 60
ATTTGTACGT TTCCATTCCC AAATATGTAG CTGTGTTTCT 100

配列番号：4613
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05422

配列：
GATCAGAAAT AAACGACAAA TAGTGTGAGA TGTGTTGTGA ACAGGCATGG TGACCGTGGT 60
CAGCGCCACT CTTGTTTNCCT GAAATNTGCT TCTAAGACAG 100

【0929】

【配列表839】

配列番号: 4614

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05423

配列:

GATCGGGTCT ATTTCACCCA ATAGTCACIT GTGTGTCCCC CGAAATTGGG ATGGGTGAGC 60
 ACCCTTGCTG TGGTGTAAC TTCCTGTTAT TTAATCTCCC 100

配列番号: 4615

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05424

配列:

GATCGCCCGC ATGAGGTGCT GCTGTGCTCG GACCTGGTCA AGGCATACCA GCGCTGCGTG 60
 AGCGCCGCCC ACAAGGGNTG AGGAGCAGAC ATCATTCCCT 100

配列番号: 4616

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05425

配列:

GATCTAGGCC AGTGGCTGCT TGTCTTTTG GAGCTGTGTG THTCCTCNTN TNAGCAGCTC 60
 CTGCCCCGAG TCCCCAGCA CAGTCCCAGG AGATGACAGG 100

配列番号: 4617

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05426

配列:

GATCTGCTGC AGTGCTCTGA GCCCTAGGAT TCATCTTTNT TTTCACCGTA GTGCCTGACT 60
 GGCATTGTAT TAGCAACTCA TCACTAGACA TCGINCTACA 100

配列番号: 4618

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05427

配列:

GATCTCACCT TCCACCTCCT CCGGGAAGTC TTGGAAATGG CCAGGGCCGA GCAGTTAGCA 60
 CAGCAAGCTC ACAGCAACAG GAAACTCATG GAGATTATTG 100

配列番号: 4619

配列の長さ: 55

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05428

配列:

GATCAGCCA CTGCACTCCA GCACCCTGGG CGACAGAGTG AGACCCTGTC TCAAA 55

【0930】

【配列表840】

配列番号：4620
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05429
 配列：
 GATCTGGCGT TGCCAGGCAT TCTGTAAGGG AGGGCTTTTC CAGTTCCTGG AAATGGAAC 60
 GGAAAATNTG GCTGGAAACA TTAATATGGC TGGAAATGGA 100

配列番号：4621
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05430
 配列：
 GATCCAAGCT GCTTGAGGGG GTCAACCTTG GACCAAAGTT GCCTTAAGCC TGTGGTAAAA 60
 GGGCTTCAGG GAAGGTAAGT GGGCCANCTG CTGGAAGCTG 100

配列番号：4622
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05431
 配列：
 GATCTGGGAC GTCCACGAGT GAGGGGCTGG CCACCCAGCC CGACAGCCTT GCCTGACCAC 60
 CCTCCAGCAG ATAGACGCCG GCACCCCTTC CTCTTCTAG 100

配列番号：4623
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05432
 配列：
 GATCCCTCTC CAAAGTGGTT GTCTTTCTNT ACCTTGTC TTCTCTTGTA AAAATGAAAC 60
 TCAAAAATAA AATAAATGTG TCAAATTTG AAAAAAANG 100

配列番号：4624
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05433
 配列：
 GATCTGACTG TACTAAATAT GAAAAATAAA GCAGCACATA CTTTCTCTAA A 51

配列番号：4625
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05434
 配列：
 GATCCATATA ACTNTTGGGT GCATCAGTGC TTTTCAAAGG GGCTGCTTAC TATAGGGTTA 60
 ACTATGTATA TNCATTGTTA AGAGTTAACT TGTGGTTTGG 100

【0931】

【配列表841】

配列番号： 4626

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05435

配列：

GATCATACAG TGAGGCTACA GTGACTGAGG GGAGAATCCC CTNCTTGTTT ACTCTCCCAA 60
CCCTGCTCCA GCCCCTCAGC TTCCCAGACC CTCATGCAGT 100

配列番号： 4627

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05436

配列：

GATCGGACTC TGCCCCTGGA CCTGGGAACG ACTGGACTGT CACGGGGTTA CCTCCTAGCT 60
CTCCCAGTGA ACTCCTGCCA GGCACACACA GCCCCTATAG 100

配列番号： 4628

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05437

配列：

GATCCTGCCC GAGGAGGAGG ACGAGGGTGC CGACTCCTAA ECCCCGCCAGG CAGCCTCGTT 60
CTGCACAGGC ACTTTAGCCC GAGCCAGGNA CACCTGCGAG 100

配列番号： 4629

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05438

配列：

GATCTGTAGG GTCAGGAACA CAGCACCTAA CACAGTGCCT TATGGATAGT AGTTTTATAA 60
TACAGATGTG TTGGAAGAAT AAATGAATGG GTCCTTTTCA 100

配列番号： 4630

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05439

配列：

GATCTGTCAC CTTACGCGAG ACCTATTTCC TCCCCACCCC CAGAAACCTC TTGTGTTCTT 60
GCCTAGGCCC AGGTGTTCTT GGCAGCCAAA TCGAGTCTCT 100

【0932】

【配列表842】

配列番号: 4631
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05440
 配列:
 GATCCCTATG TGGCTAACAG AATTAATGNT TCCAAAAATG TTGNAAATTA TATAGTNCTC 60
 TTAATTCCCC ACCTCTAACT ATATTTTGG GTTATTTCTT 100

配列番号: 4632
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05441
 配列:
 GATCTGCCCG CCTCGGCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAC CAGTGCCCAG 60
 TCCTGCCACA TCTTTTTTGT TAGTTGCAGT ACCAATACAA 100

配列番号: 4633
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05442
 配列:
 GATCAAAATT TCAAGTTGAC AAATTTGGAT TTGAAAACCTC ATTCACTTTT TCAATTTTTT 60
 TAATGAGGCA TAACATGCAT ATGGTTAAGT GCACAAATCT 100

配列番号: 4634
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05443
 配列:
 GATCCTCAAA GAAAGATTG TTAGAGATAG ACAGGTTTAC AATTGTGGA AACCGAATTG 60
 ACTGAATCTG TGGCTTCATG CGCTGAAGAA GCTGGGCTCT 100

配列番号: 4635
 配列の長さ: 62
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05444
 配列:
 GATCCACTTA GAGCAATAAC CACTTTTTAA ATGTAAAATA AAAAGACAAA TGNAAAGGCA 60
 AA 62

配列番号: 4636
 配列の長さ: 64
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05445
 配列:
 GATCTTCCCA CTGCACTCCA GCCTGGCCAA TAAGACCTGT CTCCAGCAAG ACCCGNGTCT 60
 CAAA 64

【0933】

【配列表843】

配列番号：4637

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05446

配列：

GATCTAGATT CATTAGGAAT GTTTCTTGT CAGCCAGGCC AGGACCCGGG CTTGCCAAGA 60
GCAGAGGCCC TCCCAGCAAC CAGGATACCA CCACTTTGGG 100

配列番号：4638

配列の長さ：70

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05447

配列：

GATCAAAAAG ATAAGTTTAC AAAGTTGAGA CCTCTCATAA AACAAATGAA TAAAAATTC 60
CTCTTGTA 70

配列番号：4639

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05448

配列：

GATCACCTGT GCCTCCCTC CCCCTTTGTT TGCCCTGTG TGGTTGGTCA AGGAGGGATG 60
TGAGGGAAAT AGGGACCCC CGACTTGCC TCCTGCCTCA 100

配列番号：4640

配列の長さ：70

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05451

配列：

GATCTATAAT TATGCCAATA CCACACTGTC TTGATTACTG TAACTTTAGA ATAAATCTTG 60
AAAGTAGAAA 70

配列番号：4641

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05452

配列：

GATCTGCCTG TCAGAGTCCA CGTGTCTGG TCACTGGTCT TTATAATTGT TGTGCAATAA 60
CTAAAGGCTA AGGACTAGAT GCACTATCGT GTAAAGAGAT 100

【0934】

【配列表844】

配列番号: 4642

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05453

配列:

GATCCTGGNG CCTGGACCGG GCTGGANGAC AGCTGAGNAT GGGCCTAGCA GATGAAGCTT 60
 GCCAGCAAGG CCAAAGCAAA CGGTTTCTNC TGTGGATAGT 100

配列番号: 4643

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05454

配列:

GATCAAGCAA TGGAAAAATT TGCACCACCG TGTCCCATGA AATTGTTTCA ATGTTTAGTT 60
 TAGATATTGC TAACTTGTGC TATTAACCTT TTGACAAGCG 100

配列番号: 4644

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05455

配列:

GATCCTGCCT TTTCTTTTC CCCACAACCT CACGCCAGNA GTTCGTTTAC ATCAGGTAAA 60
 TCTTGAGAAA GCCTTGGTGC CCTCCTCCC ACCCCCCACT 100

配列番号: 4645

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05456

配列:

GATCAGAGCA GCTACACTGA AGCAAAAACC CCAGCGCCCA ACGCTAAATA TATTGCAATG 60
 GAGAAACCGT CCACAATGGG GTGTCTCTGT CCTTAGCAGA 100

配列番号: 4646

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05457

配列:

GATCGAAGAT TTATCCCAGC AAGCACAACCT AGCAGCTGCT GAGAAATTCA AAGTTCAAGG 60
 TNAAGCTGTC TCAAACATTC AAGAAAACAC ACAGACTCCA 100

配列番号: 4647

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05458

配列:

GATCTCTATC ACTTTGCCAC CTGTTTGATG TGCAGTGGAA ACTGGTTAAG CCAGTTGTTT 60
 ATACTTCGTT TACAAATATA AAGATAGCTG TTTAGGATAT 100

【0935】

【配列表845】

配列番号： 4648

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05459

配列：

GATCAGGGAT GGGGATGAGG TGAGGGGATT TGCTAGAAAAG GGGTGCAAAG GAATTTAGCG 60
GGTGATGGAG CTGTTCTGTG TCTTGATTGT GGAGTTATTA 100

配列番号： 4649

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05460

配列：

GATCAAGGAA TCTTTCATGA AGGAAATTTA AATACAGAAT GAAACATTAA NGGTAAAAGT 60
GGAGTAATTA TTAAATTAT GTGTATAAAA GGAATCAAAT 100

配列番号： 4650

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05461

配列：

GATCATGTAG GACGCGGCAT CCTGCCCCTG GTAGAGAGGA CGAATGTNCC ACACCATGGT 60
GTCTACGAAA AANAAATAGT TAGTCACCTT CTNACCTTCT 100

配列番号： 4651

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05462

配列：

GATCGAATTT CACATTGTAG AGATGTATAG CTGTGATTAA GCTGCATATG TATGCTGGGA 60
AACGGCTTGA GTGGATGGCT AATATAAAAAG TTGTTGGCCA 100

配列番号： 4652

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05464

配列：

GATCACAGAC CTAAGGCCCA GGCCACCTNT CCANACCTGG AATCTATGCA NAANTAATTT 60
CCCCTTAACC TGGGAGGCAG CGACACGTGT NACTTCTGTA 100

【0936】

【配列表846】

配列番号：4653
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05465
 配列：
 GATCTAAATN CAGACTHNGG AGTTGGGAGG AGGNACCAAA GTGAACCATC CTTCATTTAT 60
 TCAGTCATTC GTTCATCTGT CAAACACGTA TTTGGACATC 100

配列番号：4654
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05466
 配列：
 GATCCAAGTG TTGCCTGTCA GCAGACATAG GAGTGAAGTT GATGATGATG GTTAGATGGC 60
 CTCACAAGGG ACTCTAGTGA TAGTAAAGGT TCCAGTGGCA 100

配列番号：4655
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05467
 配列：
 GATCATCTTG GCTGGGAGAA GTGGGACCGA GCCACCCAGC CCCACTATCC CCAAGCAGCC 60
 CTACAGCCGG GATGGGAGGC NCGTGGCCTC TCTTTTATCC 100

配列番号：4656
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05468
 配列：
 GATCTCTCTC TCTCTCNCC TTTCCTCTCT CTCTGTTGGA TGCTTCTGTA TCTTTTTCGA 60
 CAGCATAATG TCTGGTGTGA TGGGGAGCTA TTTATTGAAA 100

配列番号：4657
 配列の長さ：92
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05469
 配列：
 GATCCATTTT TGGGATAGAA TTGTATTTTT TAAGTCATTT TTTTTTCTTC AAATGGATAT 60
 GTACAAATAA AATAAATCGA AGACAGGATA AA 92

配列番号：4658
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05470
 配列：
 GATCCAACAC ATTCANGTCA GTAGAANCAA ACCAAAACAT GCAAGCTTCA GCCTGHTCCA 60
 GTTCTATAGT TGTACCTAA ATCGTATGTT GTATGATACA 100

【0937】

【配列表847】

配列番号：4659

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05471

配列：

GATCACAGCT NCCCTTGAAT CTCATTGCCT CAGAGAAGAC TAGAGGGCTC TTGGACTATC 60
CCTAGGGCTA CACAAGAATA GTTCAGCCTT CTGCCATGCC 100

配列番号：4660

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05472

配列：

GATCAGTCAT GTGTCCGTAA CCTCGTTCCTA TGACATCAGG ATAGCTGTGT TTGCACACCA 60
TGCTCCATGT NCATTCGGAG CCAGGAGGGG TTCTNAGTGG 100

配列番号：4661

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05474

配列：

GATCTCTTCC CACCTACCCT ACCTACTCCT ACCCAANACC CCCCTTCCCC ATTAATGTGA 60
GTAATGAATT AGCCTGACCA CAGGTGGTCA CTGTAGGCTA 100

配列番号：4662

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05475

配列：

GATCCATTCA CATTGCAAAC TTATCCTACT GTATAGCCAT CCATTGTAAG AATACATTTT 60
TCNATTTATA TTGTGTACAT TACTCCAGTG AACATTCTNN 100

配列番号：4663

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05476

配列：

GATCTNAGCN ACGNGGGAGG CTGAGGCAGG AGAATCTCTT GAACCTAGGA GGCAGAGGTT 60
GCAGTNAGCC AAGATTGTNC CAGCCTGGGC GACAGGGTGA 100

【0938】

【配列表848】

配列番号: 4664
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05477
 配列:
 GATCACCTCT CTGTATCCCC CACCCACTAT CCCATTNCC CTCTCCTCA GCTAGGGCCA 60
 CGCGGCCCCA CATTGCACTT CTGGGGGGTG ACCGACTTCG 100

配列番号: 4665
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05478
 配列:
 GATCTTTTTA AGGATAGACG TGGTCTCATG CTTCTTTTGT NCGACTCCGT TTTAAAGGAG 60
 CATTGTAACC ACTATCCTCA TCCCTACAAA AATCCAGTGG 100

配列番号: 4666
 配列の長さ: 50
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05479
 配列:
 GATCCTTCTG TGCTTGCTTG CATCTTTAAT AAAGACATGT TCCCGGCAAA 50

配列番号: 4667
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05480
 配列:
 GATCCAGCTA GGCTGGGACA CTCCCTAAAT CAGCTGCGTG TTGTTAGCAT CAGGCAGCAT 60
 GAATGACAGA GAGTGNTTCT NTCTTCATAG AGGTGCGGT 100

配列番号: 4668
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05481
 配列:
 GATCCTCTCT GTGTAAATCC TGCCCGGTGC TGTNAAGGCT GGACGGTGGA GGACCTGCTG 60
 GGGTCTCCTG GNACCCGCCT GTTGCTTCTN CCCTCCCTG 100

配列番号: 4669
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05482
 配列:
 GATCCAGCTT CAGCTGCACA CCTCTGTCCC CTTGGATGGG GAACTAAGGG AAAACGTCTG 60
 TTGTATCACT GAAGTTTTTT GTTTGTTTT TATACCGTGT 100

【0939】

【配列表849】

配列番号: 4670
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05483
 配列:
 GATCCTGACC CCAGCCAACA GCTGAGCTGC CGGGCCTCCT CGAGGCCCTA AGCCAGCCCC 60
 AGAGGTCCCA TCTNAAGCTG GAGTACCCTG GGGTCAGCAG 100

配列番号: 4671
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05484
 配列:
 GATCGTNACA AATCTNCCCT CCTCACCAGC TAGTCTGGGG TTTCTCTCC CTGCCCCAGG 60
 CCAGAACTGC CTTCTTCATT TCCACCCAGC CTCCCAGCCT 100

配列番号: 4672
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05485
 配列:
 GATCTTCCAT CAGGGCCGGA GTAAATCCCT AAGTGNCTCA ACTGCCCTCT CCCTGGCAGC 60
 CATCTTGTC CCTCTATTCC TCTAGGGAGC ACTGTGCCCA 100

配列番号: 4673
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05486
 配列:
 GATCTACAAT NAGATATCAC TTAACACTCA CTGGAATAGA TATATAATCA AAGTGATAAT 60
 ATCAAGTGT GNGAGGATG CAGAGAAATT GGNACCCTCA 100

配列番号: 4674
 配列の長さ: 51
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05488
 配列:
 GATCTGAAAT NATGGTTCAA AAAATACATT CATAATAAAA GTCTTAACAA A 51

配列番号: 4675
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05490
 配列:
 GATCAATGCC CCTNTTTCAG TCTCATCTGT ACTCACGGCA GCCCTGTGGA GTACGGTGTA 60
 CTGGCCCAGC TTACAGATGC AGAAAGCGAG ACGTTCTGCC 100

【0940】

【配列表850】

配列番号: 4676
 配列の長さ: 90
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05491
 配列:
 GATCTGTCTA TTTCGTTTCAT CCATAGTTGC CTNACTCCCC GTCGTGTAGA TAACTACGAT 60
 ACGGGAGGGC TTACCATTTT TCCCTGAAA 90

配列番号: 4677
 配列の長さ: 97
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05492
 配列:
 GATCAAAGGC TCTTTCCTCT TTGTTTGAG AGTTGGTTGT TTTAAAGCTT AATGTATGTT 60
 TCTATTTNAA AATAAATTTT TCTGGCTGTG GCAGAAA 97

配列番号: 4678
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05493
 配列:
 GATCATCGTA TGCAACAGCT GGGTAATAAG ACTGGCATAG CTCAACTAT CCTGCCAAAC 60
 GCTCTCATCT GATTTTTCCT CCCTTCTCCC CCAACCTCCA 100

配列番号: 4679
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05494
 配列:
 GATCTATGAA ATAGGTAACA TTGAGTAGG TGTCATTAA ANATAGTTGG TGAATGTCAC 60
 NTATGCCITC TATGTTGTTT GCTCTGTAGA CATGAAAATA 100

配列番号: 4680
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05495
 配列:
 GATCTATCCA GCTGCTTCCT TGAGCCAAG AATGTGTTCA ATGAATTGTG ATTCACTGAT 60
 TTTATTGATT TTGTTTAAA ACAGGGAGAC TGGTATTTT 100

配列番号: 4681
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05496
 配列:
 GATCCTCTCC TTGTATGTAA TACCTTTTTT TCCCCTTCT AGCAAGTACT TTCAAAAGAA 60
 CTCTGTACAT TTAAACATAA AAAATAAATT ATGTTGAGCC 100

【0941】

【配列表851】

配列番号： 4682
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS05497
 配列：
 GATCCATTG TAACTACTCT TAATATATGG TACATAGTTT AAAAAATTN ATTGAGCTTA 60
 AAGTGTATCT AGTTTTGTGT CCTAATTATC CTGCTTAACC 100

配列番号： 4683
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS05498
 配列：
 GATCANCAAA CTCAACACCA TCTTGCAGGA GCAACGGGNT GGCCTTTAAC ATTGCTGAGG 60
 CTTTCAAAGA TGTGTCAGAA CCCATTGTAT TTCTGCAACA 100

配列番号： 4684
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS05502
 配列：
 GATCAGAGCA AAGAGAAAAG AAAGCATAAG GACACTTACT CAACAGAAGC ACCTTTAGGC 60
 GAAGGAACAG AACAATATGT CAATAGTATC TCAGATTGAC 100

配列番号： 4685
 配列の長さ： 64
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS05503
 配列：
 GATCTTGTTA GACACATGAA TGTGTATAAT CATGTAAAT GCAAATAAAA CTAGTTCATA 60
 GAAA 64

配列番号： 4686
 配列の長さ： 62
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS05504
 配列：
 GATCATNAAG GTAAGGACTG GAGTNATGCA GCCACAAACC AAGGAATATC AGTAGCCATA 60
 AA 62

【0942】

【配列表852】

配列番号: 4687
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05505
 配列:
 GATCAGTCT AACCTGAGC TGGCGGCTAT CTTTGAAAGT ATCCNGAAAG ATTCATCATC 60
 TACTAACTTG GAATCAATGG AACTAGTTA GATGTTTGT 100

配列番号: 4688
 配列の長さ: 70
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05506
 配列:
 GATCTTCCTC CTTATTTTAA TGCTTCTTTC TCTTTACAAT TAAAAGTTCA TAAATCTTT 60
 CAACATTAAA 70

配列番号: 4689
 配列の長さ: 57
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05507
 配列:
 GATCAGCCCT AATNATGCTG TGTCCATGAT GCTTTTAATA AAAACAACCC CCACAAA 57

配列番号: 4690
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05508
 配列:
 GATCTCTATG CCCAATATGC TGCCTCAACT CTGAGCTGTC TGCAAGGCTT AGTAAGTATT 60
 GAGTGGTGT TTTTTTTTC NTTTTATACA ATACCATNT 100

配列番号: 4691
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05509
 配列:
 GATCCCCGGG TACNANTNAN CCATGCAGGC ATGTTTTTTT TNATTTTTTG ATAGGCAATC 60
 CATTCTGTAC AGGTAGCTAA CTTTGTAAC GCTGTCTATT 100

配列番号: 4692
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05510
 配列:
 GATCCAGAAG TCATTAAGG AACATAAGG CTGGGGAGGC AGGGGGAGTA AGTTCTATTA 60
 GAAATCCTA AAGCTTAAC AAACTAGGG TACTAAATTC 100

【0943】

【配列表853】

配列番号：4693
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05511
 配列：
 GATCGCTACG GTTCTAAATA CTGAAGTCAT GATGTGTATT TCCNGGAGAA ATTCTCTTT 60
 AAATGAACAA GTAACCACAT CTCAGGCGGC AGTGAAGTCC 100

配列番号：4694
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05513
 配列：
 GATCATGAGA AATTACCAAA ATGTCCACCA ATAGAATGAG TGAATCACCT GTGGTATATT 60
 TATAAATAAA AATATTAANT AGAAGGTAAG ACAAATCAGA 100

配列番号：4695
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05514
 配列：
 GATCGAGGGG GTATCGGTGG GGGAGTTGTG AGTGAGCTCA GCTCCTTTCA GGCCTGGCCT 60
 CTCCCAGAAC AGAGTGAAGC CCTTGCCCTG GACCCCTGCT 100

配列番号：4696
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05515
 配列：
 GATCTGTAGT TAAGGGAACC AAGGGGTCAT TGGGGCAAAA GCATTGTTTC TCAAAGCTCC 60
 TTGATTAAGA GAAAGAACAG AAATTTGCAC AGAAGATAGT 100

配列番号：4697
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05516
 配列：
 GATCAGTTTA TATTGCTCTT AAATGATAAT CCTCAGCTTC CAAGTTTTTG TGAAGTCACT 60
 TTGGTTTATG TGTGCTAC ACTCACTGAG AAATTAACA 100

配列番号：4698
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05518
 配列：
 GATCTTTATG CTGTTATNAC AGGAGAAGTG ACATACITTA TATATGTTA TATTAGCAAG 60
 GTCTGTTTTT ANTACHATAT ACTTTATATT TCTATACATN 100

【0944】

【配列表 854】

配列番号： 4699

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05519

配列：

GATCCCCACC CCAATTCAAT CCCGGAAGGG ACTTACTTAG GAAACCCTTC TTTACTAGAT 60
ATCCTGGCCC CCTGGGCTTG TGAACACCTC CTAGCCACAT 100

配列番号： 4700

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05520

配列：

GATCCAAATA GTCAGAAAGA AAGGAAGGAA GTGCTGGTAA GAAGGAAGGG AGGAGCGTAT 60
CCTAAAGAAC TACTCCCAAC TATACAACCTG TTGTTTTCTT 100

配列番号： 4701

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05521

配列：

GATCGACAGG CATCCACAGT TGAGTATCTC CCAGGCATGC TACATTCAAA TTGCCCTAAA 60
GGTCTCCTAC CCAAATTCTC CACGCTGGTC TTNGGTTAAA 100

配列番号： 4702

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05522

配列：

GATCCGCAAA CGATTAATTC TGTCAGACAA AGGGCAGCTG GATTGGAAGA AGATGTATTT 60
CAAACTTGTC CGATGTTACC CAAGGAAAGA GCAGTATGGA 100

配列番号： 4703

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS05523

配列：

GATCATTAAT AACTTAAAT ATATTTTATT AGAAAACATT TATCTATGAA TGAATATTTT 60
CTTGATGCTG GTCTCTGCAC ACATATGCTT GGTACTTGC 100

【0945】

【配列表855】

配列番号: 4704
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05524
 配列:
 GATCAGCTTT GCAGTAGATT ATGCTGCATC CTCGTGGCAA AATTCTGTAT TCTAGTGAT 60
 TGTACAAAC CCCTTTATTG CTGCTGAGA AAGTGAAGA 100

配列番号: 4705
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05525
 配列:
 GATCAACATC CGGAGATGGA TTTTNC AAG GCTAAATTCA ACTAGCCCT GTTTTTCT 60
 CCCTGAAC TC TTGGGGCTGA GCTGCAACCA CCCAAC TTTC 100

配列番号: 4706
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05526
 配列:
 GATCACCTNT TCCCTTCAAT CCTTGTGGCT TCTGGGAATC TTCAGAGCCT GGGTCTGAAA 60
 GGTGTTTCT ACATGTCTCA GGGCTGGATG CAAACCTGGC 100

配列番号: 4707
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05527
 配列:
 GATCACCTAA GGTGAGGAGT TCGAGACCAG CCTGGCCAAT ATGGTGAAC CCATCTCTAC 60
 TAAAAATACA AAAATTAGCC GGGTGTGGTG GCGTGCCT 100

配列番号: 4708
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05528
 配列:
 GATCAAAACA GTGTGGTGCT GGCAAAACAA GAGACATAAN TCAGNAGAAG AAAGAGTCCA 60
 GAATTAGACC CACACACATA TGGACAATTG ATTTTCAAT 100

配列番号: 4709
 配列の長さ: 68
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05529
 配列:
 GATCTATTTA GTCCTACAAA TCAGGAGTGG TGTAGAGACA TCCAAATTTA AAGAAAAAAA 60
 AACACAAA 68

【0946】

【配列表856】

配列番号： 4710
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05531
 配列：
 GATCGAGTTT TAAATTGATA GGAGGGAACA TGTCTAATT CTNCTGTCCT GAGAAGCATG 60
 TAATGTTAAT GTTATATCAT ATGTATATAT ATATNTNCNC 100

配列番号： 4711
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05532
 配列：
 GATCAGGGAC GGGGCTGAGC TGGAGAGTGT GCAGGATTGA TTAATGATGT CTGCCACGGT 60
 CAGGCCAACT GCTGTGTTTC TGGGGCCAC AAGCTAAAAA 100

配列番号： 4712
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05533
 配列：
 GATCAGATTG CTCAACTCCA TTATAATTTG TTTCCAACT AATCTGTTCA GGCAAGATAA 60
 AGATATAAAT GTGGATTGTT GCTGAGGTTA AGTCTGGTCA 100

配列番号： 4713
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05534
 配列：
 GATCTCAGGG AAGCCTGGGA GTCCCTTCTC ACCCTCAAC CTCCGGAGTC CAGGAGAACC 60
 CGTACCCCCA CAGAGCCTTA AGCAACTACT TCTGTGAAGT 100

配列番号： 4714
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05535
 配列：
 GATCATCCA TCCTTGACCA CAGGGACAAG AGGGGCCCC TCGCCCCAGC CCCACCCAC 60
 ATGGAGCTCA GGGGAAGCA GGGAGGGGT CCAAAAGAG 100

【0947】

【配列表857】

配列番号: 4715

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05536

配列:

GATCGCAAGC TGTTGATGCA CAGGCGTCTT GTTGGCAAGC CCAGCTTCAG TTTATGTTAG 60
ACAATCAGTA CACATGCTGG TGTGTTTCC AATGGCCAGT 100

配列番号: 4716

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05538

配列:

GATCTCATAC TTGTATAGAG TAATAACAAC AGTTGTACTT CCACCAAAGG CATGTGGCAT 60
ATTTACCAAT GTCATGTATT CTGAACAAAG GCAAAAAATA 100

配列番号: 4717

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05539

配列:

GATCCTTCAA ATAGGCCCTG AGATGTGAGG TCTGCTGCTT CACTGGGGCC CGATGACTTT 60
GGCTGGGGGA GGGGGCCTAG GGCTCTNCTC ATTGAAAGCT 100

配列番号: 4718

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05540

配列:

GATCTTGTC AAGCTGCACC TCTCTGTGAA CTGGCCATTC CTTTCGGTGC TGCTGTCTTT 60
TTTGGGGGGG TTCCTGATTT CTGTATACAT GTAGCTTTGC 100

配列番号: 4719

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05541

配列:

GATCTGTTTA CAAGGTTTGT AGATACTTTT TTTGTTCTTG TTCATAGATG GGAAGCTTCC 60
TTATAACTGA TGCAGAGAAA AATTAGTCCT TCAAACTACTG 100

配列番号: 4720

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05544

配列:

GATCAGTGT GCTAGTAGCT TGGCAGCTCT TCATAAAAGC ATATTGGGTT GGNAAGGTCT 60
NTGCNTATTT TTCAAATNAT TTAATAGATG TTTGGTACCA 100

【0948】

【配列表858】

配列番号： 4721

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05545

配列：

GATCTGTAAT AAAATAGTAT ACTGGACTGT GCATCAAAGG GATGTAAAAT TACAGTATTC 60
CAAAGGTTGA AGTTCTGCTG TTTTGTATA ATGCCTGATA 100

配列番号： 4722

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05547

配列：

GATCATAAAA ATTAAAATGT GAATGTCAAC AATAAAAAGC AAGACTATGA AAGGCTCAGA 60
TTTCTTGCGAG TTTAAAATGG TGTCTGAGGT TGTNCTATTT 100

配列番号： 4723

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05548

配列：

GATCATCATG ATGAGTTTTG CCTTATGCCT TGAATCTTNA GGTTAATAGT CATAAAATCC 60
CTGCTTTCTA AATTCGCATT TTTCTGCTG TACNHTAAT 100

配列番号： 4724

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05551

配列：

GATCCGATTT TACCTTGGAC CCCTGCGTCT TGCCCCCTGGG AACCCANATG GGGACTGCTC 60
TGAACCTTTG GATGACATNT GTGGCCCCGG AGATGTTCTC 100

配列番号： 4725

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05552

配列：

GATCCCAGTG ACGTGGAAGT CATCAGAACC CCACGGTACT TTGAGTACCT CTCTGCACCA 60
AGATAGCTGA CTGNTTTTCT GCTCAGTCAC AATTTTACTT 100

【0949】

【配列表859】

配列番号: 4726
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05553
 配列:
 GATCAGAATC TTCAAGAATC AGTTAGGTTT CTCACGCAA GAAATAAAAT GTCAGGCAGT 60
 GAATGAATTA TATTTTCAGA AGTAAAGCAA AGAAGCTATA 100

配列番号: 4727
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05555
 配列:
 GATCATCCTG GAATCCGACT CTGTCTCAGC TCAAGGGGGT TCNGAGATT CTCTAAGCTAG 60
 CCTCTCATT TTACAGCTGC AAAAACGGAG GCGTGTAAAT 100

配列番号: 4728
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05556
 配列:
 GATCAAATCG GAGTACTTAG CATATCTATC ATCTCGTGCA TTTATCATT CTCTGTGGCG 60
 AGAACATTA AAAATCCTAT TTTCTAGCTA TTTTGTAAAT 100

配列番号: 4729
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05558
 配列:
 GATCTTTTGA AGATTGCTGG AATACTGGTG TCTGTTAGAA TGCTTCAGAC TACAGATGTA 60
 ATTAAGGCT TTTCTTAATA TGTTTTAACC AAAGATGTGG 100

配列番号: 4730
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05559
 配列:
 GATCCATCTT CCTTACACTC CTTCACAAAT AATGTAAATA CTCTGTCTAT CAAATGCTTA 60
 CAGTGTCTC TAGCACATAT AGGGTAAAGT CAAAGCTCAT 100

配列番号: 4731
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05560
 配列:
 GATCAGATTG ACTGTTTCAT CATATTTATT GTAATATATT TTTTGTTTTG TAAATATGTT 60
 ACAACAAAT GTGATTGGTC TAAATATTT GTAATGTATA 100

【0950】

【配列表860】

配列番号：4732
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05561
 配列：
 GATCAGAGGA GTTCAGGGAG ACATACATAA AAATGTAAAT CACGGTTTTTC AAA 53

配列番号：4733
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05562
 配列：
 GATCGCCAAG TGCAGGCACG GCATCGCATC CCCAGGTGTC ATCCTGTGAC CCAGGAGGGG 60
 AAGATGACAC ACCCAATTTA GGTAATGCTG CACTTCTNGT 100

配列番号：4734
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05563
 配列：
 GATCCACGTG TACTGGCACC TCAGAAGACC AAATCATGGN CTGTACAAGT CTCTATACAA 60
 TGTCTTTATC CCTGTGGGCA GNANGCAATG ATGATAATGN 100

配列番号：4735
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05564
 配列：
 GATCAGAAAG CATTCACTCC AGTCAGAATT CAAGGTGGGA AAAGTAGGTG TATTTCTGAN 60
 CCATTTGGGA AGGAAAATCA TTTTCTGAA CACTACTACC 100

配列番号：4736
 配列の長さ：64
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05565
 配列：
 GATCATAAAT GTACTTGCTG AATTCAATCA TTTTAAACAA GCCAATAAAG TTTGATAATT 60
 CAAA 64

配列番号：4737
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05566
 配列：
 GATCCTCAAG GCCTTGCTCT HCCCCGTGGA GACGCTTGCT CGGATGAGCT CAGGAAACAG 60
 TACCGGCTGC GTGGCAGGTC TGGGTGTTGT GTGCCAGGAC 100

【0951】

【配列表861】

配列番号： 4738

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05567

配列：

GATCAAACTC TTCATTGAAG TACTCATNAG GCGTGATGGC TGTGGGGTTG TTTGCAGTAG 60
CACATTNCGT GGTGAGGTCC TGCTGAGCCA GNACTCAGGA 100

配列番号： 4739

配列の長さ：97

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05568

配列：

GATCCATCTT GCTTTTGCCT TATATAAAGA CTACAGTTAT GGAAGTNTGG AAAACTGTGG 60
CTTCTCAATA AATATTCAGA TGTCTAAGA NTATAAA 97

配列番号： 4740

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05570

配列：

GATCTCACAA AGTACAAAAC GAATGCCITT CTTTCTTGT TTATAATGGT CACTCACTGT 60
GTTTGTTAC TGTCAAGAAA TCAATAAATG TGTTTAACAA 100

配列番号： 4741

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05571

配列：

GATCAGTNGA TATTAAGATG AGATTACAAA TTTTNTTAAG TTCAGCCATT ATTACTTTTG 60
GTATCCCAGA ACATGACAAA TTATGAATAA AACAAGTATA 100

配列番号： 4742

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05572

配列：

GATCCATAAA ATTTTATTAA TCAAGATATC ATATTAAAGT ATTATTATAT TAATTTATGA 60
CACCAAAATT TTAACCAAT TTTATGTTTT TCCTTATGTA 100

【0952】

【配列表862】

配列番号: 4743
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05573
 配列:
 GATCGCGACG GCTGGTTTGC ATCGCCAGCT TCTATATATT ACGGCCTTTT TTTTGGCTGG 60
 ATATTATCTT GTAAAACGTG AAGACTACCT GTATGCTGTG 100

配列番号: 4744
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05574
 配列:
 GATCCACCTG CTTTGGCCTC CCAAATGTTG TGTCTTTTAA AAGTATCTAC AGTAACCTTG 60
 TATCAACCTA GTTGTGTCAGT CTATTAATAC TAAATTTAGC 100

配列番号: 4745
 配列の長さ: 81
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05575
 配列:
 GATCCGN7CC CAGACGGCCT TGGACTGCTT GCATTTCCTC GGAGAAAAAG GGGTTAATAA 60
 ATGGGCCATC CTTTCCTGAA A 81

配列番号: 4746
 配列の長さ: 89
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05576
 配列:
 GATCACTGTG GGGTCAAGAA TGTCTTACAT GTTTTATTCA TCATTCTTGA NGGAAGAAAT 60
 AATTCAAACC TTGGAATTAA AAAGTCAAA 89

配列番号: 4747
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05577
 配列:
 GATCTTGGCA AGAAACCCTA ATCTCCCTCC AGAAACAGTG GACTCTCTAA AAAATATCCT 60
 GACTTCTAAT AACATTGATG TNANGAAAAAT GACGGTCACA 100

配列番号: 4748
 配列の長さ: 94
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05578
 配列:
 GATCTCTCTT GCACGGGCCT TGCCAAGGCC CAGGAGGGAC TTGGGCAGTA TGTTTCATGTG 60
 TGCATATGTT TTTCTAAAAA ATTGTCAAAAG TAAA 94

【0953】

【配列表863】

配列番号: 4749

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05579

配列:

GATCCGAATC CGACTGTGGG GGGCGGGCTG GGAGGTGGGA GCCGCTCTC AGGCCCCGCC 60
GTTATCAAGG CCCCTCCGCC CCCGAACCCT GGGGAGCTGG 100

配列番号: 4750

配列の長さ: 66

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05580

配列:

GATCAGCAAA GTGAGACAAA AGAAGATACT TCCCCAAAGA AGAAAAAGAA AAAATTGAGC 60
CAGAAA 66

配列番号: 4751

配列の長さ: 59

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05581

配列:

GATCGGTCT CGGAAGGGAA GTAGCCATCA CACCATTAAA AAGCCTGTGG ACCTTTAAA 59

配列番号: 4752

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05582

配列:

GATCTTCTTA GGACATCTTT TTTAAAAAGC TGTTAGTAT CATTTTGTGT ATATTGTTGA 60
AATGCTTTTT CATCAATAGC AGTCANCATT TTATCCTTTC 100

配列番号: 4753

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05583

配列:

GATCCGGAAG ACCACGGCCA GCCAGGTGTA CGAGACATTG CTCACCTACA GTGACGTCGT 60
GGGCGGGAT GTGCTGGACG AGGTGGTGAC TGTGCTCAGT 100

配列番号: 4754

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05584

配列:

GATCGAGACT ATCCTGGCTA ACATGGGGAA ACCCATCTT TACTAAAAAT ACAAAAAATT 60
ATCTGGGTGT GGTGGCATGT GCCTGTAGTC CCAGCTACTC 100

【0954】

【配列表864】

配列番号： 4755
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05585
 配列：
 GATCTTCCTT TGGAACCAGG CACATTTGGC CCCTTCTCAG TGA CTGCACT GTGGA ACTCT 60
 TCTTAAGAAA ATATTGAAAA CAGCTTAATG CTTTCATATA 100

配列番号： 4756
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05586
 配列：
 GATCCCTCTC AGCTACTGGG AGCTGCTTTG TGCCTTGAA GCCTCAAGCT GAAATGGATG 60
 TCAGCCTCAA GTTAACTCC AAGAGGGTTC ACCTTGTTTC 100

配列番号： 4757
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05587
 配列：
 GATCTTGCCT CTTTCCTCCT CATGAAAGCA GCACACATTG TGTAACTTA TGTCTCTTGT 60
 TAAATGAGCT TAATGTCTTT GTGTTTGTG CAAAACTGTA 100

配列番号： 4758
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05588
 配列：
 GATCAGAGCG TGGGAGGAGG TGGGGGTGGA CGTCCATCCG GTGAACAGTG AAGGCGTTTG 60
 TGAGGTCTTT CTGGTCCCAG CATGAAATAA AGCCTTGCC 100

配列番号： 4759
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05589
 配列：
 GATCTGGCAG TACCCAGCCC TTGTGTGTGT GCGTTANTCA GCACCTGCCC AACTGCGAG 60
 CCCCCGTAGG ATGTGCCTTG TCCTTCCCTG TTTCAGCACT 100

【0955】

【配列表 865】

配列番号: 4760
 配列の長さ: 67
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05590
 配列:
 GATCTCTGCG CTAGGTCGTT TACCGCTATT TATTTTTATG GGGAAAATAA AACTCTCAAA 60
 AATGAAA 67

配列番号: 4761
 配列の長さ: 50
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05591
 配列:
 GATCACTAGA TGATTCTAAC ATCGAAATAA ACCTCTTTTT ATATGGCAAA 50

配列番号: 4762
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05593
 配列:
 GATCTGGTGC GTGTGGCCCT GTGGGAGTCC ACTTTCTCT CTCTCTCTCT CTCTGTNCCA 60
 AGTGTGTGTG CAATGTTCCG TTCATCTGAG GAGTCCAAAA 100

配列番号: 4763
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05595
 配列:
 GATCTTGCCT TGAGGAAGAC CCAGGCCATG TTCCCAAAGG NCAGCGGGGG CCCTGGATTG 60
 TAATGCAGCC TCGGGACAGG GCTGAGGCCT GCGGGGGAAG 100

配列番号: 4764
 配列の長さ: 95
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05596
 配列:
 GATCGCTTGA GCCCAGGAGG CAGATGTTGT AGTGAGCCAA GATTGTGCCA CTGTACTCCA 60
 CCCTGGGCAA CAGAGTGAGA CCCTGTCTCA AGAAA 95

配列番号: 4765
 配列の長さ: 80
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05598
 配列:
 GATCTAGGAC TAATTCAAGG GTCTAGATTT ACCTCCAAAC TTTGTTTATC TACAAAAAAT 60
 AAAACTCTAT CTTCTTTAAA 80

【0956】

【配列表866】

配列番号: 4766
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05599
 配列:
 GATCCTTCCC CTCTCAGACA CCCCTCTTTC AGCTTAGAAT TTGGGGAACC TATAGAGAAG 60
 TCACAGAATC CCATGAAAGG GAATGGGGCA GGAGCCA6GG 100

配列番号: 4767
 配列の長さ: 83
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05600
 配列:
 GATCAGTTTG TTTCITTCTG TGCTGGTAAC AATAAGCGTC GCACAGACAT GGTTCAGGT 60
 AATAAATCT ATTCTATGAT AAA 83

配列番号: 4768
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05601
 配列:
 GATCTCTGGA TTGTGTTATC TCAGTCTTGG TAGGTTAGGA ACTAGATTTC CCAGAATCCA 60
 TTCCATTGT NATTCATGA TACAATTGAC CAGTAACCTA 100

配列番号: 4769
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05602
 配列:
 GATCAAGTCT TACATGCCCA TTCAGCTTCT AGGCCCCCCT CACCTCCCTG CCCTCATTCA 60
 CAAGTGGCCC TGAGACACGT GAACACCTCC CTNCTATGCA 100

配列番号: 4770
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05603
 配列:
 GATCGTCAGC ATCATCGGAG GCATCAGTTC CTTCTTCATC TTCATCTTCC CAGGTTTGTG 60
 CCTCATCTGT GCAATGGGTG TCGAGCCTAT AGGACCAAGA 100

配列番号: 4771
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05604
 配列:
 GATCAAGGTC ATAGAAAGTG AAGATTATGG CCAACAGTTA GAAATCGTAT GTCTGATTGA 60
 CCGGGCTGC TTCCGAGAAA TTGATGAGCT AATAAAAAAG 100

【0957】

【配列表867】

配列番号： 4772

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05606

配列：

GATCTGGAAT GCNACCGGAG CACTTGCTCT GAGGAATCCC AGGGTGA CTC TGTCTGGGGAA 60
GAATCCGGTC ACAGCCTCCC CTCAGAGACA GGCCTCANTT 100

配列番号： 4773

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05607

配列：

GATCTGCATT CACCTTAGGG CTTAGCCTCT NATTTTATGA ATTTTCAGGC TGTGATTNGT 60
GTTGGATGGC TAAGNTCTAA GATAATGCAA ATAGCCCCAA 100

配列番号： 4774

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05608

配列：

GATCCAGATA GCCTAGGGTG AGGGTGACAG AGGGACAGTG GGCTATGCCA CTAGGCCCTG 60
GTCTGGCTTT GGAAGACCT NTGAGGGGAA ACCTTCACCC 100

配列番号： 4775

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05610

配列：

GATCATAAAA CAATAAAAGT AGTTTTCTAA TGTGCTCAT AACTGGGAC TGAATCAT 60
TTCAAATCCA GGAGACAGTC CAAAATGCT TATTGAGCAN 100

配列番号： 4776

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05612

配列：

GATCACTTGA GCCAGAGTT AAGTCTGCAG TGAGCTGTGA TTGTACCACT GCTCTCCAGG 60
CTGNGCAACA GAGCCGGACC CTGTCTCACC AAAGGAAAAA 100

【0958】

【配列表868】

配列番号: 4777
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05613
 配列:
 GATCCATTGT CGGGAGCTTG TGGCACATCA CCTTCTACT CTGCAGTCTT CCCTGCCTCT 60
 HAATTCGGTT TATGTCTACC GTCCCCTCAA GCACACCCTG 100

配列番号: 4778
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05614
 配列:
 GATCCTGCCC TTTCCTGGGT NGGTGGGNGG TATAAGCACT GCCACCAGAA CTGTTGGGTG 60
 CTAGCTTCAA AGCCCAACAC AAGAAATACT ACCAATTATG 100

配列番号: 4779
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05615
 配列:
 GATCCATAGG ACTACCGCAG CCCGGACTCA CCAACTTGCC ACATGTTCTA GGTTCAGCA 60
 ACAAGACTGC CAGGTGTTG GGTTCGCCT TTAGCCTGGA 100

配列番号: 4780
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05616
 配列:
 GATCCAGCC AGGAAGGCTG GGGGCCCTAC TGTTCGTCCT CTCTGGGCTG GGGTGGGGN 60
 AGGGAGGAGG TTCCCTCAGC AGCTGGCAGT AGCCCTCCTC 100

配列番号: 4781
 配列の長さ: 52
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05617
 配列:
 GATCCCGNCA CTGCGCTCCA GCCTGGGTGA CGGAGCGAGA CTCGCTCCCA AA 52

配列番号: 4782
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05618
 配列:
 GATCACAGAC AAGCTGGGCC TGCATTCCCT TCGTCACCGT AACTGGTACA TTCAGGCCAN 60
 CTGTGCCACC ACCGGGGACG GGCTGTACGA AGGCCTGGAC 100

【0959】

【配列表869】

配列番号: 4783
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05619
 配列:
 GATCCACCCA CCTNGGCCTC CCAAAGTGCT AGTATTATGG GCGTGAACCA CCATGCCCAG 60
 CCGAAAAGCT ITTGAGGGGC TGACTCAAT CCATGTAGGA 100

配列番号: 4784
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05620
 配列:
 GATCCANAAG CTGGTGGACG TCACCACGGC ACAGGTGTAA CCNTCCATGT TCCCGTGTA 60
 GCAGAGTCCC TACCAACGGG CAGGTCTGCA TCCGGGGAGA 100

配列番号: 4785
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05621
 配列:
 GATCTCAGCA ACAGCTGGGT AATAAGACTA GCATAGCTCA AACTATCCTG CCAAACGCTC 60
 TCATCTGATT TTNCCTCCCT TCTCCCCAA CCTCCAATCA 100

配列番号: 4786
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05622
 配列:
 GATCACTGCA TGTTATGATG GCTTGTAACT GCGTTGTAA GACTTTTHTT TCAGTGTTC 60
 TTTCCAGTA TTTGAACCTA ATTTAAAGAA AAAGACGTTT 100

配列番号: 4787
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05623
 配列:
 GATCTGTAAG TTTATTTGCT CAATGTACGA CAGCTACATA ATGACTCACA TTCATGATAT 60
 TCCATCACTG AGGAAACTGC TAAAGATGCT CCGTGTGTGA 100

配列番号: 4788
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05624
 配列:
 GATCCAACCTG GACAACGTGT GGGATGGACC TGGAAACAAG CACCTCCCCA AACACATCAC 60
 CACTCCCTAG GCGGGGGCCT GTGCATGCTC TCGCATGACA 100

【0960】

【配列表870】

配列番号： 4789

配列の長さ： 64

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS05625

配列：

GATCGATGTT AAACGTCACA GCAGTACTTT GCTCAATAAA GGTCATATTG GAAACATAGT 60
CAAA 64

配列番号： 4790

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS05627

配列：

GATCTGTGGT AGGGTATTGA GGGATGAGGG AGAAAAACGA CCTAATTICAN GTAGGACTNG 60
CAACGGCTCC CACCCTCCCT GGGGACANGG NTAATAAAAA 100

配列番号： 4791

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS05628

配列：

GATCAGAAGG GCTGCGTGTA GCACCCTTAT GGTCTTGCAG AACACACCAA GAAACCCGAC 60
GGCTTCCATA TTTNCTGACC CTACAAACAG GTGCCTAATA 100

配列番号： 4792

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS05629

配列：

GATCTTTTTT CCTCCTTCTG TTTATNTTTT TGTITGTTTT ATTTATAGTC TGATTAAAA 60
CAATCAGATT CAAGTTGGTT AATTTTAGTT ATGTAACAAC 100

配列番号： 4793

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS05630

配列：

GATCATATAC TGTATATATA AAANNNTTGA GATGGTAGAA ACATGTATGA NTGTACTAAG 60
TAGTATTCCA CTGTACTCAT TCATAAGGTA GGTITTTCTTA 100

【0961】

【配列表871】

配列番号: 4794
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05631
 配列:
 GATCCCTAAC ATACTGTACT ACTTGCTTNT ACAATGTGTT AGCAGAAACC AGTGGGTTAT 60
 AATGTAGAAT GATGTGCTTT CTGCCCAAGT GGTAATTCAT 100

配列番号: 4795
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05632
 配列:
 GATCAGCCGA AGAAGCAGA AGCTCTGGAG GCTGCCATCG AGAACCTCAA TNAAGCCAAG 60
 AACTATTTTG CAAAGTTGA CTGCAAAGAG CGCATCAGGG 100

配列番号: 4796
 配列の長さ: 89
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05634
 配列:
 GATCCTGAAG TTTTGGTCA ATAGGCTCTG TCTTCGTGAG AGACGGGCTG AGAGTCAGAA 60
 ATAAATCAAC CATTNTGGT TTATTCAA 89

配列番号: 4797
 配列の長さ: 55
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05635
 配列:
 GATCTTTCTT CTCCCAGCTA AGAGTTCTTC AATAAATTTA AGAAATACCT GGAAA 55

配列番号: 4798
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05636
 配列:
 GATCAGCAGG GACCAAACCA TTGCCACATC CCAAGGNTGA ACAAGCATGG CTGAGCACCA 60
 GAGTNTGCAC CAAGTNTGAN TTTAGGCCTG CCAAGTGGAT 100

配列番号: 4799
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05637
 配列:
 GATCGCAGGG CCNTAGGTGC CTGGACCCAG GGTGTGCCAG CCCGTCTCTN TGCAGTCCCT 60
 GGAAGGGCGC TGAGAAAGGC ACCAGTCCT TGGACCCAC 100

【0962】

【配列表872】

配列番号： 4800
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS05639
 配列：
 GATCCTAGTT GCCTTNGTGT ATATTTACTG CCTGCTTGAG TGTTCCTATG TGTGGGTTTT 60
 CCCNGTATCT TGTAGAAATG TTGGGGTGTT TTCCTCTGCC 100

配列番号： 4801
 配列の長さ： 65
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS05640
 配列：
 GATCCCATTTG TGTATAAGTT AATATGTGAT AACTATTGAA TCITGTACAA AAACAAAAAT 60
 TGAAA 65

配列番号： 4802
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS05642
 配列：
 GATCCATCCG CGGTGTTGCC TGAATCAACC GCTCATCCCT CGGATTGCTG AGCAGGATTC 60
 ACAGGGTGGG GGCACCACAA TGTATCTGTG TCCCCAGAAA 100

配列番号： 4803
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS05643
 配列：
 GATCTTGAGT TGCAGTCCAC AGCATTCCACA TTCTCAGGAT AAACATGCTT GTNTCCATAT 60
 ATACTATCTG TGCCTGTNAT GAATGAAAAA TCCATCCACT 100

配列番号： 4804
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS05644
 配列：
 GATCGGCTCA AAGCCTGTCA GCAGAGGGAA GGACAGAACT ACCAGCAGAA CTGTATCAAG 60
 GAAGTGGAGC AGTTCACCCA GGTGGCCAAG GCCTACCAGG 100

配列番号： 4805
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS05645
 配列：
 GATCCCAGGC CTGTGGCTAG CAGCACTGGG GACAGGAATG GCTGGTCCCT TGAGGAGGTC 60
 GTGACAGGCT CAGCCTNGTN GTCTNGAGGG GACTCGGAAA 100

【0963】

【配列表873】

配列番号：4806
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05646
 配列：
 GATCTAAAAA GTCAAAAATC TGAAATTTAA TAATATGAGA CTTACACTGA NTATAATGTT 60
 CATTTAGAAG TTGCTGTGGT CCACTTCATT TATANGGAAC 100

配列番号：4807
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05647
 配列：
 GATCAGAATC CTATTAAGAA GCGGAAGAAG ATACCTCAGA AAGGTCGGAA GAAAAAAGGT 60
 TTTCGGAGGC GCGGTGATT ATGGGTGTAC ATATTTGTAT 100

配列番号：4808
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05648
 配列：
 GATCAGTTCT GAAACAGTTT CTTTCTGAAA CAGAGAAAAT GTCCCCTGAA GACAGAGCAA 60
 AATGCTTTGA AAAGAATGAG GCCATACAGG CAGCCCATGA 100

配列番号：4809
 配列の長さ：95
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05649
 配列：
 GATCAAGGTA AGAAACATTG TAAAAAAAAA TTACAAAAGT GCTATTTGTT TCCTAAAAAC 60
 AGTCATTTCT ATTA AAAAGC TGT CAGANCT CGAAA 95

配列番号：4810
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05650
 配列：
 GATCCTNTTT CCATTTGAAA GGAAGTGTAA GCTTTTATCT TTTAACCAAC TGAACAATAC 60
 ACCAAAAGCA GCCTAGGGAT GAGCATTCT TTGAAAGCAA 100

【0964】

【配列表874】

配列番号: 4811
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05651
 配列:
 GATCCAAATT CCCAGGTCGG CGCCTGCATC GTGAATTACG AAAACAAGAT TGTCGGGATT 60
 GGGTACAATG GGATGCCAAA TGGGTGCAGT GATGACGTGT 100

配列番号: 4812
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05652
 配列:
 GATCCCCTCC AAGGAGCACC CATATNACGC CGCCAAGGAC TCCATCCTGC GCAGGGCCAG 60
 GGGCATGTTT ACTGCCGAAG ACCTGCGCTA GGGGACTCCT 100

配列番号: 4813
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05653
 配列:
 GATCGTCTGG AAGCAGCAGA GATGTACAGA AAAGCTGCTT GGAAGCGTA TTTGAGTACA 60
 CTTGGTGTIT GAGTGCTTCA GATACATTTT TCAGATACAA 100

配列番号: 4814
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05654
 配列:
 GATCCTCCAA AATTCAAACA AGGAAAAATC TCTCCCAATC TCTCCTTTCC TCCATCCCTT 60
 TTCTTTACTT CTCATCCCAT ATATAATATT ATATAANGCA 100

配列番号: 4815
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05655
 配列:
 GATCTCTTTT GCTATGGCTC ACATTATTTT CATAAAGITG CTGGCCAGCT TTTACCTCTT 60
 GCATATAATC TGTGAAGAG GAATCTGTTT GCAGAAATTA 100

配列番号: 4816
 配列の長さ: 87
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05656
 配列:
 GATCTTTCTC TTGAGTCATT TTATTTTAT CATGGACTAG TCGTGCTCC GTGTCCACCC 60
 CAATAAAAGG GTCTTTCCTA CTGAAA 87

【0965】

【配列表875】

配列番号: 4817
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05657
 配列:
 GATCTGGGCA ATTTTGGCCT TGA CTCTTC CTGGCTCCAG AGCTCAAGCT TAGANGCCAG 60
 CCCTGCTATT TCCAGCCTCC TGAAGGCTCA GCACGGTGAG 100

配列番号: 4818
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05658
 配列:
 GATCTTGCTA GGGAAGGCCA CCTTGATGC CGTGCTGGTC AGTGCCCTCG TGCTGATGGC 60
 CATGGTCAAG AGAAAGGATT CCAGAGGCTA GCTCCAAAAC 100

配列番号: 4819
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05659
 配列:
 GATCCCCTCA TCACCCCTGT GCCCACTTCG GAGAACCNT TCCGGGAGAA GAAGTTCTTC 60
 TGTGCTCTCC TCTGAGCTCC CCTGTCCCT CTCACAACN 100

配列番号: 4820
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05660
 配列:
 GATCCATGTA ATCTGACGTC ATCTTGTCTC GAAGTCTCTT TTTTGGCCC AGGCCTTGAA 60
 GAATACACTG TGA CTTAAGA AGCCTTACCA CGCAGTAACT 100

配列番号: 4821
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05661
 配列:
 GATCGTTGTG CTTTNTTNC TGTGTTGGTT GCCAGTTTAT AGTGCCAACA CGTGGCGCGC 60
 CTTTAATGGC CCGNGTGCAC ACCNAGCACT CTCGGGTGCT 100

【0966】

【配列表876】

配列番号：4822
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05662
 配列：
 GATCTGGGAG GTGGAAGCCA GGCCAGAGGA CTTGGGGAAA ATNAGATGGA GGAAGGAAAA 60
 AGGAGAAGC TGAGCCACAG CTTAACTCCT ACAGAGTGAA 100

配列番号：4823
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05665
 配列：
 GATCCAGGC CTNTGGCTAG CAGCACTGAG GACAAGGAAA TGGNTGGTCC CCTTGAGTAG 60
 GTCGTACAA GGCTCAATGC CTGGTNGTCT TGGAGGGTAC 100

配列番号：4824
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05667
 配列：
 GATCACCCAG CAGGAGTCGT GGCAGAACGG AGCATCAGCC AGNCCCTGTT GTGGCGGTTG 60
 TCATCAAGGG AGCTTGAATG GAGGGTCTGG TGTCAGATAC 100

配列番号：4825
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05668
 配列：
 GATCTCCAGA GACCCAAGTT TAGGTTCTCA TAGTGTATTT GAAGTAGTTA TACTCCTGGC 60
 TTAAGTAGTT TAGTGCCCTG GAGAATCCAT TACTGAAAAG 100

配列番号：4826
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05669
 配列：
 GATCTAACAA AAATGAAACA TGAATGCAG TAGCAACCAC TAAAAAAAAA AATTCAAGGN 60
 CATCTAACTN TTTCTCTCAC TTTNGCCCTT TGTTTATCCT 100

配列番号：4827
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05671
 配列：
 GATCACTTAG AGAAACAGGC CGTTAGGAAT CCATTCTCAC TGTGTTGCT CTAACAAAA 60
 CAGTGGTAGG TTAHTGTGTT CAGAAGTCGC TGTCTTACT 100

【0967】

【配列表877】

配列番号： 4828

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05673

配列：

GATCAGTTTN CAGCAGCAAG TACAAAAGGA GAAGAGGAAC ATCCGTTGAA TNAGTGTGTT 60
TTGTACATAA CTTAGATAC TTGTNAACAT GCCTTATATT 100

配列番号： 4829

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05674

配列：

GATCTTGTGA AAACACNGTN TTNTCGACTA AAAATTCCAC TNTCTTCATC TNGTTGTGAA 60
GCTAAAAAGA GGGACTGTTA AATACAATGT ATGATACCAT 100

配列番号： 4830

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05676

配列：

GATCAAAATA GCTATTGCTA CAACATTTTC GAAAACAAAG TTGGGGCTGT ATTTCTTTAA 60
AAAGATAAGC CTCTAAAAAT GCTTGGCAAA AAAAATATAG 100

配列番号： 4831

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05679

配列：

GATCTCAGTT GCACGTGCAA ACAAATCCAA ATTCGAACAT TCTTAGGAGG TTTTNTTAA 60
GGCATGACAG ATGATNTAAA CAAATAAATA GCATGCAACA 100

配列番号： 4832

配列の長さ：79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05680

配列：

GATCAGTGAA CACTAACATT TTGGGGACAA CTTAGTCAAT TGGTTTTCTT TACAACAAAA 60
TAAAGTAAAA TGTAGCAAA 79

【0968】

【配列表878】

配列番号：4833
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05681
 配列：
 GATCACCATT CAATTTGAGT TTCCAGGGGG AAGTGCATGT ATAATGNAAT GATAATGGAC 60
 TTCAATGANG GATGTCATCA ATNATGNACA TATAGATNGC 100

配列番号：4834
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05682
 配列：
 GATCTAATAA GGCACGTAAT AGATTAGAAG TAGGGAAATT AATNAAAAAG CAGAATTAAG 60
 GATGACTTCT CACTGGCTTG AAATGCTAAA TGGATGACGG 100

配列番号：4835
 配列の長さ：78
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05683
 配列：
 GATCTTTTCAT CTGTGATTCT TATAAGAGCT TTGTCTTCAG AAAAAGCTAAA AATAAAAGGC 60
 ATTGACTTAA ACAGCAAA 78

配列番号：4836
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05684
 配列：
 GATCAGTTGT AAGTTCATTT CTTTACAAAT AAAAGCCTCT TCCATTTGAA A 51

配列番号：4837
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05685
 配列：
 GATCTTTTCC ATCTGAGGGT ACAGGAAGTA CCAGGACCTG TTTCAGTTTT TNAATCCTGC 60
 AAGCACATTC CAAGACTGGC CTGAAACTGC ATGAGCAACA 100

配列番号：4838
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05686
 配列：
 GATCATGCAT GCAGTCATGT CTCCAGTATT CTGTGAAAAG CCAGGATACG TTAGGATGTG 60
 AGTTTAGAAA CTGAGTCCAT TCGGTGCATG GAAATNCACC 100

【0969】

【配列表879】

配列番号: 4839
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05687
 配列:
 GATCCCGGTG TGTGGCCAG CTTGTTGAG CCTGGGATG CTGCATCTGC AGGCAACTAT 60
 GCACTTTCCC GGGGAGAGAA CCAGTATGAG AAGTGGGGC 100

配列番号: 4840
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05688
 配列:
 GATCACAAGG CTGCCTGCCT CAGTCTTGA GTCTGTTGG GTGAATNAGG CAGATGGGAA 60
 AGAGCCTCAC CAGCAGCTGC TTTTGGAGCA GGGGTCCAAG 100

配列番号: 4841
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05689
 配列:
 GATCGAAGAT GTACAATGTT AAATGTNCAT ACCAGTTAAA CTGCACTTTC CCAAGGGGNC 60
 AGCTGGNATC TACTTGAAT GGGNATCAAG AGACCACCAA 100

配列番号: 4842
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05690
 配列:
 GATCAGTCCT GTCATCCAGC TGCAGCCAC CTTACACCC ATGCGGGTCG CACTNGCTGG 60
 CACATTCCAC TACTACAGCT GCGAGAGAG CAAAAAGGCC 100

配列番号: 4843
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05692
 配列:
 GATCCCAGGG ACTCATCCTG TGACTTTGTA ACCACACTCA TTCCTTTCAA ACACAGAGGA 60
 GGAATTATTG CTTATCTGA CTTTATTCAA ATCTAGTTAT 100

配列番号: 4844
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05693
 配列:
 GATCTCAAGA GCCCTGTCAG TAGAGTAGAA GTCTCTTCCA GTTTGCTTTG CCCTTCTTTC 60
 TACCCTGCTG GGGAAAGTAC AACCTGAATA CCCTTTTCTN 100

【0970】

【配列表880】

配列番号: 4845
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05694
 配列:
 GATCTGCTTA AAGTTTAAAC TTTTATACCT ATCTGAGTGA ATTACAGACA ACCTATCATT 60
 NATNCTGCTN CGAGGGTCCC CAGGGCCCTT GTACAACCGA 100

配列番号: 4846
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05695
 配列:
 GATCTCATTT GCTGAATGAT TGATTAAAGA GTAAAATTNG CCACTGCGTG CTTTTTGTAT 60
 AGTAACCGGT TTTGTTGCAC TNGTCTGTGG CTGAAACACT 100

配列番号: 4847
 配列の長さ: 88
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05696
 配列:
 GATCTTTTCT CAGAGCGTCT CCATGCTATG GTTGCAATTC CGTTTTCTAT GAATNAATTT 60
 GCATTCAATA AACAACCAGA CTCAGAAA 88

配列番号: 4848
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05697
 配列:
 GATCACAAGT GCAGCATTCC TTAATTCCTT CTGCTATATG TCACACAGTT GTNATTTGGN 60
 GAACCAAGTA TGTATTGCAT GAAANCATTA TGACTTTTTN 100

配列番号: 4849
 配列の長さ: 52
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05700
 配列:
 GATCCCACCA CTNCACTCCA GCCTNCGCGA CAGTGTGAGA CTCCGTTTCA AA 52

配列番号: 4850
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05701
 配列:
 GATCTGGCCT TATGCCCAGG CCTGGGCCCT CAGAAAGCCC GGAGGCTGTT TGATGTCCTG 60
 CACGAGCCCT TCTTGAAAGT ACCCTGATGA CCCCAGCTGN 100

【0971】

【配列表881】

配列番号：4851
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05704
 配列：
 GATCCTCAAC AGACACCTTC CTTGACTGAA AGTTTAAATC GTGATGCAGA GNCAGTCAGT 60
 NATNTNCCGC CATCCACAGG AAATTCAGCA TCTTTATCTC 100

配列番号：4852
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05706
 配列：
 GATCGCACCA TTGCACTCCA GCCTGGGCGA CAGAGTAAGG CTCTGTNTCC AAA 53

配列番号：4853
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05707
 配列：
 GATCAATTCA ATTAGATTAA AATNAAGAAC CTTGGGGCAG AGTTTGGGTT TTGTAAAATX 60
 AAAAGAGTTC TGGAGTTAAG CATCGTGAAC ATGCTTAACA 100

配列番号：4854
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05708
 配列：
 GATCTAATTT AAAATTCAAT GGATTGAAAT NTATTGAATA TAATTCANCT TTTGTAACAT 60
 GGTAGACTTT NCTNATAGTT TAGTTTAAAT ATAGTTTACG 100

配列番号：4855
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05709
 配列：
 GATCATGCCA CTGTCTCTCA GCGTGGCAAC AGAGTGAAT TCTGTCTCCA AA 52

配列番号：4856
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05710
 配列：
 GATCAGATGG GGACACACAA CCCCTGGATA TGTTTCATTG TCAGATTTTG TGCTGNNATT 60
 TTAAGAATGG AATGGTGGGT ATCTTTCCTT TTTTTTAATG 100

【0972】

【配列表882】

配列番号: 4857
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05711
 配列:
 GATCTGACTG TGGAAACATC CTCTCACTTG CATTCTTTTA ACTTAAAACT ATTTAAGAAC 60
 TGATGTTCCG ATTATTGTAT ATATTNNCT AAAANCCAAA 100

配列番号: 4858
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05712
 配列:
 GATCACCAGG TCAGGAGATG GAGACCATCG TGGCTAACAC AGTGAAACCC NGTCTCCAGT 60
 GAAATACAA AAAANTTAGC CGGGCGTGGT GGCAGGTGCC 100

配列番号: 4859
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05713
 配列:
 GATCACCAGG TCAGGAGTTT GAGACCAGCC TGACCAACAT GGTGAAACCC CATCTNTACT 60
 AAAAATACAA AANTTAGCTG GCGGTGATGG TGGCCACCTA 100

配列番号: 4860
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05714
 配列:
 GATCAAACAG GAAATTGAAA GCCACTGNAA CTATGCAGCA TTTCAGTTTT CATTTAAACA 60
 CTTAGTTTACG AAACCTTAAA GGATTTGANT ATTTCAAATT 100

配列番号: 4861
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05715
 配列:
 GATCTGGACA AATGACAGTA ACTGTTTCTA ACCTTGATTT TCTCATCTNT AAGATGCCAA 60
 TTGTAACCTC TAAGNTACT GAGGATTTTT TAAAATGCGT 100

配列番号: 4862
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05716
 配列:
 GATCAAGCGA CCTTGAGAGC AGAGNACAAA TCCAGTGTT GCTGATATAT GGCTTCTNCT 60
 TCTCTTGTGT GTGCTCAGC TCTGAAGNAG TTCCTGAGAA 100

【0973】

【配列表883】

配列番号: 4863

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05717

配列:

GATCACCTGA GGTCAAGAGT TCGGGACCAG CCTGGCCAAC ATGGTGAAAC TCCGTCTCGA 60
CTAAAAATAA AAAATTAGCT GGGCATGGTG GCGCATGGCT 100

配列番号: 4864

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05718

配列:

GATCCTCCTG CAGACCACGC CCGTCCTGCC TGTGGCGCCG TCTCCAGGGG CTGCTTCCTC 60
CTGGAATTC ACGAGGGGTG TCTTGGGCAG AGCTGGCTCT 100

配列番号: 4865

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05719

配列:

GATCACCACC CCGAGCCCTC TNATCCTCTA TGGNTTCACT CCCATCATGA TTTGGAATTA 60
TTTATTTGTG AACTTGATTA GCCGAGATTG TAAATNACAT 100

配列番号: 4866

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05720

配列:

GATCATTAAC CAGAGTACCT CTACTCTTAG CAAACTCTAG TTTATGACAA GTATTTAAAA 60
TATTTAAAAA AAGCTTATGC AGTTCTTAAG GNCGNAGGTA 100

配列番号: 4867

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05721

配列:

GATCTTAATG CCCAACATTG GTTATGGAAG CAACAAAAAA ACAAGCACA TGCTGCCAG 60
TGGCTTTTCG AAGTNCCTGG TCCACAACGT CAAGGAGCTG 100

【0974】

【配列表884】

配列番号: 4868
 配列の長さ: 63
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05122
 配列:
 GATCCCTTTT CTTTGTATGG ACCAGAAATN ATGGGTTGTA CAGGGTGCCA GATAGATTGG 60
 AAA 63

配列番号: 4869
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05123
 配列:
 GATCCCACTG CTCTACTGGG GGATNAGAGA AAGGCATTTT ATAGCCTGGG CATAAGTGAA 60
 ATNAGCAGAG NCTCTGNGTG GATGTGTAGA NGGCACTTCA 100

配列番号: 4870
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05124
 配列:
 GATCGAATAC AGATGACCCT GCTGTCGTGT CTTCAATTTGT AAAATTCTCC TACAAATGGA 60
 GACATTGAAG GATTATGTGT ATGGAAATTT TTACAAATTT 100

配列番号: 4871
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05125
 配列:
 GATCTTGAAC AAAGNCACIT AGTTNCCCTG GGCCTTGCTG TCTTTCGTCT ATAAATATT 60
 GTACCAGATT ATCTCTGAAA TCACTNCAAG GTTTAATATA 100

配列番号: 4872
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05126
 配列:
 GATCGAATCG GGACATNATG GGAGCTGACA AATTTATATT CTNTTCAAT NATTTTAATC 60
 CCACTTCACT CTGAGGGGAA GGCCTTTTCA CGGGAACCTT 100

配列番号: 4873
 配列の長さ: 61
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05127
 配列:
 GATCCCAAAT TTGTCCATAG CTGAAGTCCA CCATAAAGTG GATTTACTTT TTTTCTTTAA 60
 A 61

【0975】

【配列表885】

配列番号： 4874
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05729

配列：
GATCTATAGA ATTAGATTN NTTATATCTA AAGAAATATA TATAAATACA TAAACGTAGG 60
TATGTATAGC ATGANCAGAA TACAGTGCTA TTTGACCATT 100

配列番号： 4875
配列の長さ：61
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05730

配列：
GATCCCCCAT ATACTCTGCT ACAGCTCCTA TCATGAAAAA TAAATGTTT GTCTTTGCAA 60
A 61

配列番号： 4876
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05731

配列：
GATCCGNTGG GGTGAAAGCA GCCAGCTCAT CCCAGTAACT CACAGGACAC AGCCATCCAG 60
CGGCATCTTT CTTGTGCGAA TGATACTGTA ATNACCTTCC 100

配列番号： 4877
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05732

配列：
GATCTCAATG CTGTCTGGGG ACCCTAAGAG TTTNCTNACC TGTNCAGTCT CATCTAACCT 60
TCCAATGTCT GATGTTCTG CCAAATTCCT GCCTGATTCT 100

配列番号： 4878
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05733

配列：
GATCCTCCTG GCGGCAGTAG CCTTGACAAG GGGCACCTCT TCACAGGATG CAGTCTGTCT 60
GTGCACCAAA CTCTTCACCA AATAGAACAC TTGTGTCTCT 100

【0976】

【配列表886】

配列番号：4879
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05734
 配列：
 GATCCATTTG GNAGGAAATG AGAGGGCTGT NATCAGCTCT NATTAAGAAA GGAGATTTCT 60
 TCATGCTTTC GATTCTGCAT GGGGTACAGC CAGTCACCTC 100

配列番号：4880
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05735
 配列：
 GATCTGACGT TTTCTACGTA GCTTTTGTAT TTNTTTTTTT TTTAAANTTG AAGGACCACT 60
 GATGAAGCCC TNCCANACCC CTCCCGGGTC TAANAAAACG 100

配列番号：4881
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05736
 配列：
 GATCAAGAAA TNTCTCTNCT CCTACATCCA GCTCCTCTAG GGGCAGCCTC CGTCATCCAT 60
 GCCCTCCAG GACCTCCAC TCACTGCTGT GAGTGGCCT 100

配列番号：4882
 配列の長さ：98
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05738
 配列：
 GATCCCCCTCT CCTGCCAAG CACTTCACAG CTGGACCCTG CTTACCCTC ACCCCCCTCC 60
 TGGCAATCAA TACAGCTTCA TTACTGTAGT TGCATAAA 98

配列番号：4883
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05739
 配列：
 GATCGCNCCA TTGCACTCCA GCCTGGACAA CAAGAGCAAA ACTGTCTCAA A 51

配列番号：4884
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05740
 配列：
 GATCAGGAGG TCAGGAGTTC AAGACCAGCC TGACCAACAT GGTAAAACCC CGTCTCTACG 60
 AAAAATACAA AAATTAGCCG GGTGTGGTGG CACCCACCTG 100

【0977】

【配列表887】

配列番号：4885
 配列の長さ：81
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05741
 配列：
 GATCTGGGAT TTTNTTTTITA TTTTGAAATG GGAGCTTTTT TGTITACAAG TTCATTAAAA 60
 ACTAAAAACT GTTCTGTAA A 81

配列番号：4886
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05742
 配列：
 GATCGATTTC TTTCCTCCAG GTACAGTTTT CTTTGCTTAT GITGAATTCC ATTGCCTCTT 60
 TNCTCATCAC AGAAGTGATG TTGGAATCGT TTCTTTTGTT 100

配列番号：4887
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05743
 配列：
 GATCCACCCA CCTCAGCCTC CCAAAGTNCI GGGATTACAG NCATGAGCCA CCATGCTCAG 60
 NCGTGTGTGT NTGTGTGTAT TATTATATG TATATGCATA 100

配列番号：4888
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05747
 配列：
 GATCTTTAAT CAAGCACTAT GTTAATACTG TAATATCAGA ATACTATGTT GCATTATTTA 60
 AAATGTTCAA ATTGAATAGN TTAAAANGTT TTTAAATNCT 100

配列番号：4889
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05748
 配列：
 GATCCTTGGT GCTGTGTGCC CCACTCCAGT CTGGGGACCC CACTTCANAA GGTAGGGGCC 60
 GTGTCCTGGG GTGCTGACTG AGGCTGCTT CCCCCTCCCC 100

配列番号：4890
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05749
 配列：
 GATCTGAAGA GAAGCCAGAG TATAATTTNC TACTATTTTC AATACAAAGN TGTGTTTTCA 60
 TTACAATTAG NGGAATATAG GCTTCTGTGA GCTAGCCTGG 100

【0978】

【配列表888】

配列番号：4891
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05751
 配列：
 GATCTGGCCT TATGCCCAGG CCTG6GCCCT CAGAAAAGTAA GAGCTCTGGG AAAGAACCCA 60
 AGGAGTTGGG GGAAGGAGAG AGCCCCAAAT AAACACAACC 100

配列番号：4892
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05752
 配列：
 GATCCTACTG ATGAAATTCC CACTAAAAAG TCAAAGAAGC ATAAAAAGCA CAAAAACAAA 60

配列番号：4893
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05754
 配列：
 GATCAAAAAA TTGAATGATA AATATGAATG GCTTTTCAAT TCTGTGGACT TTGTACCATT 60
 TGGCTTCACC TTGTACTGCA AGATGAATTT GTAAACAAAA 100

配列番号：4894
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05755
 配列：
 GATCACAATG ANGGCCAAGC TTGCNCGCNT AGAGGCCAG GAGCAGGCCT TCCTGGCTCG 60
 TTTCAAAGGC CAGGACCCTG GGGCCCCTCA ACTGCAGTCA 100

配列番号：4895
 配列の長さ：84
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05756
 配列：
 GATCTTGTTT ACATCTTGCT CACTGCTATA TTCTCATTGC TGAGCACACA GTTGCAGCTC 60
 AATAAATTTT GAATGAACTC CAAA 84

配列番号：4896
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05757
 配列：
 GATCACCTNA TGGATGTCGC AATAATACAA ACCAGTGTAC CNCTGACCTN HTCATCAAGA 60
 GAGCTGGGGT GCTTTGAAGA TAATCCCTAC CCCNCTCCCC 100

【0979】

【配列表889】

配列番号: 4897

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05758

配列:

GATCTGCACT ATNAACTTTG TGAAGAGTTT CTCCTAAAAA CTTTAAGTAA AATGTTAATG 60
GTAGCTTTGA TAACATCAAA TTCTAAGGGA GAAAAAACA 100

配列番号: 4898

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05759

配列:

GATCAAAAAA ACGTTCTTTG AAGAGCTGGC AGTAGAAGAT AAACAGGCTG GGAAGAAGA 60
GAAAGTNCCTC AAGGNGANGG AGCAGCAGCA GCAGCAACAG 100

配列番号: 4899

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05763

配列:

GATCTNCACC AGCTGCTCGT GGTGGCTCGG TGTCTGTCTC TCAGTGCTGG TCAGACAACG 60
CTGTCAAGAG AACGTTGGCT GAGAGCAANG CAGCTAGAGT 100

配列番号: 4900

配列の長さ: 71

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05765

配列:

GATCTGAATT TCCCCATGCT TCCTGGTTTT NATATGTTTC TTGACAAATA AAGCTGATTT 60
AAATCTCTAA A 71

配列番号: 4901

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05767

配列:

GATCTTTTTN TTTATCTCCC TTCCCTTCC TAAGTCCCAT TTCTTGGTCA TAAATATTGC 60
ATTATTCACA CTTTCAAACGT GTGTATTTNC TTACAATAAA 100

【0980】

【配列表890】

配列番号：4902
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05768
 配列：
 GATCTCACCA CCCACCTGGC CTCGCAGGGC GTTCATCTCC TCCTCGTGGT TCTTCTTCAG 60
 GTAGCCAGC TCCTCCTTGA GGTCTCAAT CTGCATCTCC 100

配列番号：4903
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05769
 配列：
 GATCANAACC CTAGCGCCTT TGGTCCTAAG AATGGNAGGC TGCCTCCNT CCCAATCTCC 60
 CTGCCAGGGC CCACAGCGTG GCCCTAGCCC TCCCCCCCC 100

配列番号：4904
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05770
 配列：
 GATCIGTATG TNAGGCACCC ATAACAGTAG TTTTCCCTGT NAGTCGTCTT CACACATGCT 60
 GTTTTCTCTG CCTGGCTCTC TCTTCCCCCTC CTTACCTGGC 100

配列番号：4905
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05772
 配列：
 GATCATTCTT CAATTAGGAC ACAAACCAGA CAGGTTTAAT AGCGAATCTA ATTTTNAATT 60
 CTGACCATGG ATACCCATCA CTTTGGCAIT CAGTGCTACA 100

配列番号：4906
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05773
 配列：
 GATCTAAATA TAAGAGCAAA AACCATAAAG CATCTAAAAG TAATGAAGG AGAAAACTTT 60
 AGTGCCTTTT GTNCTGGCCA AGATTTTTTA AAGAGGACAT 100

配列番号：4907
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05774
 配列：
 GATCAGCCTG AACACATAA TAAGACCCTG TCTCAACAAA AAATACAAAA ATTAGCTGGG 60
 TGTGGTGGCA TATGCCTGTA GTCCAGCTA TTCAGGAAGC 100

【0981】

【配列表891】

配列番号：4908

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05775

配列：

GATCCTTCCT TCAACCCCAA GGCCAGCTCC CATCTCATTT CCAGAAAGGC TCATACCTGG 60
CTTGCAGGGA AGCATCTGTC TTGTCATTCC AGGTGCCAGA 100

配列番号：4909

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05776

配列：

GATCTCAGTT TCCCTCACTC AGGAACTCTG TTTCTAAAGT CTTCAGTTAA GTTTNAGTTT 60
ATNACTGAGT GGCCTGTACT GTCAGACGTG AATGGGCCTG 100

配列番号：4910

配列の長さ：81

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05777

配列：

GATCCAGGAG TTTAAGGTTA CAGTGAGCTA TGACCGCTAC TNCACCTCCAG CCCAGNCAAC 60
AGAACAAGAC CCTGTTTCAA A 81

配列番号：4911

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05778

配列：

GATCCTCCGT AACATTNCNA GACCAGANAG AACATCCAGA AATCCCTGGN TGGAAGCTCA 60
GGCCCCGGGG CCTCCAGCGG CACCAGCGGA GACCACGGTN 100

配列番号：4912

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05779

配列：

GATCAAATAT TTTTNATTAA CCTATATAAA GAATTTGACT GCTTATGATT CAATACATAT 60
GATTTAATAA AATAGATTGC ATTTTNNAAA ATAAAGAATG 100

【0982】

【配列表 892】

配列番号: 4913
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05780
 配列:
 GATCAACCTC TGATTTTACA TCATGATGTA ATCACCACCTG GAGCTTCACT GTTACTAAAT 60
 NATTAATTTC TTGCCTCCAG TGTCTATCT CTGAGGCTGA 100

配列番号: 4914
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05781
 配列:
 GATCCTACCG GAAACCAACC TGTTTACTGT ACTGTTGTAA ATATCATGCC CTTTATATCC 60
 TGTATATTGG CTTCTTTTAA ATAAAGTGAA ATGTCTTAGA 100

配列番号: 4915
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05782
 配列:
 GATCTAAACT TNATGCTGCA TAANTCACTT ATCGGAAATN CACATTTTAT AGTGTGAAGC 60
 ACTCATTTNT AAACCTTATT ATCTAAGGTA ATATATGCNC 100

配列番号: 4916
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05783
 配列:
 GATCCCTTTG AAATNTTTTT TTTGTTTGTG TGTTTAAATC AAGCCTGAGG CTGGTGAACA 60
 GTAGCTACAC ACCCATATTG TGTGTTCTGT GAATGCTAGC 100

配列番号: 4917
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05784
 配列:
 GATCTTTGTT TGTCTGAACA GGTATTTTAA TACATGCTTT TTGTAAACCA AAAACTTTTA 60
 AATTTCTTCA GGTCTTCTAA CATGCTTACC ACTGGGCTAC 100

配列番号: 4918
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05785
 配列:
 GATCCTGAAA GAATAATTGG TGCCACAGAC AGCAGTGGAG AATTGATGTT TCTCATGAAA 60
 TGGAAAGNTT CAGATGNGCC AGACTTGGTG CTGGCGAAAG 100

【0983】

【配列表893】

配列番号： 4919
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05786
 配列：
 GATCCATCAG TCATGTAGCT AGCTGTAGAG CTTGCAACTT AATAGCAGCA GCTGCCCAAT 60
 GCCATGTGAA GTAACAACT GGTTTTGGT ATTNTTTTCC 100

配列番号： 4920
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05787
 配列：
 GATCGCAGAT TTNTNTAGAA ACACGGATGT NCATGTCCAG ATTCCCTTTT NCAGGTATTA 60
 AAAATAATTA AAAATAGTCC TGCCTGAGGT TGCAGTGAGC 100

配列番号： 4921
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05789
 配列：
 GATCTGTACA ACTGATTTTA AAAAAATGCT AAAAAAGCC CCAAAGCATA TAATCTCTAC 60
 TCCTTACAGT CTCTAGAATT AAATGTACTC ATTTAGACAA 100

配列番号： 4922
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05790
 配列：
 GATCAAGAAG GCCACTGGTG TGCAGGTGTN AGGCTCCTAC AGGCCCACTC TCTTCAGCAG 60
 CCACCCGGCC CTCCCTCCAG CACCCGTTTT AATCCACAG 100

配列番号： 4923
 配列の長さ：76
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05792
 配列：
 GATCAGAGCC GACACCAGAC GTGATTAGCA GGCGCACAAN ATTCAATTG TTAATGAAA 60
 TTGTATTTTG CCCAA 76

【0984】

【配列表894】

配列番号: 4924

配列の長さ: 75

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05793

配列:

GATCTATTGG NCCCAGGACT TTTGATNCCT TTAAGTTTIG TATTCAATAA ACTTTTTTTG 60
TCTGTTGATA ATAAA 75

配列番号: 4925

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05794

配列:

GATCCATGCA TTATTTTCCT AGCTTCCTGC CTTGCTCCCT ATTCACITTA CACTGTGAAA 60
GGTGGGGGT GAGTCCCACT TGAGCGCTC CTGTTGAATA 100

配列番号: 4926

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05795

配列:

GATCATGTCT GTACATTGTG TAATGAATGA AAAGCACATA AATNTAATCT ACTTTGAACT 60
TTGTAAAAAT AATGTGTGGA GGCTATTCTT GTTCTCCAT 100

配列番号: 4927

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05796

配列:

GATCCGNCCA CCTTGACCTC TCAAAGTGCT GGGATTACAG GCATGAGCCA TCACGCCCGG 60
CCACGCTGTT GGTTCTTAAT GACACAGCTT ANCTTTATTG 100

配列番号: 4928

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05797

配列:

GATCTTTCTG CAGGAAATAG TCACTCATCC CACTCCACAT AAGGGGTTTA GTAAGAGAAG 60
TCTGTCTGTC TGATGATGGA TAGGGGGCAA ATCTTTTTCC 100

配列番号: 4929

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05798

配列:

GATCTGTAC GGAAGGCGTC CTTTTTCCTT GTAGCTAACG TTAGGCCTGA GTAGCTCCCC 60
TCCATCCTTG TAGACGCTNC AGTCCCTACT ACTGTGACGG 100

【0985】

【配列表895】

配列番号： 4930

配列の長さ：84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05799

配列：

GATCAGACCA TAATGTTACA TTATTATCAA CAATAGTGAT TGATAGAGTG TTATCAGTCA 60
TAATAAATA AAGCTTGCAA CAAA 84

配列番号： 4931

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05801

配列：

GATCCTGGCC GAGGTGAGGA ACAGACAGGG GGGGTCTAGA TTCTAAGGGG GTTGGTGGAT 60
ATTGGGCAAG GCAGGAAACC TCTGGAGACC TCATTTTCTC 100

配列番号： 4932

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05804

配列：

GATCCAGGGG CTGATTGGCA GCGTGGAGGA GCAGCTGGCC CAGCTTCGCT GCGAGATGGA 60
GCAGCAGAAC CAGGAATACA AAATCCTGCT GGATGTGAAG 100

配列番号： 4933

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05805

配列：

GATCACCTGG GGTNAGGAGT TCNAGGCCAG CCCGGCCAAC ATGGTGAACC CCGTTTCTAC 60
TAAAAATACA AAAATAAGCT GGATGTGGTG GTGTGTGCCT 100

配列番号： 4934

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05807

配列：

GATCACTTGC TTTTATGTCC ACTTTTNNAG TGGTACTTAA ATGTAAAGTA ACAACCTGAA 60
TTGAGTCATT GCTTTCTGAA GGAATCATTG TCCTTTCTCC 100

【0986】

【配列表896】

配列番号: 4935
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05808
 配列:
 GATCCTTCAG CACAGGAATT CTCAAGACCT GAGTATTTTT NATAATAGGA ATGTCCACCA 60
 TGAACCTGAT ACGTCCGTGT GTCCCAGATG CTGTCATTAG 100

配列番号: 4936
 配列の長さ: 61
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05810
 配列:
 GATCATGCCA TTGCACCCCA GCCTGGGCAA CAACTTAACT TTTTGAAAC TCTGTCTCAA 60
 A 61

配列番号: 4937
 配列の長さ: 81
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05813
 配列:
 GATCCTCTGG ACACGTAACC TATGTCAGNC ACTACATGAT GACTCAAGGC CAATAATAAN 60
 GCCATTTCTT ACCTGCACAA A 81

配列番号: 4938
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05814
 配列:
 GATCCANAGA GGACCCCGN CCCCAGAGAC TTGGTTTTGG CTCCAGCCTT CCCCTGGCCC 60
 CGTGACACTC AGGAGTTAAT AAATGCCTTG GAGGAAAACA 100

配列番号: 4939
 配列の長さ: 66
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05815
 配列:
 GATCAAAAGG TCTCAGATGA TGATAAAGAA AAGGCAGAGG GAGCTCTTCC AACTGGGAAA 60
 TCCAAA 66

配列番号: 4940
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05816
 配列:
 GATCTCTAGA GTCCATTAAG AGCAAGCTAG ATTGAGAGCT CTTGGAGGGC AGGACTGGG 60
 CCTAGCTCAT GGTTCACAGC TCTTGAGGGT GACTGCACAG 100

【0987】

【配列表897】

配列番号： 4941

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05817

配列：

GATCATACCA TTGCACTCCA GCCTGAGTGA CCTGACTGAG ACTGTCTCAA AAAGNGTAAA 60
ANATAAAAAAT TAAA 74

配列番号： 4942

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05818

配列：

GATCTNACTC CAGCAGAGTC TGTNCCAATN TGGGGTGAGC AGGGCCCCTG CCATGGAGCA 60
GCAGGAATTT NAGGGATGGA GCAGGTTAAA GAATGGGAAA 100

配列番号： 4943

配列の長さ：96

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05819

配列：

GATCTTAGTG GTGAAAGTAT GTGTAACCAT GTGATGGTTA AAACANGACT TACAATNCCT 60
AAATGTGTAA CTGAGAATAA AACGTACTCT NTTAAA 96

配列番号： 4944

配列の長さ：63

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05820

配列：

GATCCNAAGN CTCCGGGCAG CCGTTATCCC GTGGTTTAAT AAAGCTNCCG CGCGCTCACC 60
AAA 63

配列番号： 4945

配列の長さ：61

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05821

配列：

GATCCTGCTG TGTGTCCTGT TCCATGTTCC GGTTCATCC AAATACACTT TCTGGAACAA 60
A 61

【0988】

【配列表898】

配列番号：4946
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05823
 配列：
 GATCTCCTTG TCAGGAGCAC CTAAGAACTG GCATGACTCT ACACCCTNTC TCCTTCINCA 60
 ATGACCTCGT GTCAAGATGG CAGACCTGCA GAGATGAATT 100

配列番号：4947
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05824
 配列：
 GATCTGTGTT GGTTCCTTAG ATTGCTAGCT TTTCTCCAG GGGACCACAG CAGGTGAAGC 60
 TCAAGAGCCG ATGGCTCTGC TAATAGTAAA TTGTTTTAG 100

配列番号：4948
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05825
 配列：
 GATCAAACCTT GGTCTGGCTA TTGATGAAGA TGACCCTACT GCTGATGATA CCAGTGCTGC 60
 TGTAAC TGAA GAAATGCCAC CCCTTGAAGG AGATGACGAC 100

配列番号：4949
 配列の長さ：66
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05826
 配列：
 GATCTAAGAG TATGGCTAAA CATCTATATA TGCAATCTAT TAAAAGAACT TAATTGGCT 60
 ATTAAA 66

配列番号：4950
 配列の長さ：89
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05827
 配列：
 GATCTCTGGA GCTCAAGAGG TTGAGGCTGC AGTGAGCCGA TGTGCCAGTA CACTGCAGCN 60
 TNGGTGACAG AGCAAGACCC TGTCTCAA 89

配列番号：4951
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05829
 配列：
 GATCGCCACT TACCGCAAGC TGCTGGAGGG CGAGGAATGC AGACTCAGTC GAGAAGGAGT 60
 TGGACCAGTC AACATCTCTN TTGTCACAAG CAGTGTTC 100

【0989】

【配列表899】

配列番号：4952

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05830

配列：

GATCAGGNAG CCTCCTGATG CCAGAACACC TNAGGCAGAG CCCTACTCAG CTGTACCTGT 60
CTGCCTGGAC TGTCCCCTGT CCCC GCATCT CCCCTGGGAC 100

配列番号：4953

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05831

配列：

GATCCTGGAC TTTNCCCTCA GCAAAGATGC CTCNTGGTG GTGACCACGT CAGGAGACCA 60
CAAAGCGAAA NTNTTNTTTT TCCAAAGGCC TGACCGTTAA 100

配列番号：4954

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05832

配列：

GATCCACCCG CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTGGGAGCCA CAACACCCGG 60
CCATGAATTA ACTCCGTAA AAAATAAACG TATACATTCT 100

配列番号：4955

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05833

配列：

GATCGGTTTC GCCATCATGA CGCAGTGTCT CCCAGTGGCC CTGTTCTCCC TGGTGGGCTT 60
CACCAGATG ACCATNTGGG CCAAGGGCAA GCACCGCAGC 100

配列番号：4956

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05834

配列：

GATCTTGCTG GATGTGAAGA CGCGGCTGGA GCAGGAGATT GCCACCTACC GCCGCCTGCT 60
GGAGGGCGAG GATGCCAC TTTCTCCCA GCAAGCATCT 100

【0990】

【配列表900】

配列番号：4957
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05835
 配列：
 GATCAGNAGC CCCAACACA GGCAAGTCCA CCCATAATA ACCCTGCCAG TGCCAGGGTG 60
 GGCTGGGGAC TCTGGCACAG TGATGCCGGG CGCCAGGACA 100

配列番号：4958
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05836
 配列：
 GATCAGCCCC TGACTTTTNT AAAAGATATC AGAAGTGTCT TGGAGCCAAC TAGAGGCAGG 60
 GTCATCCTTG CCCITGTCTT CCCCTTTCAT CCCTATGTGG 100

配列番号：4959
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05837
 配列：
 GATCCCCCAG AAAAGAAAGC TACAGAAGAA ACTGGGGCTC CTCCAGGGTG GCAGCAACAA 60
 TAAATAGACA CGCACGGCAG CCACAGCTTG GGTGTGTGTT 100

配列番号：4960
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05838
 配列：
 GATCTTAATG GGTTCGATGG TAGGGAATAC GGAAAGGATA CACTGCTAAT ATTGTGTCTA 60
 ACAATAAAGC AAACAACCTG ATGCTGTAAG AAGACAAGCT 100

配列番号：4961
 配列の長さ：99
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05839
 配列：
 GATCTACATA AGGAAAGGAA GAATATTAAA GAAGAAATAA ATGAAGACGA GATAAAATCT 60
 TTTTCTTAA TTATCAAATA AAAGTTTGTT AAAAGTAAA 99

配列番号：4962
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05840
 配列：
 GATCAGGCAG TTCCTGGACT GTTCCACCAC TCAGAGTGAC CTGTCCCTGT GTGAGGGCTT 60
 CAGCGAGGCC CTGAAGCAGT GCAAGTACTA CCATGGTCTG 100

【0991】

【配列表901】

配列番号：4963
 配列の長さ：68
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05841
 配列：
 GATCTGCCCCG CCTTGGCCTC CCAAAGTGCT GNGATTNCAG GCATGAGGCG CTGCATCAGT 60
 TCTGCAAA 68

配列番号：4964
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05842
 配列：
 GATCTGCAAG CNGGAGCCCT CCTACCCGCA GCTTNAGCAC AGNATCATCC AGCCCTGGGG 60
 AGGCGCACCC TTAAGCAATA CAGACTGGGC TGAGGCTGAC 100

配列番号：4965
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05843
 配列：
 GATCCGTCCG CTTGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG TCGTGAGCAC CGCGCCCGGN 60
 CTGNGGTCAA TTTTCTATGT CAAGTGAGTG ACATTATTTT 100

配列番号：4966
 配列の長さ：65
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05844
 配列：
 GATCACTTGA GGCCAAGTAT TTTAAACCAG CCTGGGAAAT ACAGTGAGAC CTTNTNTCTA 60
 CCAAA 65

配列番号：4967
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05845
 配列：
 GATCCTGAAG GCCTTCGAGT ATTTTACTAT TTGGTACAAG ACTTGAAATG TTTNGTNTTC 60
 AGTCTTATTG GATTACACTT CAAGATTAAN CCAATTTAAA 100

【0992】

【配列表902】

配列番号：4968
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05846
 配列：
 GATCAGGTTG GGGGGCAGCC CCCAGTCCCT TTCTGTCCCA GCTCAGTTTT CAAAAGACA 60
 CTGACATGTA ATTCTTCTCT ATTGTAAGGT TTCCATTTAG 100

配列番号：4969
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05847
 配列：
 GATCCAGTAT TTGATGAAAC TCATGAAAGT GGGTGGAGCC CATCTNGCCC CTCCTCTTTT 60
 CTAGGACGCA CTATATGTGA CTGTGACTTT CAAGGACATT 100

配列番号：4970
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05848
 配列：
 GATCCCCTAA GGTCCTGGCC CAGGCTGCC CAAAGAGAAG CCCAGCATGG TCGGCTGCC 60
 GGGGGCATTG TCACCACGTA GCCATGACGG CTGGTCCCA 100

配列番号：4971
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05849
 配列：
 GATCAAAACC CAGCAGAGTG CAAGCAGCAG TGAAGCAGGA TGTATGIGGC CTTGAGGATA 60
 ACCTGCACTG GTCTACCTTC TGCTTCCCTG GAAAGGATGG 100

配列番号：4972
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05850
 配列：
 GATCGAGGGC TGGGNACCCG GGTGTNAGCA GGATGGGGCC CTGCCCTCCC GTGGNAGTTG 60
 TGGACTCGAG CCCAGGGGCT GCGCGTAACA CCGGTGTCCC 100

配列番号：4973
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05851
 配列：
 GATCTTATGT GTTACAAAT TGGAGAAAGT ATTTAATAAA ACCTGTTAAT TTTTATACTG 60
 ACAATAAAAA TGTCTTCTACA GATATTAATG TTAACAAGAC 100

【0993】

【配列表903】

配列番号: 4974
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05852
 配列:
 GATCCCTGA ATGCTTTGG AGGCCAGTAG AGCACACAGG GTATCCACAT GTTACCCTGC 60
 AGCTACATTG TTGAGTTAGT GATGATATTG TATATGCTCA 100

配列番号: 4975
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05854
 配列:
 GATCTGGGGA CTACCAGAGA CTCTGGGAAA TGGACAAGGT GGGGGGCCCC ACTTTTCTC 60
 TCCTGCAGTC CCGTAGCTGG GGCCTCCTTC CTTCTCAGG 100

配列番号: 4976
 配列の長さ: 52
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05855
 配列:
 GATCCTGCCA CTGCACTCCA GCCTGGGNGC AAGACCAAGA CTAAACGCA AA 52

配列番号: 4977
 配列の長さ: 55
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05856
 配列:
 GATCTAAATA TTCTGGTTTG GATTAGGCAA TTAATAATTT TTTGGCAACA GGAAA 55

配列番号: 4978
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05857
 配列:
 GATCCAAGGA ACGTTTGGNT TTTCCTAGCT ACATCTGGTA CCTTGGCTGG CATTATGGGA 60
 ATNAGGTTCT ACCACTCTGG AAAATTCATG CCTGCAGGTT 100

配列番号: 4979
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05858
 配列:
 GATCTTGAAG GGAAGTATGC TGTCTCTAT CAGCCTCTAT TTGATAAGCG ATTTGAAATT 60
 ATTAATGCAA TTTATGAACC TACGGAAGAA GAATGTGAAT 100

【0994】

【配列表904】

配列番号：4980
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05859
 配列：
 GATCATGGGA GGGAGCTGAG GGGTTAATAT ATATACATAC ATACACATAT ATATATNTTT 60
 GTAAATAAAC AGGAAGCTGAT TTTCTGCCTC CATCCCACCC 100

配列番号：4981
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05860
 配列：
 GATCGGGTCC CCAGAGCCAC CATCTCCTGA GCCTCCCACC CCGCTGCCTG GGCCCTGTGG 60
 TTGCTGGGCC TCCACCTCA AGGAGGGGAA GGTGTACAG 100

配列番号：4982
 配列の長さ：97
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05862
 配列：
 GATCTTTAAA CTGCTTTATA CACTGTCACG TGGCTTCATC AGNTGTGTGC ATTTCCAGGAT 60
 GGTTTTTAAA GNAACCTCAG AAAGNTATTT CCTTAAA 97

配列番号：4983
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05863
 配列：
 GATCACAGAA AAATTAAAAA TCCAAGTGCT CTCTAGATTT GTTGATAAAC ATTTTATGCT 60
 TGCAITTTAAA CTTGAAATGT ATGAGCAGAA TGAGACAATC 100

配列番号：4984
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05864
 配列：
 GATCANCGGC TCATTGAAAC ATGGCTGTTT TTGCAGCCTG CTCTAGTGGG ACAGCCCAGA 60
 GCCTGGNTGC CCATCATGTG GCCCCACCCA ATCAAGGGAA 100

配列番号：4985
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05865
 配列：
 GATCCTGTCT TCITTCATGT TTACTACGAG GCATGACATT CATGGCAAAA CAGGGATGCC 60
 GTTTCGAAGA GCAGCTATAA AACAATCTGT TTTCCTAAAG 100

【0995】

【配列表905】

配列番号：4986
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05866
 配列：
 GATCCACCCA CCTCGGCCTC CCAAAGTTTT GGGATTACAG GCACGAGCCA CAGTGCCAGC 60
 TGA AACGTT TCCTAACAG AAGTGCCAG AGCATGATGG 100

配列番号：4987
 配列の長さ：56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05867
 配列：
 GATCCAACAA TAAATATTA ATTTATAAAA AAGAAATTTT AAAAAGTAAC AAGAAA 56

配列番号：4988
 配列の長さ：82
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05868
 配列：
 GATCATCCTC CAAGCAGTCC TGTTCAATCA TGTCTGCCCTC AAATTGCTGG TGAATACATA 60
 AAATAGTTAC TTGCTAATCA AA 82

配列番号：4989
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05869
 配列：
 GATCCACCCG CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCAAAAGCCA ACACACCCGG 60
 CCTGGATATG AATTTATAAT ACCCTACAGT GCAGCACAAAG 100

配列番号：4990
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05870
 配列：
 GATCTGTGCC CCATGCCCTGT CCAGCCTGGG CAGCCAGGCT GCCAAGGCCA GAGTGGCCTG 60
 GCCAGGGGCT CTCAGGCCT CCTCTCTCT TCTGCTCCAC 100

配列番号：4991
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05871
 配列：
 GATCAAAAAA CTACCTATCT GGTACTATGC TTTTATCTG GATGATGAAA TAATCTGTAC 60
 AACAAACCCT GGTGACATGC AATTACCTA TATAGCAAGC 100

【0996】

【配列表906】

配列番号：4992

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05872

配列：

GATCCAGAGA CACACAAGAG CACCAAAGCA GCTCATCCCA CTGATGACAC CACGACGCTC 60
TCTGAGAGAC CATCCCCAAG CACAGACGTC CAGACAGACC 100

配列番号：4993

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05874

配列：

GATCTACTAA AACACTAAGT TTCATACTAA ACCGTTTCAT GTATCTTTAT CATATTCTGT 60
AAAGTTTACA CTTTGATGTA CCTGTATTTT ATTGAAATAC 100

配列番号：4994

配列の長さ：89

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05875

配列：

GATCTGGTGG GCTGGGTCCC CCTCTCGACC NCAGACGCCC CTAAGTCGCC CCTTCTCATT 60
TTATACAATA AACATTCTCC ACCTACAAA 89

配列番号：4995

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05876

配列：

GATCAGGAGT TCTAGGCTGT AGTGTGCTAT GAGCACATCT ATGAATAGGC ACTGCGTTCC 60
AGCCTGGGCA ACATAGTGAG GCCCATCTC TTTAAAGGGC 100

配列番号：4996

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05877

配列：

GATCCGGGTT CAGAGTGACG TTTTTCCTCA CAAGCAGAAG GTAACAAATT TCATGCTCTC 60
CCTAAATTCT GTCTGATTTT GCCTNGTGCT GATAGATTGT 100

【0997】

【配列表907】

配列番号： 4997

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05879

配列：

GATCCTCTCT CCCAGGGAAT CCGACACAGG AGGAACCCCT TCTCTGGTTG AGNTGGGCCA 60
GGCCTAAGAG TAGCAGGAAC TCTAAGACCA CAGAGTTTTT 100

配列番号： 4998

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05880

配列：

GATCTGAAAG TATAAACTG CTAGAAGAAA ACATGGATAT TTGATTGGAC AATGATATT 60
GGATATGACA CCAAAAGCCT AGGCAACTAA TGCAAAAATA 100

配列番号： 4999

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05882

配列：

GATCTGAAAT ACCATCTCTA CCAGAGACTC TGGGAAAAAT AATGGATTCC AAGTGTAAA 60
CGGAATTAAG TTTGGCCTAA AACTGCCTCT GTACATAGTG 100

配列番号： 5000

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05883

配列：

GATCTGGTGG TCAGCCCTAG GATAAAAAGC CAGGGCTGGG GAACAAGAAA GGGCCAGGAG 60
ATGAATTCC TTCAGGCCGG CACCCACACC CTAGGACATG 100

【0998】

【配列表908】

配列番号：5001
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05885
 配列：
 GATCTCTCCG CCTTAGTTAA GAGCATGTGT CGGGAAATTC CTCAGAGTGC TCAGAGTCCC 60
 TGTATNTTTA TACCTTTTTA CAATGTAAAC TGTTCAGAAC 100

配列番号：5002
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05886
 配列：
 GATCATGGCG CAGTTGGNCA GGAGATGTTT TGGCCCATCT GCTGTAGCGA ATATGTGAAG 60
 TGGGAGGTGG CAACNGAGCT GCCNTCCAC CACTATTNCC 100

配列番号：5003
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05887
 配列：
 GATCCTCCCG CCTTNGTCTG CCAAAGCACT HGGGTTACAG ATGTGAGCCA CTNACCCAG 60
 CCTAATCTTN ATAAATCTCC ATCCCATTA CTCTGGTTCA 100

配列番号：5004
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05888
 配列：
 GATCAGGGAC GTGCAGCTCG CCATCTNCGN CAACATGCTG GCGGTGTCGC TCTTCTNGCT 60
 TGTTGTTCTC TATCACTACG TGGCCGTCAA CAATCCCAAG 100

配列番号：5005
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05889
 配列：
 GATCCAGCGG CAGTGACAGA ATCCAAAGAG GGAACAGAGG CATCAGCATC GAAGGGGCTG 60
 GAGAAGAAAAG AGAAATGATG CAGCTGGTGC CCGAGCCTCT 100

配列番号：5006
 配列の長さ：64
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05890
 配列：
 GATCAAAACA AAACAAAAAA GTTGTCTCTG AAAAAAAAC AAAACAAAAA AGTTGTCTCT 60
 GAAA 64

【0999】

【配列表909】

配列番号： 5007

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05892

配列：

GATCAACCTT TGTNTGCCAG GGTCTAAGTA GGGTCGAACA CAGAAGTGGG AAGNAGAGGG 60
GTGGGCCAGG GGCTAATGGT GTCACGTGT AAAGTTTTTG 100

配列番号： 5008

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05893

配列：

GATCCTCTGC TACCAAACAA TGATGTGGAT TCTTTTGCAC AGAAATATTT AAGGTGGGAT 60
GGTAAAAAAT GTCACAAAAG ACTCCTCACC AATACTTNAT 100

配列番号： 5009

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05894

配列：

GATCATCGCC TCCCTGGTTT ATAGTAGACA GACCTNTTCT GNTTTTCATC CGACATAATC 60
CTACAGGTGC TGTGTTATTC ATGGGGCAGA TAAACAAACC 100

配列番号： 5010

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05895

配列：

GATCTGCTCG GAATCCTCCT GCTAAAGAAG GNTCTGGCGG TGAGCTCAGC CGCCCCGCAC 60
CCCAAATCCA GTACAGGAGG CTGCTGGTAC AAATACTGCA 100

配列番号： 5011

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05896

配列：

GATCCAGAAT TTATTAGTTT AAAATGCAGG TGAACTTTTT TTTGCGTTTG GTTTACTTGT 60
CTGTCAAATG TTTCCTTAAA CATGAACTG AATAAGGAGA 100

【1000】

【配列表910】

配列番号: 5012
 配列の長さ: 97
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05897
 配列:
 GATCGGAAGC AGAAGATGGC CTTCTTAAAG AGTTTAGAAG AATTATGGC AAATGTTGGT 60
 GGTCTCCTTT GTGTAAATA AACACAGAA CTTTAAA 97

配列番号: 5013
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05898
 配列:
 GATCTGATAT TAAACATCC AGTAGACGA GTCTGTTTAT TGAATTTTAT GGTCCCTTTC 60
 TTTGATGGTG CTTCAGGTT TTCTAGGTAG AAATTATTTT 100

配列番号: 5014
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05899
 配列:
 GATCCAGAGC CCCTCCCAT CTTCTCTCT CTAAAAACA CCCTACCCCT CATTGCCACC 60
 TTCACTCCTG TGCTCCAGC TGATTAGCT CAGACTCTT 100

配列番号: 5015
 配列の長さ: 81
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05900
 配列:
 GATCCGTGCC CTGTAAATG GATATGATG TTTACTGATG TCTGTAATAC ATTTGTAAAC 60
 TTCCAATAAA ATTTGAATAA A 81

配列番号: 5016
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05902
 配列:
 GATCTGGCAG CCCTGGAGAG GGAATATGAG GAAGTGGCGC AAAGTTTCTG AGGCATGTAT 60
 GATGGGTGCA AATGAATGTC AAGTTAAAT GGCATGTTT 100

配列番号: 5017
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05903
 配列:
 GATCTGTACA GACAGGACAG AATGAACTC CTGCGGCTCT TTGGCCTGAA AGTTGGGAAT 60
 GGTGGGGGA GAGAAGGCA GCAGCTTATT GGTTGCTTT 100

【1001】

【配列表911】

配列番号：5018
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05907
 配列：
 GATCCAGGGG CTGATTGGCA GCGTGGAGGA GCAGCTGGCC CAGCTTCGCT GCTGAGATGG 60
 AGCAGCAGAA CCAGGAATAC AAAATCCTNC TGGATGTGAA 100

配列番号：5019
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05908
 配列：
 GATCATTAAAT GTCATTGCAA TNGTTATTTT TTAAATAAAA TTTATAAAAA TAAA 54

配列番号：5020
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05912
 配列：
 GATCTACAAG AGCAAGCCAA CAGAGTAAAG TGAAGGAAG TTTATTCAGA AAATAAAGGA 60
 GTATCACAGC TCTTTAGAA TTTGTCTAGC AGGCTTTCCA 100

配列番号：5021
 配列の長さ：92
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05913
 配列：
 GATCCAAGTT ATAGATGGAA TTGAAGCCCT TGTCGCTGTA GATGTGCGTG CAGTCTGNCA 60
 GCCTTAAGCC CACCTNGGCA CTTTTAGATA AA 92

配列番号：5022
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05914
 配列：
 GATCAACAGT AACTGGATGT TTTNAGGNG CTCAATTGGA ATAAAAATAT TNNAATCTAT 60
 TTGGAGACCA AAGGCAAAAT CGGTTTTCTT ACCTTTGGAA 100

配列番号：5023
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05916
 配列：
 GATCTATGCC CNTNTTAATC TCCATCCATA TAGGAGTCAC GTTCTTTAAG ACAGATGGTG 60
 GTAGTTATTT TTGTGGCATG GTTAGATTG ACTGGTTTTG 100

【1002】

【配列表912】

配列番号: 5024
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05917
 配列:
 GATCGAGTAA GGAATGACCT NTAGATTGTG CGACTTTTGT TTTTGTITTN TTAAATTTT 60
 ATAAACCAAG AATGATTCT CCNGCTTCN TCTCCTCACC 100

配列番号: 5025
 配列の長さ: 54
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05918
 配列:
 GATCACATT ATACAGTTAT AAAAATAAAG GTTTCATTTT GGTCTTCTT CAAA 54

配列番号: 5026
 配列の長さ: 63
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05919
 配列:
 GATCTCTATG GCTGTAAAT ATTTCTTTAT AGCGTTATTA AAGTGTGTCT TAATAAAATT 60
 AAA 63

配列番号: 5027
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05920
 配列:
 GATCCACAAA AGAAGTGAAA GTAGCCTTAA CTGATGACAT TCCACCATTG TNATTTGTTC 60
 CTGCCCCACG CTAACGTATA CCATATATTC TTCCCCCGCC 100

配列番号: 5028
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05921
 配列:
 GATCTCTGCG TTTTATACT GAGTGTGCCT AGGTTGCCCC TTATTTTNA TTTTCCCTGT 60
 TCGCTTGCTA TAGATGAAGG GTGAGGACAA TCGTGTATAT 100

配列番号: 5029
 配列の長さ: 90
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05923
 配列:
 GATCTGTAAA CCCTTACCCC TTGCTGTTCA GAGAGCTACT CTTTGTAGTG TTCTTGCATG 60
 CATATATAAT AAATATTTT TCTATTGAAA 90

【1003】

【配列表913】

配列番号： 5030
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05924

配列：
GATCGAGACC ATCCTGGCCA ACATGGTGAA CCCTGTCTGT ACCAAAAATA CAAAAATTAA 60
TTGGGCATGG TGGTGGACAC CTGTAATCCC AGCTACTAGG 100

配列番号： 5031
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05925

配列：
GATCTAAATC AATGCAATAA AGTAAGAAAA ATAAATAAAA GTATTGAAAA GATTGAAAAG 60
AAAGAATTGA AGCTGTCTTT ATTCACAGAT AATGACTGTG 100

配列番号： 5032
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05926

配列：
GATCTGTGCC CTTGGTCCCA GGTCAAGCCC ACCCCCTGCA CTTCCACCTG CCCCAGCCCC 60
TGCCTCTNCC CCAAGTGGGG CCAGCTGCCC TCACTTCTGG 100

配列番号： 5033
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05927

配列：
GATCCACGGG CTGCAGAATG GATATTGTAT TAGCAGGCAT GAAAAACAAC TTCATCTCCT 60
TGTGCATCTC TGTCTGAGTT CTTGGGTGAC CAAATGCCTT 100

配列番号： 5034
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS05928

配列：
GATCCCAGCT ACTCAGGAGG CTGAGGCAGA AAAATCACTT GAACCCAGGA GGTGGAGGTT 60
GCAGTGAGCA GAGACCACAC AACTGCACTC CAGTCTGGGC 100

【1004】

【配列表914】

配列番号： 5035
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05932
 配列：
 GATCCTATCA ATTAGACAGT AAATAAGTGC ATCTTTTTTG AGACAAATGC AGTAGGCAAA 60
 TGTGACATT CACCAGGCA CAGTCAATCC CTGACAATT 100

配列番号： 5036
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05933
 配列：
 GATCCGAGTC GTCCGAAAT CCATTGCCCG TTTTCTCACA GTTATTAACC AGACTCAGAA 60
 AGAAAACCTC AGGAAATTCT ACAAGGCCAA GAAGTACAAG 100

配列番号： 5037
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05934
 配列：
 GATCATCATC TTTCAGGTGG TCTTCCTGGG CCTCCTGGCT GGCCTGGTGG TCCTATTCTA 60
 CGNATATCCT GTCCNCTGTG AGTGGTATGA GTTCCTCACC 100

配列番号： 5038
 配列の長さ：66
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05937
 配列：
 GATCATTAAAT TATATGTAAA ATAATATACA TTCAGTTATT AAGAAATAAA CTGCTTTCTT 60
 AATAAA 66

配列番号： 5039
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05938
 配列：
 GATCTATGTC TTTCAGCTAT GTGCTTTTAA AACTTTGTAA TTTAGACATT GATATTGTCA 60
 TCAGATTGCT TATCAGCATT GCCATAAATA TAATTATTAA 100

配列番号： 5040
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05939
 配列：
 GATCTGCCCA CCTCGGCCAC CCAGAGTGCT GGGATTACAG HCGTGAGCAC CGTGCCCTGAC 60
 CAAAATAAAT AAATTTTAAA ATAGAAGTAA CTCAACTTCT 100

【1005】

【配列表 915】

配列番号: 5041

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05940

配列:

GATCGAGGAC TGGTACAGGA ACCACCAGGA GGAAGACCTG ACTGAATTCC TCTGCGCCAA 60
CCACGTGCTG AAGNGAAAAAN ACACCAGTTN CCTGGCAGAG 100

配列番号: 5042

配列の長さ: 66

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05941

配列:

GATCTNTTTA AAAAATGTAT AAATTNCTTG AGTAATTCCT GGATTAAAGA ATATGCACTT 60
TTTAAA 66

配列番号: 5043

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05942

配列:

GATCGCTGGC ATCAAGAGTG GAGAGGACCG NACAGCCGNG AAGGCAGCCT TTCANGAACC 60
TATGCTGGTG AGTGTAGGAG ATNGCTTANG AAGAGCTCAG 100

配列番号: 5044

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05943

配列:

GATCATAGTT ATTATACAAT GTAGTGAGTC CTGCATGGGT NCTCGATGTG TAATGAAACC 60
TGAAATAATA AGATAATAAG AAAAGCAATA ATTTTCTAAA 100

配列番号: 5045

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05946

配列:

GATCAGCCCA CTTCACTCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG ACATGAGCCA CCTGCCTGGC 60
CGGAGTTATT TCTAAACACA ACTAATATCA GANTCGCCTA 100

【1006】

【配列表916】

配列番号: 5046
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05947
 配列:
 GATCCGCCCG CCTTGGCCTC CCAAGGTGCT GGGATTGTAG GCGTGAGCAC CCCTGGCCTC 60
 NAATNTTCAC ATTTATATAC TGAATTATAC ATTACATTAT 100

配列番号: 5047
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05948
 配列:
 GATCATGCAG AGAATATATA TTGTACTGTA GTAATTTTNT ATTTACATTT GTATGATGTG 60
 ACATAATAGA TGTGAATGTT AATCACTGNT TGACTATGTT 100

配列番号: 5048
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05949
 配列:
 GATCTCTATT TTAATNTAA TTCTAGTTAG TTGTGCCTHA ACTCCAAAGA AATGNGAGTA 60
 TAGTGAGGTA TGTCTGACTC CCACTTCTTA TCATGCTCTG 100

配列番号: 5049
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05951
 配列:
 GATCGCACAC ATGCTTTNTT NNNATATGGA GTGAACACAA TTATGTACCA AATTAACTT 60
 GGCAAACCTT CTATTGCCTG TCCCATGTGC ATCTTATTTA 100

配列番号: 5050
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05952
 配列:
 GATCGACACA TTCGNATCTN NAATGNGTGC TCTGGGGCCT GTCTGAGTGC CGTGGATGCC 60
 CATTCCCAGG TGTGCTCCAT CCTCTGGTCT CCCCATTACA 100

配列番号: 5051
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05953
 配列:
 GATCTGAAAC AAAATCTTTC TAAACATTG TTTTACTTGT CAAAGCACCA ACAGGACATT 60
 TTGGGATGTG AAATGTAATT TCTTGAATC TGTAATTTGT 100

【1007】

【配列表 917】

配列番号: 5052

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05954

配列:

GATCATCCCT TCACAATCCC AGAGTGGCAG GCGGGACCAG CCCCATGGTC TGGCTCCTGT 60
CACCTGGGTC CGTGCCAGCA CAATCTGCCA AAGTTCTAGA 100

配列番号: 5053

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05955

配列:

GATCCTTTTT TGTACATTTA AGAATATTTT GATTATATTA AACAAGACTG CTGATTTTGC 60
TACTTTTTTT AAGGGGTCTT CANGTANGTA AAACATACAT 100

配列番号: 5054

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05956

配列:

GATCTTAACC ATCACAAGTT TTTACCTCT TCCTTCATGC CTGACCTCAA CCCCCTCTC 60
CTCATCTAT TCCTAAATTA GGCTAATAAA GTGAAATTGG 100

配列番号: 5055

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05957

配列:

GATCGCTTGA GCCCAAGAGT TTGGGACCAA TCTGAGCAAT ATAGCAAGAC CCCATCTCTA 60
CAAAGAATAA AGAAAAATTA GACTAGCTTG GTGGCATGTG 100

配列番号: 5056

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05959

配列:

GATCAAGCTA CACATCAGTT TTACAATATA AATACTTGTA CTACCTTAAT GATAAGNACT 60
CCTTAAAGTT CCATTTGCTA ATNATTAATA CACTGTTTGG 100

【1008】

【配列表918】

配列番号： 5057
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05960
 配列：
 GATCAACTGG TTTGTGTTT GCTGCTGCAT TTATCCCAAG TNAACAGGT TTAATCTCCA 60
 GANGAAAACC AAAATACCAT GGGATTTATG CTGNATTGAC 100

配列番号： 5058
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05961
 配列：
 GATCCTGCTC CCTTCTGGGC TCTGACTCTC CTGGAAATCT CTCCAAGGCC AGAGCTATGC 60
 TTTAGGTCTC AATTTTGGAA TTCAAACAC CAGCAAAAAA 100

配列番号： 5059
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05962
 配列：
 GATCTCAACA ATATTCTTCC AAAATGGCAT ACATCTTTTG TACAAAGAAC TTGAAATGTA 60
 AATACTGTGT TTGTGCTGTA AGAGTTGTGT ATTTCAAAAA 100

配列番号： 5060
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05963
 配列：
 GATCTGACCT CAGAATATGC TTTCACTGTT ATTTCTGACT AGTCCTTTTT AAA 53

配列番号： 5061
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05964
 配列：
 GATCTGCATA AAGTNTTACA AACAAAATCC TCTTATGAG CAACACATTT TTCAGCTGCC 60
 AGTCAGACCA ACTGCTGTAA AGAACTTATA TCAAAGTGAG 100

配列番号： 5062
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS05966
 配列：
 GATCTTCCAC TAGATGTCAC CAAAAGGACT GAGAACTAGA GAAAAGGGCT GCGATTTCTG 60
 CTCTCCTTGT AAGATTGCAC AAAAGANTAA ATTGCATTTA 100

【1009】

【配列表919】

配列番号: 5063
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05967
 配列:
 GATCCCCCTT CNAGGTAGTG AAAATNAAAT NCGCCGGAGT GTGGCTGCCT TCACCGCGGA 60
 CCCCTGTCT CTCCTGC6CA ACGTCTGAGC ACAGGAGCCC 100

配列番号: 5064
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05968
 配列:
 GATCACCGTG AATCCGGCTT CCTCTGAGCA TTCGATGGCC TTAGCACCTC ATCAAGCCAG 60
 CACATCCTGC CTGCTGTTGC AGCCTGGCTG GGTATTATTCT 100

配列番号: 5065
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05969
 配列:
 GATCGTCCCT GGTCACCCGA CTTTGAATT TGCACCATCA TGTTTCAGTG AAGATGCTGT 60
 AAATAGGTTT AGATTTTACT GTCTATGGAT TTGGGGTGT 100

配列番号: 5066
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05970
 配列:
 GATCTGCTCG CCTCGGCCTC CCAAAGGATG GGATTACAGG CACCAGCCAC TGNCCCTGGC 60
 TGGCCTCTGN TTTTAATAA AACNTGACTA GAGTGACTCC 100

配列番号: 5067
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05971
 配列:
 GATCACAAGG TCAGGAGTTC GAGACCAACC TGGCCAATGT GGTGAAACCC ATCTCTACTA 60
 AAAATACANA AAAAATTAGC CGGGCTTGGT GGTGCATGCC 100

配列番号: 5068
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS05974
 配列:
 GATCAGGGTT ACATAGGTTT GGTAATAA GTGCTGGAAA TNACTTTCT CCCAGTAGTC 60
 TTAGGTCATG CTCAGTGAAC TTAACTTTA TCCAGATATG 100

【1010】

【配列表 920】

配列番号： 5069

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05975

配列：

GATCCTCCTG CCTTGGCCTC CCAGGGTGCT GGNATTGTAG GTGTAAGCCA CCAGGCCAG 60
GCTAACCTT TATAAGAAAT AAAGTCTCCT CTCAAAATT 100

配列番号： 5070

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05976

配列：

GATCCGTCTG GGCACGCTGG AGCAGGAGGC CACAGCAGAC GTGGAGTGGC GCTGGCACCC 60
TTACACCAAT ACCGCACGCA AGAGAGTCTT CCTGAGCACC 100

配列番号： 5071

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05977

配列：

GATCACGAGG TCAGGAGTTC AAGACCAACC TGACCAAGAT GGTGAAACCC CGTCTCCACT 60
AAAAATACCA AAAAATTAGC CGGGCGTGCT GGTGGGTGCC 100

配列番号： 5072

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05978

配列：

GATCATCAGC AATNCCTTCT GCACCANCA CTGCTTAGCA CCCCTGGCCA AGGTCATCCA 60
TGACAACTTT GGTATCGTGG AAGGACTCAT GACCACAGTC 100

配列番号： 5073

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05980

配列：

GATCCGATTT GTGGAGGATG AGAAAGATGA AGAAGACAAT NAGACGAGAA CACTTCTAAG 60
GCGAGCCACT CCACACCCAG GGGAGTTAA GCACATGAAA 100

【1011】

【配列表 921】

配列番号: 5074

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05981

配列:

GATCGCTTTT NTGACTGTTT ATCTGTCCTT GACAGTGGCT GTCATATTGA CTACTTTTNT 60
GATTIGTTGG TATTGGGGAC ATTTTAAAGG CTGAGTTATT 100

配列番号: 5075

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05982

配列:

GATCAAGTTT TAAATCCTCC TCCTTCCCTT TTTNCTGGAG TTTTGAGGGC CAGAGTTTTH 60
NTTTTNTTTT TTGTTTTTGT TTTCTGCTT GCTACTGTTT 100

配列番号: 5076

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05983

配列:

GATCATTTGA CTGGGCTGGA GAACATCCTT TTACATGGCC NTCCCATGGA TGTGCTGTAC 60
ATCTGCTTAA AAGAAAATAA TTAATTTNAT GAGCGTCTTC 100

配列番号: 5077

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05984

配列:

GATCTGGGGG CTAGCAGTGA GTACCCGCAT GGTATCAGCC TGCCTCTCCC GCCCACGCCC 60
TGCTGTCTCC AGGCCTATAG ACGTTTCTNT CCAAGGCCCT 100

配列番号: 5078

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05987

配列:

GATCTCAAAA AAGAAGGAAT TTCTCCTTTG TTTCTTCCAG TTAATGTAAG AATACTTTAA 60
ATCTCTAAGC TTCTGAAGTG TTAGAGGTAG AGATGGTCTA 100

配列番号: 5079

配列の長さ: 71

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05988

配列:

GATCTATACA GGTATGTCTG ACGGGACGCA GCACCGTGGG CACGCACCAA ATAGAGTTTT 60
TAAAAGAGAA A 71

【1012】

【配列表922】

配列番号：5080

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05989

配列：

GATCCTNTTC TTTCAGCAGG TGAAAAATAA AACGCAGTTC AAATTTTCATG GTTTTAATTT 60
TCANCTCAGA AGCACTCAAA AATGCAAAAT GTGATAATGG 100

配列番号：5081

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05991

配列：

GATCGGAAGA GGGAGGAGAG GCAGTCTCTT NACAAAAATAA AGTATTTTAA TTCATTTNTA 60
TTTATTAAAT NAAAAAACAA TCCCATGGTG TCCCTNTTGT 100

配列番号：5082

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05992

配列：

GATCCAAAAA CCTCCACCAT AGAGACTGAT AAATTGTAGC TATTGAAGCT GTACTNCTTT 60
GTACATAGGT GCTTTGGGAG ACTCACTCTG ATTATTGTAA 100

配列番号：5083

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05993

配列：

GATCACCTGA GGGGAAAGGN TTGTNTCTCT CCTTCTGTT GGGNGAGGGG GATGGGGGAC 60
TTTTNTTGGT GGCTCCCACC CATATATCCC TCCTTNACCA 100

配列番号：5084

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS05994

配列：

GATCTACCCT CTAGTTTACT TGCTCGGGAG AAGAACTGA CTCGTTTTAT TTAGTGCCTA 60
TTTAGCGAGC CCAGAGTAAC GTACATTTGT NCTGTTTTCA 100

【1013】

【配列表923】

配列番号: 5085

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05996

配列:

GATCAAGGTG ATTCTGAAAG TTTTAATTTT TAATGTTGTA ATGTTATGTT ATTGTTAATT 60
GTACTTTTATT ATGTATTCAA TAGAAAATCA TGATTTATTA 100

配列番号: 5086

配列の長さ: 58

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05997

配列:

GATCTAGTTG TATTTCTCAT ACTAGCAATG AACAATTGGC AGTTGAAGTA AAAGCAAA 58

配列番号: 5087

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05998

配列:

GATCGTAATA TCTCGAACAT TACATAGACA CTTAAACCT TTAGTTGTAT TTCATCAAAA 60
ATCTGTTTAT GCCCCACGTT GGTTTCAAAA CATACTATGC 100

配列番号: 5088

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS05999

配列:

GATCGAGACC AGCCTGACCA ACATGGTGAA CCGTGTCTCT ACTAAAATAC AAAAATTAGC 60
TGGGCGTGTT GGCACACACC TGTAATCCCA GCTACTCAGG 100

配列番号: 5089

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06000

配列:

GATCTTGTGT CAAGTTAACA GGAAGACTGC CCACAGATGA CACTGCATTT GTATCCCTGT 60
GGATGTAGAG TATTGGGAAG GCATTTTNTT AGTTTCATGC 100

配列番号: 5090

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06001

配列:

GATCCTGGTA ACTGTTCCAG GATTGCTCCA GGTTCAGAT GGTATTGCTA AATTTAAAAT 60
TAAACAAGAG ACCCAACAAC AGCTTTTAAA GTGTCTTCTA 100

【1014】

【配列表924】

配列番号：5091
 配列の長さ：63
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06002
 配列：
 GATCATTGA AGTCAGGACT TTGAGACCAG TCTGGCCAAC AGGGTGAAAA CCTCTCTCTT 60
 AAA 63

配列番号：5092
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06004
 配列：
 GATCANGAAA AAGACAAAAT CTNTCAAAGC CTTCAAAACC AGGAAAAGAT AAGGAGCCCA 60
 GGAAAAGNAA AAGGTAAAGT TCGAAGAANT TTAACCATTT 100

配列番号：5093
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06005
 配列：
 GATCAGGAAT GGTGTGGATT GAGAACTTGT TACTTGAAGA AAAAGAATTT TGATATTGGA 60
 ATAGCCTGCT AAGCGGTACA TGTGGGTATT TTGGNGTTAC 100

配列番号：5094
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06007
 配列：
 GATCGCATCA TTGCACTCCA GCCTAGGGGA CAAGAGCGCG AGACTTCATC TCAAA 55

配列番号：5095
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06008
 配列：
 GATCATGGAA CAGAATCACC CTCTCCTGCA TGTITTTNTT TCTGTCTCCT GCTTTTCTGT 60
 TCTITTTCCA CTTTCTCTAT GTGTGAGTTG ACTTGECTGC 100

配列番号：5096
 配列の長さ：89
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06010
 配列：
 GATCTTTTTT AAGAGCGTTT CCATACTATG NTTACATTTT CATATTTNTA TGAATAATTT 60
 TGCATTCAAT AAACAACCAG ACTCAGAAA 89

【1015】

【配列表925】

配列番号: 5097
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06011
 配列:
 GATCTTGGAG AGTTTCTCCT TGTGATTTTA GTTCATAAGT ATGTCACCTT TCATTTTATA 60
 GNGTTCATCA TTGAGTAATG GATTAAGTGA AAATCCAGGA 100

配列番号: 5098
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06013
 配列:
 GATCTAAAGC AGCCCTNTTT ACAGTCTAGT TAGGAGAGAG AAAATAATTG CANATATCCA 60
 CTTAGTGGCA AAGAACAATT TTTTATTATC AAAAAGGTTT 100

配列番号: 5099
 配列の長さ: 85
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06014
 配列:
 GATCTCTGGA GGTGAGGCT GCAAGTGAGT CATGTTCTGT TCACTACACT NCAGCCTGGG 60
 CGATAGAGTG AGAACCTGTC TCAAA 85

配列番号: 5100
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06015
 配列:
 GATCCAGAAC ATGACAACAG AGAGCTGCCG CCACAGGGAA CAAAGCCCTG ACCTNTCTCT 60
 CCACATTACC CTTACAAAA CAGGCCCTCC CCATGAGAGA 100

配列番号: 5101
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06016
 配列:
 GATCTTAATG GCAAGAAGGC CACAGAGGTA CTTTNCCTTN TTNAGCTCAG GAAAATATGT 60
 CAGGCTCAAA CCACTTCTCA GGCAGTTTAA TGGACACTAA 100

配列番号: 5102
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06017
 配列:
 GATCTGGCCA TGTATATGGT AGCTGTTTTT TAATTTGAGA NTCTTGAGGG TAGAGCCACA 60
 AATTTCAANTH CTTACATTTC CATTGCAAA GTGACTAGAG 100

【1016】

【配列表926】

配列番号： 5103

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06018

配列：

GATCCTGAGA CTATNTGCAT GCTNCTNTCT AAATGATAAT TAANAGGAAA TTTCATGGAT 60
TAACCCATGG GTTTAATGCA GCAAGGAAAC TTACAATGTC 100

配列番号： 5104

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06019

配列：

GATCACTTGA GGTGAGAAGT TCAAGACCAG CCTGNCCAAT ATNGTGAAAC CCCGTCTCTA 60
CTAAAAATAC AAAAATTAGC CGGGCGTNGG TGGCGGGCGC 100

配列番号： 5105

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06020

配列：

GATCCTNCAG GAGATTCAGC GTCTCCGCCT GGAACACGAG CAGGCCTCCC AGCCACCCN 60
TGAGAAGGCA CAGCAGAACC CCACGCTGCT GGCAGAGCTG 100

配列番号： 5106

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06021

配列：

GATCTGAGTG ACAGGGTCAA GTTCTCTTTG AAAACAGGAG CTTTTAGGT GGTAACCCC 60
CAACCTGACA TTGGTACTGT GCAATAAAGA CACCCCCTAC 100

配列番号： 5107

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06022

配列：

GATCTGCTGG GTTTTAAGGA GTGATTTNCT TTCTNCCCCT TGAAGGGGAA AAAGCTATTT 60
CAATTGGTAC ATTTAAAGTC CCCCAACTAT GGGGAGGTAC 100

【1017】

【配列表927】

配列番号： 5108
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06023
 配列：
 GATCTTNACC TTATTCAGTC AACTCCCTTT AAACCCCTGG CACTGAAAAC ACCACCTCGT 60
 GTACTTACGC TGAGTGAAAG ACCACTAGAT TTINTGGATT 100

配列番号： 5109
 配列の長さ：98
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06024
 配列：
 GATCCGTCTT CATTTTATTG GTGATGATGA ATGGGAATAA AATNAGGGGG CTGTCTACTA 60
 GAGCCTGGAA TAAATATGCT GCTTTGTGGA TTTTAAAA 98

配列番号： 5110
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06025
 配列：
 GATCTGTATG TNAATATCGC CAAGCAGGAT ATCATGTTGT CCCTGGCAAA CCTGGTGAGA 60
 CTC AACCAAG CCTTTTTC CCAAGCAAG AGGAAAATGG 100

配列番号： 5111
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06026
 配列：
 GATCTTTGCC CACCTCTTCC TCAGAGCCCC CACTGAGGGG CCGTAGCCCT ATCTAGGGCT 60
 GTGGAAGGAG CAGACTGGTT CCTAACTCTC TCCCTCCTCC 100

配列番号： 5112
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06027
 配列：
 GATCTTGTTT ACAGCAGTGC TTTTGTGAAC AATTATTTAT TTGCTGAAAG NGCTCTTCTG 60
 AACTGTGTCC TTTTAATTTT TGCTTAGAAT AGAATGGAAC 100

配列番号： 5113
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06028
 配列：
 GATCTTATAA ATTTCTGGG CAAGAGTGTA TGCATACAAA GTTTTCACTN TTGTGAAATG 60
 TAATTTTNCI GTTTTGGCA NGCGATGAGC TGATTGGAAT 100

【1018】

【配列表928】

配列番号: 5114

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06029

配列:

GATCAGAGAT GCACCACCAA GCCAAGGGAA CCTNTGTCCG GTATTCGATA CTNCGACTTT 60
TCTTCCTGGA GTGTATGACT GCACANTGAC TCGGNGGTNG 100

配列番号: 5115

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06030

配列:

GATCGGGGAG CCACAGGGTG TCCAGACCCA GCGGGAGCCG AGGATTCAGG AGAATCTCCC 60
CAGTCAGCTT CAGAGGTGCC CACAGTNTGA GCTCTAGTGT 100

配列番号: 5116

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06031

配列:

GATCAACATT CGCAATGCCC GGAAACACTT TAAGAAGCTG GAGAGAGTGG ATGGCCCCAA 60
GCACAGTCTC CTTATGCGTT GAATATTGCC AAATNCTCTT 100

配列番号: 5117

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06032

配列:

GATCAACAAA TTGCTCAACC TGCAAAATCT TTGATTAGAC TTAGCCAGCC CATCTGGCCT 60
GCTTTGGGTT TAAAAAAAAA AAAAAANTTT TTTTAACCNC 100

配列番号: 5118

配列の長さ: 63

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06033

配列:

GATCAAGAAT CCTGCTCCAC TAAGAATGGT GCTAAAGTAA AACTAGTTTA ATAAGCCCTT 60
AAA 63

【1019】

【配列表929】

配列番号: 5119
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06034
 配列:
 GATCATGACT ACTGGGTTGT CATTTCATG GACAGTGCTA TGAAATAAGT ATTTTGGAAA 60
 NCAACGGAAA TAGTTTATAT CGATATTCT GATTCAAATT 100

配列番号: 5120
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06035
 配列:
 GATCAATGCT GGCTTCACG CCTGANTTCT ACCAAGTATG CCACACCAAA AAGGATTATN 60
 AAGAAATTGG ACCTAGCATT TNCCTCACA ATCCAGTGT 100

配列番号: 5121
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06036
 配列:
 GATCTCATTG AGATTCCAAA GAGAATCATT TACAAGTTAA TTTCTGTCTC CTTGGTCCAT 60
 TCCTTCTCTC TAATAATCAT TTAAGTCTC TCAAAGAATT 100

配列番号: 5122
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06038
 配列:
 GATCTGCAAG GCATAGGCAA GCCTCTTAGA GAATCAGAAA AGTGATTGG AAGGAACTTC 60
 AGCTGTACT ACTTTGTTA AGCAAATCAA ATGCTGTCT 100

配列番号: 5123
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06039
 配列:
 GATCAACTGA AGACCCCAA AGGCCCTAC TTGATGGTTT TGAGGGGCAA CATTGACTCA 60
 TTTGCCCCNT CCCTCTCGGA ATGTTGGACA AAGGGAATAA 100

配列番号: 5124
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06040
 配列:
 GATCTAAAAC ANCTTCAGAC TACCTANGAA ATANTNNAC CAAATAAGAA ACAGCACTGT 60
 GGAATAAAAT ATACCAITGT GAACATATCT GATGCTGCAA 100

【1020】

【配列表930】

配列番号：5125

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06041

配列：

GATCTCCTAC TCCATCCAGT CCTGAGGAGC CTTAGGATGC AGCATNCCTT CAGGAGACAC 60
TGCTGGACCT CAGCATTCCC TTGATATCAG TCCCCTTCAC 100

配列番号：5126

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06042

配列：

GATCTATTTT TTTNCACTTG TATAACTTTG NAATAAATNC CTCATCCCTT AGACTAAGAG 60
AGTGGGTGTC TGTGAAAATN GTNTTCTCCT TCATAATACC 100

配列番号：5127

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06043

配列：

GATCGAATTT AAAAGAACAA TGGAACCCTG ACTACGTTTC AACAAAAATA AAAC TNGTTT 60
TTTTCCCTCC TAAA 74

配列番号：5128

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06044

配列：

GATCTCTGGC GCTGGCAGAA GCAGAATCCT TCAGGCTTTG GCANGCAAGC NTGAGGACCC 60
TCCCCTACCA AGGACCAGGA AAAGCAGCAG CTGCCTGCTC 100

配列番号：5129

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06045

配列：

GATCTGCCTN TAAAGCCAGT TTAAGAAGCA CTNATGANAA CACCTGGACT GTGTATAGNG 60
ATTGCACATT CCTTATCCTT CAGCTNCAGG ACAGGTGGAG 100

【1021】

【配列表931】

配列番号： 5130
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06046
 配列：
 GATCTCAGAG CATTTCATT AGGGATGCTC AAACGCAACT TTTTCTACTT CCCCAATTCA 60
 GGTGTGAGAT GTAACCCACC TTNACCATAA ATTGGCTTTN 100

配列番号： 5131
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06047
 配列：
 GATCACAACA TACAAATTCA ATTCAGTGCA TGCTTTAGGT GTTAAGCATG AGATTGTACA 60
 TGTITACTGT TAGGTCCTTG CATCTGTGGT GCTAGGTGAG 100

配列番号： 5132
 配列の長さ：62
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06048
 配列：
 GATCTCCCAG TGAGCCATCA CGATGCCCGN TTTCAAATAA ATNTTAATAT TGTCACCAGA 60
 AA 62

配列番号： 5133
 配列の長さ：55
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06049
 配列：
 GATCTNCTGC CATGATGCCT ATTTGGTGTN TTTCTAATTA AAATGAAATC AAAAA 55

配列番号： 5134
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06050
 配列：
 GATCGCATCA TTGCACTCTA ACCTGGGCAA CAAGAGCAAA ACTCCATCAA A 51

配列番号： 5135
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06051
 配列：
 GATCTGCTGA AAGGNAAGCA AGAACTATAA GGAGGNTGTG TAGTTGCAAA AATGGCTCCA 60
 TCGGTAAGTC AAGCTTCAGA ATGTTATGAC ATACAGAAAA 100

【1022】

【配列表932】

配列番号: 5136
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06052
 配列:
 GATCAAGTCA GCATTGGGG TCGGGATTG GGCAGGGAAC TTTGGGGTGC AAATATCTGG 60
 TGAACACCAC AGAGAATTTN TTTGTCAAAG TGACATGTAT 100

配列番号: 5137
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06053
 配列:
 GATCTAGAAT CTTGTCCTCA GGCTTCTAGG GGTTTATCTG AGTCTTTTAT CTAAGACAAA 60
 TGCAACAGTT TTCTTTTCAA ATGCTCAGAA AAATAGTGAT 100

配列番号: 5138
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06054
 配列:
 GATCGCACGG ATGCAGCAGG AAGACCAGGA GGGCCCGCCT ACGTAGCCCC AGCTCCAGCC 60
 ATCCACCCCN CAGCCCTTIN CTNCAACGTC ACCANTAAAT 100

配列番号: 5139
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06055
 配列:
 GATCACTGTT AATNATTTGC CTGTGGGACG CTCCGTGGAT GAGGCTCTNC GGCTGGNCCA 60
 GGCCTNCCAG TACACAGACG AGCATTGGGA AGTTTGTCCC 100

配列番号: 5140
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06056
 配列:
 GATCACAACC TCANCAAGA CCACGANGAA GCCCNCAACA CCCACGCCCA CGACTGCCCG 60
 GACGAGGCCG ACCACAGACG TAACTGCAGG TAAAAATNGA 100

配列番号: 5141
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06057
 配列:
 GATCGCCTTA ATACCAGAAA TGATTAGAAG TGCTGATTTA GATTCAACAA ATACCATATG 60
 TCCTTATCAT TTTTGTAAAG AAGAAATTGG TTAAGTCCTA 100

【1023】

【配列表933】

配列番号： 5142

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06058

配列：

GATCTTTGCA AGGGCAAAAC TACAAGTAAC GAGTTTTATA TAATTAATTT AAATTTGTTA 60
CAGGTTTTCA TGTTCAGGAT AAACCATACT TCCACCTTGG 100

配列番号： 5143

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06059

配列：

GATCTTGGTT TCATGTGTTT TTGAAAGTGT TATTGTTTAA AAAATGAAAA AAGCATATNT 60
GCTAAAGAGC TGTCAGGTTT TCATTACTGA CTCTGTANAA 100

配列番号： 5144

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06060

配列：

GATCCTCGCG GGCCTCGGAG AATTCCCCCA CTGCCATGCC CTCCCCCAGC TACCAGTGCA 60
CTAAGGCCGA CTTGGCCGAA CITATGGTCC AGGCAGGCC 100

配列番号： 5145

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06061

配列：

GATCACTGTG TCAAATGGAT GGGAAATNTT ATNTTAATAT AAACAGTAAA ATAGCATTGT 60
TTTCACTTGC AGCTTTNAAA 80

配列番号： 5146

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06062

配列：

GATCTGTATG TNCAATATGG TAGCTACTAG CTACATACAT CTATGAGCCA GACACTTAAG 60
CACTTGANGT TTGGCTACTG CACATTGACA CATGGTGTTA 100

【1024】

【配列表 934】

配列番号: 5147
 配列の長さ: 91
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06064
 配列:
 GATCATGTTG TATTNATTT TACTTATTTT TTTTACATTT CCCAAGGCTC TGTCAATCCAC 60
 CTTTTCATTA AATCATTCTA CCAATCTCAA A 91

配列番号: 5148
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06065
 配列:
 GATCAATGTA AATCCTCACC TGCCCTTTGA AGAGCCAATA AGGGCATCTT TGTCTTTAAA 60
 TACAGCAAAT GTTATTGAGA TTTTGTACTT GTCTATCTCT 100

配列番号: 5149
 配列の長さ: 75
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06066
 配列:
 GATCTTTATT CTAACCTTTT TTTGTAAAAN ATATCTATTG ATTTCCATAT GCAATAAACC 60
 TTTTTTTCAG AGAAA 75

配列番号: 5150
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06067
 配列:
 GATCGCACCA CTGCACTCCA GTCTGCCGAC AGAGTGAGAC TACATCTCAA AAAAAAANGC 60
 CGCAATTTTN CATTGNTTC ANCAGANCTC TGCCATTCTA 100

配列番号: 5151
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06068
 配列:
 GATCTCATTT TCAGTTTAAAG TAACTNCTGT TACTTAAGTG ATTGCACTTT TCTCAAATTG 60
 AAGTTTAATG GAATAATAGT TCTCAGGATA GTATTTTGTA 100

配列番号: 5152
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06069
 配列:
 GATCCTACCA TGGCAAGAAG AGCTTCGAGA CTTTNTTCA CCGCCGCTCT TGCCTGGTGA 60
 GGCCTCTNAT GAATNATGAA GGCCTGAAGG TCAGATACCC 100

【1025】

【配列表 935】

配列番号: 5153
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06070
 配列:
 GATCTAACCA TGACCTGTTT CACGTCATTG ACATTCAAAA TGAATGAAGG GATGANCATT 60
 TTCTCTGGTC ATTTTTTATT ATTTATACCC TTTTGCAAAAT 100

配列番号: 5154
 配列の長さ: 62
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06071
 配列:
 GATCATAATA TGAATNTCCC ACTTATTAAT AGCCTTTTAA TAAATATATA ATTAATTCA 60
 AA 62

配列番号: 5155
 配列の長さ: 57
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06072
 配列:
 GATCTATAAT CACCAGTGCA CTCCACCCTG GGTGACAGAA TAAGACCCTG GCTGAAA 57

配列番号: 5156
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06073
 配列:
 GATCTACCCG GACACGGAGG CGCTACGCCA GGACCGACGG GAAGGTTTTT CAGTTTCTTA 60
 ATGCCAAATG CGAGTCGGCT TTCCTTTNCA AGAGGAATCC 100

配列番号: 5157
 配列の長さ: 68
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06074
 配列:
 GATCTCAGGA TTNAAGCACA GTGCCTGGCA TACAGCAGGT GCTCAATAAA TACTTATCAA 60
 ATTGAAA 68

配列番号: 5158
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06075
 配列:
 GATCAAGGTT TAGITTAAGT TCCACTGTGA AAATAAAGCT TACATAGTTT TCTTCCTTTG 60
 AAAGACTGTG CTGTCCTTA ACATAGTTT TTAANGACTA 100

【1026】

【配列表 936】

配列番号: 5159

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06076

配列:

GATCGGCAGG GCAGGAATCT GAGCGCTGGC CCCGTGGTGA GGCCATGTTT TCATAATCAG 60
GCTCCAGCCA GAAAAATAAG AACACCCGCA ACAGGCTTCA 100

配列番号: 5160

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06077

配列:

GATCTTGGCT TAATTTAATG TATTAATCTG TTTGTGCAA CATAGTACCA CCATTTAAAA 60
ATGTTAGGGA GATGAGTTGC AGTTTTTATA ATAGATTTT 100

配列番号: 5161

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06078

配列:

GATCTCAGGG AAAAATTTTA ATCACTGTGT ATAGTGGTAC TGAACCTTGA TTANTAACAG 60
AAATTCAGGN TGTAAGCCA CAGAATGGGA TTTATTAATN 100

配列番号: 5162

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06079

配列:

GATCTTCCTG GNACCCCTGAG GGTCGTCCTC CAGCAGGGGC TTCTTNGACC CCTGTCTGAG 60
GGGTCGCGTC TTAGTGGGCG GGATTCTTTT CCCTTTGAAT 100

配列番号: 5163

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06080

配列:

GATCTGTNTT GTTCCTGCAG CAAAAATCCT CTATGGACAT AGGAGGTGCT GTGTCCCATG 60
CCCTCTTGCC CTGNCAGTGT CCCATGGGCC CCCTTCTGCT 100

【1027】

【配列表937】

配列番号： 5164
 配列の長さ： 81
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06081
 配列：
 GATCACACCA CTGCACTCCA ACCTGGACAA CAGAGCAATA TTGTGTCTCA AAAAATAATA 60
 AATAAATAAA TAAATAGTAA A 81

配列番号： 5165
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06083
 配列：
 GATCACCCGG AAGTTCAGGC TGAATTCTGA AGGCAAACCT GAGCAGNCGG TCTCCATGGC 60
 AACCAAGACA CAGCCANTGA CTCAGCATCT TCACGTCACC 100

配列番号： 5166
 配列の長さ： 55
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06084
 配列：
 GATCTGACTT CAGTTGTGCA GATNACACCA TGATAAATGA GTCGGGACCA TCAAA 55

配列番号： 5167
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06085
 配列：
 GATCAACAGA TGCTGGCAGA AATGGCTGTN TCCCTGGCCT TGAGAAGCAG ATNCAGCTCC 60
 CTGTCCCCAG AGGCCTACAG TCATATGCTA CCNCCACAGN 100

配列番号： 5168
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06086
 配列：
 GATCTCATGA GAATTCACCT ACTATTATGA GAACAGCATG GGGAAAACCT CTCCATAAT 60
 TCAATCACTN TCCTCTCTCC ACACGTGGGG ATTACAATTT 100

配列番号： 5169
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06087
 配列：
 GATCACAGAC TGTAGAGTTT TGAAAAGTCA CTTTTATTTT TAATTATTTT ACATATGCAA 60
 CATGAAGAAA TCGTGTAGGT GGGTTTTTTT TTTAATACCA 100

【1028】

【配列表 938】

配列番号： 5170
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06089
 配列：
 GATCTGCAGT CCTGCCTCTG CCACAGTCTC TCTGTTGTCC CCACATCTAC CCAACTTCCT 60
 GTACTGTTGC CTTTCTGATG TTAATAAAAG CAGCTGTTAC 100

配列番号： 5171
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06090
 配列：
 GATCACGGAC GTGCAGCTCG CCATCTTCGN CAACATGCTG GGCCTGTCCG TCTTCTTGCT 60
 TGTCGTTCTC TATCACTACG TGGCCGTCAA CAATCCCAAG 100

配列番号： 5172
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06091
 配列：
 GATCTGGTAC CGCAGTAGCG CCGCCGCCGC CGCCGNCGGA GCCTGTCTGC GTCCTGTCCC 60
 CAGCCTNCTT GTGTCCCGTG AGGTTGTCAA TAAACCTGCC 100

配列番号： 5173
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06092
 配列：
 GATCCAAAAG GACTCATCTA AAACACAAGT TGGGTAGAGG AGATAGGTGA GTACTATTAT 60
 ATTATGTTCA TGGAAAATNA GTTCATGGGC TTTCCTCTAA 100

配列番号： 5174
 配列の長さ：86
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06093
 配列：
 GATCAGCTTT TAATATCTGT CAAATAAAAA TTGAAATTGA AGATGGTATA TAAGATTICA 60
 GMAAATAAAC TACTCTGAAT ACTAAA 86

配列番号： 5175
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06094
 配列：
 GATCTAATCC GTNTCCACA TGTCCAGGG AATCCNAGGT CTGCCCTGAG CTTCTGTGT 60
 CCTTGGHAAA GTCGGTTAAT CTCTGGGCT CACTGTCTC 100

【1029】

【配列表939】

配列番号: 5176

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06095

配列:

GATCATATTG GTCATGTCTA TTGGTGTATT ATTTTCAGTAT CACCAATGTT TTCAGAAATA 60
CAGTACTAAT TCATCATTAA ACTCTTTGAA GTTAATATTT 100

配列番号: 5177

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06097

配列:

GATCTGCCCT TGGCCTCCCA AAGTGTCCGA ANNACAGGCA TGNGCCACTG AGCCTGANCC 60
ACTTTAGCTA TTTTNAAAAA TAGGACCTAT TGTTTTGGAT 100

配列番号: 5178

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06098

配列:

GATCTATTTT TTGGGCTTTT AATATTCTGT TCCATTGACC TATNTCNCTT NTCITTTACC 60
AATACCGCAA CATCTTGTTT ACTGTAGCTT CACGGTAAGT 100

配列番号: 5179

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06100

配列:

GATCAGTTTG GACTCTGTAA CTCATAGGTG CATTCTTTTT TTCTTTGGTG TCTCACAAAT 60
NACCCAATTG TTGAATAAAA CTATAAATAT GTTAATACCA 100

配列番号: 5180

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06101

配列:

GATCTNATGG GTTTAAAAGN GCGGCATTC CCTCCNCTTT CTCCCTCTCC TGCACCATGT 60
TAAGATGTGC CTTGCTTCCC CTTTGCCITC GACCATGATT 100

【1030】

【配列表 940】

配列番号: 5181
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06102
 配列:
 GATCTTCTGC CACCATCAGG GNCAAACGGG TGCAGGAGGA AAGTCACTGA TGCCCAGATG 60
 TTTGCTTCCT GCACAGCTAC AGGTCCTTAA NNAAGTNT 100

配列番号: 5182
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06103
 配列:
 GATCTGTGGC TACTTTCACA CCACAACAGA GTACCATGGT TCTGACAGAG ACTAGGAGAC 60
 ACAGTCTAAA TGACTTCTGA CCTGGACCTT TACTGAAAAT 100

配列番号: 5183
 配列の長さ: 74
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06104
 配列:
 GATCTCCAAA GCTGTCTCT GCGTCCAGG AGTGCCTCTT ATGTGAGTCC TAATAAACTC 60
 ATCTATTAC CAAA 74

配列番号: 5184
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06105
 配列:
 GATCTNTTCC CACCCATAAA AAGCCAGAG AACAAAAAGT TGGCCAGGA AATGCAATTN 60
 GGAAGCTGAA GAAGATTATA GTATTNTNG CAGTCAAGAT 100

配列番号: 5185
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06107
 配列:
 GATCTNGAAA TNAACCTTAG ATTTCTCTGG GGAATGTTT AGATACAGTT TTGTGAACTG 60
 TAAATNAAAA TACCTTTTTC TACAGTTTAT CTTTTATTTT 100

配列番号: 5186
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06108
 配列:
 GATCTTTNTG ACTAGAGTTA GTGTCTAGG AAAACCAGAA CTCAGAACTT GCCTCCATGG 60
 TTGAGTAACA AGCTGTACAA GAACCCCTTT TATCCCTGGA 100

【1031】

【配列表941】

配列番号: 5187

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06109

配列:

GATCGAGTGG TCTGTGTTCC TATTGCTGGT GGGGTGATAG GGTGGGCTAA AAACCATGCA 60
CTCTGGAATN TTTTGTATTT TCTCCAGTA AAGCTTTTCT 100

配列番号: 5188

配列の長さ: 94

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06110

配列:

GATCACAAC TACAGCCTGC AGGCCAAATC CAGCCCACAG CCTGTNTTTG TAAATAAAGC 60
TTTGTGGAN CAAAGCCACA CCCCTTAATC TAAA 94

配列番号: 5189

配列の長さ: 80

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06111

配列:

GATCTGAATC CAGNTCATT T GAGGGAACCC CCAAGGTTCT CTGGTTGTGG CCTCTTGAAT 60
AAACCTCTCA CATTGGAAT 80

配列番号: 5190

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06112

配列:

GATCTATTAT CTAGCTGCAA AGCCTGGCTT TGNNTTGNAA TTTTGTAAAA ATTTTCATGGC 60
ACCCAAGGTT TCTGNTTCTG ACCCAGCAGT GGTCTCTGAAG 100

配列番号: 5191

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06113

配列:

GATCTTTGAA GATATCTCA ACGTGAGGCT CTNCTGCCAT CAAGGTGAAG ATTAAGTGCT 60
GGAACGGCGT GGCCACTTGG CTCTGGGTGG CCAACGATGA 100

【1032】

【配列表 942】

配列番号: 5192
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06114
 配列:
 GATCTTATTC AGTCTGCTGN TTTGTATAGT GTGATGACCC TAGTAAGCAC ATATTTGGTA 60
 GCCTTTGCAT ACAAGANTGT GAAATTTGTT CTCAAGCACA 100

配列番号: 5193
 配列の長さ: 88
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06115
 配列:
 GATCTGGTCA CACCTAAAGT CATTAAAATC ACTGAAATGT TTAGATACAC AGCCCAATAA 60
 ATTCTCTTTA TAAAACACAA GCAGTAAA 88

配列番号: 5194
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06116
 配列:
 GATCAGGCCA CATAAGGAAC AGGGGAATTC CAGGGGTGGG ACACAGCTNG GGGAGTCCAG 60
 ACCAGGGCAG GGAAAGGAGA CTCACAAGCC AAACAGAGCT 100

配列番号: 5195
 配列の長さ: 56
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06117
 配列:
 GATCTTGAAC TTCCAGCCT CCAGAACTGT GAGAAATAAA TNCCTTTTGT TATAAA 56

配列番号: 5196
 配列の長さ: 54
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06118
 配列:
 GATCTGGCTG ACTCACACCG GACTGGAGAA TAAACAAACA GCAACATAAG GAAA 54

配列番号: 5197
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06119
 配列:
 GATCTCCCAT GGGTCACCCA GGTCCATATGC CTCGCATGG TATGCGTGA CCTCCTCCAC 60
 TGATGCCCCC CCATGGATAC ACTGGCCCTC CACGACCCCC 100

【1033】

【配列表943】

配列番号: 5198

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06122

配列:

GATCCTGTTT CTGTCACCAT TGCTCTCGAT TCACTCAGCT GGCTGCTACT TCGCCTTCCC 60
TGCACCACAC TCTGCCAGGT CCTGCATGCT GTGAGCCATC 100

配列番号: 5199

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06123

配列:

GATCGACTGG AACAAAGTGA CCGCTGNGTA AAACACTGTC CTTGCCACTC ACTGTTGTAT 60
ACATTTCTTA TTTACGATTT TCATTTGTTA TATATATATA 100

配列番号: 5200

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06125

配列:

GATCTTAGAG CTAAGAAAGCA CTGTAAAAAT TACCCANAAC AGCGTCCTCA GACTTAACCT 60
TCTNCAAGAT ATGTCTATAT ATAAGAAGAT TCTAATTNCT 100

配列番号: 5201

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06126

配列:

GATCTTCGTT CAGGGCATCA TCTGGGACAT CAACAGCTTT GACCAGTGGG GAGTGGAGCT 60
GGGAAAGCAG CTGGCTAAGA AAATAGAGCC TGAGCTTGAT 100

配列番号: 5202

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06127

配列:

GATCCTCAAG GACCTGTAAT TTTTGGTAT TTAAATTAA AATAACATTA TTTTATTTT 60
GANTTTTTT CAAACAGTAA GAATAATATA TCAGCAGCAT 100

配列番号: 5203

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06128

配列:

GATCTAATAC AAGANCTAGC AAAGCAAAAG TTTTGCAGG TGACAGCATA AAGACGGANC 60
ACAACAAATC CTTCTGNAG TGAATTAGGA AACTCCANGG 100

【1034】

【配列表944】

配列番号: 5204
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06129
 配列:
 GATCCTCATT CTTTCCCCCG TACAGTGGAA AACATCTTIN ATGTTTCCTT CATTATACGG 60
 GATGTTTIN CAAGAATAAG ACTTGACCAA GACCGACTGC 100

配列番号: 5205
 配列の長さ: 72
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06130
 配列:
 GATCACACTG CAGTTTCCAT GTTAGCACTG TGGATGGGT TTNAATCAAT AAAAAGTGGG 60
 GGTTCITCA AA 72

配列番号: 5206
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06131
 配列:
 GATCTGTAAA ATAAAACTC AGCTGGGTCC AGATATCAGG TGTCTAAAT CTAAGAATGT 60
 AAGAACAATC TTAATAGAAA TATGTTTTTA ATAAGTGGCT 100

配列番号: 5207
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06132

60
 100

60
 100

GATCTGTAGG GGAGGGAGTT CAAATAAAGC TTTATTTTTT TCATTTTCAA A 51

【1035】

【配列表945】

配列番号： 5210
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06138

配列：
GATCTGGGCT CCCTGACTTT CTGAAGCTAG AAAAAGGTTG TGTCTCCCAA CCACCTTTCC 60
ATCCCCAGCC CCTCTCATCC CTGGAGCACT CTGCCGCTCA 100

配列番号： 5211
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06139

配列：
GATCGGGAGG ACCTGTATGC CTGACCGTTT CCCTGCCTCC TGCTTCAGCC TCCCGAGGCC 60
GAAGTCTCAG CCCCTCCAGA CAGGCCGCTG ACATTTCAGCA 100

配列番号： 5212
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06141

配列：
GATCCAACCA CCTCAGCCTC CAAAATGCT GGGATTATAG GCGTGAGCAC TTGCACCTGG 60
CAAAAAAATT TTTTTTAAAA AAGGAGAAAG CAGTTTAACC 100

配列番号： 5213
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06142

配列：
GATCTAAGAC AGCAAAGAAG TGTGCAAGGA GGGCCCTGTT AGCTCCCACT GTCCTGGTTT 60
CTCCTCCTGG AGTCTAATTT CCTTGGCCCT CTGAGCCTTT 100

配列番号： 5214
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06144

配列：
GATCTAAGAT TATTCCCATG AGAAATGTTG AATTTATGAA GAATAGATTT TAAGGCTTTG 60
AAAATGGTTA ATTTCTCAAA AACATCAATG TCCAAACATC 100

【1036】

【配列表946】

配列番号： 5215
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06145
 配列：
 GATCACATCA CGGAATATTC TTTGCCCTTC CACTTTCCAG GAAATCTCTC GGACTGGGCT 60
 AGCCTCCTTG TGTGTGATGA AAGATGGGCT ATATTTTACA 100

配列番号： 5216
 配列の長さ：92
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06146
 配列：
 GATCTCTTTT CAAGTTCACT CATTCTTTCT TCTGTAATGT TCAATCTCTC TTAAGAAAGT 60
 CCAAATAAAT TTTTCATTTC AGAGAGTGGG AA 92

配列番号： 5217
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06147
 配列：
 GATCACCTGA GGTGAGGAGT TCGAGACCAG CCTAGCCAAC ATGGCAAAAC CCCATCTTTA 60
 CTAAGAGTAC AAAAATTATC CGGGCGTGGT GGTGGGCGCC 100

配列番号： 5218
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06148
 配列：
 GATCTGGGCA TTAAGTCAGT GGCTTTGCAT AGCTTTCACA AGTCTCCTAG ACACTCCCCA 60
 CGGGAAACTC AAGGAGGTGG TGAATTTTAA ATCAGCAATA 100

配列番号： 5219
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06149
 配列：
 GATCGCACCA CAGCACTCCA GCCTGGGCCA CAGAGCAAGA CTCCATCTCA AAAAAAAAAAT 60
 CGAGGTTGGT GTTCTTGTTT TCATTTTCAA GNGTTTGTTT 100

配列番号： 5220
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06150
 配列：
 GATCTTTTGA GTGGAGGTGG GTAGAGAGAG CAAGGAGGGC AGGACACTTA GCAGGCACTG 60
 AGCAAGCAGG CCCCCACCTG CCCTTACTGA TGTTCGAGT 100

【1037】

【配列表 947】

配列番号： 5221

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06151

配列：

GATCTGCCAT ACCACTGTGA CTGCATTGAA AGATGTCCTT TTCTCTCTCT GCCAGTNGGT 60
CGGTGTGGGG CAAAACACAG ATNTNCAGCA GATAGCGGNC 100

配列番号： 5222

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06152

配列：

GATCTATAAT GGGATACATT GTCATCCTCT AGCAACTCCT ATATAGAAAG TTTTAACTGA 60
ATATGTTACA TATANGAATT AAATTCTTCT CAAATAATTC 100

配列番号： 5223

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06153

配列：

GATCTGTCCT GTGAGGCATT TAGGGGCTTT CAGGAATTTA GTAAAAGGTG GAGTATGCCT 60
TTCCAGTATC TTCCATCTTC CTTTGTATAC TTGTCCTTCC 100

配列番号： 5224

配列の長さ：66

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06154

配列：

GATCAGGCAG GAGAAAACT TTAGATGGGA GTCTTGTCTAT CAAAAATAAA TACAGTTGCA 60
TGAAA 66

配列番号： 5225

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06155

配列：

GATCAGGACA AGAGCGANGC ACCAGGGGAG CTCTCTCCCA AAGGCCTTGT CGCCCCAGAC 60
CTAACTCGCT CCCCCTCAAC CTGCCTGAGG AAGAACTCT 100

【1038】

【配列表948】

配列番号: 5226
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06156
 配列:
 GATCTAGGGC TGGCCCTAG TGAGTGGGCT CGAGGGAGGG TTNCCTGGGA ACCCCAGGAA 60
 TTGACCCTGA GTTTTAAATT CGAAAATAAA GTGGGGCTGG 100

配列番号: 5227
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06157
 配列:
 GATCTCCTNN TCCAGTGCTG CACACTCCTG TTTTGAAC TTTAATAGCG TTGCAACGAA 60
 ATCCTATATC CAGTTTCCTG TAATTTANTT GAAGAAAAAT 100

配列番号: 5228
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06158
 配列:
 GATCACTCTG GTGCGGGTGT TTGTTTTGT TTTAAATAG CTTTGCAGTG AAAGCTTTCA 60
 TGACCATACA AATNATCTTT TTCTTCCTA TTTCCTTGA 100

配列番号: 5229
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06159
 配列:
 GATCTGTGGC TTTGCTCCAC CATCCCTAAC CAACCTCTCA TCACAGCTTT NTGTGTGGGC 60
 TGAGTGTCTG CCTTAACCCT AGGCGTGGAA GAGAAAAATG 100

配列番号: 5230
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06160
 配列:
 GATCAAAATC AAAAGAACCG TGTAGATATA CTTNATTGTA TAAGTAGAAA ATTACTTAAT 60
 TNCATACTAG AAATGGATGG ATGCTGCAAG TTGAAATGGA 100

配列番号: 5231
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06161
 配列:
 GATCTCAAGT GAGATAGCAG AGCAAGATGC CAAAAGACCA TAAATAGAGT AAGGTTTCTA 60
 TAGATGTNAG ACAGATTIGA GAGAGCATTT ACTCTGTCTC 100

【1039】

【配列表 949】

配列番号: 5232

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06163

配列:

GATCTACAAC CCCTTGGAGC AGTGCTGTNA CAATNACGCC ATCGTGTCCC TNAGCGAGAC 60
 CCGCCAATGT GGTCCCCCT GCACCTTCTG GCCCTGCTTT 100

配列番号: 5233

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06164

配列:

GATCAGCCCC ACCCTGGCCT AGACCAGCAG ACAGAGCCAG GAGAGGCTCA GCTGCATTCC 60
 GCAGCCCCCA CCCCAGGT TCTCCAACAT CACAGCCCAG 100

配列番号: 5234

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06165

配列:

GATCTCGTAA GATTAATGT AGCATTCTAT ACTCCCTACA TGCACAGTAN GATTTGTTTA 60
 ATGAATGGAA GGAAGACTA AATACAATGT CAAATGTNAC 100

配列番号: 5235

配列の長さ: 57

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06166

配列:

GATCACTTTT ATGTAAAAAT TATAATTTAA TTAATAAAAA ATTTCTTAAG AAGTAAA 57

配列番号: 5236

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06167

配列:

GATCAGGCCT TGGCCTCTNA GCCCTGCCTG CTCTGGGCCA TGCAGAGGAA GGACAGAGNG 60
 TGGGCGCAGG GCACCAACTC AGGGACATCC CCTCTCCTGG 100

配列番号: 5237

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06168

配列:

GATCCTCTGT GATACCAAAA TCCATGGATG CTAAGTCCC TTTTAAAAA TGGCATAGTA 60
 TTTCATATA ACCCAAACAC ACCCTCCTGT GTATTTTAAA 100

【1040】

【配列表950】

配列番号： 5238

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06169

配列：

GATCTCTTTT TATTTAAATG TGAATTTCAA CTTTGGACAA TCAAAGAAAA GACTTTTGT 60
GAAATAGCTT TACTGTTTCT CAAGTGTITT GGAGAAAAAA 100

配列番号： 5239

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06170

配列：

GATCATACGA GGCATGTAAT ACCAAGAATT GTTACTTTAC AATGTTCCCT NAAGCAAAAT 60
TGAATTTGCT TTGAACTTT AGTTATGCAC AGACTGATAA 100

配列番号： 5240

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06171

配列：

GATCTTGGAC CCAGTCTGGC CCGTGCCAG CATGGGGCTG GTTCTCCTCC ACAGCTCCTT 60
CCCAGAGGGC TGGGGCCTCA GCCTCCCTGC CACGTCCACT 100

配列番号： 5241

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06172

配列：

GATCAGTTCA GTATATTGCA CTAATTATTT TAGGTATTTT CATTATATGA AAGCTACCAT 60
GTGTCAGAGA TGATTTAATC TATTTAAGTG TTGGACTGCT 100

配列番号： 5242

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06173

配列：

GATCATGCCC TTTGTAGTAN CACAAATGGN GCTGGAGACC ATTATATTAA GCAAACTAAC 60
ACAGTNCCAG ANAACCAAT ACAGTATGTT CTCACITTATA 100

【1041】

【配列表 951】

配列番号: 5243
 配列の長さ: 92
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06174
 配列:
 GATCTGCTAG GGATTGICAA AATAATCTCC TTGAGGCATC TTTATTTTAA AAATGAGATT 60
 AAAGTATGTC ATTTGCTTGT TATGTGGCTA AA 92

配列番号: 5244
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06175
 配列:
 GATCANCAGA AAAGGCAGAT TTCACCTGNC TAAACACTTT CAATTTTCAG TTNTAATTTT 60
 ATNTTCTATA TACCCAGTCA TAAAGTATAA GCATCAGTTG 100

配列番号: 5245
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06176
 配列:
 GATCTGTAAT GAAAAGAATC TGNTACTGCA AGTAAACCT ACTCCCCAAA AATGTGTGGC 60
 TTTGGGTCIG CATTAAACGC TGTAGTCCNN GTTCATGCCA 100

配列番号: 5246
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06177
 配列:
 GATCACTTNT NGTCTGATTC CAGCCTGCTT GCAACCCCTGG GNTCCTCTTG TTCCCTGCTG 60
 NCCTGCCCCCT TGGGAAGGGG CAGTGATGGC TTTGAGGGGA 100

配列番号: 5247
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06179
 配列:
 GATCTAAACT GTATTGNCCA ATTTAAATAA AAAATNNAAT ATAGATTCAG AAAGGTTTAT 60
 ATTTTTCTAA TGACTTCATT CTATATTATN TTGTTAGGTT 100

配列番号: 5248
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06180
 配列:
 GATCTTGAGA GGTGGAGGTT GCAGTGAGCC AAGATTGTGC CACTGNCCTC CAGCCTGGGA 60
 GACAGCAAA 69

【1042】

【配列表 952】

配列番号: 5249
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06181
 配列:
 GATCTGTAA TAIGTAACAT ATTAATGGGT AACTTGCTGT GTAAAATTAT AAGCCATATT 60
 TTTAAAGGTT TTTAAATAC TTATTGTGCT CCATTTGTGA 100

配列番号: 5250
 配列の長さ: 59
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06182
 配列:
 GATCTTGAG ATTGTTCCAC ATCAGTACAT AAAGTACATA AAGATTGTCA CCCACAAA 59

配列番号: 5251
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06183
 配列:
 GATCTGTCTA CTTNCTTAT CCTGATTCAA ATGGAATGCC AGTATGGAAC TCCTAGGATT 60
 TGTACCAAT GGAAGCCAA GTGCCATCTT CAAAATTTCA 100

配列番号: 5252
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06184
 配列:
 GATCATTATT TGGNAATATG TCCTATGGAA AGAATAAAAG CATGTNCTTC ACAGCTAGCA 60
 TGTTCACAGA TTTGAAAGAA GTTTCATTAA AAGCACCATT 100

配列番号: 5253
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06185
 配列:
 GATCTTAATT TAAATAGGTG CTTAATTTT ACAGCTTTCA AAAGTAGTTA CTGTAAATTT 60
 TACTCCTGTT AATGCTGGAT TGGTTTAAAG GATTATAAG 100

配列番号: 5254
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06186
 配列:
 GATCTTATTG CTTATAAACT TTGGTGACGG TAGTGTGTAA GGCCGTATTT TTAGCATCTG 60
 ACAGGTGTTT AAAAAAAGT GGTTGTCGCA CTGGGAAGTG 100

【1043】

【配列表 953】

配列番号： 5255

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06187

配列：

GATCTTTGGG CAAGTCACTT AACCTCTCTT TNCCTCAATT TCCTCATCTT GAAATGAGGA 60
TAATAATACC TGCTGTACCT ACCTCACAGG GCTGTTGTGA 100

配列番号： 5256

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06188

配列：

GATCACAAAA GTATATAAAA AGTCTACTAG AGCAACATTT TCCCATATTT TTNGGTTCTC 60
AAAGCAACTT ATGTATGNTT TAGAGANGNC AAAAGAGGAA 100

配列番号： 5257

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06189

配列：

GATCGAAAAG AAATTTNTTT ATACTTGATG CCTTAAGATN ECCAAAGCTG CCCAAAGCTC 60
TGAAAGACTT TAAGATAGGC AGTAATGCTT ACTACAATAC 100

配列番号： 5258

配列の長さ：62

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06190

配列：

GATCTTGCCT GGAAGGTGTT TTAAGTTTTN TAATAAACAA GATGATGTCT GAAAATNTGA 60
AA 62

配列番号： 5259

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06191

配列：

GATCTAGAGC AGCATGGAGC TGTTGGTAGA ATATTAGTTT TTAACCATAC ATTGTCCCAA 60
AAGTGTCTNT GCATTGTGCA AAANGTAAAC TTAGGAACAT 100

【1044】

【配列表954】

配列番号： 5260
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06192
 配列：
 GATCAACAGC TCCGCCTACC GCAAAGCATT TGANAGCAGA CTAGCCANCA GTNGTGCTCT 60
 GAGAGTGAAC GNGCACCTCC AGGTNGAGGG CCACAGCAAC 100

配列番号： 5261
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06195
 配列：
 GATCTGATAG AGGGGGAGGC AGAAGCAGAT ACTAGAAACA AACAAAACCT TGGACCAAAA 60
 TCCCAGTTCA AAGAAACAAA AAAAAGAGTG GAAACTATT 100

配列番号： 5262
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06196
 配列：
 GATCTTTAT ACAGACGCAC CAAAGCCCTC ATTGACTATG AGAACTCAAA CAAAGCTCTG 60
 GATAAGGCC GGTAAAGAG CAAAGACGTC AAGTTGGCTG 100

配列番号： 5263
 配列の長さ：77
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06197
 配列：
 GATCTCTATT TTAATACTAG CTTTTTAAGC AGCTGTATGA AATAAATNCT GAGTGAGCCC 60
 CAGCCCGCCC CTGCAAA 77

配列番号： 5264
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06198
 配列：
 GATCTAGCTT CANAGGAAGT CTACACCCCA TTCCTTCTG CITACAATGT ACCCATGATA 60
 TGTGTTTAGC ACAGTAATAC TGTAAACAGG CATCACATGG 100

配列番号： 5265
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06199
 配列：
 GATCCAGGC TGCCCTGGAC TTAGACCAGT GTCTGAGGTG GTAACAGCGG CCGCACAGGG 60
 TTGGCCTAGA CCTNGCATTT GTGGGGAAG CTGCTGCTGT 100

【1045】

【配列表 955】

配列番号： 5266
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06200
 配列：
 GATCTGTATA TAACTTTAAT TTTAAGGACC ATAATCAACT TTGTAATATT CTNATATAAA 60

配列番号： 5267
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06201
 配列：
 GATCACCCCTC TACGGGAGAA CCAAGGAGCT GACTTCGGAA CTAAAGGAGA ACTTCATCCG 60
 CTTCTCCAAA TCTNTGGGCC TCCCTGAAAA CCACATCGTC 100

配列番号： 5268
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06202
 配列：
 GATCTCTTGT TCTCTCCTGA GTGTCTTCT ACTNTGCTGA GNGTCTTCT GCTGTCTTA 60
 TCCTGTTCTC TTATCCTNAT CCCCTCCAGT CTCTGCCTAA 100

配列番号： 5269
 配列の長さ：91
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06203
 配列：
 GATCAAGACT TGGAAACCGCA GAAAACGAAA TCCCATAGTA GCACAAAGCT TGGCTGTTCA 60
 GTGAATAACA TTTAAATAAT CGTAAATAA A 91

配列番号： 5270
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06204
 配列：
 GATCTTGCAG CTTTATTGA GTATTGTTC TTTTGTGTAG TTTCCATCTT TTTAAATATT 60
 TAAATATTT TCAAGATAAA GTATTATCTT CTCTGCAAAA 100

配列番号： 5271
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06205
 配列：
 GATCAAGTGA ACCATCCCTA GTCTTCCCTC AATAAATAAC TTTTAACTCC AAA 53

【1046】

【配列表956】

配列番号: 5272
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06206
 配列:
 GATCANAGTG AACCTCAGT TTGTACAAA GAGTATGGG TCACAAGAG ATGATTCAGG 60
 AAACAAACCA TCCAGTTATT CTTGAACTA ACATCCATCC 100

配列番号: 5273
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06207
 配列:
 GATCGAATAC GTGGATGNGA CGGGCCGGAA ACTCACACCC AAGGAGGCTT TCCGGCAGCT 60
 GTCGCACCGN TTCCATGGCA AGGGCTCAGG CAAGATGAAG 100

配列番号: 5274
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06208
 配列:
 GATCAAAAAG GGGTTGATTA CAAGGGCAGG AAGGAATTGT TAGTGTGATT CTACAGTTCT 60
 GCATCTTGNT TATGGTATGA CTGTGCGTTT GTCAAACCTT 100

配列番号: 5275
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06209
 配列:
 GATCAGTTTA TGTCTAATAT TCTAGTGCTT TAATGACTCT TTTTTCITT GGAGGGAGGG 60
 TAACATTATT TGGACAGATG CAGAAGGAAC TGTTAGTGAG 100

配列番号: 5276
 配列の長さ: 82
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06210
 配列:
 GATCTGTCTA GTTCCCATTC TCTGTTCAAC CTCAGTGNTT CAAAAGTTCC TAATAAATAA 60
 ACTCATTTGA GTTGAACCTA AA 82

配列番号: 5277
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06211
 配列:
 GATCAAGAAA GAAGCTATCT GGGANCANTG TAGCANTTAC GTCAGACCAG GACACTTCCT 60
 GTTTACAGGA GACTATAAAA CCTTTGTCCT ATCATCACTT 100

【1047】

【配列表 957】

配列番号： 5278

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06213

配列：

GATCAGAAGC ACCTCTTCTT TTATAGAAGT TGATGGATGG TTCATTCCAT TCTGCTACCA 60
AGAAGTGCAT GCTGCTGCAG CGACACCTCA TTGCAACCTA 100

配列番号： 5279

配列の長さ：87

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06215

配列：

GATCTTTAAA ATNAAGTGTA CGCTTATAAT ACAAGTAATG CTTGTGTATT TCTCACTTTA 60
GGAAATAAAA TATTTGCCAA TTTGAAA 87

配列番号： 5280

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06216

配列：

GATCCTCCCA TCTCAGCCTC TCGAGTAGCT NGGACCACAG TTGTGTGCCA CCACACTTGG 60
GCTAACTTTT TAATTTNTTT GCGGAGACGG TATTGCTATG 100

配列番号： 5281

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06217

配列：

GATCTTCTTC AGAAGCTTCA AGTCTCANCT GCATTAAAGC TCTCCATTGA ACCCGNTCAC 60
AAAAGTACAA GCTTAAAGGG GCTAAAATCC ATTAATACAT 100

配列番号： 5282

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06218

配列：

GATCCCGTGN ACCGAGTACA CGACCCAGGT ATGTACCAAG TAGGCACCCT TGGGCGCACC 60
CACTGGGGCC AAGGGTCGGG GGAGTGTTGG GAGCCTCCTN 100

【1048】

【配列表 958】

配列番号: 5283
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06219
 配列:
 GATCAGCCAC TTGCTGACCC TGGTTCTTAA GGACACATGA CATTAGTCCA ATCTTTCAAA 60
 ATCTTGTCTT AGGGCTTGTG AGGAATCAGA ACTAATCCAG 100

配列番号: 5284
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06220
 配列:
 GATCANAACC AGTTTGTAGA TTTCTTTGTT CCTTCTCCAT TCCCACTGCT TCACTTGCCT 60
 AGTCTTGAAG NAAAAAACA AAAAAACAAA AAAACCTTGT 100

配列番号: 5285
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06221
 配列:
 GATCACATAA CTAGGAAGTG GCAGAACTGA TTCTCCAGCC CTGCTAGCAT TTGCTCAGAG 60
 CCTACGCTTG GTCCAGAACA TCAAATCCA AACCTGGGG 100

配列番号: 5286
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06222
 配列:
 GATCGTAAAC CATCTCCNN TAAAGGTTTA TTTGAAGATN CTGTTAAAGT ACAGAATTTT 60
 GTGTACAGGT AGATTTTTC GTCCCTCATT AATAGTGCCT 100

配列番号: 5287
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06224
 配列:
 GATCAAAATG TTCTGGAATT AGATGTGATG TTTGCACAAC TCTGTGAATG TACTAAGAAC 60
 CACTGAATTG TATATTTTAA AAGCATGCTA TGTGAATAAT 100

配列番号: 5288
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06225
 配列:
 GATCTTCAAG CATAGNNTTG CATATTTTAA CATCTGAAAT CAGAAAGTGT CTTNCTGGG 60
 AGTNTGGTTT TAGAAACATG AAATAGTACT GTATGTTAAA 100

【1049】

【配列表 959】

配列番号： 5289

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06226

配列：

GATCTTTGAG CGGGACCTGA AGAAGAAGGG GCGCGAGCCG GTGCCACTGG AGTTTATCCC 60
 AGCCCAGGGC CTGCTGGGAC GGCCGGGTGA ACTCTGTGCC 100

配列番号： 5290

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06227

配列：

GATCCCTGGT CTTCACTG TAGCAGCCAA AAGGAACAAG CTGAAANTGG ATACCTAATG 60
 TAAGTGGAGT CTCTAAGTG TTTCTGGAA GAAGTCGGGT 100

配列番号： 5291

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06228

配列：

GATCAAAGTT CAAATTAATT TTAAGTTC TAATNACTC ATCACCAGGA CAGTTGGAGG 60
 GGGTAGGCCG AGGTTAAATG GTCCACGTTT CAAAAATGTT 100

配列番号： 5292

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06229

配列：

GATCTCATTG TCACCTCAGA AACCATTTC AACCAGATT ATNATAGTAA TTTGCACCAG 60
 ACTTTCCTTA GACTGTTAAG TAAAAATGGA CGTGTACTTT 100

配列番号： 5293

配列の長さ：51

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06230

配列：

GATCATATAC AGTTCCTTT TAAAAAGCA ATAAATNCTT GGAATTAGAA A 51

配列番号： 5294

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06232

配列：

GATCAAGAAT GTTTCCTAAA GTTNTGAATA GAGTGTGACA ATGTATCCAA GANTTGTGAA 60
 GCAATGATTG TTTACAATAC AATAAAGTTT AATTATTTAC 100

【1050】

【配列表960】

配列番号： 5295

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06233

配列：

GATCTCACAG ATGNTTGGAA TTTCAAAAAG CCAAACCTCAC AGAAGCAGAG TAGGATGGTG 60
GTTGCCAGGG CCTGGGACGT GGGGGAAATA GGGAGATGTT 100

配列番号： 5296

配列の長さ：87

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06234

配列：

GATCTGTCAC TTACTTCTGT GTGACCTTTG AAAGGCTACT TATTTCTCT CTTAGCTTTC 60
TCATTAAAAT CAATGAACAA TGCCAAA 87

配列番号： 5297

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06235

配列：

GATCTCAGGC TGAGCAAAAT NAAACCTTGA TGTACGGGC TAAATCAAGA GCAGCTTAAT 60
CCTGTTTACA ATGTGAGCTT TTTGTGCGTC TGTGAAATGT 100

配列番号： 5298

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06236

配列：

GATCACAAGC GTATCCATNG TGAGGTTCGG TGGATGGAAG CTNATGGATN TNCCTTCCTG 60
ATGTTTCTCT GCCACCTTGC TATTNAATGC ATCCTGTTTA 100

配列番号： 5299

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06237

配列：

GATCGAAATT GCGGGCTATG GCGCCGAAGT TTTTCGTNAG TACTGGGATA TCCCCGATGG 60
CACCGATTGC NACCGCAAAG CCTACAGCAC CACCAGTATT 100

【1051】

【配列表 9 6 1】

配列番号： 5300

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06238

配列：

GATCTGTGTG AAGAATGGTA ATNACGTAGT TNAAGGAAA ATGTACTGTT GTGTGTTTCA 60
TTTGTGTNAT TTCGTACCAA AAAAATGTGT TTGANCTATA 100

配列番号： 5301

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06240

配列：

GATCAGGCTT TGAAGGCTGG ATTCTATCTA CATAAGTCCN TTCAATTCCA CCATGGGNCA 60
GAGCAGCTCC ACCACGTGTG CACTTAGCCA TNGNTGGCAA 100

配列番号： 5302

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06241

配列：

GATCATTTAG GAAAAATAAT TCTATTTTTA GCTTTTCATT TCTCAGCTGT CCTTNTTCT 60
NNTTGTATT TTGACAGCAA TGGAGAATGG GNTATATAAA 100

配列番号： 5303

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06243

配列：

GATCAAGAGT TGTGATGCTA GGGAGACTAT TCTGCCTAAA ATTCTGGGN ACTATTTTGT 60
GTTTAAGNAT ACTATGTATA TTTAAAGGGT ACATATTTGA 100

配列番号： 5304

配列の長さ：60

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06244

配列：

GATCTTAAAA GTGTTATTTT TGCTTTTATT TTTTAAAAA GGNGAGGNT TATTGGCAAA 60

配列番号： 5305

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06245

配列：

GATCGGAATG CGGGGTCGAG AGCTNATGTG GCGGCATTGG GAAAACCATG AGTGCAGGAG 60
TAGCCGGCAC CTTTGGCACA TTCATGCCCA TTGGGATGGG 100

【1 0 5 2】

【配列表962】

配列番号：5306
 配列の長さ：76
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06246
 配列：
 GATCTGCAGA TAGTTCTTTT TCAAAATATT GTTTAGACAA AATAAATTC TTAAATATA 60
 ATATCTCTAC TTCAA 76

配列番号：5307
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06247
 配列：
 GATCCTCTN NTCGCAGCTT AGGAACAGCA GACGTGCACT TTGAGCGGAA GGCAGATGCC 60
 CTGAAGGCCA TGAAGCAGTA CAACGGCGTC CCTCTNGATG 100

配列番号：5308
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06248
 配列：
 GATCAATACC AAAAGACACT TGGAACTCTT TTTTAGACTT CAGTACGATG ATTGCAGATG 60
 ACATGTCTAA TTATGATGAA GAAGGAGCAT GGCCTGTNCT 100

配列番号：5309
 配列の長さ：83
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06249
 配列：
 GATCTGCAAA CAATGAAGAA TTATGTAATA TATTGTACAA ATGTAAGCAA AGGCTCTGAA 60
 ATAAATGCC ATAGTTTGTG AAA 83

配列番号：5310
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06250
 配列：
 GATCTTAAAT ATCTTGCAGC CTTAAATCAC TACAAACATT TGCATTNTTA TTATGCCAGT 60
 TATTTCCAAA ANGATTGTN ATACATGTCA CTTATGTTTT 100

配列番号：5311
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06251
 配列：
 GATCTGAAGA GCTTTGCAGC TCTNTTAAAT AGGTTGCTGN ACATGTTCTA AGGTTTTGTA 60
 GAACACGTGT GCCTGTTTAA GTGTATTGAT GTTAATANTA 100

【1053】

【配列表963】

配列番号： 5312

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06252

配列：

GATCAACGNC TCACTGAAAC ATGGCTGTGT TTGCAGCCTG CTCTAGTGGG ACAGCCCAGA 60
GCCTGGCTGC CCATCATGTG GCCCCACCCA ATCAAGGGAA 100

配列番号： 5313

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06253

配列：

GATCTAAGCC ACAGNGGGGA CTGGAGCCTC GTTTTCCCC TAGGCAGACC TAAATCAAGC 60
AGCTTACCAC AATAGTGCAT GCTGAGTAGA TTAGTTCCAA 100

配列番号： 5314

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06254

配列：

GATCTGAGGA ACAAATGAT GTCATTTAAT CGGAATCTAA ATGTGACACA AACACGTGC 60
CAGCAATACC TGCTTGTGAA ATAATGTTCT GAGCCCACAG 100

配列番号： 5315

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06255

配列：

GATCATAAGT ATAAATGTCC TCGTTTAATC TTTCCATATT GAGGACAGCC TCTGCATATA 60
AAAATGTTCA TTGGGAGAAA AATTATTTT AAAACTAAAT 100

配列番号： 5316

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06256

配列：

GATCAACAAG AGAAATAAAA AAGCCCAAGA GGAAGTGGA GGGGAAGGAA TTTAAGAACA 60
GCAATAAGTA AACTCTTAA GTAACCTCAA AAAGAAAATG 100

【1054】

【配列表964】

配列番号: 5317
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06257
 配列:
 GATCGGGGAC ATCCTTAGGC TGGTGGCCGG CCGCATCAAG AACACCTTCT GATTGAGCGG 60
 TTGCCATGCG CGGTCTCCGT GGGGCAGGGT TGGGCCGCAT 100

配列番号: 5318
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06258
 配列:
 GATCAGACTA AAAACHATAA CACCATAGGT CAAAANAAGT TGTTCGAGG TTTTITGAA 60
 ACATTAAAGH TCCAAAACAT GACATTTTAA AGAATAAATT 100

配列番号: 5319
 配列の長さ: 71
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06259
 配列:
 GATCTCCCT CTNACCCCTC CCACCCATTA ATNTCTCCC AAAAAACAAG TAAAGTTATT 60
 CTCAATCCAA A 71

配列番号: 5320
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06260
 配列:
 GATCTGTTGT AATATATGGT GGATATTTTC CTTTAATTTT AAACATAACC TCTGAAATNT 60
 GTATCTNTCC THTTTNATCT TACCATTANT TTAAATCTA 100

配列番号: 5321
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06261
 配列:
 GATCAGACAG CTCAAAGGTC CCCGTNTTCA CTGTTACCCA GAGGCTGTTG TNACTACCCA 60
 CTTNATTCCC CACCGCTGCC AGTGCCACTG CCAACCCTGT 100

配列番号: 5322
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06262
 配列:
 GATCACCTNA TTTTITNAAC AAAATATTTN TAACAGGAAT GGGTGGCAGT NCTGGTGAAA 60
 AGAGGTGAAA TGTGGTTGTA TGAGCCAATC ATATTGTAA 100

【1055】

【配列表965】

配列番号：5323

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06264

配列：

GATCAACAAA GAGGACTTTG TGGCACTGGA GAGGCTTACC CAGGGGATGG ACATTTCAGTG 60
GATGCATGTT NCTGGTCATT CGGGATTTAT AGGCAATGAA 100

配列番号：5324

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06267

配列：

GATCANCTAC AGGAAAAGTA AATGTGAACG CAAGCAGAAT GAAACACAGT AAAAGCCGGT 60
CTAGCCTGCC TGGCCACACT CTCAGCGCCT TGTGAGGATG 100

配列番号：5325

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06268

配列：

GATCATCACT AGCAGATGTC AGTTGCACAT TGAGTCCTTT ATGAAATTCA TAAATAAAGA 60
ATTGTTCTTT CTTTGTGGTT TTAATAAGAG TTCAAGAATT 100

配列番号：5326

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06269

配列：

GATCAAAAAAT AAGATTACAG TAAAAATATT NCTATATTCA GATGGTTTAG AGACCAGGCT 60
GTAGAATCAG ACAGCCCTGA AATTGTATCA CACANGGCTG 100

配列番号：5327

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06270

配列：

GATCTAAAGT GCAGCAGAGT GGCTGNTGCT GCAAGTNATG TCTAAGGCTA GGAACATCA 60
GGTGTCTATA ATTGTAGCAC ATGGAGAAAG CAANTGTAAA 100

【1056】

【配列表966】

配列番号: 5328
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06271
 配列:
 GATCGTGAAA GAGGCTTACC CAGACCACAC ACANGTTTGA GAAAAACAAT CCCCATTATN 60
 ACCCATCTAG CAAAGAGGAC AACCCTAAGT GGTCCATGNG 100

配列番号: 5329
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06272
 配列:
 GATCAGGCTG AAAGAATACC TTGCAGACAC TTAATCTCTG CGGCAAATGC ATGAAAGTAG 60
 AAGGATGAAG CCAACTTTCC AAAAAGTTTT ATGAAATTAC 100

配列番号: 5330
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06273
 配列:
 GATCCCGGGG ACATGATGCG GGAAATCCGC AAAGTNTTGG ACGCCAATAA CTGCGACTAT 60
 GAGCAGAGNG AGCGCTTCTN GCTCTNCTGC GTCCACGGAG 100

配列番号: 5331
 配列の長さ: 97
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06274
 配列:
 GATCAATGTG GGCACCTAAA AGGGTATGTT AAAATCACCA TTTCTCAGGT CAAAATACTG 60
 TGAATAAGTC TTCAATAGAA TCACTANTGG TTNNAAA 97

配列番号: 5332
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06275
 配列:
 GATCATATNT ACATGTATGA CCTTAACATG GAAAAATGTT AGGAAGCAAA TGTTTGTAA 60
 TTTGTAAGTN CTTATAACAT GGTGTATCTN TTTCTTATG 100

配列番号: 5333
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06276
 配列:
 GATCNCAGCT CACTGCAACC TCCANCTCCT GGTTTCAAGT GANTCTCCTG CCTCAGCCTC 60
 CCGAGTAGCT GNGATTACAG GTTCCTTCCA CCACACCAGG 100

【1057】

【配列表 9 6 7】

配列番号： 5334

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06277

配列：

GATCTTTCTG GGAGCTGCCG CGGACAGAGT GGGGAGCTCC TAGTTTNTGG GGGGAAGCTT 60
TGATATCCAT GCCACGTCCA TCCACCCAC CCCTNTTCGT 100

配列番号： 5335

配列の長さ：93

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06278

配列：

GATCATTGA ACCTAGGAGT TAGAGGCTGC AGTGAGCTAG AATTGCACCA CTGNATTGCA 60
CCTTGGACAA CAGAGTAAGA CTCCGTCACC AAA 93

配列番号： 5336

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06279

配列：

GATCAGGAGG CCACCCCTT CTGTGGCACT TCTGAGATGA CAACTTGTTT CACAGTTGGA 60
TGGGGGTGGG GAAGGAAAGA GCGGCCCAT TATTCCAGAA 100

配列番号： 5337

配列の長さ：61

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06280

配列：

GATCTATTGA CTGTAGAGG TTTGGGACAA ACAGGAATAT AAAGATTATG GAATTGGGAA 60
A 61

配列番号： 5338

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06281

配列：

GATCACTGCA AAACCTCAAGG AGGCCCGGGG CAGAGGAAAA AAATTTACCA CCGATGATTC 60
CATTTGTGTG CTGGGAATAA GCAAAAGAAA CGTTATTTTT 100

【1058】

【配列表968】

配列番号: 5339
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS06282
配列:
GATCTTATCT ACTTTCAT CTCCATATT TGTAAAGAT AATATTGCCA GATGTAAAGA 60
AAATGGTTTA TTCTACCTAA AGAGTGGATA AGGAGAGAAN 100

配列番号: 5340
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS06283
配列:
GATCTCTCTC CTCTCTGACC TGGATACGCT TTGGTTTCTC AACTTCTCTA CCCCAGAGAA 60
AAGATTATTC AATAAAGTTT CCTGCCCTTN TGCAACATA 100

配列番号: 5341
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS06284
配列:
GATCTAGATT TGAAAGTAAA TTTAATGAAG ACATTGCCCA TTTTANCTTC CTCATTCAAT 60
ATTGTACCAG CATCATAGCT TTATNACTCT AATCCCAGGT 100

配列番号: 5342
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS06286
配列:
GATCAGCCTG GGCAACATGG TGAGACCCTG TCTCTACAGA AAAGACCTGA AAATTTTAAA 60
AAAAAGTATA AAGCCAAGCT GTTACCCAGC CACCTTGCTC 100

配列番号: 5343
配列の長さ: 100
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS06288
配列:
GATCTGGACT ATCCACGTGC TTGAAACTT TTCCCTCAG CCTCCAGCCC TGGAGGCTTT 60
TGCTGGGATG AATGTTTTTA TAGGGTTTTT GTTGTAACAT 100

配列番号: 5344
配列の長さ: 71
配列の型: 核酸
トポロジー: 直鎖状
クローン名: HUMGS06289
配列:
GATCTNGGAC TACNACTGGA CTACTAGCCT CCAGAACTAT NAAATAATAC ATTTCTAATG 60
TCTAAGCCAA A 71

【1059】

【配列表 969】

配列番号: 5345

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06290

配列:

GATCNNNTTT THTGGGGAAT CTCCCTTATA AAGTTNAAGA ATCTCCCATT AAGAAGCACT 60
 TTCTGGACTG TGAAGTATC ATGGCCGTAA GGCTTGTAAG 100

配列番号: 5346

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06291

配列:

GATCTCTGCT GTGCAGGTGC TAAGATTAAA CACTAAAAAG AAAGAGAGAT ATATGTAATG 60
 TACAACTGAC ACTGCCATT TNCCTTTTGG GAGGAAATGG 100

配列番号: 5347

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06292

配列:

GATCTTCTGC CAAGTAATTT TTTTGCACAA TTTTCCTGTN CCAAANTTTA CTCAGTTAAA 60
 AGTAAANAA TNCTTTACAC GTTTTAGGTT TTAGGACATT 100

配列番号: 5348

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06293

配列:

GATCATCTTA CGATATCAAG CTGAAAATTT CACCACTACC TGGACAGTTN CACATGTTTT 60
 ACTGGGAATA TTTTTTCTTT NTTTTNTGTA TGCTCTGTGC 100

配列番号: 5349

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06294

配列:

GATCATATTC ATTATGAAAG GTCAAGCAAA GACAGCAGAN TACCAATCAC TTCATCATTT 60
 AGGAAGTATG GGAACAACT TANGGAAATC CAGAAAGANG 100

配列番号: 5350

配列の長さ: 56

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06295

配列:

GATCAAGTAT AATGTTAGCT GCAGGTTTTT AATAAATACC TTAATTCAGT TTGAAA 56

【1060】

【配列表970】

配列番号：5351
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06296

配列：
GATCCTGAAC ATGTGCTGAT TTNAATTGTG CTATATAGTA TATAAANTAA AATANTTTTG 60
GTATTTCTGC AACGTGACCT GATAATNAAT CATTTCATCC 100

配列番号：5352
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06297

配列：
GATCATTGGT TCCANNCACA GGTNTAGTAA TNNTGGGTAC TTTAAGGTTT GGAGCACTTA 60
CAAGGCTGTG GTAGAATCAT ACCCCATGGA TACCACATAT 100

配列番号：5353
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06299

配列：
GATCTCAAGT TGTATAAAAC CAATAAATTT GTGTTACTGC AGTAGTAATC TTATGCACAC 60
GGTGATTTC TGTATATAT GCAAAGTAGG CAACNTTTT 100

配列番号：5354
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06300

配列：
GATCAAGNCG CATAGCCTTT ATTCAGGGGG CCTATAAACC CTTCCAGTTC TTGCCCCAGG 60
GCTGGCCTGC TAGCGTTCA AATCCCAGG TGTCCCTAAT 100

配列番号：5355
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06301

配列：
GATCAAGNNT ANTGCAGCCN TTCTTTTCCT ATTTCTTTT TTNAAGGGTT AGTATTAACA 60
AATGGCAATA AGTAGAAAAG TTAACATGAA GATTTTAGAA 100

【1061】

【配列表 971】

配列番号： 5356

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06302

配列：

GATCGAACAT NACGTGGTGA TGAAAGCCAN CAGCAGCCTA CCCAAGAAGC TGGCACTGCT 60
GAAGGCCCCA GCCAAGAAGA AAGGGGCAGC TGCCGCCACC 100

配列番号： 5357

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06303

配列：

GATCAGGATG AGATTTAATG CCCATATCTT ACCAGTTCAG TAATCTCCAG AGCCATTTC 60
CCCTTTAGAG TGAGTCACAT GCAGGGAGTG TGAATGTCAG 100

配列番号： 5358

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06304

配列：

GATCCAAGGC CACAAGTAAG GCTATGGCTC TAATTCTAGA AGACAACCTT CCAAGATGCC 60
TGGCAAAACC ACCTCCCTGT GCCACACAGA CACACTAGGC 100

配列番号： 5359

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06305

配列：

GATCCTCTGA AAAGGCCCAG AAAAATAGCT CAGTTCAAAT ACAATGTTCT AGGACAATTG 60
GAATATAAAT ATTGTCCAAA AATATAATTA AAAGAAAAAA 100

配列番号： 5360

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06306

配列：

GATCGTAGTG TTTTAAATA AACACAGTCC AGACTCAAAC GGAGGAAGCC CACATATTCT 60
ATTATAGATA TATAANTANT CACACACACA CTGCTGTCA 100

配列番号： 5361

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06307

配列：

GATCAACTGA GGAAACTCCA GGCCATGGTG ATTGANATAT CAAACAAAAC CAGCAGCAGC 60
AGCACCTGCA TCTTGGTCTT ACTAGTCTCC TTCTGCCTCC 100

【1062】

【配列表 972】

配列番号: 5362

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06308

配列:

GATCTGCCTC CTGGGAAGGG AAGGGGCCAA TGTGAGCCTC CAGGTGATTT CTTTAATCTG 60
ACATTACAAA GAGACCAACA GACTGCCAAT TCTACCACAT 100

配列番号: 5363

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06309

配列:

GATCCTCAAA CAGTCGGACC AGATGACAGC CAAACTCTGC TAACCCGGGA CTCCTTGCCA 60
TGGACTTTTC CTGTTGTTGT ACACACACAA CAGAACAAAA 100

配列番号: 5364

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06310

配列:

GATCTTAAAA TTCATCTAGA TTTCAAGCAT TCAGCTGACT TGCCTCATAA ATGTAGTGAC 60
TGCTTGATGA GGT TTGGAAA TGAAGGGAA TTAATAAGTC 100

配列番号: 5365

配列の長さ: 99

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06311

配列:

GATCTTATTG GCTGATGGTG TTGTTGAATT CTATATCCTG TTGATTTGCT GTCTAGTTGT 60
TCTATCAATT ATTAAAAGAG GAATGTTAAT GTTTCCTAAA 99

配列番号: 5366

配列の長さ: 81

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06313

配列:

GATCAAAATAC TTAAAGGAA AAAATGTTGG ATTTATAAAT NCTATTTTTT ATTTTACTTT 60
TATAATAAAA GGAAAAGCAA A 81

【1063】

【配列表 973】

配列番号： 5367
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジ： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06314
 配列：
 GATCTGAAGG CCGTTCCAAG CGAGGGTGCT TCTGAGGACA CTGAGAAGAG TTTTGCCATT 60
 CTGAAGAGGC GAGCCTGTGG AACTNTTTAA GGTCCTGTTC 100

配列番号： 5368
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジ： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06315
 配列：
 GATCACTCTC CCTGACATCC ACCTGTATGA CTTTGTACCC AAATNCTGTC TTCTCTTTCT 60
 CCAATCAAGA AATAATAATC CCTCGAGTTT ACAAACAAA 100

配列番号： 5369
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジ： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06316
 配列：
 GATCTCANCT TCATGCCAGG CCTTGGGTTT GACAAACATG GCAACCGACT GGGGAGGGGC 60
 AAGGNCTACT ATNATGCCTA TCTGAAGCNC TGTTCGAGC 100

配列番号： 5370
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジ： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06317
 配列：
 GATCAAGAAG TTTGTGTACA CATAATCTCA TTTTACAGTA TATAACTATT TTTNTCTTTC 60
 AGAAGTGAAT CAAAATATTT CAAAATGCTG TCTTATGAAA 100

配列番号： 5371
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジ： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06318
 配列：
 GATCACTACC TTTTNTNNTC TTATCTGCTG CCATGTNAGA TGTGGCTTTN ACCTTCCGCC 60
 ATNATTGTAA GGCCTTCCCA GCCACGTGGA ACTGTAAGTC 100

配列番号： 5372
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジ： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06319
 配列：
 GATCTTACAG ACTGTATCAG TCTAATTTTT AAATTTTAAG TTATTTTGTG CAGCTTTGTA 60
 AATTCTTAAC ATTTTATAT TGCCATGTTT ATTTTCTTTC 100

【1064】

【配列表974】

配列番号： 5373

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06320

配列：

GATCTAATTT CCTNTTCAC ACAAACTTTA CACTTTAATC TGATGATTGG ATATTTAATT 60
NNAGTGAACA TCATCTTGT AGCTAACTTT AAAAANTGGA 100

配列番号： 5374

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06321

配列：

GATCTGTGCC ACTTGTGTCA GAGAAGAAGA AACACGTAGN GCAAGTTGTA AAATAATTGG 60
TATTCCTAAC AATCCTGATG TATAATTNTT TGTTACTTTT 100

配列番号： 5375

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06322

配列：

GATCTCTTCG ACTCCTACGA CCTTGGGGAC CTGTTGATTA ATTGAGTGGC CCTGCCTGCC 60
CCCAGCAGCC TGCCCCCGAC TCTACCTCCT CACAGACAGG 100

配列番号： 5376

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06323

配列：

GATCTGGAGC CAGCTGGCTT TGCTCCGTTT CCTGGCTAGT CTGTGCCTGG TCACCAGGGA 60
GGCTGAGTGA GGGGCTGTGA ACAGTTGCCG GAAGCACCCC 100

配列番号： 5377

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06324

配列：

GATCACAGCT CCAGGACCAG TGCAGGCTGG CTGCCCTCTT TTGGCCGCGT CTGGAATAAT 60
GGACGCCGCT GGCAGTCCAG ACATCAATTC AAAACTGAAG 100

【1065】

【配列表 975】

配列番号: 5378
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06325
 配列:
 GATCTTTNAT TTACCTGTAC AGGAGTGTAA ACTTTTTNGT GNTTTTATTT TTCAATTGIG 60
 AGAACCCTG ATTGGTATGT TCAACAAATT TGTGTATACA 100

配列番号: 5379
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06326
 配列:
 GATCAGTGAT ATTTGATGTT AGTGTGTAC TATAGGGTGC CAATAACTCT GCCTATACAA 60
 GATGGTGTAC TTAATCAATA AACGTGTATT CTGACTGCCT 100

配列番号: 5380
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06327
 配列:
 GATCCTTCCG TCTCAGCTCC CCAACCCAG TAGCTGGGAC TACAGTTGCA CATCATCATG 60
 CCTGGCTAAT TTTTNNATTT TTGTAGAGGT AGGTTTCACT 100

配列番号: 5381
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06328
 配列:
 GATCAACGCC TCACTGAAAC ATGGCTGTGT TTGCAGCCTG CTCTAGTGGG ACAGCCCAGA 60
 GCCTGGCTGC CCATCATNTG GCCCCACCCA ATCAAGGGAA 100

配列番号: 5382
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06329
 配列:
 GATCAACAGA GTGAGACCCC TGTCTATATA TTNNTTAAAT TTAAAAAATA AAAGANTAAA 60
 ATTGTGTAGC TCAGTATAGT ATCAAGATTA ATCTGCCTAC 100

配列番号: 5383
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06330
 配列:
 GATCCAGCCA TNACTAACCT ATNCCNNTTT TGGGGAAATC TGAGCCTAGC TCAGAAAAAC 60
 ATAAAGCACC TTGAAAAAGA CTTGGCAGCT TCCNGATAAA 100

【1066】

【配列表976】

配列番号： 5384

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06331

配列：

GATCAAAACC CAGCAGAGTG CAAGCAGCAG TGAAGCAGGA TGTATGTGGC CTTGAGGATA 60
ACCTNCACTG TAATAGCCTA AACACANCTC TAATTTACTT 100

配列番号： 5385

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06332

配列：

GATCCCTGAA GTTGCCCTGG TCTCTGCACC TTCTAAACCT AGTTCTTAAG AGCTTTCCAT 60
TACATGAGCT GTCTCAAAGC CCTCCAATAA ATTCTCAGT 100

配列番号： 5386

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06333

配列：

GATCTGTCAC TGTCTCCCGT CACCCNCAGA TGGGGCTGTC TAGTTGCAGG AAAACAAGCT 60
CAGGGCTCCC ACTGAGTCTC TGTGATNGTG AGTTGTAGAA 100

配列番号： 5387

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06334

配列：

GATCTCTTTC CCTGTCTTGG AGGTGAAAAG TNATATCTAA GGNTNTGTTT GCAGTGACCC 60
CTAGTTTGGC GTACACAGAC CAGTGTTTCT NATTGACAGT 100

配列番号： 5388

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06335

配列：

GATCTCTNCG ANTNAATTC AATCTAGGGA AAAATGGCAG AGAAGTAAAT GGATGTNCTG 60
GTGTCAATAG ATATGAAAGT GTTGGTTGGC GACTTGCAAA 100

【1067】

【配列表 977】

配列番号： 5389

配列の長さ： 67

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06337

配列：

GATCGAGAAT NACNATNTTT TGTAATGGA AATACCACTA CTAAAGACAG AATGCTATAA 60
ATAGAAA 67

配列番号： 5390

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06338

配列：

GATCTTCTGT ACTTCTGTCT TCCATAGGAC AAATNATAAG TACTACATAC CTCATCTCTT 60
GGGTTATNAT TGTAGTCTTG CATTGATGAT TATNAATTTA 100

配列番号： 5391

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06339

配列：

GATCTACATN AGGAAAAGTA TAAGCCCCCT CCCTAATGGC CGCTGGGNGG TGAGGGCGGT 60
GTGTTGTATG TCTTTGGGTG TTTGTTNNTT NATAAAGCAT 100

配列番号： 5392

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06341

配列：

GATCTNAAAA AGAGAGAAGA AAATAAAAAG TATTATTTAT ATGTCAGTGC CAACTTTGAA 60
GGTAAACAG TAGTAGTAAC TTTTGGGAGA AATTCTAAAA 100

配列番号： 5393

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06342

配列：

GATCTCACCG TGGGTCCGAT TAGCCTTTNC TCTGCCTTGC TTGCTTGAGC TTCAGCGGAA 60
TTCGAAATGG CTGGCGGTAA GGCTGGAAAG GACTCCGGAA 100

配列番号： 5394

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06343

配列：

GATCTAATTA CTTATAGATT CTGTAGTCTN GNGAAGGNGT GGGTGACGTG ATGAGAGGTT 60
TGAGAAATGG GTGAAATGAA ATGGGGGGAT ATCTAGGTCA 100

【1068】

【配列表978】

配列番号：5395

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06344

配列：

GATCAGCTTA AGGNTTTAGC GCTGGTGGAT AGACACTCGA GACCAGAAAT CATATTTTIN 60
CTGAAAGTAG ATGATTTACC TGAGGATAAT CAGGAACGTT 100

配列番号：5396

配列の長さ：83

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06345

配列：

GATCGCGGTA TATAGAGATA TGCATTTTAT TTTACTTGTG TAAAAATATC GGACGACGTG 60
GAATAAGAG CTCTTTTCTT AAA 83

配列番号：5397

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06346

配列：

GATCTCCTTA GGTGATGCAC AGTCCAATA CCTGCTAACC ACCGCCGAGA ACGAGCTGGG 60
AGTGGTGGTA GCCCACAGTG AGTCAGGTAT CCAGATGGTT 100

配列番号：5398

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06347

配列：

GATCAGAGAA TCACAAGAGC AGCAAATGTG GTTTCATCAA GTGGGAAGAA AGCAGCAATT 60
TAAAAATANCT TTTTGGNGA CTGANTTGAG TAATAATAAA 100

配列番号：5399

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06348

配列：

GATCTAGACG CCCCCAAATC CTTGAGATGT GGGTATAGCT CAGGGTAAGC TGCTCTGAGG 60
TAAAGGTCCA TGAACCCTGC CCCACTCCTG TCAGCCCCTC 100

【1069】

【配列表 979】

配列番号： 5400

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06350

配列：

GATCAGCAAA TTGTTATTT AAAAAGTTT CTTGTTTAGG CAATTTGGTA AGTGGTTTCT 60
AGTTATAAAC TAGCCACTGT TGATTAACCT GAGAAGGTGA 100

配列番号： 5401

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06351

配列：

GATCTGAAGT NCTTCCATTA TATCTATATC TGTATATGNA CATATATGIG GGTGTGTATA 60
TATATGNGTG TATGTATATA TATACAATTN CCTGAGAACT 100

配列番号： 5402

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06352

配列：

GATCTCAGTT CACTGCAACC CCTGCCTCCC AGGTTCAAGT GATTCTCCTA CCTCAGCCTC 60
CCGAGTAGCA GGGATTATAG GTACAGGCCA CCACACCCGG 100

配列番号： 5403

配列の長さ：94

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06353

配列：

GATCAAGTTT TGATGAAGAT GTGAAAAACH GTTGGGCAGT ACTACTCAAG CTGAACCCCA 60
TGCATCAGAG AAATTACACT TTTATATNTC CAAA 94

配列番号： 5404

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06354

配列：

GATCTGCCCT NCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTAGAG GCGTGAGCAC CATGCCTGGC 60
CAGGTCTTNC TAACTAAAAA ATAATAATAA TAATAATAA 100

配列番号： 5405

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06355

配列：

GATCAAGAGT ATTNCTNTA GCTAGCTTAA AAAGAAAACA TATATTTAAT GTAAAHNCAC 60
ATACATGGCC AAATGCAATA CTGANGAGAC AATCATCCTG 100

【1070】

【配列表 980】

配列番号: 5406

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06356

配列:

GATCAATGCG CTAGTGCAGG AGCTCGGCTT CTACCGCAAG GCGGCGCCCG ACGCGCAGGT 60
GCCCCCGAG TACGTGTGGG CGCCCGNAAA GCCCCAGAGG 100

配列番号: 5407

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06357

配列:

GATCAGCCAA ATTGGGCGGC CACCCCGNC TCCACCACTT TCCACCATCA GCTGCCAAAC 60
TGGTCCCTCT GTCTCCCTGG GGCCTTGGGT TCTGTTTGGG 100

配列番号: 5408

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06358

配列:

GATCAAAAAT NTGTGGGTTT ATTTCTGGAG TCTCTGTTCT ATTGGTCTAT ATGTCCGTCT 60
TCATGCTGGT ACTATGCTGT TTTATTTACT GTAGCTTTGT 100

配列番号: 5409

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06359

配列:

GATCAAATCA GAGTAATTTG GATATTCATC ACCTCGAATA TTTATCTTTC CTTTGTGTTG 60
GGAACATTAT AATTTTCCTC TGCTAGCTAT TTTAGAATAT 100

配列番号: 5410

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06360

配列:

GATCAAAGCC AGCCACCCCG ACCCAACAC ACTCGGTGTC CCTTTCATCC TGGGCCTNTG 60
TGAATCCCAG CCTNGGCCAT ANCTCAACC TCAGTGGGCT 100

【1071】

【配列表 981】

配列番号： 5411

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06361

配列：

GATCTTCTCA GNGANGNCGC TTNGGTCGCA GTTTTAGGGG GTTCTCGGTT TGCAGGAACC 60
CTGGGTGCAG GTTCGCAGCC CTGTCAACCA GCTCCGAGCC 100

配列番号： 5412

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06362

配列：

GATCTTCTCA CCCTCGGTGA NAACAGTGTC AGCCATGCAA GCAGGACAGA ATGGTGACTG 60
GGTGGCCTTG GTGAGCTGTG TATTCCTAG NAGGTAGAAA 100

配列番号： 5413

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06363

配列：

GATCTTAAAT NACCTATTTT TAATGTGATT CATACACGTT TTTNACTTAG TGGTTTAAAA 60
TATGAAAGTA TATAAACACA TTACCAAACA CTTTGGGGTA 100

配列番号： 5414

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06364

配列：

GATCACAAGT AGAGAACTTG TTTCTTTTCA CCCCTCTTGC TCCTCCCCGG AGTTATGAAA 60
AATTTCAAAC CTGCCAAAAG TTTGAAGTTT ACAACAAATA 100

配列番号： 5415

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06365

配列：

GATCTCAATA GTCAGTACT GATGCTCCTG AACCTATGT GTCCATTNT GCACACACGT 60
ATACCTCGGC ATGGCCGCGT CACTGCTCTG ATTATGTGCC 100

配列番号： 5416

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06366

配列：

GATCCAGCC ATAAAGTACC TGGGATGAAA GAAGTTTTTT CCAGTTTGTG AGTGTCTGTN 60
AGAATTACTT ATTTCTTNC TATATTCTCA TAGCACGTGT 100

【1072】

【配列表 982】

配列番号: 5417

配列の長さ: 91

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06367

配列:

GATCTTNACT CTTGTTTCCT TTGTCCTTTT NTTGAGACAG AGTTGTACCT GCAGCAGACA 60
ACTCTGAATT AAAGCATGAA AACACAGCAA A 91

配列番号: 5418

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06368

配列:

GATCGGCCAG CCCCCACCTA CAGCAACATN GAGGAGGTGG ATTAGCAGGT CCCTGGCTGA 60
TGGGGGGGAC TGGNTTTGGG ACACCCACAC AGAGGGCCAG 100

配列番号: 5419

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06369

配列:

GATCTCTCCC CACACAGAGG CCAGCAGACC TCTTCCTGAG GAATTCTGTT TAAAGGAGGA 60
CGAGGAGGAG GTTGGTGACA GTCAGGCCTG GGAGGAGCCC 100

配列番号: 5420

配列の長さ: 67

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06370

配列:

GATCTCTTGT NATGGGGCCA ATAAGTCAAT TGAATTCATG GGCCAAACAG TTCCCATTCT 60
CTTCAAA 67

配列番号: 5421

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06371

配列:

GATCCTNATN ACGNAGCTGA TGCCTGCCCTT GGTNCCTACC ACTCTGGTGT AGACAGAGGA 60
CTTTNTCCAA GTGTCACACT AAACATGCCC GGGCTTCGAT 100

【1073】

【配列表 983】

配列番号: 5422

配列の長さ: 87

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06372

配列:

GATCAAAAAA TATATGAAAG TTCCTTGTAG ATACATATCT ATAGATATAT ATGTTATATG 60
ATATAAAGAT AGATATATAC ATTGAAA 87

配列番号: 5423

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06373

配列:

GATCTTTTAA TATTCTTCTA CCACACCTGG AAACAGACCA ATAGACATNT TGGGGTTTTG 60
TAATGGGAAT NTATATAAG CATTACTCTT TTTNAATAAA 100

配列番号: 5424

配列の長さ: 51

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06374

配列:

GATCAGGTGG AAATGTTTAA GCTAAATAAA TCTAGGGGTT NTTTNAACAA A 51

配列番号: 5425

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06376

配列:

GATCTGAAGA AACAAAGCAG TGTNACGCA AGCCACTCAG ACAAGCCCAG GGGTTCCTTG 60
GCCTTCTCAG TCAGCTAACT TTCCTGAGTT CTCCTTTGAC 100

配列番号: 5426

配列の長さ: 76

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06377

配列:

GATCTAGATA TTTTCCTCTT TTTCTGAAGN TACTTTCTTA AAAAATAAAT AAAATGTTTA 60
TAGCATTCTT NGTAAA 76

配列番号: 5427

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06378

配列:

GATCAATTCT CCTTTGCCAG GNGACCACCA ANGGACTGCA GAGCTGNCCG GGCATTCTTG 60
CGTGTTCATG ACCGAGAACT TTNCACACAG AGAGGACTTC 100

【1074】

【配列表 984】

配列番号: 5428
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06379
 配列:
 GATCGACCTG AGCACAGTGG ACCTGAAGAA GCTCCGAGTT AAAGAGCTGA AGAAGATTCT 60
 GGATGACTGG GGGGAGACAT GCAAAGGCTG TGCAGAAAAG 100

配列番号: 5429
 配列の長さ: 88
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06380
 配列:
 GATCTGAAGA AGTGGTTAAG ACCAAGAGTT TATGTACCTT TTTAAACAAA GATTAATAAA 60
 TTTTGAAGA AGTGATGAGA CAAAGAAA 88

配列番号: 5430
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06381
 配列:
 GATCAGAACA TGAACTTTT TTTTAAAGA AGATTTGAGC ATTTTNCCTGT AATCACATCA 60
 AAATGATCTT TTHTGTGTA AGCGAGATAC ATATTTCTCA 100

配列番号: 5431
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06382
 配列:
 GATCTTATAA AGTACTTGTG TGGAGCTTTG ATTCCACAGA ATAAAAGATA TTTTGTGTGT 60
 AGAAA 65

配列番号: 5432
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06383
 配列:
 GATCTCAGCC CAGGACAAGG TGGGAATNAG TCAAGCCTGG ACTCTGGCCC CCCTGCCTGG 60
 CCAGTAAGAA GGGCAAAGTC CAAGGGGAGG GATGAGGNAG 100

配列番号: 5433
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06384
 配列:
 GATCCTTTTG TAAGGNCCTT CCTGAAGAAG AAAGCTGCCA AATACAGTNT TCAGTTCAAG 60
 TTGCCCCAGC TGTATGGTGT ATTCCAGTTT AAAGTGGATT 100

【1075】

【配列表 985】

配列番号： 5434

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06385

配列：

GATCTACATT CTTCAAAAAA AAAAATTGGC TTAAGTGTTC CAGCTTTAAG TAGCATTATT 60
CTGCCATTNG TATTGGGCTG AAGAAATCAC TATTGTGTAT 100

配列番号： 5435

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06386

配列：

GATCTTTAAC AGCTCCTTTA CTTGCNCTTT GTAAAAAAA ATAAAATTAG NTTGAATTAT 60
TCTACCTTTG TAAA 74

配列番号： 5436

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06387

配列：

GATCCTGCTG GCCGAGCTCG AGCAGCTCAA GGGCCAAGGC AAGTCGCGCC TGGAGCAGCA 60
GAATAAGNTC CTTAAGTTAA AATAAATTAA TTTTTTCAAA 100

配列番号： 5437

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06388

配列：

GATCAGAACG TTAACATATG AACCTGCAGA AATCTGGTAA GACTTAAATT CAGTGTGAGG 60
AATAACTCTA GTTCTCTCCT ATGAGCATTT CCTAAAAGCC 100

配列番号： 5438

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06389

配列：

GATCTGCCCCG TATCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACCG GCATGAGTCA CTGCGCCTGG 60
CCGACAAAGG CTTTGATATC AGAATGAACT GTCAAGGGAG 100

【1076】

【配列表986】

配列番号: 5439
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06390
 配列:
 GATCAGGCTC AGGCGGCCCC ACTCAGCCAC AGCATCCGCC GCCACCCCTT CGGGTGTGAG 60
 CGCTCAATAA AAACAACACA CTATAAAGTG TTTTAAATC 100

配列番号: 5440
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06392
 配列:
 GATCTTTCCC AAGAGAAGGG GAAGCACTCG TGTGCAACAG ACAAGTGACT GTATCTGTGT 60
 AGACTATTTG CTTATTTAAT AAAGACGATT TGTCAATTAT 100

配列番号: 5441
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06393
 配列:
 GATCTACGCT GCCTCAAGG AAGTGCTGGG TTCGGGCATG CACCACCACC TCCAGAACAA 60
 TGAGTACTC CGTGACATCT TTGGCCTGGG CCCTGTGCTG 100

配列番号: 5442
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06394
 配列:
 GATCCNATCA TTCCTTAAAC ATANTACCCT TNGTCTTGA GTAGAATACT AAGTTAGAGT 60
 TAGTGGATT CTAGTTTAGG AGAGGAGCTC AAAACTATAA 100

配列番号: 5443
 配列の長さ: 79
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06395
 配列:
 GATCCAGGGC CTCCCCGCCT TCCTTCTTCC TTTTATATA CAATTTGTGA TTGTCAAATA 60
 AAAGTAGGAA ATATTCAA 79

配列番号: 5444
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06396
 配列:
 GATCTTTGTG GCCAAGGAGC TGCTATAGCC TGGGGTGGGG TCATGCCCTC CTGTCCCATT 60
 GTCCCTCTGC CCCATCCTNC AGCAGGGAAA ATGCAGCAGG 100

【1077】

【配列表 987】

配列番号： 5445

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06397

配列：

GATCCTTGTC CGTGGCAACC TTAAACGTGT GCTGCAGTGC TGATGTATTT ATAGGCTTAG 60
CATGTCTGCT TTATTAGTTA TCCTGGAAAG AATGCTATTC 100

配列番号： 5446

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06398

配列：

GATCTACAAG TCAGTGCCCT GTATGCTCTC CAGGTGCACT GCTATAACAG CAACTTCCCA 60
AAAGGCATGT TACTTCGCTT TTTTGTGCAC TTCTATGACA 100

配列番号： 5447

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06399

配列：

GATCCTCAGT ATAGCCGGTG AACCTGATA CCAGGAGCCT GGGCCTCCCT GAACCCCTGG 60
CTTCCAGCCA TCTNATCGCC AGCNTCCTCC TGGACCTNTT 100

配列番号： 5448

配列の長さ：75

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06400

配列：

GATCATTGTA ATATATTTAN TTGTATATNA AGCATGACTA CTTTAAGTNT TAAATAAACT 60
GCAATAATCC TTTAAA 75

配列番号： 5449

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06401

配列：

GATCAGTGNC TGGCACCAGA CACTTCTGGG GATGGTACAG GGTGTGACAA CATGACCTGC 60
ATCATCATTT GCTTCAAGCC CCGAAACACA GCAGAGCTCC 100

【1078】

【配列表988】

配列番号: 5450
 配列の長さ: 93
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06402
 配列:
 GATCACTGGA ATGTGGGGAT TCTGAAACAG AAATGAAACT GTCCTTTTGA CAACTCTCTT 60
 ATATAATAAA GTATCACCGG CTTGTGTATG AAA 93

配列番号: 5451
 配列の長さ: 80
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06403
 配列:
 GATCATGCGT TATCTTTATA ATTCAAAAGA ATTTATATAT ATGTAAAGGA GGAGAAAATA 60
 AAAAAAATTA TAATCTTAAA 80

配列番号: 5452
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06404
 配列:
 GATCATNTTG ATAATGCTCG GAATATTTTN AAATGTCCAT TCCGCTGTGT TGATTGAGGA 60
 CGTCCCTTC ACGGAGAAAG ATTTAAGAA TGGCCCCCAG 100

配列番号: 5453
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06405
 配列:
 GATCCTNCTG GCCGAGCTCG AGCAGCTCAA GGGCCAAGGC AAGTCGNCC TGGGGGACCT 60
 CTACGAGGAG NAGATGCGGG ACTGCGCCG NAGGTGGACC 100

配列番号: 5454
 配列の長さ: 72
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06407
 配列:
 GATCCTGGAT TCACTCACTC ACTCATTCCT TCACTCATCC AGCCACCTAA AAACATTITAC 60
 TGACCATGTA AA 72

配列番号: 5455
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06408
 配列:
 GATCACGCAC GAAGTGACG AACTGACCCA GATTATCGCC GACGTGTCCC AGGACCCAC 60
 GTTCCCGCGG ACCGAGGACC ACCCGTGCCA AAAGTGCGGC 100

【1079】

【配列表 989】

配列番号： 5456

配列の長さ： 65

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06409

配列：

GATCCAACAA GAACATTTCC AAAAGTATCT AGGTGTTCTC AAATAAAAAG CTTTCTTTGC 60
ACAAA 65

配列番号： 5457

配列の長さ： 97

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06410

配列：

GATCTGCTAA TGCTTTTCTAG GAGTCTGCCT GGAAACTTTG ACATGGTTCTN TGTTTTTACT 60
CAAAATCCAA TAAAACAAGG TAGTTTGGCT GTGCAAA 97

配列番号： 5458

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06411

配列：

GATCCCAGAG AGCANCTTCA GTGACAAACA TATCCTTTCA AGACAGAAAG AGACAGGAGA 60
CATGAGTCTT TGCCGGAGGA AAAGCAGCTC AAGAACACAT 100

配列番号： 5459

配列の長さ： 84

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06412

配列：

GATCACTTAA ATGATTTTNT GGTGATTCTG GCCATTGCTT TTTTATTTAA AAGAAAATTT 60
TGTAATTAAA TGCCTTTTTC TAAA 84

配列番号： 5460

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06413

配列：

GATCACACCA GAGTACATGT CTCTGCCTCT NTTTTCACTG TGGCTTTGGA CAGGAATATA 60
TGAATAANTC ACTGCCATAC AGGTTTTCCA ATACACAAGT 100

【1080】

【配列表990】

配列番号: 5461
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06414
 配列:
 GATCAAAAAT GCAACTGAGA AAATNATGGC TCTTGTGCT GAGCTGTCCA TGAACAAGC 60
 CCTAACCATT GAACTCCAAA AGGAAGTCAG GGAGAAAGAA 100

配列番号: 5462
 配列の長さ: 71
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06415
 配列:
 GATCCCTAAC TGTTCCCTTA TCTGTTTTCT ACCTCCTCCT TTGTTTAATA AAGGCTGAAG 60
 CTTTTGTAA A 71

配列番号: 5463
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06416
 配列:
 GATCACTTAC AAATTTTTTG AATAACACAA AATCTCATTC TACCTGCAGT TTAATTGGAA 60
 AGATGTGTGT GTGAGAGTAT GTATGTGTGT GTGTGTGTGT 100

配列番号: 5464
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06417
 配列:
 GATCTTCCCT CTTCTGAACA GCAACTCCCC CCAACTCATA CACTGCCGTT TTCAGGGTAA 60
 GCGGCCCTCA CCCCTAAGTG AAAATGTTAG TGAACATAAG 100

配列番号: 5465
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06418
 配列:
 GATCCAGTAC TTGGCAGCCA TAGTTTAGAC AATATTGTTT AGTGTGTGT GTCTHNCATG 60
 TTAACAACAA AACCTTTTAG AGGNCACACA AATCATNGGT 100

配列番号: 5466
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06419
 配列:
 GATCAGCTCG CACAGAGGTT GTCTGCAAGC AGTGTGAAGC TCATCTAGGT CACGTGTTTC 60
 CTGATGGACC TGGGCCCAAT GGTGAGAGGT TTTGCATGAA 100

【1081】

【配列表991】

配列番号: 5467

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06420

配列:

GATCATAGAC ATGATTATAT GTGAGTATCA TTAATCATTG GTTTATAGCA NTTNCTCTTT 60
 ATTCCAATAT TATAATAATC CNCACTCTAC AATCATAACC 100

配列番号: 5468

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06421

配列:

GATCAACAGT GGCAATGGAG CTGTGGAGGA CAGAAAGCCA AGTGGACTCA ACGGAGAGGC 60
 CAGCAAGTCT CAGGAAATGG TGCATTTGGT GAACAAGGAG 100

配列番号: 5469

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06422

配列:

GATCCACCTG CCTCGGCCTC CCAAGGTGCT GGGATTGCAG GTGTGAGCCA CTGTGCTCGG 60
 CCTTATTTAT ATTTTATATA TTGTTGATAT GGTGGAATTT 100

配列番号: 5470

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06423

配列:

GATCAACGTC CTCCATGAGC ATGGNATAGT CCACCGTGAC ATTAAAGGTG CCAATATCTT 60
 CCTTACCTCA TCTGGTTTAA TCAAACCTGG AGATTTTGGG 100

配列番号: 5471

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06424

配列:

GATCCAGAAG AAGTGACCTG AAGTTTCTGT GCAACACTCA CACTAGGCAA TGCCATTTCA 60
 ATGCATTACT AAATGACATT TGTAGTTCCT AGCTCCTCTT 100

【1082】

【配列表992】

配列番号：5472

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06425

配列：

GATCAATTTCG ACAGACAGAT GGNGTGTATG CCCCTCCCAN GTTTGACTTC ACACACACTC 60
ATAACTTTTC AAATGAAGCC CCACAGTATA GCGCATATTT 100

配列番号：5473

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06426

配列：

GATCCCTAGG AGCTGNCCTN CTTCCAGCCA NTGCCAGGAA CCAGCACTCC ATGAAGATAA 60
ACTCTGGGCC CGACCACCAG CAGGNCCTGA CGACCTGAGG 100

配列番号：5474

配列の長さ：57

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06427

配列：

GATCACAAT TTTGATATGT GCTATACAGG AAATAAAGTG TTATGATTGA GAATAAA 57

配列番号：5475

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06428

配列：

GATCTGAAAT CTTCACTAGG TTGATGTGGT TTCCTCTGCA GTGATTTTCC TAGGAAGTTC 60
AAATTTGACA GCGAGTTCAG CTCAGCTGTG GCCCTCTGCC 100

配列番号：5476

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06429

配列：

GATCTACCCA CCTCAGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCATGAGTCA CCACGCCCGG 60
CCCTGNTTAT CAATCTTCAA TATTTTGTAT TTTGAGCACT 100

配列番号：5477

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06430

配列：

GATCTGGCTG AGGGCTCAGG ACACAGGCCC AGCCACCCCC AGGGGCTCC ACAGNCCGCT 60
GCATGACAGC NATACAGTAC TTAAGTGTCT GTNTAGACAA 100

【1083】

【配列表993】

配列番号：5478

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06431

配列：

GATCCTGAAC CAAATTTATA GCAATATAAT TAGTGTITNT CTAAGGCATT ACTCATCAA 60
 AAAATTGCTG CAGTCTTTAC AGTTGAATAA ATAAAAACAA 100

配列番号：5479

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06432

配列：

GATCACCACC TGTAGAACT GTTCTTCCTC TGTGAACTA ACGGCCTGCT GGTAAATAAA 60
 GTAGCTACCA TTTCTTGA 80

配列番号：5480

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06433

配列：

GATCACTCAT TGCTAATTT GTCTGTACA GCTTATGTAA TATTTNNATG GTGGAGACGG 60
 ACTCTGTGTG CTCAGGGCCT TGTCTCTAGG AAGATTTTGT 100

配列番号：5481

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06434

配列：

GATCAACTGA TAAGTTGCCT TATGTCACCA TGGGTTCTGG CTCCTTGCCA GCAATGGCTG 60
 TATTTAAAGA TAAGTTTAGG CCAGACATGG AGGAGGAGGA 100

配列番号：5482

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06435

配列：

GATCTGTAGT AAACAATGGT GATTTTATTT ATTTTNACTC TCTGAAAAAG GAGATAATAC 60
 AATTCAGAA AGTGAATCA TATTTCTAAG GTTAAGATTC 100

配列番号：5483

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06436

配列：

GATCAAATAG TTGCATAGCA GTATATGTNA ATTTGTGTGT TTTTAGCTGT GACACAGCTG 60
 TGTGATTAAG AGGTATACTT TAGTAGACAT TTATAACTCA 100

【1084】

【配列表994】

配列番号: 5484

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06437

配列:

GATCCTCACC NCTTGAATT AAAATNCTTG TTCACTCAGG CAAGCCTACA GTTTGCAACC 60
AAGTCTAGGG TTTCTGTAA TCAANGNCGT TTTTTCANTT 100

配列番号: 5485

配列の長さ: 60

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06438

配列:

GATCTGCTGG ACATCATGCC CCATGTCATA GAGAATAAAG CTGATGATTG TACCAGTAAA 60

配列番号: 5486

配列の長さ: 91

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06439

配列:

GATCATACCN ATAAAAATAA TNCCAAACAC CAAATATGAA TTTTATGAAT GTACACTTTG 60
TGCTTNACAT TAAAAGAAAN AAACACACAA A 91

配列番号: 5487

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06440

配列:

GATCGTCGCC TGCTGGCTAA GACCAGGGAG CTAAAACTT NAGGAAGGGA ACCTGCCTGG 60
TTGGNTGCTA CTTCTGATTC ATTGTCTTN TCCCTNTCAT 100

配列番号: 5488

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06441

配列:

GATCTTATGT TTAAAGAGAT TCTGTTATTA GCACCATGAA CTCGTACTAT GAAATNTTTA 60
AGCCTTTTAT TTTTCTAACT ATATTACTGT AGGACTGGAT 100

配列番号: 5489

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06442

配列:

GATCCGCAGC AGAAGCTCTT CCCTTCTGTA TCCTATGTAT GCAGTGTGCT TTTNCTTGCC 60
AGCTTGGGGC ATTCTTGCTT AGACAGTCAG CATTGTCTC 100

【1085】

【配列表 995】

配列番号： 5490

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06443

配列：

GATCCCAGGG AAATATCAGC CTTGGGCAAC TGCAGTGACC AGGGGCACCG GCTGCCCACA 60
GGGAACACAT TCCTTTGCTG GGGTTCAGCG CCTCTNCTGG 100

配列番号： 5491

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06444

配列：

GATCTTCAAG TGAACATCTC TTGCCCTGAT TGAAGGCTTT GCCACATGCT GGAAGGCCCC 60
CTCCCAGGAA GATGGGGGTC ATTAAAGGAA ACTNAACATT 100

配列番号： 5492

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06445

配列：

GATCACCTGA ACAATCTAGA TGTGGACAAA ACCATTGGGA CCTAGTTTAT TATTTGGTTA 60
TTGATAAAGC AAAGCTAACT GTGTGTTTAG AAGGCACTGT 100

配列番号： 5493

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06446

配列：

GATCTNAGAA AANGCACCAC GTNAGCTTAC TAANTNATAA TATCTGTTTC TACTACGGAT 60
TTAGGCAACA GGACCTGTAC ATTGTCACAT TGCATTATTT 100

配列番号： 5494

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06447

配列：

GATCGGGGTC CATGGGCCCA CCACCCCTG CAAGGAGGTC TCCATGAAGC ATGTAGGCAA 60
CCAGCAATAC AACGTCACAT ACGTCGTCAA GGAGAGGGGC 100

【1086】

【配列表996】

配列番号: 5495
 配列の長さ: 69
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06448
 配列:
 GATCCATTAA TCTGCTAATT GGTTGCCTAT GAAATCACAT TGTTTGTAT NAAAGCTTTT 60
 TACCATAAA 69

配列番号: 5496
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06449
 配列:
 GATCTAGTAA AGTGTTTTAG AACCCCTTTT TATCCCATGC ACCATTCACT AAACATAAAA 60
 ATCACAATTG TGCTAATGTC ATTGGAAGT TCAAAATAAA 100

配列番号: 5497
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06450
 配列:
 GATCATTGCA TGAATAGAAT CAAGGAGCTC ACTCAGAGTG AACITNAATT ATNACTTTNN 60
 AGGCTCATTG TACTCTCTT CCCCTCTCAT CGTCATGGTC 100

配列番号: 5498
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06451
 配列:
 GATCTGAAGG GAGAAGGTGA TATTCATGAA AATGTGGACA CAGACTTGCC AGGCAGCCTG 60
 GGGCAGAGTG AAGAGAAGCC CGTGCTGCT GCGNCTGTGC 100

配列番号: 5499
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06452
 配列:
 GATCCTGGHA CATTTCATAA GCTTGGGTAA AAAAATTTT TGTTATNNTC CATGCACAAT 60
 AAGGGAATG TTTTAATTGG CTTTNGCCT CCTGCTTTAC 100

配列番号: 5500
 配列の長さ: 99
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06453
 配列:
 GATCACTTGA GCCCAGTTG AGGTTGAGGC TGCAGTGAAC TATNATTGTA CCACTGCCACT 60
 TCAGCCTGGG CAACAAAGGA AGACCCCACT TCTGGGAAA 99

【1087】

【配列表 997】

配列番号: 5501

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06454

配列:

GATCCCTGCA TTNCCTGAAG ATNTTTAAAC GTGAGAGTNT GGTAGGCAAA GCAGTCTGAG 60
AAAGAAATAG GAAATGCAGA AATAGGTTTT TTTTGCTTGC 100

配列番号: 5502

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06455

配列:

GATCCAGTGG ACAAAGAGG GGAAGCTATG GGAGTTCCCA ATTAACAATG AAGCAGGTTT 60
TGATGATGAT GGTTCAGANT TTCATGAACA TATATTTNTG 100

配列番号: 5503

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06456

配列:

GATCTGCTCA GAAAGGAAGA GGCAGGCGCC AGGGNGAACC CCCTTCGGTG NTTGTAACC 60
CTCCCTNTAA GGTGAAGCCC TTTNCTTGC TAAACCGGN 100

配列番号: 5504

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06457

配列:

GATCCTGGGG GTCGTGGCTA CCCCCTCCTC GTGGCCGNNC TCCTTGCTGC TCCTGTCAAT 60
AGTGAGCTTG TGCCGTCCCN CTAGGATGGG GGCATGGCCN 100

配列番号: 5505

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06458

配列:

GATCACCTAT CCCCTGTTTC AACAATGAAT AAGGAACAGC AAATNTTTGA GACGTGCCCT 60
GAAACTGAAC AGACATGCAC TCTCCAGTGA CTCCCCAGCA 100

配列番号: 5506

配列の長さ: 66

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06459

配列:

GATCCACCAC AGGTTAGGG GACAGGAAGC CTGTTCTATT CTCAATAAAT CTTACAAAAT 60
TCCAAA 66

【1088】

【配列表 998】

配列番号： 5507
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06460
 配列：
 GATCATTATT TCCATTCTTA ATGTGAAAAA AAGTAATTAT TTATACTTAT TATAAAAAAGT 60
 ATTTGAAATT TGCACATTTA ATTGTCCCTA ATAGAAAGCC 100

配列番号： 5508
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06461
 配列：
 GATCTAGACA TGCCTTAGGT AACTGCAGAA ATAGCAAATT AAATNATTAA TGAGCTTATT 60
 AGTCATAGTA AACATACAGA TTCCTANTTC TATGACAGTG 100

配列番号： 5509
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06462
 配列：
 GATCACATTT CTGGGAAGAT GAGANCTNNT TTCCAGACCA GCATCCAGTG GCCATCAGGT 60
 CTTGTGGCCC AAAGGCTATG CTTGCCTCCG GCTGAGTGCC 100

配列番号： 5510
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06463
 配列：
 GATCTCCTGG GACTCCGAGC AAGGCCTGCA CGAGAGAGGG CTGAAAGGCT GCTGGGGCTG 60
 CCACCTCGCT ATTCCCGCAT AAGCATCTGC CCCCACCCC 100

配列番号： 5511
 配列の長さ：83
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06464
 配列：
 GATCAGTTGT ACTAGAGGAA CATCATAGAA GAGAAAAATC CAACTCTTTA TATTA AAAAT 60
 NAATACAATA AGAAAATTGC AAA 83

【1089】

【配列表 999】

配列番号： 5512
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06465

配列：
GATCTGCAAG CCCTGCTGTA CAAGAAAATC ATTAAGGAAC ATTTGGAGAG TTAGCTACTA 60
GCTGCCTAAG TGTGCACTTT CAATCTAACT GTGAAAGAAT 100

配列番号： 5513
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06466

配列：
GATCCACCCA CCTTGGCCCT CCAAGGTGCT GGGATTGCAT GCATGAGCCA CTGCACCCAG 60
CCAAGATACA TTGTTGACGT GAAAAAAAAA TTTCAAGATA 100

配列番号： 5514
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06467

配列：
GATCAGCTGA GGNCAGGAGT TCGAGACCAG CCTGGNCAAC ACGGTGAANC CTATTCTCTA 60
CTAAAAATGC AAAAAATTAGC CGGGCGTGGC GGCACATGCC 100

配列番号： 5515
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06468

配列：
GATCAGATGG CTTAGAGAAA TTNCTGGAAT ATTCACATTC GAAGATTCCCT TATTAATKAA 60
TGTCTTTTAC TTAAATCTAA CCAAAAACTG CAACATTATT 100

配列番号： 5516
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06469

配列：
GATCTGCTGA AACTNGCTAA ACGNCTCAAG AAGGAGAAAAG TTAATNTTGA CATTATCAAT 60
TTTNGGGAAG AGGAGGTGAA CNCAGAAAAAG CTGACAGCCT 100

配列番号： 5517
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06470

配列：
GATCACAGTG GGCAGCCGGC ACCCNGCACC ACTTTGGCGA GCGTCCTGCT TCCGNCCTCG 60
CCCTCATCTA CGCTGCTCCG CTTTCCTCAG ACCCCTTTTT 100

【1090】

【配列表1000】

配列番号：5518

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06471

配列：

GATCAGTTGG GTGCACGAGT GGGTTACATC GAACTGGATT ATAGGAAGCT TATAACAAGA 60
ATGGAAGATT CTAAATAAC TCACTTTCTT TGGNATCCAG 100

配列番号：5519

配列の長さ：67

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06472

配列：

GATCACATTN GATNAAAGAG CAAAACCTGT TAAGTCCAAA ATAAATTCTT ACTGTTTATA 60
TCCTAAA 67

配列番号：5520

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06473

配列：

GATCCACAGA AGGTCCTGGT GGTATTTGTA ACTTTTTGCA AGGCATTTTT TTATATATAT 60
TNTTNTGCAC ATTNTTTTTT ACGTTTCTTT AGAAAACAAA 100

配列番号：5521

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06474

配列：

GATCCAGGCT CAGAACTTCT TCTCCAGCTT CACCCTGATG AAGCTGAGGC ACTCCTCCGC 60
TCTGGGTGGG GCCAGCCTAG GGGCCAGGCA CATCGGGCAC 100

配列番号：5522

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06475

配列：

GATCAGCTAC ATAAACGGCC TGAGTGCTGT TTTAAACAGG ATTGGGTGAT GGTACAACAT 60
GACTTTTAA GATAATCAAG TAGTAAAAGT TTCTAGTGGA 100

【1091】

【配列表1001】

配列番号: 5523

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06476

配列:

GATCCCAACA TTTTGGCAG TGAGCATTAC GATGTTANCC GTGGGGTGCA AAANATCTGA 60
 ATAAAAATTTA CAAAAGGAGA ATTCAGACAG ACCAACCTGG 100

配列番号: 5524

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06477

配列:

GATCCATAA AGCTACGAGG GGGACGGGAG AGGGCAGTGC AATGGGAAGT AAAGAGATAT 60
 TTTCCAGTAG GAAAAGCAAT GCTTCTNGT CTTTAGACTC 100

配列番号: 5525

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06478

配列:

GATCAGCTCA CACCCAGTCT CTCACAAGTN TTCATTCCAT AAAAGTGGTT GACTAAAAGTG 60
 AATATGTCCA TAGTGGGGTC TTTTAATCCC TCTGGTCTTA 100

配列番号: 5526

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06481

配列:

GATCAITGTG AAGGCAGGGG AATGTATGTG CACATCTGTT TTGTAAGTGT TTAGATGAAT 60
 GTCAGTTGTT ATTNATTGAA ATNATTTTAC AGTGTGTGGT. 100

配列番号: 5527

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06482

配列:

GATCCGGAAG CGAATTCATC TCCGAGCTGA GGATNCCTTG TTTTNTTTG TCAACAATGT 60
 CATTCCACCC ACCAGTCCCA CAATGGGTCA GCTGTACCAG 100

配列番号: 5528

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06483

配列:

GATCTTTCTA GGAGGGAGAC ACTGGCCCTT CAAATCGTCC AGCGACCTTC CTCATCCACC 60
 CNATCCCTCC CCAGTTCATT GCACTTTGAT TAGCAGCGGA 100

【1092】

【配列表1002】

配列番号： 5529

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06484

配列：

GATCTAGAAA GCCCTAAGCT CTCACCACTG GCTACCTTGA GCCTCTACAG AATNAGGAAG 60
TAAAGTCTAA GGCAGTTAAA 80

配列番号： 5530

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06485

配列：

GATCGCANCT CCGAAGACGG AGAGGAGGGA AATGGGGCCC TTTCCCCTCT ATTGCATCCC 60
CCTGCCCCGNC TCCTTCCCCG CACCCACGTG CCCTAGATTC 100

配列番号： 5531

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06486

配列：

GATCATTGTA TATNACACAC ATGTATCAAA GTATCACATG TACTCCAAAT GTTTGTACAA 60
CTATNATATA TCATTAAAAA AATACAAANT AAAAAATGTA 100

配列番号： 5532

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06487

配列：

GATCCAGTGT GCAGAAGAGC CAGCAGGGAA CCGGAAGCTC TNATGTCAAG GCCAGAGCAG 60
TTGAGANTGG GNCCCAGAGT AGATGCTGAC CTGGGCACTC 100

配列番号： 5533

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06488

配列：

GATCACGGCT CTTTTTAAGC CCTGGCAGCA TTTTGGTCCC TGCTCCTTGC CCATAGTAAA 60
ACAGCTTGAA ATATCCCATG CAAGAGAGTA GTTTCAGTG 100

【1093】

【配列表1003】

配列番号: 5534

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06489

配列:

GATCACCAGT GGGCACTAGA TGATGTNGAA GAAGAGCTCA TGGCCAAANA CCTCCACTTC 60
 GAAGGCATGT TCAAAAAGGA ATTACAGACC TCTATTTTTT 100

配列番号: 5535

配列の長さ: 70

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06490

配列:

GATCAAAAAA TTCAATTTC TACAAGTTCT NCTATCTGAA ATAAATAACA GACTCATTTC 60
 TGACAATAAA 70

配列番号: 5536

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06491

配列:

GATCANGHTA GTGGTGTCTG TCAGCTGTCT AAGAGGTTGG AGAATNAACT ACTCAAGATA 60
 GTCACGAAAA NACTGAAAGT TTNATTTTCC TTTCCATATT 100

配列番号: 5537

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06492

配列:

GATCCCAGTT ATCCTTGNAT CCATGTAATT TCAGATGAAT TATTAAGCAA ACATTTTAAA 60
 GTGAATTCAT TATTAATAAC TATTCATTTT TTTCCTTTGG 100

配列番号: 5538

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06493

配列:

GATCCAGAAT AACTTCTCCC ACTCATATCT NCAGTTCACC NAATGAAATN AATGGATAGC 60
 AAGAGCCCNT TGTTCACG ACTTTAAGGC AAAATATTAA 100

配列番号: 5539

配列の長さ: 56

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06496

配列:

GATCCTTTTA TAAATTTAAA AAATT7AATG TTAATAAAGC GAGGTGTAAT TGTAAG 56

【1094】

【配列表1004】

配列番号：5540
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06498
 配列：
 GATCCGNGAA AGGCTGAAAG GCCAGGAAGA CAGCCTAGCC TCTNCAGTGG ATGCTGCCAC 60
 CGNACAAAAG ACCTGTNACT CCGACTGAGG CATGNCCTGC 100

配列番号：5541
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06499
 配列：
 GATCCTGGAT NTAGAAGAGG TNACATTGCA CAATGTTTGA ATAAGGAAAC TATTGAAAAG 60
 TTTTCCAAG CTGACATTGC AGAAAATGCT TTGNAAAATT 100

配列番号：5542
 配列の長さ：98
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06500
 配列：
 GATCCCGNCC ACTCAGAAAA GCGGAGAAGG CTTTGTGATT TTTTACATGA ATCAAACACA 60
 GAAACAACTT TTGGAGAAAT TAAATNCTGA GTGTGAAA 98

配列番号：5543
 配列の長さ：83
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06501
 配列：
 GATCTTCTTC ACACCAAGCT CTGTTTACAT TCCGAGAGTT GTCATGAAGA AAGTNCNTNT 60
 CAATAAGNTT TTGGAATGTT AAA 83

配列番号：5544
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06502
 配列：
 GATCAGGACA CGAGGAAGAG TAAATGTGAG ACAGTCAATG TGACTTCTGC GATAAACAGA 60
 TTTTAAACC CCGAAATTTT GCAAAATTTT GGTGAACCTG 100

配列番号：5545
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06503
 配列：
 GATCATCTCC CCTGGCAACG TGACTCTGTT TTTTGTGTGT GTTTCATGC TGACTAGTCC 60
 CCTACTGTTA ATATCACTAC TAATTAGGCT ATAACCAGGT 100

【1095】

【配列表1005】

配列番号： 5546
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06504

配列：
 GATCTGTCCA GGGAGGTGGC TGAAGAGTGG GCATCTCCCT TAGGGACTCT ACTCAGCACT 60
 CCATTCTGTG CCACCTGTGG GGTCTTCTGT CCTAGATTCT 100

配列番号： 5547
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06505

配列：
 GATCTTTGCT TCCTTNCAT TATGTTTGTA CACAACACCT AAAACCAGTT TTGCTGCTAT 60
 ANTTCTATAC TGTTGATTGG TCTGCNANNT ATCTGTAACC 100

配列番号： 5548
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06506

配列：
 GATCCAAACC AAAGACTGTA GAACCCTGGG GTGTGGCTAA CTGGCCCNIN CNGCACCCGT 60
 AGCCAGGTCT TCCTGGCCCT TNAGGCTGGG CTGGCGGACA 100

配列番号： 5549
 配列の長さ：97
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06507

配列：
 GATCCCATAC CAGAAGATGA GAAAAAAGAA TAAGTGTTCG CTTGTTTTGT GTGTTCTAAA 60
 TACTTTTTNT AATGAAAAAA TGNTTTTNG TTTTAAA 97

配列番号： 5550
 配列の長さ：67
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06508

配列：
 GATCATCTAA ACTAAGTCCA GCTGCCTAAT TCTAGATATA TATATATATA TAGAGNTCCA 60
 CCATAAA 67

【1096】

【配列表1006】

配列番号: 5551
 配列の長さ: 72
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06509
 配列:
 GATCTTGGGA AGTATTCCCA AGGAAAACAG TCCTGGGCAC AGTCTCCAAA ATAAATTCTN 60
 AATTTTGGGA AA 72

配列番号: 5552
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06510
 配列:
 GATCCCATGG CTTTCITTAC TGGGCTCTGG GGCCCTTCA CCTGTGTAAG CAGAGTGCTG 60
 AGCCATCACT GTTTCAGCAC CACTGGGAGT CTGAGTGCGA 100

配列番号: 5553
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06511
 配列:
 GATCITAACT NTCTTCACTG ATTTAAAAAG CTAATCAAT TATTAAAGCC AGANATGTNC 60
 TCCTCTGGGA AAGCAATTC TATCTATTTA TCTACCAATC 100

配列番号: 5554
 配列の長さ: 70
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06512
 配列:
 GATCAAGGAA CTTGTGCCTG TCTATAGATT TTATTTCCCC TGTACAAATA AACTTGGCTG 60
 CAATCCCAAA 70

配列番号: 5555
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06513
 配列:
 GATCTTGCAA GACTAAAATT GGCCATTAAG TACCGTCAAA AAGAGTTTGT TGCCCAGCCC 60
 AATTGTCAAC AGCTGCTGGC ATCTCGCTGG TACGATGAGT 100

配列番号: 5556
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06514
 配列:
 GATCAACAAT NAGCATCAAA TCTATGGCTC CTGGCTCCAG CANCAAGACC CAAGAAGACA 60
 GGANGAGAAG CANGAAGTGA GACTGGAGGG AAAGGGAGCT 100

【1097】

【配列表 1007】

配列番号： 5557
 配列の長さ： 52
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06515
 配列：
 GATCATTCTT TTATAGAGCA TATTTGCCAA TAAAGCTTTT GGAAGCCGGA AA 52

配列番号： 5558
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06516
 配列：
 GATCTAACTT TGCACCTCTT GATAATAATG TTTTAGATAA TGTGCGTAAT CCAAATTGGT 60
 ATTGTAGCCT CTGTTAACAC AGACAGTATA TGTTTTAAAC 100

配列番号： 5559
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06517
 配列：
 GATCCGGGGN AGCTGTATCC CCAGTAGAAA AAACATTTTA ATCACTCTAA TATAACTCTG 60
 GATGAAACAC ACCTTTTTTT TTAATAAGAA AAGAGAATTA 100

配列番号： 5560
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06518
 配列：
 GATCTTTTGA CGNNTATANA AATGTACTAA TGTNATAAGT TAATGCTGGN CATTTTCATT 60
 ATATATATTT TTAAGAGGCT AGAGGCTTTT AGCTTTTTAA 100

配列番号： 5561
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06519
 配列：
 GATCTTTTCAT TCTCATGCAG ATATTTCTAT TGTGGGCTTA TACATTTGNT CACCTATTGT 60
 TGATGGNACT TGNACTTTT CATTTTGGCG CTATTACAAN 100

配列番号： 5562
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS06520
 配列：
 GATCAGTTAT GAAGAAGGA AAGCTTTGGC AGAATCTTGG AATGCAGCTT TTTTGAATC 60
 TNCTGCTAAA GAAATCAGA CTGCTGTGGA TGTTTTTCGA 100

【1098】

【図 7 3】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|---|
| 1048 | 0001177 | 1047 | 288 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1049 | 0001178 | 1048 | 288 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1050 | 0001179 | 1049 | 287 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1051 | 0001180 | 1050 | 289 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1052 | 0001181 | 1051 | 287 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1053 | 0001182 | 1052 | 286 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1054 | 0001183 | 1053 | 286 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1055 | 0001184 | 1054 | 301 | 6 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | | |
| 1056 | 0001186 | 1055 | 285 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1057 | 0001187 | 1056 | 283 | 5 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1058 | 0001188 | 1057 | 283 | 4 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 1059 | 0001189 | 1058 | 287 | 13 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 4 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1060 | 0001191 | 1059 | 281 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1061 | 0001192 | 1060 | 226 | 7 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | | |
| 1062 | 0001193 | 1061 | 277 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1063 | 0001194 | 1062 | 277 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1064 | 0001195 | 1063 | 277 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1065 | 0001196 | 1064 | 277 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | | |
| 1066 | 0001197 | 1065 | 103 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1067 | 0001198 | 1066 | 291 | 8 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1068 | 0001199 | 1067 | 276 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1069 | 0001200 | 1068 | 276 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1070 | 0001201 | 1069 | 276 | 3 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |

【図 7 4】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|------|-----|------|------|------|
| 1071 | 0001202 | 1070 | 276 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | MC2011 | 94.6 | 276 | 1 | 1931 | 2206 | |
| 1072 | 0001203 | 1071 | 275 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1073 | 0001204 | 1072 | 274 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1074 | 0001205 | 1073 | 274 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1075 | 0001207 | 1074 | 269 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1076 | 0001208 | 1075 | 269 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1077 | 0001209 | 1076 | 269 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1078 | 0001210 | 1077 | 268 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1079 | 0001211 | 1078 | 267 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1080 | 0001212 | 1079 | 266 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1081 | 0001213 | 1080 | 266 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1082 | 0001214 | 1081 | 265 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1083 | 0001215 | 1082 | 265 | 6 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1084 | 0001216 | 1083 | 268 | 5 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | MC3425 | 97.3 | 262 | 1 | 2900 | 3160 |
| 1085 | 0001217 | 1084 | 323 | 6 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1086 | 0001218 | 1085 | 263 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1087 | 0001219 | 1086 | 262 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1088 | 0001220 | 1087 | 260 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1089 | 0001221 | 1088 | 260 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1090 | 0001222 | 1089 | 259 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1091 | 0001223 | 1090 | 325 | 8 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | MC3199 | 95.4 | 65 | # | 8 | 1760 |
| 1092 | 0001224 | 1091 | 259 | 7 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1093 | 0001225 | 1092 | 258 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 7 5】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|-----|------|
| 1094 | 0001226 | 1093 | 342 | 3 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1095 | 0001227 | 1094 | 260 | 15 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 2 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 3 | | | | | | |
| 1096 | 0001228 | 1095 | 256 | 9 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 1097 | 0001229 | 1096 | 254 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X06234 | 96.1 | 230 | 25 | 182 | 418 |
| 1098 | 0001230 | 1097 | 254 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1099 | 0001231 | 1098 | 253 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1100 | 0001232 | 1099 | 252 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1101 | 0001233 | 1100 | 251 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1102 | 0001235 | 1101 | 250 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1103 | 0001236 | 1102 | 248 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M63483 | 96.8 | 247 | 1 | 975 | 1328 |
| 1104 | 0001237 | 1103 | 248 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1105 | 0001238 | 1104 | 246 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1106 | 0001239 | 1105 | 315 | 5 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1107 | 0001240 | 1106 | 245 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1108 | 0001241 | 1107 | 245 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1109 | 0001242 | 1108 | 245 | 5 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1110 | 0001243 | 1109 | 247 | 2 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1111 | 0001244 | 1110 | 266 | 18 | 0 | 0 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 3 | 2 | 2 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | X13585 | 93.5 | 262 | 1 | 254 | 518 |
| 1112 | 0001245 | 1111 | 241 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1113 | 0001246 | 1112 | 240 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1114 | 0001247 | 1113 | 240 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1115 | 0001248 | 1114 | 240 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1116 | 0001249 | 1115 | 240 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 1117 | 0001250 | 1116 | 239 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1118 | 0001251 | 1117 | 239 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1119 | 0001252 | 1118 | 238 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1120 | 0001253 | 1119 | 238 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1121 | 0001254 | 1120 | 237 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1122 | 0001256 | 1121 | 268 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | J05016 | 92.5 | 267 | 1 | 1912 | 2865 |
| 1123 | 0001257 | 1122 | 236 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M37712 | 94.1 | 237 | 1 | 1486 | 3863 |
| 1124 | 0001258 | 1123 | 235 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1125 | 0001259 | 1124 | 235 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1126 | 0001260 | 1125 | 234 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 1127 | 0001261 | 1126 | 234 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | D13638 | 94.5 | 235 | 1 | 3809 | 5167 |
| 1128 | 0001262 | 1127 | 233 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1129 | 0001263 | 1128 | 233 | 4 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M60346 | 92.4 | 172 | 1 | 2288 | 2457 |
| 1130 | 0001264 | 1129 | 237 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 1131 | 0001265 | 1130 | 234 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 1132 | 0001266 | 1131 | 232 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1133 | 0001267 | 1132 | 234 | 6 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | X02490 | 99.5 | 215 | 1 | 354 | 568 |
| 1134 | 0001268 | 1133 | 238 | 4 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1135 | 0001269 | 1134 | 231 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1136 | 0001270 | 1135 | 230 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1137 | 0001272 | 1136 | 229 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1138 | 0001273 | 1137 | 229 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | M16328 | 97.8 | 223 | 1 | 2365 | 2587 |
| 1139 | 0001274 | 1138 | 227 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【表 77】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|-----|-----|------|------|------|
| 1140 | 0001276 | 1139 | 227 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1141 | 0001277 | 1140 | 227 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1142 | 0001278 | 1141 | 227 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1143 | 0001279 | 1142 | 226 | 5 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1144 | 0001280 | 1143 | 225 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1145 | 0001281 | 1144 | 224 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1146 | 0001282 | 1145 | 223 | 4 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | I09604 | 92 | 199 | 1 | 748 | 945 |
| 1147 | 0001283 | 1146 | 222 | 7 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | M30448 | 99 | 222 | 1 | 659 | 2527 |
| 1148 | 0001284 | 1147 | 432 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1149 | 0001285 | 1148 | 220 | 4 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1150 | 0001286 | 1149 | 219 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1151 | 0001287 | 1150 | 219 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1152 | 0001288 | 1151 | 219 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1153 | 0001289 | 1152 | 219 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1154 | 0001290 | 1153 | 218 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1155 | 0001291 | 1154 | 218 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1156 | 0001292 | 1155 | 218 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | D10924 | 100 | 218 | 1 | 1440 | 1664 | |
| 1157 | 0001293 | 1156 | 217 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1158 | 0001294 | 1157 | 217 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1159 | 0001295 | 1158 | 124 | 3 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 1160 | 0001296 | 1159 | 215 | 6 | 0 | 0 | 1 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1161 | 0001297 | 1160 | 299 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 1162 | 0001298 | 1161 | 214 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 7 8】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | | |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|----|--|--|
| 1163 | 0001299 | 1162 | 214 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 1164 | 0001300 | 1163 | 214 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 1165 | 0001301 | 1164 | 214 | 4 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 1166 | 0001302 | 1165 | 213 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 1167 | 0001303 | 1166 | 213 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 1168 | 0001304 | 1167 | 212 | 5 | 0 | 0 | 1 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | M37033 | 100 | 209 | 1 | 1272 | 1480 | | | |
| 1169 | 0001305 | 1168 | 212 | 20 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 1 | 3 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 3 | 1 | 3 | 0 | 0 | 3 | | | | | | | | |
| 1170 | 0001306 | 1169 | 211 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 1171 | 0001307 | 1170 | 210 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 1172 | 0001308 | 1171 | 210 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 1173 | 0001309 | 1172 | 209 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 1174 | 0001310 | 1173 | 209 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 1175 | 0001311 | 1174 | 207 | 4 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | | |
| 1176 | 0001312 | 1175 | 207 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 1177 | 0001313 | 1176 | 206 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 1178 | 0001314 | 1177 | 213 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | | |
| 1179 | 0001315 | 1178 | 215 | 8 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | | | |
| 1180 | 0001316 | 1179 | 349 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1181 | 0001317 | 1180 | 205 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 1182 | 0001318 | 1181 | 205 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 1183 | 0001319 | 1182 | 204 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 1184 | 0001320 | 1183 | 204 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 1185 | 0001321 | 1184 | 203 | 13 | 0 | 0 | 3 | 2 | 1 | 2 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |

【図 7 9】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|---|
| 1186 | 0001322 | 1185 | 203 | 3 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1187 | 0001323 | 1186 | 203 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1188 | 0001324 | 1187 | 202 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1189 | 0001325 | 1188 | 211 | 10 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 2 | 1 | 0 | 2 | 0 | | | | | | | |
| 1190 | 0001326 | 1189 | 199 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1191 | 0001327 | 1190 | 199 | 4 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1192 | 0001328 | 1191 | 199 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1193 | 0001329 | 1192 | 197 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1194 | 0001330 | 1193 | 145 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1195 | 0001331 | 1194 | 197 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1196 | 0001332 | 1195 | 196 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1197 | 0001333 | 1196 | 196 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1198 | 0001334 | 1197 | 195 | 4 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1199 | 0001335 | 1198 | 193 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1200 | 0001336 | 1199 | 192 | 4 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1201 | 0001337 | 1200 | 189 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1202 | 0001338 | 1201 | 189 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1203 | 0001339 | 1202 | 188 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1204 | 0001340 | 1203 | 187 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1205 | 0001341 | 1204 | 187 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1206 | 0001342 | 1205 | 186 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1207 | 0001343 | 1206 | 186 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1208 | 0001344 | 1207 | 186 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【圖 8 0】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 1209 | 0001345 | 1208 | 184 | 4 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 504739 | 98 | 180 | 1 | 1634 | 1813 |
| 1210 | 0001346 | 1209 | 183 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1211 | 0001347 | 1210 | 183 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1212 | 0001348 | 1211 | 183 | 11 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 2 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1213 | 0001349 | 1212 | 183 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1214 | 0001350 | 1213 | 183 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1215 | 0001351 | 1214 | 183 | 4 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1216 | 0001352 | 1215 | 182 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1217 | 0001353 | 1216 | 182 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1218 | 0001354 | 1217 | 180 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1219 | 0001355 | 1218 | 180 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1220 | 0001356 | 1219 | 180 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1221 | 0001357 | 1220 | 179 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1222 | 0001358 | 1221 | 179 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1223 | 0001359 | 1222 | 178 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 1224 | 0001360 | 1223 | 178 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1225 | 0001361 | 1224 | 176 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1226 | 0001362 | 1225 | 176 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1227 | 0001363 | 1226 | 175 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1228 | 0001364 | 1227 | 174 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1229 | 0001365 | 1228 | 174 | 3 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1230 | 0001366 | 1229 | 173 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1231 | 0001367 | 1230 | 215 | 8 | 0 | 0 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |

【図 8 1】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 1232 | 0001368 | 1231 | 173 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1233 | 0001369 | 1232 | 179 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1234 | 0001370 | 1233 | 172 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1235 | 0001371 | 1234 | 172 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1236 | 0001372 | 1235 | 175 | 4 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | X06233 | 9L | 58 | 1 | 405 | 462 |
| 1237 | 0001373 | 1236 | 317 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1238 | 0001374 | 1237 | 171 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1239 | 0001375 | 1238 | 170 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1240 | 0001377 | 1239 | 169 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1241 | 0001378 | 1240 | 170 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1242 | 0001379 | 1241 | 168 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1243 | 0001380 | 1242 | 167 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1244 | 0001381 | 1243 | 167 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1245 | 0001382 | 1244 | 167 | 4 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1246 | 0001383 | 1245 | 167 | 3 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1247 | 0001384 | 1246 | 171 | 11 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1248 | 0001385 | 1247 | 166 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1249 | 0001386 | 1248 | 165 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | M86667 | 100 | 124 | 41 | 1287 | 1560 |
| 1250 | 0001387 | 1249 | 165 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1251 | 0001388 | 1250 | 166 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | I10342 | 99 | 163 | 1 | 2 | 2225 |
| 1252 | 0001389 | 1251 | 164 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1253 | 0001390 | 1252 | 163 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1254 | 0001391 | 1253 | 163 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【图 8 2】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 1255 | 0001392 | 1254 | 162 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X03342 | 91 | 161 | 1 | 67 | 505 |
| 1256 | 0001393 | 1255 | 163 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1257 | 0001394 | 1256 | 160 | 10 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1258 | 0001395 | 1257 | 160 | 6 | 0 | 0 | 1 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1259 | 0001396 | 1258 | 159 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1260 | 0001397 | 1259 | 159 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1261 | 0001398 | 1260 | 159 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1262 | 0001400 | 1261 | 158 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1263 | 0001401 | 1262 | 158 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1264 | 0001402 | 1263 | 157 | 7 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1265 | 0001403 | 1264 | 157 | 6 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 1266 | 0001404 | 1265 | 160 | 14 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 1 | 2 | 2 | 3 | 0 | 0 | M93651 | 96 | 159 | 1 | 1551 | 2577 |
| 1267 | 0001405 | 1266 | 156 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1268 | 0001406 | 1267 | 155 | 4 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1269 | 0001407 | 1268 | 155 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1270 | 0001408 | 1269 | 155 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1271 | 0001409 | 1270 | 158 | 4 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 1272 | 0001410 | 1271 | 155 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1273 | 0001411 | 1272 | 154 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1274 | 0001412 | 1273 | 154 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1275 | 0001413 | 1274 | 153 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | S41733 | 99 | 119 | 1 | 1634 | 1752 |
| 1276 | 0001414 | 1275 | 163 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 1277 | 0001415 | 1276 | 153 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 8 3】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|-----|----|------|------|-----|
| 1278 | 0001416 | 1277 | 152 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1279 | 0001417 | 1278 | 152 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1280 | 0001418 | 1279 | 151 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1281 | 0001419 | 1280 | 151 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1282 | 0001420 | 1281 | 150 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1283 | 0001421 | 1282 | 149 | 3 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1284 | 0001422 | 1283 | 151 | 2 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1285 | 0001423 | 1284 | 149 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1286 | 0001424 | 1285 | 254 | 10 | 0 | 0 | 2 | 5 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1287 | 0001426 | 1286 | 148 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1288 | 0001427 | 1287 | 148 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1289 | 0001428 | 1288 | 147 | 4 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | | |
| 1290 | 0001429 | 1289 | 147 | 3 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1291 | 0001430 | 1290 | 147 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1292 | 0001431 | 1291 | 147 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X51346 | 98 | 144 | 1 | 1470 | 1612 | |
| 1293 | 0001432 | 1292 | 146 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1294 | 0001433 | 1293 | 146 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1295 | 0001434 | 1294 | 145 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1296 | 0001435 | 1295 | 171 | 6 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 1297 | 0001436 | 1296 | 145 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1298 | 0001437 | 1297 | 145 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1299 | 0001438 | 1298 | 145 | 3 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1300 | 0001439 | 1299 | 145 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M11948 | 91 | 84 | 59 | 342 | 425 |

【図 85】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 1324 | 0001463 | 1323 | 134 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1325 | 0001464 | 1324 | 133 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1326 | 0001466 | 1325 | 132 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1327 | 0001467 | 1326 | 130 | 4 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1328 | 0001468 | 1327 | 130 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1329 | 0001469 | 1328 | 129 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1330 | 0001470 | 1329 | 128 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1331 | 0001471 | 1330 | 128 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1332 | 0001472 | 1331 | 128 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1333 | 0001473 | 1332 | 129 | 6 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1334 | 0001474 | 1333 | 127 | 2 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1335 | 0001475 | 1334 | 127 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 1336 | 0001476 | 1335 | 126 | 8 | 0 | 0 | 4 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1337 | 0001477 | 1336 | 126 | 4 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1338 | 0001478 | 1337 | 125 | 3 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1339 | 0001479 | 1338 | 125 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1340 | 0001481 | 1339 | 124 | 3 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1341 | 0001482 | 1340 | 124 | 2 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1342 | 0001483 | 1341 | 129 | 7 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1343 | 0001484 | 1342 | 122 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1344 | 0001485 | 1343 | 122 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1345 | 0001486 | 1344 | 121 | 3 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1346 | 0001487 | 1345 | 120 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 1347 | 0001488 | 1346 | 119 | 4 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1348 | 0001489 | 1347 | 119 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1349 | 0001490 | 1348 | 322 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1350 | 0001491 | 1349 | 118 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1351 | 0001492 | 1350 | 118 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1352 | 0001493 | 1351 | 118 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1353 | 0001494 | 1352 | 118 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1354 | 0001495 | 1353 | 117 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1355 | 0001496 | 1354 | 119 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | X54637 | 100 | 116 | 1 | 4058 | 4176 |
| 1356 | 0001497 | 1355 | 116 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1357 | 0001498 | 1356 | 116 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1358 | 0001499 | 1357 | 115 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1359 | 0001500 | 1358 | 118 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1360 | 0001501 | 1359 | 192 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 1361 | 0001502 | 1360 | 115 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1362 | 0001503 | 1361 | 128 | 8 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1363 | 0001505 | 1362 | 113 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1364 | 0001506 | 1363 | 113 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1365 | 0001507 | 1364 | 397 | 4 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X55187 | 95 | 397 | 1 | 1923 | 2327 |
| 1366 | 0001508 | 1365 | 112 | 12 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 6 | 1 | X29065 | 99 | 112 | 1 | 1587 | 1700 |
| 1367 | 0001509 | 1366 | 112 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1368 | 0001510 | 1367 | 112 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1369 | 0001511 | 1368 | 112 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 87】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|--|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|-----|-----|------|------|------|
| | 1370 | 0001512 | 1369 | 112 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| | 1371 | 0001513 | 1370 | 111 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| | 1372 | 0001514 | 1371 | 111 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| | 1373 | 0001515 | 1372 | 111 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M73554 | 94 | 110 | 1 | 3448 | 4221 | |
| | 1374 | 0001516 | 1373 | 110 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | | |
| | 1375 | 0001517 | 1374 | 109 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| | 1376 | 0001518 | 1375 | 109 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| | 1377 | 0001519 | 1376 | 236 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| | 1378 | 0001520 | 1377 | 108 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| | 1379 | 0001521 | 1378 | 107 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| | 1380 | 0001522 | 1379 | 107 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| | 1381 | 0001523 | 1380 | 107 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| | 1382 | 0001524 | 1381 | 337 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | SS4711 | 97 | 231 | 62 | 1 | 229 | |
| | 1383 | 0001525 | 1382 | 107 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| | 1384 | 0001526 | 1383 | 106 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| | 1385 | 0001527 | 1384 | 106 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| | 1386 | 0001528 | 1385 | 117 | 10 | 0 | 0 | 2 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| | 1387 | 0001529 | 1386 | 105 | 6 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| | 1388 | 0001530 | 1387 | 105 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| | 1389 | 0001531 | 1388 | 105 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| | 1390 | 0001532 | 1389 | 105 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| | 1391 | 0001533 | 1390 | 332 | 15 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 2 | 1 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 1 | J04182 | 98 | 105 | 1 | 2333 | 2455 |
| | 1392 | 0001534 | 1391 | 157 | 7 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 2 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 1393 | 0001535 | 1392 | 103 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1394 | 0001537 | 1393 | 283 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1395 | 0001538 | 1394 | 103 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1396 | 0001539 | 1395 | 104 | 10 | 0 | 0 | 1 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1397 | 0001540 | 1396 | 102 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1398 | 0001541 | 1397 | 378 | 4 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1399 | 0001542 | 1398 | 102 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X06816 | 90 | 101 | 1 | 147 | 515 |
| 1400 | 0001543 | 1399 | 102 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1401 | 0001544 | 1400 | 101 | 4 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1402 | 0001545 | 1401 | 101 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1403 | 0001546 | 1402 | 101 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1404 | 0001547 | 1403 | 100 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1405 | 0001548 | 1404 | 100 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1406 | 0001549 | 1405 | 98 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1407 | 0001550 | 1406 | 98 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1408 | 0001551 | 1407 | 98 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1409 | 0001552 | 1408 | 98 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1410 | 0001553 | 1409 | 104 | 5 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1411 | 0001554 | 1410 | 94 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 1412 | 0001555 | 1411 | 92 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M95767 | 98 | 89 | 1 | 1208 | 1618 |
| 1413 | 0001556 | 1412 | 92 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1414 | 0001557 | 1413 | 91 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1415 | 0001558 | 1414 | 90 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 8 9】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 1416 | 0001560 | 1415 | 90 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 1417 | 0001561 | 1416 | 87 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1418 | 0001562 | 1417 | 85 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1419 | 0001563 | 1418 | 85 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1420 | 0001564 | 1419 | 84 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1421 | 0001565 | 1420 | 84 | 6 | 0 | 0 | 2 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1422 | 0001566 | 1421 | 84 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | | | | | | |
| 1423 | 0001567 | 1422 | 83 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1424 | 0001568 | 1423 | 83 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1425 | 0001569 | 1424 | 83 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 3 | 0 | | | | | |
| 1426 | 0001570 | 1425 | 82 | 5 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1427 | 0001571 | 1426 | 86 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1428 | 0001572 | 1427 | 81 | 4 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1429 | 0001573 | 1428 | 81 | 2 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1430 | 0001574 | 1429 | 81 | 8 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1431 | 0001575 | 1430 | 80 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1432 | 0001576 | 1431 | 79 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | | | | | | |
| 1433 | 0001577 | 1432 | 79 | 4 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 1434 | 0001578 | 1433 | 79 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1435 | 0001579 | 1434 | 78 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1436 | 0001580 | 1435 | 78 | 4 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1437 | 0001581 | 1436 | 78 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1438 | 0001582 | 1437 | 77 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図90】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|----|----|------|------|
| 1439 | 0001583 | 1438 | 76 | 5 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1440 | 0001584 | 1439 | 76 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1441 | 0001585 | 1440 | 75 | 5 | 0 | 0 | 2 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M32315 | 100 | 75 | 1 | 3604 | 3683 |
| 1442 | 0001586 | 1441 | 75 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1443 | 0001587 | 1442 | 74 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1444 | 0001588 | 1443 | 73 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1445 | 0001589 | 1444 | 73 | 7 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1446 | 0001590 | 1445 | 72 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1447 | 0001591 | 1446 | 71 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1448 | 0001592 | 1447 | 70 | 4 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 1449 | 0001593 | 1448 | 68 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1450 | 0001594 | 1449 | 67 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | Y00062 | 100 | 65 | 1 | 3982 | 4597 |
| 1451 | 0001595 | 1450 | 66 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1452 | 0001596 | 1451 | 66 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1453 | 0001597 | 1452 | 64 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1454 | 0001598 | 1453 | 64 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1455 | 0001599 | 1454 | 62 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1456 | 0001600 | 1455 | 62 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1457 | 0001601 | 1456 | 62 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1458 | 0001602 | 1457 | 62 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1459 | 0001603 | 1458 | 62 | 3 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1460 | 0001604 | 1459 | 62 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1461 | 0001605 | 1460 | 61 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |

【图91】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|--------|-----|----|----|------|------|
| 1462 | 0001606 | 1461 | 61 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1463 | 0001607 | 1462 | 60 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1464 | 0001608 | 1463 | 62 | 19 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 3 | 0 | 0 | 5 | 0 | 0 | 2 | 1 | 3 | 0 | S60099 | 100 | 54 | 1 | 3673 | 3727 |
| 1465 | 0001609 | 1464 | 72 | 11 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | J03909 | 100 | 52 | 1 | 981 | 1032 |
| 1466 | 0001610 | 1465 | 59 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1467 | 0001611 | 1466 | 63 | 3 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1468 | 0001612 | 1467 | 59 | 4 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1469 | 0001613 | 1468 | 58 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1470 | 0001614 | 1469 | 65 | 4 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1471 | 0001615 | 1470 | 56 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1472 | 0001616 | 1471 | 58 | 27 | 0 | 0 | 1 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 5 | 11 | 0 | 0 | 2 | L03558 | 98 | 55 | 1 | 588 | 642 |
| 1473 | 0001617 | 1472 | 55 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1474 | 0001618 | 1473 | 55 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1475 | 0001619 | 1474 | 55 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1476 | 0001620 | 1475 | 55 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 1477 | 0001621 | 1476 | 54 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1478 | 0001622 | 1477 | 54 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1479 | 0001623 | 1478 | 54 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 1480 | 0001624 | 1479 | 54 | 6 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | M22324 | 100 | 54 | 1 | 3427 | 3494 |
| 1481 | 0001625 | 1480 | 54 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1482 | 0001626 | 1481 | 54 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1483 | 0001627 | 1482 | 53 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1484 | 0001628 | 1483 | 52 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---------|----|-----|----|------|------|
| 1485 | 0001629 | 1484 | 52 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1486 | 0001630 | 1485 | 52 | 7 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | | | | | | |
| 1487 | 0001632 | 1486 | 55 | 8 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1488 | 0001633 | 1487 | 51 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1489 | 0001642 | 1488 | 55 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1490 | 0001671 | 1489 | 266 | 30 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 7 | 3 | 2 | 0 | 0 | 1 | 5 | 0 | 0 | 0 | 3 | 2 | | | | | | |
| 1491 | 0001673 | 1490 | 349 | 6 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1492 | 0001686 | 1491 | 734 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1493 | 0001687 | 1492 | 731 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X06409 | 92 | 661 | 1 | 1579 | 2602 |
| 1494 | 0001688 | 1493 | 687 | 4 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | X04098 | 98 | 325 | 1 | 1093 | 1918 |
| 1495 | 0001689 | 1494 | 649 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1496 | 0001691 | 1495 | 549 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1497 | 0001692 | 1496 | 543 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1498 | 0001693 | 1497 | 533 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1499 | 0001694 | 1498 | 531 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1500 | 0001695 | 1499 | 526 | 8 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | X021575 | 96 | 524 | 1 | 152 | 668 |
| 1501 | 0001696 | 1500 | 525 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1502 | 0001697 | 1501 | 321 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | X01060 | 96 | 317 | 4 | 4532 | 5010 |
| 1503 | 0001698 | 1502 | 509 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1504 | 0001699 | 1503 | 497 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1505 | 0001700 | 1504 | 472 | 8 | 0 | 0 | 0 | 4 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 1506 | 0001701 | 1505 | 496 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1507 | 0001702 | 1506 | 331 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | X022920 | 98 | 330 | 1 | 87 | 674 |

【图 9 3】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 1508 | 0001703 | 1507 | 490 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1509 | 0001704 | 1508 | 477 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1510 | 0001705 | 1509 | 476 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1511 | 0001706 | 1510 | 488 | 6 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1512 | 0001707 | 1511 | 472 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1513 | 0001708 | 1512 | 469 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1514 | 0001709 | 1513 | 466 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1515 | 0001710 | 1514 | 465 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1516 | 0001711 | 1515 | 462 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1517 | 0001713 | 1516 | 459 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1518 | 0001714 | 1517 | 454 | 3 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1519 | 0001715 | 1518 | 453 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1520 | 0001718 | 1519 | 450 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1521 | 0001719 | 1520 | 449 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1522 | 0001720 | 1521 | 464 | 41 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 4 | 2 | 4 | 3 | 1 | 1 | 0 | 0 | 5 | 7 | 9 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1523 | 0001721 | 1522 | 445 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1524 | 0001722 | 1523 | 435 | 4 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1525 | 0001724 | 1524 | 434 | 3 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1526 | 0001726 | 1525 | 423 | 3 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1527 | 0001727 | 1526 | 419 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1528 | 0001728 | 1527 | 419 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1529 | 0001729 | 1528 | 418 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1530 | 0001730 | 1529 | 404 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |

【図 9 4】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|-----|------|
| 1531 | 0001731 | 1530 | 402 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X12597 | 97 | 276 | # | 521 | 1009 |
| 1532 | 0001732 | 1531 | 407 | 4 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1533 | 0001733 | 1532 | 397 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1534 | 0001734 | 1533 | 395 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1535 | 0001735 | 1534 | 391 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1536 | 0001736 | 1535 | 388 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1537 | 0001737 | 1536 | 388 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1538 | 0001738 | 1537 | 385 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1539 | 0001739 | 1538 | 376 | 6 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 1540 | 0001740 | 1539 | 160 | 5 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1541 | 0001741 | 1540 | 372 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1542 | 0001742 | 1541 | 372 | 4 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1543 | 0001743 | 1542 | 368 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1544 | 0001746 | 1543 | 364 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1545 | 0001747 | 1544 | 362 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1546 | 0001748 | 1545 | 361 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1547 | 0001749 | 1546 | 360 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X73685 | 93 | 358 | 1 | 850 | 2177 |
| 1548 | 0001750 | 1547 | 358 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X16166 | 99 | 358 | 1 | 278 | 637 |
| 1549 | 0001751 | 1548 | 354 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1550 | 0001752 | 1549 | 352 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 1551 | 0001753 | 1550 | 351 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1552 | 0001754 | 1551 | 357 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1553 | 0001755 | 1552 | 411 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 9 5】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|--------|--------|-----|-----|------|------|------|
| 1554 | 0001756 | 1553 | 303 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1555 | 0001758 | 1554 | 340 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1556 | 0001759 | 1555 | 384 | 3 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1557 | 0001760 | 1556 | 337 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1558 | 0001761 | 1557 | 335 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1559 | 0001763 | 1558 | 330 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1560 | 0001764 | 1559 | 330 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1561 | 0001765 | 1560 | 339 | 7 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | M84739 | 95 | 337 | 1 | 1615 | 1958 | |
| 1562 | 0001766 | 1561 | 335 | 60 | 0 | 0 | 0 | 6 | 15 | 2 | 4 | 2 | 0 | 4 | 0 | 5 | 1 | 1 | 0 | 6 | 1 | 10 | 3 | 0 | V00594 | 93 | 318 | 1 | | 372 | |
| 1563 | 0001767 | 1562 | 328 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1564 | 0001768 | 1563 | 327 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1565 | 0001769 | 1564 | 326 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1566 | 0001770 | 1565 | 387 | 5 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | M64098 | 98 | 385 | 1 | 3963 | 4354 | |
| 1567 | 0001771 | 1566 | 325 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1568 | 0001772 | 1567 | 322 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M63838 | 97 | 322 | 1 | 2348 | 2709 |
| 1569 | 0001773 | 1568 | 319 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M16985 | 97 | 309 | 1 | 2120 | 2428 |
| 1570 | 0001774 | 1569 | 316 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M29863 | 92 | 185 | # | 906 | 1098 |
| 1571 | 0001775 | 1570 | 390 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | D11094 | 96 | 374 | 1 | 1105 | 1478 |
| 1572 | 0001776 | 1571 | 311 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1573 | 0001777 | 1572 | 310 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1574 | 0001778 | 1573 | 307 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1575 | 0001779 | 1574 | 305 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1576 | 0001780 | 1575 | 304 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 9 6】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|----|------|------|
| 1577 | 0001781 | 1576 | 304 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1578 | 0001782 | 1577 | 304 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1579 | 0001783 | 1578 | 304 | 3 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1580 | 0001784 | 1579 | 303 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1581 | 0001785 | 1580 | 302 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 99 | 301 | 1 | 1101 | 1401 |
| 1582 | 0001786 | 1581 | 307 | 8 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1583 | 0001787 | 1582 | 301 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1584 | 0001788 | 1583 | 297 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1585 | 0001789 | 1584 | 297 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1586 | 0001790 | 1585 | 299 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 95 | 298 | 1 | 795 | 1226 |
| 1587 | 0001791 | 1586 | 324 | 28 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 3 | 1 | 3 | 0 | 0 | 5 | 0 | 1 | 0 | 2 | 3 | 3 | 4 | | | | | | | |
| 1588 | 0001792 | 1587 | 295 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1589 | 0001793 | 1588 | 297 | 4 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1590 | 0001794 | 1589 | 289 | 5 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1591 | 0001795 | 1590 | 287 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1592 | 0001796 | 1591 | 285 | 7 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 99 | 285 | 1 | 2924 | 3220 |
| 1593 | 0001797 | 1592 | 280 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1594 | 0001798 | 1593 | 273 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1595 | 0001799 | 1594 | 270 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1596 | 0001800 | 1595 | 270 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 1597 | 0001801 | 1596 | 269 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1598 | 0001802 | 1597 | 267 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1599 | 0001803 | 1598 | 288 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【图 9 7】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 1600 | 0001804 | 1599 | 266 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1601 | 0001805 | 1600 | 266 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1602 | 0001806 | 1601 | 262 | 15 | 0 | 0 | 0 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 1 | 0 | X05908 | 98 | 259 | 1 | 1142 | 1399 |
| 1603 | 0001807 | 1602 | 254 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1604 | 0001808 | 1603 | 255 | 41 | 0 | 0 | 0 | 6 | 0 | 2 | 1 | 1 | 3 | 7 | 4 | 2 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 6 | 3 | 2 | S54005 | 98 | 253 | 1 | 201 | 453 |
| 1605 | 0001809 | 1604 | 258 | 12 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M58485 | 99 | 258 | 1 | 610 | 875 |
| 1606 | 0001810 | 1605 | 256 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1607 | 0001811 | 1606 | 204 | 8 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 2 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | M11354 | 98 | 204 | 1 | 352 | 1039 |
| 1608 | 0001812 | 1607 | 246 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1609 | 0001813 | 1608 | 285 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 1610 | 0001814 | 1609 | 241 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M69238 | 97 | 219 | 1 | 2394 | 2616 |
| 1611 | 0001815 | 1610 | 239 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1612 | 0001816 | 1611 | 236 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1613 | 0001817 | 1612 | 235 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M77140 | 97 | 233 | 1 | 280 | 512 |
| 1614 | 0001818 | 1613 | 324 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M65212 | 97 | 322 | 1 | 741 | 1107 |
| 1615 | 0001819 | 1614 | 235 | 4 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1616 | 0001820 | 1615 | 235 | 6 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1617 | 0001821 | 1616 | 234 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1618 | 0001822 | 1617 | 234 | 7 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X06256 | 100 | 234 | 1 | 3965 | 4204 |
| 1619 | 0001823 | 1618 | 230 | 4 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1620 | 0001824 | 1619 | 230 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M15841 | 100 | 228 | 1 | 782 | 1015 |
| 1621 | 0001825 | 1620 | 227 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1622 | 0001826 | 1621 | 227 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【配列表1008】

配列番号：5563

配列の長さ：89

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06521

配列：

GATCTTCCAG AGAAGGGAAC ATCTGTCACA GACAATGACT GTATCTGTNT AGATATTTCT 60
 TATTTAATAA AGACGATTG TCAGTTAAA 89

配列番号：5564

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06522

配列：

GATCAGAAAT GCCTCCTTA CCTACCAGAG CCTACAACAC TACCTGCCAC TAATAGTTAT 60
 GTCACCCTCT TATTAATCAT CATCTAGCCC TAAGTCTGGN 100

配列番号：5565

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06523

配列：

GATCAGGGGA AGAATACCA CCTGCATAAG TGTACTAANT CTACGTCTGG TTAATGTATG 60
 TACTCTCCTG GACTGAATGC AGTGATAAT TCCTGTCTAC 100

配列番号：5566

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06524

配列：

GATCAGAACC AGAAAGAACT NTGCTTNACC GAGAAAATAT CTAAACATCG AAAAAGTTAA 60
 ATATTATGGA AAAAAACAT TGCAAAATAT AAAGTAANTA 100

配列番号：5567

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06525

配列：

GATCTAATGC AGGATGTCAG ACTTNTNTCT ATCCAGGAAT AAAACCACTT ATGCCAGAAG 60
 TAACTATTAT NCACCTNTCT CCTACTGAAT TAAATACTA 100

【1099】

【配列表1009】

配列番号： 5568
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06526
 配列：
 GATCAGATT TTCAGCANT CAGACATGGT CTTGNGTAGT TGTTCACAG TGTTCGCCAG 60
 CTACAGAGGA AANGNCAGAC TCACAGAAGG GTGTCATTTA 100

配列番号： 5569
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06527
 配列：
 GATCCTCAAC GAAATCAATC TCACAATAGG NAAGGAAAAG NCAATACAAG GAAGAAACCA 60
 TTGAGAAGAT GCAGAATAAA GTAATCTTAT ATACANGCTT 100

配列番号： 5570
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06528
 配列：
 GATCGCCATC ANTTGGGTAG TGACAGNGTA TTAATTTGCT TATACANTTN CTTTACTINT 60
 CTTTTTTCCT TTCTGGAGCA TCACATGCTG GTGCTGTGTC 100

配列番号： 5571
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06529
 配列：
 GATCCTACAG ATACAAGTTG CTAAANGGGC ATATCAACAG TCCAACAAAT AAAGAAGATG 60
 CCTGGATTGA GCATGATGTT TGGAGATGGA GATTTATGTG 100

配列番号： 5572
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06530
 配列：
 GATCCCCCAG ATACCAGCTC TTCTGGNTAT ACACAGACCA GCTATAATTN GCTAAGCATA 60
 AANTATTNCA GTGTATTAGC CAGCNGTGGC TCCAGAGTCT 100

配列番号： 5573
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06531
 配列：
 GATCATTAGG TCAGAGTTA CAGCNCCTCT CGTCACTAGA ATCCACCCAG CCCACGAATC 60
 ATCACCCNCT TGAAGGACAT TATTACTACT GHAANTTNGA 100

【1100】

【配列表1010】

配列番号： 5574

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06532

配列：

GATCCATCCA GAACAGCGGT ATCTGAAGCC CAGGCCATAC TCCCTGCCTC CTTNCTTCTG 60
CCTACCAGAG GCTCCANAGT TGAGCTTGTC CNTTATCTAG 100

配列番号： 5575

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06533

配列：

GATCATGCTT GTNTNAGGCA ATCATGGTGG CATCACCCAT AAAGGGAACA CATTTAAGTT 60
TTTTTNCCTA TATTTTAAAT TACTACANGA TTATTAAAGA 100

配列番号： 5576

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06536

配列：

GATCATGAGA CTGAAATTGG TCAGAATTGT GTCCAGAATG TGCTCAGCTA ATTCAGTATT 60
CTTCCCATT CTGGGTTGGA GTTTACTGCA GAGTAATTCT 100

配列番号： 5577

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06537

配列：

GATCCATGAT GATAATTAAG AGAAGAGAAA AAAAGATATT ATTTTGTNA GGACAAACCA 60
TTGTAGGTTT TTAGCAATGT GTATCTGTGT GTCCCTCACA 100

配列番号： 5578

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06538

配列：

GATCATTTCT AGGCAAAATT GTGAAGCTAA TGACCAACCT GTTTCTACCT ATATGCAGTC 60
TCTTTATTTT ACTAGAAATG GGAATCATGG CCTCTTGAAG 100

【1101】

【配列表1011】

配列番号：5579
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06539
 配列：
 GATCCAAGTG ACCAAAGGAG TTCAAGGCC AAAATTTAGT TATGCTGGAT TAATTCTGAG 60
 AGTAACAAGC ACATAGATTA TAATCTAAGA AAACCCTTTG 100

配列番号：5580
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06540
 配列：
 GATCTGTCTT GGTGCTTTGT GTTATAAAAC CAAAGTCTC TACAGACTTT ATTTTGTAC 60
 AATATCATTT TGTAACTTTT TACAAATAAA AACTCATTTT 100

配列番号：5581
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06541
 配列：
 GATCACTTAC GGAGAAACAG GAGGAAATAG CCCTGTCCAG GAGTTCACTG TGCCTGGGTG 60
 CAAGTCTACA GCTACCATCA GCGGCCTTAA ACCTGGAGTT 100

配列番号：5582
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06542
 配列：
 GATCTGGGTT TAGAGTGTGT ATGATTAATA AATATACCTT TCCTCTTTTC AGGGAAAATA 60
 ACAACCACCC NTACTGATAG TTGGGAAAAG AAGATTGGGT 100

配列番号：5583
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06544
 配列：
 GATCATCCTG TAAACATTTT ATCATGTATT AATCATCCCT GCCTGTGTCT ATTATTATAT 60
 TCANATCTCT ACGCTGGAAC CTTTCTGCCT CAATGTTTAC 100

配列番号：5584
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06545
 配列：
 GATCAGGTTG AATGAATGGA ACTCTTCCTG TCTGGCCTCC AAAGCAGCCT AGAAGCTGAG 60
 GGGCTGTNTT TGAGGGGACC TCCACCCTGG GGAAGTCCGA 100

【1102】

【配列表1012】

配列番号： 5585

配列の長さ： 87

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名： HUMGS06546

配列：

GATCTTTTAA AGGTTTNNAC CATTITGTNA TGAGGAATTA TACATGTATC ACATTCACTA 60
TATTTAAATT GCACITTTTAT TTTNAAA 87

配列番号： 5586

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名： HUMGS06547

配列：

GATCCATCCC ATGATTTGTN CCTGTCTGAG GCATAGAGGC AGGCAAGCCG TGGATTTTNC 60
ACATGGTGAC TTTCCCACTG TGCCATGATA CAGTGTGCAT 100

配列番号： 5587

配列の長さ： 90

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名： HUMGS06548

配列：

GATCAAGTTG CCATGAAAAA CCATCTACTA TATGTNAGAC ATGACATTCT NTTTCTCTCC 60
TTCCTGAAAA ATAAAGTGTG GGAAGAGAAA 90

配列番号： 5588

配列の長さ： 98

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名： HUMGS06549

配列：

GATCTTACTT TCTTGCTGCT TTTCCAACTA TAATCATTNT GCTCTTGCTT TAACAAAAGA 60
AGGGGCACAG CAATTTAGTA AATNTNTGTA ATAACAAA 98

配列番号： 5589

配列の長さ： 64

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名： HUMGS06550

配列：

GATCTCACCA CTGCACTATA GCCTGGGCGA CAGAGCAAGA CTCCCGCTCC AAAAAANGGA 60
GAAA 64

【1103】

【配列表1013】

配列番号：5590
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06551
配列：
GATCCACAAA TCGCTAGGAA TGTGTATACT CTGGGTAGTA AGTTTGTAGT ATTAGAAGGT 60
TTAATGACAA GTATTGAAG AGCTGAAGTT AAGTGTGGG 100

配列番号：5591
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06552
配列：
GATCATCCTC ATTAGCACAC AGATTTTNA AATCAATTC TCTNGCCATG CCTCCTATGT 60
GTTACATCT CTGCATACAC TACAGATATA AGTGCATAAT 100

配列番号：5592
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06553
配列：
GATCTTTTCA GCTGCTATTT TGGAATAATG ACTATCATAT ATCATAACAG TGACTGATGT 60
TGGTTGTAAT GGTGGGTTT AGGATGAACC ATTTTAAGGA 100

配列番号：5593
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06555
配列：
GATCCCAGCA GGGNTTCTGC TCTGGGGCTG GCAGGTTGCC TGGTATTATG CCCAAGGNCG 60
NTCTGCCTGG GGGAAAGGGC AGCCAGGCAG AGGCCAGTG 100

配列番号：5594
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06556
配列：
GATCCCTTGG AGCACCTTNA TGCCTGGGGT TTCTCTCCCT AAAGCTTCTT GCAGTCTAAG 60
CCTTATCCCT TATGTNCCC ATTAAGGAA TTTCAAAAGA 100

配列番号：5595
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06557
配列：
GATCTGGACA AATGGCAAAT AATTTGGGGT TGAATTATGG CCCAGAGAAG TAAGCAAATG 60
NAAAACTAAA CANTTATAAA TGTATCTGGG AAGCAAAGGT 100

【1104】

【配列表1014】

配列番号：5596

配列の長さ：97

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06558

配列：

GATCGTCCCC CTTTNTGGGC TGGAAAAGCA GGTGAGGNTG GGGTGGGCTG AGGCCATTNC 60
CGCCACTATC TGTTTAATAA AATCCGTGAG CACGAAA 97

配列番号：5597

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06559

配列：

GATCCTCCGG AAGTAGTCTC TNCCCTCGGC AGCGGAAATA CTGATTCCCA CTGCTCCTNC 60
CTCTAGGGTG CAGTGTCCGT ACCTNCTGGA GCTGGNCCCT 100

配列番号：5598

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06560

配列：

GATCATTAAT AAAGCTTTTC TTGGTTCCTT CAGTGGTGT GGTAGTAAAA TGGAAGGNGT 60
CTTGCTGCAG GTAACATAAG AAGANGTGGT CAACCACAGA 100

配列番号：5599

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06561

配列：

GATCAAAGCC AGTNTTAAAT GGGAGACCGA GCGAGCGCGG CAAGTGCTGG AACACCTGCT 60
GAAGGAAGGG TTGGCGTGGC TGGACTTACA GGCCCCAGGG 100

配列番号：5600

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06563

配列：

GATCTCATGA TGATTANAC CACAGNCTGG GNTAAAGATG TCTTGACCTC TGAGGCTAGC 60
ATAACATATA TNAGAATACA NCTTGCTAT TTCCAGAAAA 100

【1105】

【配列表1015】

配列番号： 5601
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06564
 配列：
 GATCAGCTTA CTGAAAAGAA GCCTCCNAG TATTCCAAAT ACAGATTACA TCCAGCTGCT 60
 TAGTGAAATT GCCAAGGNAC AAGGNTTTAA TATAACATAT 100

配列番号： 5602
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06565
 配列：
 GATCNACAAT NTGAATATGT GTTACTTAAT AAGGCTAGGC TGGCCATCAG TNCCTTANTT 60
 CAGATGTGTC ACTAAATTC CCNTCTAGAT GGTCTTGAG 100

配列番号： 5603
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06566
 配列：
 GATCATCACA GTTTGAGTTT GACCCCAATG CCAGGATGGT GACACACATA TTAAAGAGTA 60
 ACAGCTGGTT ACATTGCTAG GCGAGATAGG GGAAGACAG 100

配列番号： 5604
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06567
 配列：
 GATCTCACIT TCCCCTTG TG GGGTAGGAAC CGATGCCAGT GGGAGGGATG TGCCCCTGAC 60
 CATTACGAC TGTTTTTTTT TTTTTTTTA AAAAAATGCG 100

配列番号： 5605
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06569
 配列：
 GATCACGGGA ATGCTGCTGG AGATAGACAA CTCTNAGTTG CTGCACATNT TAGAGTCCCC 60
 CGATCTCTC CGCTCCAAGG TGGATGAAGC TGATGACGTT 100

配列番号： 5606
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06570
 配列：
 GATCCTGGGT TTTTGTGGT TGA CTCTCTAT GGTGTTTTNN AAAAAACACAG ATTTTATGTC 60
 TTAATATTGT GTAAATGTAC TGACCTTAGG NATTCATTG 100

【1106】

【配列表 1016】

配列番号： 5607

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06571

配列：

GATCCTTCTA GACCAAGGAC CCATTGTAA AAGCATGGAT TCTGCCTGAN TTACTTCCCT 60
TTTGAGAAAT CATATCTCAA ATACATAACC TGTAATATA 100

配列番号： 5608

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06572

配列：

GATCCCTGCT TCATAGATTT GCATCATTCA AGCATATCTT GTAAAACAAA CACATATTAT 60
GGGACTAGGA AATATTTATC TTTCCAAAT TGCCATAACA 100

配列番号： 5609

配列の長さ：63

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06573

配列：

GATCCTAGCT GCAGATTGCA TCCCACAATG CGAGAATAAT AAAATAAAAT TNGATATTNG 60
AAA 63

配列番号： 5610

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06574

配列：

GATCNATGGT GTGACTCAAG CTCNCCTTA CCCAGGGGGG GTAAGGGCAG GCCTCTAGCT 60
ACTTGGAGTT GTCTGTAATA ATCTNGAAAG GCCCAAGGGC 100

配列番号： 5611

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06576

配列：

GATCTTGCAC ATGAAGCTAC AAAACTGGTA AGAAACAAAT GGCACATGTG NTGGGAATGG 60
AAGTCAACCT TTTTGAATTT TTCAAATGTA AGTCAGTCTG 100

【1107】

【配列表1017】

配列番号： 5612
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06577
 配列：
 GATCCGCCGC CAGAAAGGTT ATGCATCATG TGCCACAGCC TCCAAGGTGC CCATCATGGA 60
 ATNTCGTGGG GGCTGTGGGC CHANTGCTGC CAGCCCACCC 100

配列番号： 5613
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06578
 配列：
 GATCTNTTCC AACAGTTCTN TGTAACCAA ATGCTATTTT TCANTGCATT TGGACTGCTG 60
 ACCATTTAAA AGCAGCCTAT GATTGCTTCT TTTTGTAAG 100

配列番号： 5614
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06579
 配列：
 GATCCTAAAA CGAAGAGAAT TTTGACTCTC CAGAAAGCTA ATAGCTGGTT CAACTGCAGG 60
 AAAAAATTGAA CATTACTAAT TTGAATGGAA AACACATGGT 100

配列番号： 5615
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06580
 配列：
 GATCTNCCTC NACACCTNGG GCAAAGTCTA TGCGAAGATG GTTTCCTAGC TCTCCATTG 60
 CCATGATTTT CCTCCCATTC ATCATGAGGG AGTTTCTCAA 100

配列番号： 5616
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06581
 配列：
 GATCATNTTG GAACCAGACA AGAATCCAAA GAAAAAAGA ACACAGACCA CCAGTGCAAA 60
 ACAAGAAAAA GCACCAAGTA AAAAGCCAGT GAAAAAGA 100

配列番号： 5617
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06582
 配列：
 GATCAAAGTT AAGATTATAT CCTGTTTGTG GTATCAGATA TTTTCCTGTG TACAATTATA 60
 GGATTGTAAT CTAAACTGGA ATTTTATAGG AGTAAGTCAC 100

【1108】

【配列表1018】

配列番号： 5618

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06583

配列：

GATCCCAGAG GCTCTCCTCA CCTCANCTGA GCTCCTTTNA AAGTAATTCA AGGGACTATN 60
TCACTCAGCC TCATTGCTG GACCAAATCT GGAGGGAGAA 100

配列番号： 5619

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06584

配列：

GATCGCTTGA GGCCAGTTCA AGACCAGCCT GGCCAACATG GCGAAACCCG TCTCCACTAA 60
AAATACAAA CTTAGCCAGG CGTGGTGGCG CGCGCCTGTA 100

配列番号： 5620

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06585

配列：

GATCCTGAAA GAGGACAAAC TACATTGCCT TTTAGACCTN TGACTCAAGA AGAAGATGAT 60
GACCAAAGGT GATTTGTAAC TTAACATGCC TTNTCCTGAT 100

配列番号： 5621

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06586

配列：

GATCCCCACA CTTACTCTAC CCTCTNGGCA AATTGGCATT CCGGTGGTGG GTTTTGTNTC 60
CTTTAACACA TTAAATAAAT NAGTATATAG GATGTGAGGG 100

配列番号： 5622

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06587

配列：

GATCTGGGTG TGCTCTATGG GGAGTNCTGA CGTCAANAG CAAATGTCTA TAAGGGGCC 60
TTTTAAATN AACATTTTCC TCATTGAGCA AGCNTGGATT 100

【1109】

【配列表1019】

配列番号： 5623
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06588
 配列：
 GATCCTCCCA CCTCAGCCTG CTGAGTAGCT GGGTCTACAG GTGCACACCA CCATGCCTGG 60
 CTAAAGGCAT GTCTGCATTT ATGCGAGGTG TGTGACCGG 100

配列番号： 5624
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06590
 配列：
 GATCAAATNA TTTGACTATT GCTAGACATT TCTATACTCT GTTGTAAACAC TGAGGTATCT 60
 CATTTGCCCA TGTTAATTTT TTTCTAAATA AATTGACAAA 100

配列番号： 5625
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06591
 配列：
 GATCTNCTTT ATAATTCTNC TTTGAGTGCT GTCTCCATGT TTGATGTATC TNAGCAGGTT 60
 GCTCCACAGG TAGCTCTAGG AGGGCTGGCA ACTTAGAGGT 100

配列番号： 5626
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06592
 配列：
 GATCAGGCC TCCAGGGCCC CCCAAATCCC AGGGAAGGAC TTGGGAGAGA ATCATGCTGT 60
 TGCATNTAGA NCTTTCTGCT TTGCACAGGA AAGAGTCACA 100

配列番号： 5627
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06593
 配列：
 GATCCAATTA ACAAATTCTG CACTGTGGCA ACTNAACGAN ATTATGCTTT GGACAGCTTT 60
 ATGTGTGAAT GTAAGAACAT ATTCTNAAGA AATGCTGTAA 100

配列番号： 5628
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06594
 配列：
 GATCANACAG CCTACANCCA GCCCCGAGTG TGCATCANGG TAAAAGAGCT GAGGGCTCTC 60
 TNCAGGGAGC AGCCCATTTA GGTCTCTGTN GTTGTGTAA 100

【1110】

【配列表1020】

配列番号： 5629

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06595

配列：

GATCATATNA GACGAGNAAG AGGAAGACCT AAAAGTGCAT CTGCCAAAAA ACATGAGGAA 60
 GAAAGTGAGA AACAGGAAAA GGAAATTNAC ATCTATGCTA 100

配列番号： 5630

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06596

配列：

GATCAGTGTG AGTCCTGAAG CACTTTNAGN GCTGTGNGAA CGACATCCAC TTTGGGTTTC 60
 ATTCGTTTGT AAGCAGAGGA GCTGTCAGTC ACTCGTGCTT 100

配列番号： 5631

配列の長さ：79

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06597

配列：

GATCATAAAA GGCTATTATC TATNCTGGGG AACGATTATA ACTTAAATAA TTATTTTAAT 60
 AAAAATACTA AGCTNNAAA 79

配列番号： 5632

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06598

配列：

GATCGGGCGG ATTGAGGATG TCANCCCCAT CCCCTCTGAC AGCACTCGCA GGAAGGGGGG 60
 TCGCCAGTGG TCGCCGTCTG TGAACAAGAT TCCTCAAAAT 100

配列番号： 5633

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06599

配列：

GATCATCCTG CAAGTGCTCT NGTGCCTAGG ATTCATCTTT CTTTTCACCG TAGGCCCTGA 60
 CTGGCATTNT ATTAGCAAAC TCATCACTAG TCGTNGTNCT 100

【1111】

【配列表1021】

配列番号：5634
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06600
 配列：
 GATCAAAACG ACGAAGAAAN GNCNCANAGA CTCAAATAAG GACAGAGTGA TTTCCAATAA 60
 TGTTC AATAG ATTTAGGAGC AGAAATGCAA GGGGCTGCAT 100

配列番号：5635
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06601
 配列：
 GATCTCAGTT TCAAATCTCC CCAAGCTGCC TAAATTGAAA AAGCTTGAAC TCAGTGAAAA 60
 TAGATTCTTT GGAGGTCTGG ACATGTTAGC TGA AAAA ACTT 100

配列番号：5636
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06602
 配列：
 GATCTCTTNG CGACAGTACC AAGCAGCGTT CTCTACACAG GTGACTTAAAG TTGCCTCTGT 60
 GTTGGCTGGC ATCCCTGAGT CCCCTNCGGG CTCCTATGGA 100

配列番号：5637
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06603
 配列：
 GATCATCTGA GCCTCAGGAG GTTGAGGCTG NAGTGAGCTG TGA CTNCGCC ACTGNACTCC 60
 AGTCTGGGAC AACAGAGCAA GACCCNGTCT TAAAAA AAAA 100

配列番号：5638
 配列の長さ：78
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06604
 配列：
 GATCTCCAGC TGCACAGGCC ACCGNCCCAG GCGGTGGCCG CTGTTACAGA AACAATAAAC 60
 CCTGATGGGC ATGGCAAA 78

配列番号：5639
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06605
 配列：
 GATCGTAACA ATGCCAAGAA GACACAAGAA TATGAGAAAG GAATTCCTAG AAAAAAGGCA 60
 AAGGTTTCAA TGA CTAAGCT AATTTTCTCT AAGTCTACTG 100

【1112】

【配列表1022】

配列番号：5640

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06606

配列：

GATCGGAGAA TTGTGTAGGC GAATAGGAAA TATCATTCGG GCTTGATGTG GGGAGGGGTG 60
TTTAAGGGGT TGGCTAGGGT ATAATTGTCT GGGTCGCCTA 100

配列番号：5641

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06607

配列：

GATCTCACTT CTGTCAGATG CTCCCATCCA CTATNAATGC ACTAGGTGGG AGGAGAGGGC 60
GGCAATGACA CTGCACCTCT CCTTTCCCAC CGCATTCCCT 100

配列番号：5642

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06608

配列：

GATCAAGTAA AAATGCAAAT CAATGATGCA AAGAAAACAG AAAAGAAAAA GAAGAAAAGA 60
CAGGATATTT CTGTTTATAA ATTAAAGCTG TAATATATTT 100

配列番号：5643

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06609

配列：

GATCTTGACC TCACGGTGTA AGAAGGGAGA GGATGGTTTC TCTTCTGCCC TCTCCCATGG 60
TGCCCGTGCC TCTNTGCTGT GTATGTGAAC CACCCACGTG 100

配列番号：5644

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06610

配列：

GATCTTTTTA GATACAATCC TTATTNAAAA AGGAGANGAT AACTGAGGAT TCTAAAAAGA 60
AGCCATGGAA AAATCCCTA GTAAGCATCT ACTTCAGGCC 100

【1113】

【配列表1023】

配列番号：5645
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06611
 配列：
 GATCTTGTGC TCAACATGAT NCNTTAATAG AAGTITTATN TTTCNGTGCA CTCTGCTAAT 60
 CATGTGGGTG AGCCAGTGGA ACAGCGGGAG ACCTGTGCTA 100

配列番号：5646
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06612
 配列：
 GATCTAATAG CTGAACATGAT TCAAACATGTA ATAAGCTCAT CAATTTCANT TCTATGAAAA 60
 TGTGCTCTGT TGTCACAGGA TGTTTCTGTT GGTTTTNTTC 100

配列番号：5647
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06613
 配列：
 GATCCCATAA TATAAATCAT ATCCTTTATA TTTAAGAATA TCTCAAATGT ATTCTTTNT 60
 TGTATGGTGG GTTTCCTAG GGACGTGTAA CTACAGGCTT 100

配列番号：5648
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06614
 配列：
 GATCTATACA TGAACAGCAG AATGTATAAG CTAGCATTTA CTAGCATGTC TCTNATACTT 60
 TTGTNCAITT CTGTTAATCG TCATTTCTGT CCCCTCTGCA 100

配列番号：5649
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06615
 配列：
 GATCAGCACA TCCAAAAACA CCAAGACAAA CATCCATGTG GAGCAGAACC TNTCCTGCCT 60
 CCGGAGTTCT GACCAGGTTT CCCAGCAGGC TGTTAAGCCT 100

配列番号：5650
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06616
 配列：
 GATCTATCAT TTTAATTGAT TCTGAAGCTT GTATTAAGAA CTAGGCAATA NCATCATGGG 60
 ATACATAGGA GANGGCACAT TTTACAATCA TNCATTNTGG 100

【1114】

【配列表 1024】

配列番号：5651

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06617

配列：

GATCTGCTGA CAAAACCTGG GAATTTGGGT TGTGTATCGG AATNTTTCAG TGCCTCAAAC 60
AAATNTGTAT TTAACCTATG TAAAAGATAA GTCTGGAAT 100

配列番号：5652

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06618

配列：

GATCATTTAA CATTCTGTGT ATGTAACAAA ATATCACATG CATAAATATT ATGTATCAAT 60
AAAATTTTTT AATGGGCAAA 80

配列番号：5653

配列の長さ：58

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06619

配列：

GATCCGGTCA CTGCACTCCA GCCTNGGAGA CTACAGCAAG ACTCTNTCTC CAGTTAAA 58

配列番号：5654

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06620

配列：

GATCTGAGCG GTGGTGCCTA CTTCCACTGT AAGAAAGAAT CTNGGTGGAT TTGTGTNTCA 60
AATCANGATA AGAGAAGCCT GTTTAAAGGA GCAGATGCCA 100

配列番号：5655

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06621

配列：

GATCATAAAC CGTTGCGGGA CAGAAGTAG ATATGTGATT GATTATNATG ATGGTGGTCA 60
AGTCAACAAG GACTACCAGT TCACCATCCT GGACGTCCGT 100

配列番号：5656

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06623

配列：

GATCCTCATC TTCCCCAAAT ACTCGTTCCC AAAATTGACG AGCCTGACAA TGTGCATGCC 60
AGGCAAGGCT CTTGGGGTTC CCCTAAAACA CTCCTCTTT 100

【1115】

【配列表 1025】

配列番号： 5657

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06624

配列：

GATCTGGCTC AGTCTACTAT GGGCAGGGCC CCCCACCAAG CTGAGCCGAA TGGAGACAGC 60
TGAGCTGAGG CCTGACTTTT TCAATAAAAC ATTGTGTAGT 100

配列番号： 5658

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06625

配列：

GATCTGAGCT GATGACTTGT GAGAGAAAAA GGAACAGAG TAAAGCCATG GAAGCCATGA 60
ACAGTAAGAG ACTGCCGCCT GGCATGGTTT CTTCTTCTGC 100

配列番号： 5659

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06626

配列：

GATCGATTGC AGTCAGAGCC TGAAAGTATC CGTAAATGGA GAGAAGAACA AATGGAACGC 60
TTGGAAGCCC TTGATGCCAA TNNTNGGAAG CAAGANGCAG 100

配列番号： 5660

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06627

配列：

GATCTTGGCT TCTNACAGTT CTNCCTGTCC AAACCTCCATC CTGTCCCTCA GGAACGGGGG 60
GAAAATTCTC CGAATGTTTT TGGTTTTTTG GCTGCTTGA 100

配列番号： 5661

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06628

配列：

GATCATCCTG TCTGGCTGCA GTGAGAGACC AACCCCTAAC AAGGGCTGGG CCACAGCAGG 60
GAGTGCAGCC CTACCTTCTT CCCTTGGCAG CTGGAGAAAT 100

【1116】

【配列表1026】

配列番号: 5662
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06630
 配列:
 GATCCACAAA CTNCCTGACA CTACTNHCAT ATTTCCACTA AAGGAGATTG AGCTACAAAA 60
 GGAGGCCAGC CNTCGGTCTT CGTCGATGCC TGACTCAGGC 100

配列番号: 5663
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06631
 配列:
 GATCCACTGC CTCGGCCTCC GAAAATCTGG AATNATAGAT GTGAGCCACT GCGCCAGGCC 60
 TGTAAATTTA TGTATCTTA TGTGATTATT TGAATGTCCC 100

配列番号: 5664
 配列の長さ: 66
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06632
 配列:
 GATCCCCGTT CTCAAGTGTG NCNGGGAACA TAAACNGAGA TAACATGAAA AAACCTTGACA 60
 CAGAAA 66

配列番号: 5665
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06633
 配列:
 GATCCTTNA A GGCAGCTGCC TTATCTTATT CCTTNTTGT TTTCCATACC TAGCCTAATA 60
 CCTAGCTTAT ATAAGGGAAC AGAATAAATA AACAATAAAG 100

配列番号: 5666
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06634
 配列:
 GATCCAGGGC CGTTCATGAA CCACTGGGCT GGATTNGACT GTTGAGTGTG GCAGTTAATG 60
 CCCCTCAANA AATCAAAGGA TGTCTTATAA GTGTCTTCCA 100

配列番号: 5667
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06635
 配列:
 GATCCTGGCC AGTACAAAGT CGTTGCTCTT GTTTTATCTT CTCTTACAGA GTCTCCCTCC 60
 CTTTATAGAA TGTCAACCAA AGAGTGCCCT CCTCCCTCT 100

【1117】

【配列表 1027】

配列番号： 5668

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06636

配列：

GATCTCTCTC GCCACGGCAC CGTCAGCTCC TTTGTGGCCA AGCTTTTCAT CTTTGTGTCT 60
GCAGAGCTCT GAGCACTCGC TTCGCGTCGC GGGGTCTCCC 100

配列番号： 5669

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06637

配列：

GATCAGCTTT NAGAGTGGTC CTAAGCAGTA AACTGGATGA TGTTCATTA GAAAAACATC 60
AATACTTCAT ATTTAAGTNT NAGTAGTTAC TACTGATTNG 100

配列番号： 5670

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06638

配列：

GATCCTTG TG GACTGCCACT GCTGGCTGCC TCCTCTCCAA CTCATCAGAA GAGCATT TTG 60
ACAAAGACAG AGGACTTGA CCAGGGCATG CCCTGTTGGG 100

配列番号： 5671

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06639

配列：

GATCCCGCCC TGACCCAGAG GAAGCCTCTA TTTATTTATN AGCTTTNGNT TACACCGTGG 60
AATTGACCCC TTCCTCCAGG GGTCTTGGGT GGGGGAGCCC 100

配列番号： 5672

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06640

配列：

GATCAGAGAA AATACGGTAC ATGTCCCAT GGAGGATATG GCTTGGNCTT GGAACGATTC 60
TTAACGTGGA TTCTGAATAG GTATCACATC CGANACGTGT 100

【1118】

【配列表 1 0 2 8】

配列番号： 5673

配列の長さ： 84

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS06641

配列：

GATCTTCTTC ACACCAAGCT CATGGTTACA TNCCGTGAGG TGTCATGAAG AAAGTCTGT 60

TCAATAAGGT TTTGTAATGT TAAA 84

配列番号： 5674

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS06642

配列：

GATCTGTGGC TGAATNGAG GGAGCGCCTG CTTCTTCTCC AGCTTGGAAA AACAAATAGGA 60

GAAGGGTCAG CTCCGCGCGG GCATCATCCC TACCAGATTG 100

配列番号： 5675

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS06643

配列：

GATCATCATA TCAAGATGAT ACCAAAAGTA TGTA AAAAGA AACCTGCATT ATTTTGTAAT 60

NATTTCTTAT AGATATTTCA TGGTAAGATT AGCAGTCAAT 100

配列番号： 5676

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS06645

配列：

GATCCTGCAA ATATCTTCTT TCCAGTTTGN TATTGTCATT TGNCTTTTGA CTTTGTTCTG 60

GTATTTTTTG NTATGTAGAA ATNTTTATTT TCATGTAAGC 100

配列番号： 5677

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS06646

配列：

GATCATCCGG TGAAGAACC AGTCCCTGNC CCCC AAGGAT GCCGGGGAAA CAGGACCNTC 60

TCCTTTCCTG GAGCTGCTTT AGCTGGATAT NNGNGGNTTT 100

配列番号： 5678

配列の長さ： 100

配列の型： 核酸

トポロジー： 直鎖状

クローン名： HUMGS06647

配列：

GATCTCCGTG GGAACATTTT CGTTGCTGTC GGTGCTGGCA GGAGCCTGTT TCTTCCTGGT 60

CCTGAAATAT AGAGGCCTGA TTAAATACTG GTTTCACACT 100

【 1 1 1 9 】

【配列表1029】

配列番号：5679

配列の長さ：91

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06649

配列：

GATCGTGCTG CACAACCGGA GAAGACAGAA TTACCTCTGC TCTTTTAATA TATAATGATG 60
GCTTTAAATA AANTTAGGAG AAAATGTCAA A 91

配列番号：5680

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06650

配列：

GATCCAGAGA GTGGGGGTGA GGGGTGGGCC CTGAAGACTT TTTGTCTGTA GCTCTTGCAT 60
ATTGAGTGTA TAAACCCGGC TTCTGGACCA ACCCAAGATG 100

配列番号：5681

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06651

配列：

GATCCTGGTG GCCACCAATN TGTTTGGCCG GGGGATGGAC ATTGAGCGAG TCAACATCGT 60
CTTAACTAC GACATGCCTG AGGACTCGGA CACCTACCTG 100

配列番号：5682

配列の長さ：69

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06652

配列：

GATCAGAAGG CTCTGGNCAA GAGAATGAAA ATNAGGATGA GGAATAATAA ACTCTTTTTG 60
GCAAGCAAA 69

配列番号：5683

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06653

配列：

GATCTCTTTG TCCCTGAGGT GTCAGCTGCC AACAAGAAGC ATTAGAACAA ACCATGCTGG 60
GTTAATAAAT TGCCTCATTC GTAAA 85

【1120】

【配列表 1030】

配列番号： 5684
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06654
 配列：
 GATCTTGGAG TCGTGGAAGT GGTGCCCCAC CGGGTCCTGC GCCGTCAGCA CAAGCCACGC 60
 TTCACCACCA AGAGGCCCAA CACCTTCTTC TAGGTGCAGG 100

配列番号： 5685
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06655
 配列：
 GATCACCTGA GGTCAGGAGT TCGAGACCAG CCTGGCCAAC ATGGTGAAAC CCCATCTCTC 60
 CTAAAAATAG AAAAAAATT AGCCAGGCAT GGTGGCACAC 100

配列番号： 5686
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06656
 配列：
 GATCGATGTG CTCAGCCAAA TNCCTGTTT GAAATATCAT GTTAAATTAG AATGAATTTA 60
 TCTTTACCAA AAACCATGTT GCGTTCAAAG AGGTGAACAT 100

配列番号： 5687
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06659
 配列：
 GATCAAAACC AAAAAAATG NACCAAAGGC TTGGGTGGTG AGGGTGCTTA TCCTTTCTGT 60
 TATTTGTAG ATGAAAAAC TTCTTGGGA CCTCTGAAT 100

配列番号： 5688
 配列の長さ：56
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06660
 配列：
 GATCCTGTTT TGTAATAAAC ATATTTTGCC TTGAGTAAAT TTGTTGTAAG CTAAAA 56

配列番号： 5689
 配列の長さ：90
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06661
 配列：
 GATCCTTCTT GTATCTTGAA GTTTGTACT TGGGATTCTT GGACTGATAA ATGAATCATC 60
 ACATTCTTCT GGTAAATATT TTCTTGGAAA 90

【1121】

【配列表1031】

配列番号: 5690

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06662

配列:

GATCTGAAGA AGATGATGAA GTTGTGGCAA TNATTAAGGA ATTGTTAGAT ACTAGAATAC 60
GGCCAACTGT GCAGGAAGAT GGAGGGGATG TAATCTACAA 100

配列番号: 5691

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06664

配列:

GATCAACTGA ACCAGTATGC CAAAACCAGG CATCCAATTT GTAAACCAAT TATGATAAAG 60
GACAAAATAA GCTGTTTGCC ACCTCAAAAC TTTATGAACT 100

配列番号: 5692

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06666

配列:

GATCTGGAGC ATTTGAANCA AGTTTATAGA AGANCATGCC ACAAACCTAA GCAGGACCAA 60
GGAAGAGCTT TNAAGGCCTG AGGTCTGCGG AAGGTGGGAG 100

配列番号: 5693

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06667

配列:

GATCAGAATT ATAACCATGG AGAATTTTTT CTCTGAGCA TTTTAATATA CTTGAAAACA 60
ACATTGACTT GAAAAATTTC AGAACATTTT TCAGTACCTA 100

配列番号: 5694

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06668

配列:

GATCCTNAAG AGAGCTGTCC CAGCACTCTG GCCACCAGGA GGGCCANATT CCCCANAAC 60
TACCTNTTGC CCAAAGAACA TNCTCAGTAT TTGGGGCATT 100

配列番号: 5695

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06669

配列:

GATCCCACTG TCTGAGTGAA CTAACAGTCC TGCTTTCAGC CACCATTGTGT ACAAGACACC 60
CAGCACTGAA AGTCCCGCTG CCAGGAGCAA GGGATTCTTT 100

【1122】

【配列表1032】

配列番号: 5696
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06670
 配列:
 GATCCATGTT GAACAATACA TGTAGGTTCT TTTTCCACGC AATGTAAGAN CATGATATAC 60
 TGTACGTTGG AAAGCATTTA CCTTATTTAT ATACCTGAAT 100

配列番号: 5697
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06672
 配列:
 GATCTGTCAT GCCCCACCGC CACCCCTACT CCCTTCAACC CTCCCTCTTT CTGCCCCATT 60
 CCTCCCACCC CCTCACTCCC ATTTCTTAGC AAAATCAGAA 100

配列番号: 5698
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06673
 配列:
 GATCCTATGT NCTGCTTGCA CAGAGGCCTT TGGATTTTAA CCCAGGAGNT TCGNGAGNTG 60
 AGAGCTGCCC TGTCTTTNAT TGAGCCTTAG CATTTCCTC 100

配列番号: 5699
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06674
 配列:
 GATCCCAGAA TTCAACCTGT ATTTATAGAT GGATAATGTA NTTAGCTAAT TTTTGGTTTA 60
 AATGANCTTN TTGGGTTAGC TTNCGTAAAT GNTATAATTT 100

配列番号: 5700
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06675
 配列:
 GATCCCCAGC TGGACTCCCC ACCCCCTGGC TTCCCCACCT CTCCAGGNGT CAAAGGTGAA 60
 CCGAGTCCAG TATTAGCTGA ATGTCATTTT GTACACCACA 100

【1123】

【配列表1033】

配列番号: 5701

配列の長さ: 61

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06676

配列:

GATCAATAAT ATATAAATN TGAGTGTGGG TTTGTATCTA ATAAAGTATG CCAACACCAA 60
A 61

配列番号: 5702

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06677

配列:

GATCTTGAGG CCCAACATGC TTGACTCTGC CCAAAAGTCT CCTTCCTCAG CAGGATGCAG 60
CCTATTACAC TCAGCACAGN ATCTGGCACT CTTAGGTTCC 100

配列番号: 5703

配列の長さ: 84

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06678

配列:

GATCCCAGGN TTCTGCGGAC CGACGATACG TTTAAATGTT GTTCTAGTAA ATATTCTTGA 60
ATGTATTAAA ATGGCTGAAA CAAA 84

配列番号: 5704

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06679

配列:

GATCGTGTTC TTAGATGAA ACCATCAAGA ACCCCCGCTC GACTGTGGAT GCTCCCACAG 60
CAGCAGGCCG GGGCCGTGGT CGTGGCCGCC CCCACTGAGA 100

配列番号: 5705

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06680

配列:

GATCTTCATT AGTCAAGNTT TAGTTATTTN GTTGGCTTTT CCATGTAGAT TTCCAAGTGA 60
CATTAAACATA CTTTNATTAA AGAAAATTTG GAGACTGTTN 100

配列番号: 5706

配列の長さ: 71

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06681

配列:

GATCGGGCCC CATGTCTGTG CTGTCTAGTT TGTGTTCAAA ATGTCAGAAT AAACACAGAA 60
TAAATGTTAA A 71

【1124】

【配列表1034】

配列番号: 5707
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06682
 配列:
 GATCTTTTAA AAAAGTTAAA GGACATCCTA GAGCCTTAAT AGTTAAGAAG NGTTAAATTA 60
 TCAAGCCTAT TTGTGCATTT CCTTTTNTTG AAAAAGGTAA 100

配列番号: 5708
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06683
 配列:
 GATCTCCTTT TCCAGTGCTG CACACTCCTG GTTTGGAAGT TTAATGGCGT TGCAACGGAA 60
 TCCTATATNC AGTTTCCTGT AATTTAATTG AAGAAAAATG 100

配列番号: 5709
 配列の長さ: 54
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06684
 配列:
 GATCTGATAA CTTGAATTCA GAATATTAAG AAAATGAAGT AACTNATTTT CAAA 54

配列番号: 5710
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06685
 配列:
 GATCTGTTTT TATAAAGTGC TCCATGATTC TCTGAAAACA GTATACTATG TATCTAATTT 60
 TTGGATACAG GATGGACATA CGTACTCAAA CTGTGTTTTT 100

配列番号: 5711
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06686
 配列:
 GATCCTATGG NTTTTCCCGG CTGGTTGCCA CTA CTGTACA ACATTCAGTG CCCACATCCA 60
 TCTNTGCCAT TAAGCTTTTT TGAGACATGA GAGATGCCTC 100

配列番号: 5712
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06687
 配列:
 GATCTAGTTT GACTTTCTAG TTACTGGTGT TTTGAAGAGG GTATTTTATT GTTTTTTAAA 60
 AAAAGGTTCT TAAACATTAT TTGAAATAGT TAATATAAAT 100

【1125】

【配列表1035】

配列番号： 5713
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06688

配列：
 GATCTTCTTG ACCTTCTCCA TCATCGCCAT CCTTTCCCAA AGGCCAAGGA AGTGACCTGC 60
 CTGCTGGCAT TGGCCAGACC ACAGCAGCAC CTCCTCCATG 100

配列番号： 5714
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06689

配列：
 GATCCCGTGT GCCACCAGGA GGGAGTGGCA GCTATAGTCT GGCACCAAAG TCCAGGACAC 60
 CCAGTGGGGT GGAGTCGGAG CCACTGGTCC TNCTGCTGGC 100

配列番号： 5715
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06690

配列：
 GATCAAGGTG TGAATACTG AAGAAAATAA CTTGCTGGCT ATATAGGAAA ATGCTGTGGA 60
 AATGAAGTGT GTATATACTT CTGGGAGGAA CAAATTTAAT 100

配列番号： 5716
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06691

配列：
 GATCTGTGGG TGTTTTTAAA AAAACTCAAC CTATCTGGTG TTTTATTTTA ATGGATAAAA 60
 ATGTAATTTT CCTAAGGTAG CAACTTATTT CCAAATTAAT 100

配列番号： 5717
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06692

配列：
 GATCAAATAA ACTCANTTTT TTATGGTTAC TGTA AAAAGA CTGTNTAAGN CAGCTCAGCA 60
 CCATGCTTCT NGTAAAAGCA GCTTCANTTA TCCA CTGGG 100

【1126】

【配列表1036】

配列番号： 5718
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06693
 配列：
 GATCTTAACA AGCTTAAAAA AGAATTTTAT GACCAGAATC CAACAAGAGC TCTATTTTGG 60
 AATTGTGCCC AAGTTGGTGA TGTCTACTCT AAAATTAATA 100

配列番号： 5719
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06694
 配列：
 GATCTGAACT GCCTCCTCCT TTCTCTGGCC TCTNCCCCCT TCCCTCTTCT CTTCAGCTAG 60
 GCTAGCTGGT TTGGAGTAGA ATGGCAACTA ATTCTAATTT 100

配列番号： 5720
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06696
 配列：
 GATCACGCTA CTGCACTCCA GTCTGGGCAA CAGAGCAAAA TCCTATCTCA AAAAATATAT 60
 ATATATTATC CAGCCCCAAA TGTCTATGGG GTTGTATTG 100

配列番号： 5721
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06697
 配列：
 GATCTTGTGT ATTTTGTCC ATATCCAATG TTATATGAAC TAATTGTATT GTTTTATACT 60
 GTGACCACAA ATATTATGCA ATGCACCATT TGTITTTTAT 100

配列番号： 5722
 配列の長さ：58
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06698
 配列：
 GATCTTAATG GGCAGGGTTA AGAAAGTTAT TTAATAATAA GTTACCTATT CTAATAAA 58

配列番号： 5723
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06699
 配列：
 GATCAGAGTG ATGTGTTATG CAGAGAATTA AAGGGTGATG TGATAAAGTG ATTGGGTCGT 60
 GCTTTATGTT GCCAAAAAAA ATCTGGAGTA TAAGAAGTTG 100

【1127】

【配列表 1037】

配列番号： 5724

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06700

配列：

GATCTTGTTA TTGATTAAAC ATTTTCTTAT GCCTTGCTAT TGACATATTC ATGCTCTTTC 60
TACGTCTAGT GGCTGAAAAT GTTGCATGT GGNHCATTTG 100

配列番号： 5725

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06701

配列：

GATCTGCATT CTGTAAAAGA GGTACTTTCC CATGATGTAG GCATGAAGTG GTGCCAGTAA 60
GCGTAGAGCG GNAAATNTTG ACTTAGTTA ACATGGGGT 100

配列番号： 5726

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06702

配列：

GATCCAGTAT AATTNCAGAT TCTNGTGTCC CATCGAAGTT TCTAGCAAGA GGACTGTTGT 60
CACATTTCCT TCTGGACTC ATTACTGGTC ACTGAAAACC 100

配列番号： 5727

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06703

配列：

GATCGCAATG AATTTNTAAA ATTACTATTT AANATATTGT TGAGATTCCA TTACCTCCAA 60
TCAGTCTTGG GACATTAGAA CAGTGGTATA ATTAAGACTG 100

配列番号： 5728

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06704

配列：

GATCTTTTTT ATTTTATAC ACATGACAAG ATTTTACATC AAGAATAGTC AGTTAAATAG 60
TACAAATTTA CATTATGAG GAATGTTAAA AAAAATTCAA 100

配列番号： 5729

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06705

配列：

GATCCATACA GGTGTTTGC CATCTTNCCT CTTGAGGTTT AGGAGATTCT AAATTGAATA 60
TTCCACGGTT TGGGGCAGCA TCCGGAAGTT TTCCCTATGN 100

【1128】

【配列表1038】

配列番号：5730

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06706

配列：

GATCTTTTGA CATACTCACT TTGAGTGGCA TATGCCCAGG AAAATATTTA AAAGAAAGAA 60
AAGCTATTTT TACAAAGTTT TCTAGCAGTT CCACTCAGAT 100

配列番号：5731

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06707

配列：

GATCCCCCGA ATAACCTTTT TCAATCAAGT TGAAAAACCA AACAGCTATG TAAAGTCCCC 60
AGGAGAGCTC TTTTTCCTT ATNTNCTCAT TTNTTTTGT 100

配列番号：5732

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06709

配列：

GATCTGAAAC AGAAACCACC CTCCGGAACC GCCCAAGAAA GGNCTGCTCC ANANACTCTT 60
CAAGCGGCAG CATCAGAACA ATTCCAAGAG TTCGCCCAGC 100

配列番号：5733

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06710

配列：

GATCCTTGGT ACCCCTAAAA AGATTGCNAA TTTNNTTCAT CTTTGCCATA TGGAGGACTG 60
TAACANACTT TGGACAGTGG CCTCTTNAGT TCCTCTGCAG 100

配列番号：5734

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06711

配列：

GATCAAAACA AGATTTTCCC AGTAAGAATA TACTGGGACA TAACAAATGA AAATATTTAT 60
ACCAAAATAC CAAAAGTNAT TCACCTCTTT AAAATATCCT 100

【1129】

【配列表1039】

配列番号: 5735

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06712

配列:

GATCCAAGTG CGGAANTCAC AGAAGGAACG GATTACAATT CTCCTNCAGN TAGGGAACCC 60
CTAAGNCCAC AGAAGATAAG GAGGAAACAA TACAGAAACT 100

配列番号: 5736

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06713

配列:

GATCAAGTTT TTAATAATTGT NCTNTTATTG TTTTAAATTA AGAACTTTTT GAACTAAAC 60
CAGAACTCT GCCATAGTTC ATTGATTTTA ACATGAAACA 100

配列番号: 5737

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06714

配列:

GATCCTGTGT GGAGAGGGAA TGTGAAATTA ACATCATTTT TTTTGGGAG AGACTTGTTT 60
TGGATGCCCC CTAATCCCCT TCTCCCCTGC ACTGTAAAT 100

配列番号: 5738

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06715

配列:

GATCAACATG GTGGAACAAA ATGATAAAGA NCAGAAAACA TTTCAATATA TTAATAATAA 60
CTTTTTCCAA TATAAATCCT AAAATTCCTA TAACATAGTA 100

配列番号: 5739

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06716

配列:

GATCACAAC TGTAAAAAAA ACTGCACACG CAAAAGACTA CAGCGAAATA TGTAATTNAT 60
TATNTTGT TCTCTCAGTG ATAAGATGGG GTGGTTTCTT 100

配列番号: 5740

配列の長さ: 93

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06717

配列:

GATCGTAGCT AGTTTGTATT GTCITGTCAA TTGTACAGAC TTTTAAAAA AAACAACCAC 60
CAGTGAAATG TGTGTGTATA CAATAAACTG AAA 93

【1130】

【配列表1040】

配列番号：5741

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06718

配列：

GATCAACATT TATGACCTAA GTCAGGTAAT ATACCTGGTT TACTTCTTTA GCATTTTNAT 60
GCAGACAGTC TGTATGCAC TGTGGTTTCA GATGTGCAAT 100

配列番号：5742

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06719

配列：

GATCAAGCCA AAAAATCCAC CAGGAANTCC TACTGACTCT CTTTNTAAAA TATAGTCATT 60
TAACNGTCAA AAGAGTCCCC AATAATGTCA GTNCTAAGAT 100

配列番号：5743

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06720

配列：

GATCTCAGTA TCATACTGAG ACACCTCCCC TGAGCCTTAC CTACTTAAAT TGGTAACCGT 60
CCTACCAAAA TTTGTCAATT TNAATCAAGT GAGGCAAGTT 100

配列番号：5744

配列の長さ：56

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06721

配列：

GATCTGGAAG AGTCAAGAGA AGAGAGCAGA AAGCAGGCTC TTGCTGCTAA AAGAAA 56

配列番号：5745

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06722

配列：

GATCACCCGA GGTCAAGAGT TCGAGACCAG CCTGGCCAAC ATGGTGAAAC CCATCACTAC 60
TAAAAATATG TAAATTAGTC GGGCGTGGTG TCACGTGCCT 100

配列番号：5746

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06723

配列：

GATCTGTATT GGATAAGGAC CAATGNCAGC AAAGCAAAAA TGGCTTTAAN AGCTTGGTGT 60
TACITTTCTT AAGTTGTTTA ATTATAGTTA AGCAATTTCA 100

【1131】

【配列表 1041】

配列番号: 5747

配列の長さ: 69

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06724

配列:

GATCTAAAGA TGATGGAAAA CATCAGCTAC ATTAAATACT CATAAGCAAA ATAAAGGCTG 60
GCCTGTAAA 69

配列番号: 5748

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06725

配列:

GATCCAAAGG GAAGGGACTA TGCAAGGGCA TTTATAAACG NTGGACAAGG GTTCATTATA 60
GAACACCANT GTNATGGACT ATCCCAAGCA TGTACCACTG 100

配列番号: 5749

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06726

配列:

GATCTGAAAA AAAAGTTTCA CCGTTTGTTT TCTTACCTCA TTTTAAGAAG CATGTGAAAA 60
TGGGATACTA TAGACTACTG AGAATTTTCAG AAATTGAGAA 100

配列番号: 5750

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06727

配列:

GATCTGCAÇA GTTTGGTTTT TGCACAAAAG TCATTTAAAA AAATCTGAGT AATTGTCAAA 60
TATTAAAAGA AAGNTATTCT TCCTGGTAAG GAATACAGTT 100

配列番号: 5751

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06728

配列:

GATCCACCCT CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GAGGATTACA GGCATGAGCC ACCACAGCTG 60
CCCCCTTCT NTTTTATGNT TGGTTTTTNA GAAGGAATGA 100

【1132】

【配列表1042】

配列番号：5752
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06730
 配列：
 GATCCTTCCA CCTTGGCCTC CCAAAGCATT GGGATTACAG GCGAGAGCAC TTGGTTGGCT 60
 AAAATATTTA TATTACCTG NCATNATTTG TTGATTTGGG 100

配列番号：5753
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06731
 配列：
 GATCACAGTC TTCAGGTCCT CTAGCAGGGG TGAGGGAGAG CAGCGACTTC AGCTGAGTCC 60
 CTGCCAGTGG TTAAGCAAAC AATGGTTTCA AAATTCAAGG 100

配列番号：5754
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06732
 配列：
 GATCGCGCCA CTGCACTCCA ACCTGGGTGA CAGACTCTGT CTCGAGAACA AAACAAACAA 60
 ACAAAAAGAT TTTATTAAAG ATATTTTGTG AACTCAGTAA 100

配列番号：5755
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06733
 配列：
 GATCCATGGA CCATCTGGGT CATGGCGCCT GGTTCAGAC AACCTGAATC AAATCTTAGG 60
 GGTGGGGCTT TGGGATGTCA TTGTTCAATA GGCACCTCAG 100

配列番号：5756
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06734
 配列：
 GATCCTGAAG CTTACTATGC AGCCTACAAA CAGCCTTAGT AATTAAAACA TTTTATACCA 60
 ATAAAAATTT CAAATATTGC TAACTAATGT AGCATTAACT 100

配列番号：5757
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06735
 配列：
 GATCAGATTG AGGTTATGCA TTTTGGCAA GAAAACCACG GCAATGATAT GCCCGTCTCG 60
 GTGCATTNA TCAGGAGATA CTTGATGTCC ATGTGTCATA 100

【1133】

【配列表1043】

配列番号: 5758

配列の長さ: 86

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06736

配列:

GATCCTTGAA TGAAGGAA CCCTCACCAT GGGGCTTACT GTTATAATNT TTCTTCATTT 60
ACTGTTATTA AAAGATTAT GAGAAA 86

配列番号: 5759

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06737

配列:

GATCAGAAGC TGCCAGGAAC AAGGAGAAGA CGCTCCCCTT CCTCACCTTC CCACCCCCAC 60
ATGGCTTCTC ANTCGGGGA AAGATACAAC TTAACCTTAA 100

配列番号: 5760

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06739

配列:

GATCCTNTGT ACATGAAATG AAAGGTGCAT CANCTTGGGG GCTGGGAAAC CTGCAGTATG 60
GNTTACTNC GTCCCTATCA CTGGTGTGGC TGTGGGCAAA 100

配列番号: 5761

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06740

配列:

GATCTCAAGA AAAAGCAGGA ATTAAATAAG ACAAGGNNCA GATTAANATA CCTTTCCCAG 60
CAGGGGAAC AGCAAACTTA AAGGTTCTAA GGCACANGAG 100

配列番号: 5762

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06742

配列:

GATCATGCAC TGTTGACCAC TGAGCAATCT GTGTNACACT AGAGTTCACA GGGCATTTTA 60
AGTGTAGACG TGAGTCCTTA AACATATTTN GNTTCTCTC 100

【1134】

【配列表 1044】

配列番号: 5763
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06743
 配列:
 GATCCCTATA ACTCAAAATA ACTTGTTTGT AAAAGAAAAT TTGTTTACTT ACCCATTAGT 60
 AAGTTCCTGC ATATTCATTA TAAGATGGCA AATCAAACCT 100

配列番号: 5764
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06744
 配列:
 GATCCTGGAA GTAATCCGGG CACACTTACA TTTGTTGTCA ACAAGAACAA TCCTTTCATC 60
 TTCTTGGGCT TTCACATGAA CAGCCTTAAT AAAAACCGCC 100

配列番号: 5765
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06745
 配列:
 GATCACAAAT TAATGTTGGG GAAAATAAAG ATTTAATATT TCTTTAAATA GAAAAAGAAT 60
 TTGGTTTTCC TCGTTTAAGA GCAATGAGAA AATNATGGAA 100

配列番号: 5766
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06746
 配列:
 GATCCAGGAA GCGGCTGGAG ACATTCCTGA GCCTCCTGGT CCAAAACCTG GCACCTGCAG 60
 AGACGCATAC CTAGAGGAAC TCTAACCCCG GTGTACCTGT 100

配列番号: 5767
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06747
 配列:
 GATCAACATT CCAGGGTTGG TAATGTTGGA TGATGAAACA TTCATTTTGA CCTTGTTGGAT 60
 GCTAGTGCTG TAGAGTTCAC TGTGTACAC AGTCTGTTTT 100

配列番号: 5768
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06749
 配列:
 GATCTCACTA TAGAGGCATC ACTAATTGGG GAAAGACAGA CTAGGTAATA GTCAGATGTA 60
 ATATAGTATG TTTAANCTAT AGGATGGCAG GTNCATGANT 100

【1135】

【配列表1045】

配列番号： 5769

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06750

配列：

GATCTGAAGT TGCAGGTAA GCTTGTNTGG TCAACATTCC AGTGTGAAA AATAATTTAA 60
ACAATCTTAT TCTCTTAATT CTTTGGCAA CAAAACTAT 100

配列番号： 5770

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06751

配列：

GATCAATGCA AAAATTGTTA TATATGAACA TATAACTGGA GTCGTCAAAA AGCAAATTAA 60
GAAAGATTTG GACGTTAGAA GTTGTCAATT AAAGCAGCCT 100

配列番号： 5771

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06752

配列：

GATCTTTACA ATTACAGTGT AGTAGACAAT TCGGAATTAA TITGAAACAC ATCACAACAT 60
AAGTTGAGAA AATTTCTTAN TGTATATGTA GTGGTAATAA 100

配列番号： 5772

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06753

配列：

GATCATAAAT TTTTCTCAGT GTCCTTTTGG TGTGAACAC ATATATCTGA AACCTGTATT 60
TAACCAGATA TTTCTACTCA ACTGAATATA CAAGTGTAAT 100

配列番号： 5773

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06754

配列：

GATCCACCCA CCTCGACCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG ATGTAAGCCA CCGTGCCTGG 60
CCAAAGTTTT CTAATACCTG TTTATAATCC CCTTCTTTGT 100

【1136】

【配列表 1046】

配列番号: 5774

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06755

配列:

GATCTCTGTT TTGACTAAAC TAGAGGAAAA ATNATTGGAT GTGTTTATTC TTTTCTAAGC 60
AGAATGGTTT AACTTTGTAC TCTTTGAAAA ATAATGCTGA 100

配列番号: 5775

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06756

配列:

GATCCTGCTG TGGCACGGGG CCTATGTGTC TCTGTCCGCT CTGCTGTGAA GACATGATGC 60
TCTATTTATT GTAGAGAGTG ACTTTATTTG CTTTCTAGAA 100

配列番号: 5776

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06757

配列:

GATCTTNTCT ATACCATTTA ATGTAGAAAA ACTAATTTTC TATAATTNTN TCTATTAAAG 60
GTGACATTAA TGCTGATAGA AAAATATTCC CACATATATC 100

配列番号: 5777

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06758

配列:

GATCGCAAAG GGATTGTTCT TATAAAAGTG GCATAAATAA ATGCATCATT TTTAGGAGTA 60
TAGACAGATA TATCTTATTG TGGGGAGGGG AAAGAAATCC 100

配列番号: 5778

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06759

配列:

GATCTAGATG AGATTACCCA TAGCAGGGAA AATAATTCAT CACCTACCAA AGACTGTACG 60
GAAAGGTGTG TTATTTTCAA AATTGCATT TAGTTTGCAC 100

配列番号: 5779

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06760

配列:

GATCCTCTCG CTTGTCCACT GGGGCATGTA CAGTGGGCAC GGAAGCTGG AATTCGTATG 60
ACGGAGCTNT ATCTGANCTA CACTTACTGA ACAGCTTGAA 100

【1137】

【配列表 1047】

配列番号： 5780

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06762

配列：

GATCANAGGT CTTGAGGTCT TTACATCTTG ACATATACAC TGAAAAAAAA GGGGGTTGTA 60
TGTATNAATG TGCTACCCAA ACCTNTGGCC GCCACTTTTA 100

配列番号： 5781

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06763

配列：

GATCTTAATG CTTCTCCTGC TCTGTAAGCC TCTNAAGAGC AATATCTAAT TAATTATTAC 60
TGTAATTTTT TAAAAGGCTT TAAAGTGCCT CAGGGGTCCC 100

配列番号： 5782

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06764

配列：

GATCTGTACT ACAGGAACCA AATGTCATGC GTCATACATG TGGGTATAAA GTACATAAAA 60
TATATCTAAC TATTCATAAT GTGGGGTGGG TAATACTGTC 100

配列番号： 5783

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06765

配列：

GATCTAGAAG TTGCAACATT CGTTTGATAG GAATTCCAGA AAAGNAGAGT TATGAGAATA 60
GGGCAGAGGA CATAATTAAA GAAATAATTG ATGAAANCTT 100

配列番号： 5784

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06766

配列：

GATCATTCTT GTATTAACT TTCATATGCC AAAAGGGTTT GTCCCGTTTN ATCTGCCATC 60
AGTGTTTGAC CTGTTTAGGG CAGAGGCAAT AAGTCAGAAG 100

【1138】

【配列表 1048】

配列番号: 5785

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06767

配列:

GATCCANGNT AAGAGGCNCC CCCCCGACCA GCAGAGGCTC ATCTTTGCAG GCAAGCAGCT 60
GGAAGATGGC CGCACTCTT CTGACTACAA CATCCAGAAA 100

配列番号: 5786

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06768

配列:

GATCTACTCA GACAGGACCT TCGCACCTTT GCCAGAGTTT GAGCAGGAAG AGGATGATGG 60
TGAGGTAAC TGGAGCTCTG ATGAAGACTT TATACAGCCC 100

配列番号: 5787

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06769

配列:

GATCGTTTTCT TTAGAAAAGT GGCATTGGCT TTTGAATATG AAATCTTCTC ATAGCTGCCT 60
AAAAAAGACT AGAATGTATA TGGATATCAG AAACCTTTAA 100

配列番号: 5788

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06770

配列:

GATCTTCATC TGACTATGAC ATAAAAACAA CTTTATACCC AGAAAGTTAT TGATAAGTTC 60
ATACATTGTA CGAAGAGTAT TTTTGACAGA NTATGTTTCA 100

配列番号: 5789

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06771

配列:

GATCCTCCTG CCTCAGCCTC CTGAGTAGAC GGATTATAGG CACCTTGCCC AGCTTCTATA 60
GCAGCATTTT TTTCTAACAC CTAAAAATG GAAACAAGCC 100

配列番号: 5790

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06772

配列:

GATCTGTCTG TNCACATGCC TCTNTAGAGA GCAGCATTCC CAGGGACCTT GGAAACAGTT 60
GGCACTGTAA GGTGCTTGCN CCCCAGACA CATCCTAAAA 100

【1139】

【配列表1049】

配列番号： 5791

配列の長さ： 77

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06773

配列：

GATCANGAAG CTATTTTCNA TTCTGGGGAA CGATTATAAC TTAAATNATT GTTTTAATAA 60
AAATTCTAAG CTGAAA 77

配列番号： 5792

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06774

配列：

GATCCAATTT CTTTGTGGTA CCTGCAGTTT ACAAATAAT TTGACTTCAG TGAGCATATT 60
GGTATCTGGA TGTCCAATT TAGAACTAAA CCATATTTNT 100

配列番号： 5793

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06775

配列：

GATCTGCATA TNATGTATTA GGTTAGGTCA CAAAGGTTTT ATCTGAGGTG ATTTAAATAA 60
CTTCCTGATT GGAGTGTGTA AGCTGACCNA TTTCTAATAA 100

配列番号： 5794

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06776

配列：

GATCGTAACC CCTTGTTGAC TAATCTNGCC GTGGTTTTGT NTAGGTCTGC AGGAAGGAAG 60
NCTNAAAAAG CGGACGAAGA TTTTNACTTA AGTGGGACTT 100

配列番号： 5795

配列の長さ： 100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06777

配列：

GATCCTAGTA AGTCANTNGT AGTTTACTGG TGANGTGAGC ATTNTAGATT CCCCCNTTAT 60
CACTAATCAC ACAACAATTT TAAGAAGTAG GCTATAAAAC 100

【1140】

【配列表1050】

配列番号：5796
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06778
 配列：
 GATCTCATTI GCTGGAATGA TTGATTTAAG AGTAAAATTA GCCACTGCGT NTGTNTNGTG 60
 TATAGTAACC GGTTTTNTTG CACTTGTCTG TGGCTGAAAC 100

配列番号：5797
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06780
 配列：
 GATCCTTATA AATNAGAAAC ATGCAAGCTT CAGCTGCTCG AGTTCTATAG TGTACCTAA 60
 ATCGTATGTG TATGATACAT AAGGTTATGT ATTAATTGTA 100

配列番号：5798
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06781
 配列：
 GATCCGGCAA ACAAAACCACC GCTGGTAGCG CGTTTGTNTT TGTITGCAAG CTTCAGCTGC 60
 TCGANTTCTA TANNGCCACC TAAATCGTAT GTGTATGATA 100

配列番号：5799
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06783
 配列：
 GATCCTTTTA AATNAAAAAT AAAGTTTTAA AAAAAACAT GCAAGCTTCA GCTGCTCGAG 60
 TTCTATAGTG TCACCTAAAT CGTATGTGTA TGATACATAA 100

配列番号：5800
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06784
 配列：
 GATCTTCTCA ATGGGTGGNC TCCTGGTATT CGTGGGACCA CCTGTGGGCA CAGGAGCCAA 60
 TGTGTTTACG ACAGCTGGGC AGAGGGAGCT GCTAGTCAGC 100

配列番号：5801
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06785
 配列：
 GATCTCAGAA TACAAATTTA AATAAATTAA TTTAATTCTC AAAACACCCT TGATTGGAAC 60
 TTACAGCTGC CCCTCTGTAT TCGTGGGTTT AACCAATCAC 100

【1141】

【配列表1051】

配列番号： 5802

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06786

配列：

GATCCTGCAT TTATGGTGTA GTTCTGAGTC CTGAGACTTT TCTGCGTGAT GGCTATGCCT 60
TGCACACAGG TGTTGGTGAT GGGGCTGTTG AGATGCCTGT 100

配列番号： 5803

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06787

配列：

GATCTAATCC CTTCAAGGAA GTGATAACAC TGGAGTGGTA ACAAGAGGAG CAGGAAGCAA 60
GGCCAGCCCT GGTTCTCCAT CCCCATGTGT TTCAGGTGGA 100

配列番号： 5804

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06788

配列：

GATCATGTCT TTCAGAATCC ATGTACATAT AGGCTGTNCT AGCCACAGTG GTAGATTTAT 60
GATTCACATC CGAAAGTGTG CCTTAGTTAT CAATTTAACA 100

配列番号： 5805

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06789

配列：

GATCATGCCA CTGCACTCCA GCCTGGGCAA CCAGGTGAGA CCCTGCCTCA AAAATAATAC 60
AATAAAAAGT AAAAGCAGCC CTGGGGAAAT GGAGACAGTG 100

配列番号： 5806

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06790

配列：

GATCTTTAAC TCCTCCTGGC TGCACCTGGG TAGGGATGGT GGCATCGATG CCCCTCTGTC 60
TGCTGAAGGA CCTGTTGCTG CTTCTGTCTT TTCACCCCTC 100

【1142】

【配列表 1052】

配列番号: 5807
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06791
 配列:
 GATCCACCA CCTCGGCCA ACAAAGTGCT AGGATTACAG GTGTGAGCCA CCATGCCCGG 60
 CCCAGAATAC TTTTAAAAG AAGAGCAGGT TAGAGGAAAG 100

配列番号: 5808
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06792
 配列:
 GATCTGGTTC GGGTTTTGGG TTTTTGTTG TTGTTGTTTA TTTGTTATTT TAAAGCTAAA 60
 TTGCACTTTT AAAAAATAA TTGGTTGACT TAATATATTN 100

配列番号: 5809
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06794
 配列:
 GATCCTATGT TGCTGGAAGT TGCCAAACAG GATGTTGTGC TCAATNACCC CATGTGAGTG 60
 CGTGGACTCC TGGGAGCTCC TGCTCCNTAC AGTGGGCTGC 100

配列番号: 5810
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06795
 配列:
 GATCCTGAGT AATCCTTTTA GAGCCCGAAG AGTCAAAACC CTCAATGTTT CCTCCTGCTC 60
 TCCTGCCCCA TGTCAACAAA TTTCAGGCTA AGGATGCCCC 100

配列番号: 5811
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06796
 配列:
 GATCCTCCGG CCTCAGCTGG TCTACAGGCG GGTAATCAAG GGACTGGGAC TACAGGCGCG 60
 CCCTGCCCGG CCGGACAAG TTTTGTATTT TTAGTAGAGA 100

配列番号: 5812
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06797
 配列:
 GATCCGCGGA CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGAATTACAG GCGTGAGCAC GTCCGCCTGG 60
 CCAAGAATGG ACATTTTTTA AAAAAACATC AGTACTTCCT 100

【1143】

【配列表 1053】

配列番号： 5813

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06798

配列：

GATCCTAGGC TCCCTCCATC CCTGGTATGT GGTCCCTCATT TTCATATAGA CCAAGAGCTA 60
GAGCTCCAGT TACCATTCTT TAAAGTATAT TTTAATGCCA 100

配列番号： 5814

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06800

配列：

GATCANCTAA GGTCAAGAGT TNGAGACCAG CCTGACCAAC ATNGTGAAAC CCTGTCTTTA 60
CTAAAAATAC AAAAATTTAC CAGGCACCTA TAATNCCAGC 100

配列番号： 5815

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06801

配列：

GATCAGTGGG CCTCCAAGGA GGGNCTGTAA AATGGAGGCC ATTGTGTGAG CCTATCAGAG 60
TTGCTGCAAA CCTGACCCCT GCTCAGTAAA GCACTTGCAA 100

配列番号： 5816

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06802

配列：

GATCCTGTAA GCAGACTTGG GCAGTCTCCT TTAGAAATAG GTTGTCTGTA CATGTTCTAN 60
GGTNTTGTAG ACACGTGTGA CTGTNTANGT GTATTGATGT 100

配列番号： 5817

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06803

配列：

GATCCATANA AGAGCTCCTA AAGAAGAACC CACATGAAAA ACTATCAGAA TCATGTTTAA 60
GCTAAACCCA TATNCAAAGA CCAANCNACG NACCACCATT 100

【1144】

【配列表 1054】

配列番号： 5818
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06804
 配列：
 GATCCTGGTG TGTGTATTAT ATAAAGAGAC CCTCCCCCTT ATTTTGTGTT TTCCATCCCT 60
 CTCCTTAAC AGGATTGAAA TAAACATGC TTCTGTTTTT 100

配列番号： 5819
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06805
 配列：
 GATCANCAAA ATCCAATTTT ACATGTGGCA CTAGGAAAAAT GGAATGCTAT AAAATTAATC 60
 CCCATCACCC AAGTAGGGAT GCTGGTGCTT TTATACTGAG 100

配列番号： 5820
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06806
 配列：
 GATCTCGGTC ACGTGTCCCG GCGCTGAGG GGAAGGAAG CGGGCATGAT TGTAGACAAT 60
 GAGGGGGTTC TCTGATGTA ATGAAATGCA ATTTTATGGT 100

配列番号： 5821
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06807
 配列：
 GATCTGGGCC CTGAAGTATA TAAGTAGGAA TTTGCAAGAT GGATGAGGTA GAAAAANGTA 60
 TITCATATTG TGGAATAAAC AGAGGGAAGA GCCATTTGTC 100

配列番号： 5822
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06808
 配列：
 GATCTTCTAG TTNCTGTGTT GTTTAGACTC AAAGAATCAC AAATNTGTCA GTAACATGTA 60
 GTTGTTAGT TATAATTCAG AGTGACAGA ATGGTAAAAA 100

配列番号： 5823
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06809
 配列：
 GATCITAGCA CCCAACTCTG CTGCCCTTNC TGCTGGGCAG TGCCTNTCCT AAGAGGGGAC 60
 TCCCTAAAGG CCAGAGAGAG GGTGCTCATC TCCAGGACCT 100

【1145】

【配列表1055】

配列番号： 5824

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06810

配列：

GATCATGCTA GTNACTTCCT GCCCCAGGC ACCGTGCCAA ANACTGGATG CCCCCTACTC 60
CTCAGGGGAC TGTCCAGGGC GCCCAGTGGT AGTGAGGGAG 100

配列番号： 5825

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06811

配列：

GATCTNCTTT ATAGCCANCT CTCCTCACTT AACAGGTACT TTCTCCAAA ACCTAAGAAC 60
CAAAGTCTTC CGCTTGCAAC TTGGGATGGT GATATGGCTG 100

配列番号： 5826

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06812

配列：

GATCATCGCA AGGAAGNAGG CAGACAAGAG TAAGGCACAC CTGACTCTTA GGACTAGCAG 60
TCAGAACCA GAGGAAAGNT TTTATTGCTA TCGGGGTAGG 100

配列番号： 5827

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06813

配列：

GATCTCTTGT CCACTAAGTA TCTTGTTAAA TGCCAGTATC TCAGTCTTTC TGAAGCCCTG 60
AAATGGTAAT TGTAGCATT CAGAAAATNT CTTTCATTTC 100

配列番号： 5828

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06815

配列：

GATCTTCCAG ATTAGGCTAA ATGTAATGAA AACCTCTTAG GNTTATCTTG TGGAGCATCA 60
ATTTTGAAG AATTATTGAA TTATCTTNCA AGAAAAAANT 100

【1146】

【配列表1056】

配列番号: 5829
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06816
 配列:
 GATCAGCCCT NCCCTTCAGC ATCCTCAGNT CCTGNAGCAG AGCCTGGAAG ACACCCTAAT 60
 GTGGCAGCTG TCTCAAACCT CCAAAAGCCC TGAGTTTCAA 100

配列番号: 5830
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06817
 配列:
 GATCCGCAGT CCTAACAGGG TGAGAAAGCA CAAGAGGGGC CAGCTCGGCT GAGGCCTGAG 60
 GAGAAATAAT GAGAAGTTTT GTTCGTTCT TGGGCTGGGG 100

配列番号: 5831
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06818
 配列:
 GATCTCGAAC CCTGTCTAGA AGGAATNTAT TTGTGCTAA ATGTTCACTT TTTATAGTNA 60
 TGTCTGTAT TCTAAACAGT AAAGGGGNTT TATTNCTATC 100

配列番号: 5832
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06819
 配列:
 GATCTCAGAA GTTTTNAAAA ATAGCAAAGA AGACTGNATT TGGAAANCAAT GGTCTACAAT 60
 TGGNTGTAA ATNCTGAAGC TATGAAGAAT AAATATTTCA 100

配列番号: 5833
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06820
 配列:
 GATCTNTAGA ATTNTTATTG TAATTTTCCT ACTTCTTTGA TAAAAGAAAA ATAAGTCAGA 60
 TTGTTAACTC CAAGATTGAA AAAAAAACT CTTGAAAGAN 100

配列番号: 5834
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06821
 配列:
 GATCCCTGCC CTINTCAAGA CTITAGCTNT TCCTTCCATC CGGTGGCCTA TTCCAGGAAT 60
 TCCTCTTTTG CTTAAATCAG TTGGAGTTTG TNCCTGTTGC 100

【1147】

【配列表1057】

配列番号：5835

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06823

配列：

GATCTTCCAT GTTTTGACGT TTGCAGTCAC ACACAACACC TTAGTTCCTC TAGGGGCTGT 60
ACAGTATTGT GGCATCAGAT AATGCCACCA AAGGAGACAT 100

配列番号：5836

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06824

配列：

GATCCAGGAT ATTTTTTAAG AGGTTCAAGC TTGTGACTGT TAGTAGTGCA AGGATTGTGA 60
TGGGCTCAGT GATTACAAAC AAAGACATGC AAANTACAAC 100

配列番号：5837

配列の長さ：60

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06825

配列：

GATCCACCT TTGCTCCTGA CAACACTCAT TACACTAAAC ACCTCTTGGA TTTGGTGAAA 60

配列番号：5838

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06826

配列：

GATCACTGGA TGGATAGCTC AGCCTGGGGC ATTTAGTGTT TTCCCTGGTG ATAAATCCCC 60
AAGGCAGCTG GATTTGGAGC TGGTGGCAAG TTGAAATNAT 100

配列番号：5839

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06827

配列：

GATCTTTGGA CTGAGAATGT TTGGTAACAT AGTCAAGCAT TTGTTAAGCC AAGTGTGGAA 60
ATGTTCACTT TTAACTTTA CAGTTTTTTT AATGAGCAAT 100

配列番号：5840

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06828

配列：

GATCTGGCCT TTTCTTAACA AAATCNGTGC AAAANATGCA GGTGGATGTC CCTAGGTCTG 60
TTTTCAAAGA ACTTTTCCA AGTNCITGTT TTATTTATTA 100

【1148】

【配列表 1058】

配列番号: 5841

配列の長さ: 67

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06829

配列:

GATCTCCATA AATNACTTAG TCTTCTATGT ATAGCTATCA AGGAAATAAA ACCAATTTTG 60
CCACAAA 67

配列番号: 5842

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06830

配列:

GATCAGAACA AAAACACCAC TCTTTAATGG GTCTTTTTCT TGGCTAGAAG TCTTTCCTCA 60
GTTTTTGTG ACTATCATAC GCTGATTGT GGGTNATGGA 100

配列番号: 5843

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06831

配列:

GATCAGGTGT CTATAACATT TTTAATTCTC TCTGGAAACA GACTCAGGTT TCTTTGGACC 60
AAATCCAAAA GAACACATAG CTGTAACACA GCTGTAGTTG 100

配列番号: 5844

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06832

配列:

GATCCGCCCA CCTCGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GTGTGAGCCA CTGAGCCCAG 60
NCTGTATCCA TGTNTTCTGC ATGTTGATTC AACCAGCTAC 100

配列番号: 5845

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS06833

配列:

GATCATGATA CAATTATTTT ATTAAGTCAT GGTAAATAAC AAATGAATCC AGACTTGTCT 60
AACAGATTTT CCATCAACAA ATATTGTTAT GTGCAAAAGT 100

【1149】

【配列表 1059】

配列番号: 5846
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06834
 配列:
 GATCTATCCC TCGGGCTCC ACACCTGAAC TTGCCTAACT AACTGGCAGG GGAGACAGGA 60
 GCCTAGCGGA NCCAGCTGG GAGCCAGAG GGTGGCAAGA 100

配列番号: 5847
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06835
 配列:
 GATCAACTTT CCTTCTGTGT GTGGCTCAGN AGTTCTTCTG CAGAGATGGC GCTATCTTTC 60
 CTCCTCCTGT GATGTCCTGC TCCCAACCAT TTGTA CTCT 100

配列番号: 5848
 配列の長さ: 52
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06836
 配列:
 GATCGCATCC CACAATGCCA GAATAATAAA ATAAAATTGG ATATTTGAGA AA 52

配列番号: 5849
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06837
 配列:
 GATCCTCCCG TCTCAGCCTC CTGAGTAGCT GGGATTACAG GCGCACACCA CCAATGCCCA 60
 GCTGTTTTT GTGTTTTTCA TAGAGACGGG GTCTCACCAT 100

配列番号: 5850
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06838
 配列:
 GATCATNAAG GACATTCCGA ATCTGGAGGA CATCAGGAAG ACCTTACCAT CTGGCTGCTT 60
 CAACACCCCG TCCATTGAAA AGCCCTAGTC TCTTTAGGGC 100

配列番号: 5851
 配列の長さ: 91
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06839
 配列:
 GATCATAAAT ATTAATAATN AAAACTGAGA AACTATTAC AATGCATTCC TTATAAATAA 60
 ATGCTACATT TAGTA ACTCA TTTCACCCAA A 91

【1150】

【配列表1060】

配列番号: 5852

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06840

配列:

GATCAGCACA AGTAACAGAA AATNAGCCTG ACGGTGGCTT AAGCAATGGG AATGTTTATC 60
TCACATAGCA AAAAGTCTGT AAATAGATGG TTCTAGAGTT 100

配列番号: 5853

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06841

配列:

GATCCCACTC TGATTGCATC CATTCTCTG AAAGACTTGT TTGTNCTGCT TCTCTTCATA 60
TAAGTGAAGT GGCCTTATCC TTGGCATCCC CCTAAACAAA 100

配列番号: 5854

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06842

配列:

GATCCAGTGA CAATNTGCCC CCTGCCAGCC TGNGTGTCGT CACTCATCAT TCATTTCATC 60
ATNCTAGAGC CAGGTCTCTG CNTCCAGAC GCGGGGGNG 100

配列番号: 5855

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06843

配列:

GATCATTCTC TCTGAGGGCA GATGAGGCCG AGGAAANNAG TCTTGNAAT GTTAAATATG 60
ATGGGTAAAT TAAAAGTTT GCAACATTCT ACCTAATATT 100

配列番号: 5856

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06844

配列:

GATCGTGTIT ACAGAGGACT TCTTTAAAGT GTCACATTTT TAAAATGTAA ACATATTTTT 60
AATGCATACT TAAGTAATAT TTAAGAACT AAACAAAATA 100

配列番号: 5857

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06845

配列:

GATCTCCAAG AAGTGACTCT AGCAGAAGAT TTTATGGTGA TAAGCATNCC AATCANGAAA 60
TGAAACCAGT GTTCCTGAGT GCACACTGAC ATGTCTGTGA 100

【1151】

【配列表1061】

配列番号： 5858
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS06846
 配列：
 GATCTGAAAT ACTGACAGNG TTCCCCAAAG TTAGATATTA ACACAGCTTT TNACNTCTCT 60
 TATGAGAACT TTACTGTAAA TATACCTTTA TCATAGAAAT 100

配列番号： 5859
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS06848
 配列：
 GATCCCAGAG TTCAGCCAGC CTGGGGTCCA GAACTCAAGA GTCCGCCTGC TTGGAGCTGG 60
 ACCCAGCGGC CCANAGTCTA GCCAGCTTGG CTCCAATAGG 100

配列番号： 5860
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS06850
 配列：
 GATCGCACAC TACGCTCCAG CCTAGGTGAC AGAGTGAGAC TCCATCTCAA CAACAACAAC 60
 AACAAAAAAC CACAAAACT ATATTTTAA TCATGTTTGG 100

配列番号： 5861
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS06851
 配列：
 GATCTGAAA ANCTGCTGAC AGAGTGGCCA GACACAATAC CACTGTCTTT GGCTCTGGGG 60
 NCAGTTGGCA TGCCAGGCCT GACTGCCTAC TTTGGCCTAC 100

配列番号： 5862
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジ：直鎖状
 クローン名：HUMGS06852
 配列：
 GATCCTGGTG CTATGGTTTG AATGTCCCA CAAAACTCA TGTGAAATT GAATTGCCAT 60
 TGTTTAACAG TATAAGGGGT GACTGGGCCA TGTGAGCTCT 100

【1152】

【配列表 1062】

配列番号: 5863

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06854

配列:

GATCCAGGGT GNCTAAAGAA TAGAAGTAGA GTTCCACCCA GGGCCAGAGG GAACAATCTG 60
GGATTGAGAC ACAGCAGTGG TGCCAACGTG AATCTACCTC 100

配列番号: 5864

配列の長さ: 65

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06855

配列:

GATCTATTTA GGTGGAATA GTTGTGGATG TACTAAGAGT AATGAAATAA AATTATAGCT 60
TCAAA 65

配列番号: 5865

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06856

配列:

GATCTTGNGA CGAACTGAGC CACGAGCGTG GCTTTAAGGG CCGTCCGAAC GCTGCAGGCC 60
GGCCAGGTCC CTGGGCGTCC AGGCCTGGCC TACGCACCAC 100

配列番号: 5866

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06857

配列:

GATCCTATGT GAAAAGAAAA GTGAAGCAAC TGAATCTTCA GCATGTNCTC ATCGGCGGAC 60
CTTCTTGTGT AATGTAAACT GTGCCATGTT ATTAAAAAAT 100

配列番号: 5867

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06858

配列:

GATCTAGTAT AAACCTCACT TTAATCTTTT GGAATAAAGT GATTGGNTAG GACCCCATTC 60
CCAGGAATAA GANTCAATAT GCTGCTGAGA AGGAACCCAT 100

配列番号: 5868

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06859

配列:

GATCCTNAGC GGAGGTTAAG ATATTAAGTN ATTTCCCATG TGAATCAGAA TTATATTGAT 60
TCTGTGCAAT CAAAACAAAA GGCAGANTAG AATGCTGAGA 100

【1153】

【配列表1063】

配列番号：5869

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06863

配列：

GATCCTCAGA CCCTGCACAG CCCTGANTGG CTTACATCT NTTGGTCAGT GTCTTCATTG 60
TCCCCAGTCA GGGACCTNGG ATGTTTGTTA CTNCCAGAAG 100

配列番号：5870

配列の長さ：55

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06864

配列：

GATCACACTG TGAAGATACA CAGAGTCAAT AAATGTGCAC TGTAATGGAC TTAAG 55

配列番号：5871

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06865

配列：

GATCCTGGAG AGCTCCCAGA CTTTGCTCAG CGTTCTCANG AGGNAAGCTG GGAACCTGAC 60
CAAGGCTACA GCCCCAGACC AGAAAAGTAG CGGCGGCAGG 100

配列番号：5872

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06866

配列：

GATCAATTGA TTGTTTAACA ATGGAATTTT CAGAAATATT TGGGTAGAAA AAAAAGTAGT 60
TTTAAAAGAN GAGAATCCAA CCATTAAAAAC ATCAAAANNT 100

配列番号：5873

配列の長さ：80

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06867

配列：

GATCAGAGNN TAGTACAGAA GCCCTGACTC ATGCCTTNAG TANATACCAT ACAGCAAATA 60
AATGGTAGCA AAACATTAAA 80

配列番号：5874

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06868

配列：

GATCTTGCCT AAAGAGCAGT GGACCAAATA TGGAGAGGAA AATTTCTACC TTGAACCGTA 60
TCTGAAAGAG GTTATTTCGGG AAAGAAAATG AAAGNCAAGA 100

【1154】

【配列表1064】

配列番号： 5875

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06869

配列：

GATCAGNATN TGGACTNCAC TGCTTACTNT TGGTTGGACT GGGACAATTT GGGGAATATC 60
TACTATGTTT ATCCTTCAAG AACCCATCAT CCCATTANAT 100

配列番号： 5876

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06870

配列：

GATCTATGGG TAATTTTAAA TTTTGCCTGT CAAGCTTAAN AGGGACTTGA CAACAGCTAG 60
GATNGAAATN ATTTCAACAC TTAAATATGC TTACTTTGTG 100

配列番号： 5877

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06871

配列：

GATCCACCTA CCTTGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAGCAC AGTGCCCCGC 60
CTGTATTTGG TGATATTTA AAAAATTCTA CTTTGACCTT 100

配列番号： 5878

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06872

配列：

GATCCTNTGT ATAACATCGG GGCCTTGCTC AGGGGCTGTT GCGTGGTTGC CCTGCATTGC 60
CTCCGNCGEA CCGCCTTCCG TATCAAAACC TAAATAGAAG 100

配列番号： 5879

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06873

配列：

GATCATTATG TAGTTTCTGG ATTAAAAAAA TTTGTGTGTG AAGTTGCTTT GTAAAGTGCA 60
TGTGGAATTA ATGGGACAGT GTGCCCTTTG TGTTAGATGT 100

【1155】

【配列表1065】

配列番号：5880
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06874

配列：
GATCACCACA AAGTCTGGCT CAGTGACTAT GGCTTTGCAA AACTAAACA TTCCTGTCTC 60
AAGTCCTGTA GATGGCTTGA AATAGTATAC ATAAGCATGC 100

配列番号：5881
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06875

配列：
GATCAGAAAC CCTCATTTAA TATAGATTAT TTTGAAATN AAAAAATTG TAACAAGGTG 60
GCTTCTTAC CCACCCTAAA ATGTAAATAA AACATGCAAG 100

配列番号：5882
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06876

配列：
GATCTTGTCT TTATCTACTT TCTTCAGTAA ACTCTGGAAG AAAAAACTT CCTGGAAGTT 60
TGGCAATCA TTTGCCATTA TTTNCCTTTC CTGAATTTTC 100

配列番号：5883
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06878

配列：
GATCCCACCC CAGGCCTTGC CCCTGCCCTC CCACGAATGG TTAATATATA TGTAATATA 60
TATTTNAGCA GTGACATTCC CAGAGAGCCC CAGAGCTCTC 100

配列番号：5884
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06879

配列：
GATCAAAAGC CAAGCTCTGT CCCCCTCAGC ACGTACCCT CCCTCACTGT AATCCCTGAC 60
TGTCTTCTCT AAATGAAGAA TTATTTAGAG AATATAANTT 100

配列番号：5885
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06880

配列：
GATCAAGTGA TACTAGGAAT ATAGGTACAA GTAAGACTGT CATTTNCATT GTTTTCTCTT 60
TGGACTGATT CTTTNCATTA TAACACCGTT GTGAAGTAGA 100

【1156】

【配列表1066】

配列番号: 5886
 配列の長さ: 52
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06881
 配列:
 GATCACACCA CTGCATTCTT GCCTGGGTGA CAGAAGGAGA TTCCATCTCA AA 52

配列番号: 5887
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06882
 配列:
 GATCTTTNAG TGCTTTGGGG ATGGGGTGGG CTGGGGTCCA TGGATGGGCA ACAGTGACTT 60
 TAATTACCTT TGCTGCTCTG CATTTCAG TTTATNCTTT 100

配列番号: 5888
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06883
 配列:
 GATCTTCCCA ATATGAACAA ATATACTATG TATATNGTGT GTATTTCTAG AAATCAATGG 60
 CAGCTGCTGA TGGNGTTGTA ATTACAANTC TATATAGNNT 100

配列番号: 5889
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06884
 配列:
 GATCAGGACC TACGTTAAGG TGGATTTTNA ATTATTTAAA ATTCTGATTT TGTTTTATTT 60
 TTAATTAATC TTTGGGGGAA GGATGGGAGG GGGGTGAGGG 100

配列番号: 5890
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06885
 配列:
 GATCCTTAAT GGTGGCCAGA GCTACCATGC AGTGCAAAAA TAAATTAAGT GAAAATGTAT 60
 TATTGAGATT AACAGTGCAA GGCCAATACA TTTTATAAAT 100

配列番号: 5891
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06886
 配列:
 GATCCTCAGT GAAGTGCATT CGGAATGAGG ATGGAACCTG GTTAACACCA AATGAATTTG 60
 AAGTCGAAGG AAAAGGAAGG AACGCAAGA ACTGGAACG 100

【1157】

【配列表1067】

配列番号：5892

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06887

配列：

GATCCCAGCT ACTTGGGAGG CTGAGGCAGG AGAATTGCTT GAACCCAGGA GACGGAGGTT 60
 TNAGCCAGCC GACACAGTGC CACTGTACTC CAGCCTTGGT 100

配列番号：5893

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06888

配列：

GATCTCCAAG CGAACTCAGC CTCCTCCCAA GCTCCCTGTG GGTCTAGCC ACAAGCTCTC 60
 CAACAATTAC TATTGCACTC GCGATGGCCG NCGGGAATCT 100

配列番号：5894

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06889

配列：

GATCTACACA TGTTGCCTTG CATTTGTGGT AATCTACACC AATGGAACA TGTACTACAG 60
 CTATATTTGA TTATGTATGG ATATATTTGA AATAGTATAC 100

配列番号：5895

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06890

配列：

GATCCTAAGC AAAATCGGAG ACTTGAACAA AGTTTGTTTC TGGCTGTNTG CCCTTCCATT 60
 TTCTGTTCTC TTCTTTCTCC CTGGAGATGA NAGAACACAG 100

配列番号：5896

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06891

配列：

GATCANGTTC NGGGCTCTNT CAGCCGCCAC CTCTGGGAAA GAGAAAAGNT TTGGGTCCAC 60
 TGAACATCAT GTTGTAGAC GCTGACAGGT GGGGTCCTAA 100

【1158】

【配列表 1068】

配列番号: 5897
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06893
 配列:
 GATCAGTTTT NTGCTGAAGG CACCTACTCA GTATCTTTTC CTCTTTATCA CTCTGCATTG 60
 GTGAATTITAN TCCTCTCCTT TGTGTTCAAC TTTTGTNTGC 100

配列番号: 5898
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06894
 配列:
 GATCTGCAGC TTCGCGGGGA CAGAGATGTA ACCCAACTCG TTCACGGATG TNCCGCGCGC 60
 CGTGTACCCG GCTGCGGGCC AGGGGTACTC GGAAGGCGCG 100

配列番号: 5899
 配列の長さ: 55
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06895
 配列:
 GATCTAAATA TGTATTTTAT AATNTTCCCA TAATAAATTA TATAAGGTGG CTAAA 55

配列番号: 5900
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06896
 配列:
 GATCTGGTTT NATTCCTGTA ATTCAGCCAC CTGATTTGCT TGAGGGGGNG GNATANTATG 60
 TGGGTTTTTG TACAAACATG TTTCTCAGTG TGTGTTATT 100

配列番号: 5901
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06897
 配列:
 GATCCAATGA TTTAATTTTT GGAAGAAAA ATCCAGTGAT TAAAGTCATG CAAGGAGATG 60
 GCCTGGGGCT TGCTAAAAGT CAGGTTGCAG TTTCCATTGC 100

配列番号: 5902
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06898
 配列:
 GATCTATCTC CCTGTTAGGT GTNCTTTTTT TCCTCTTTAG AAAGNAGCCA AGGNAACCAG 60
 GGTCTCTCA AAGTGAAAA TACTGGAAGT NATGTACTGN 100

【1159】

【配列表 1069】

配列番号： 5903

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06899

配列：

GATCCATTGC TTTAGACAG GACTGGGTTT TGCTGTCCAA TGATATACAN TAATAGTNCT 60
TCTTACAGCT AAGCTGGCCC CAGCCTTGTC TTGATATTAA 100

配列番号： 5904

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06900

配列：

GATCAGTAAC TTTATCTCTA TCCTTAATGA ACATTTGTTT TATTGGTGGC TGGAAATATT 60
TCTATTGTAT TTCTGTGTAT ATNNTNAATA AAATAATTTT 100

配列番号： 5905

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06901

配列：

GATCAGCAGC TCGGAAGACT CAGATGCCGA AAACCTCGTCC TCCCGAGAGC TGGATGACAG 60
CAGCAGTGAG TCCAGTGACC TCCANCTGGA AGGCCCCANC 100

配列番号： 5906

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06902

配列：

GATCATGAAA AGAAAAATNA ATGGCAGGAA AAAAGTTTGG TCCTTAATAT ACTTTGGCCT 60
AGTNAATAA TGTGCCTTTT TGGTGTGTTT TGTTCATCAC 100

配列番号： 5907

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06903

配列：

GATCTAGGAG AGCGGGCTCT GAACGAGTAC CTGCGGGTCA AGACAGTGAC CTTCGATTAC 60
TGAAGAAAGG TCTTTNTGAG AAGAAAGTCC CTGCCCCCTCC 100

配列番号： 5908

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06904

配列：

GATCAAAATC AATGGGAAGG TGCTGCCAAG GTGTCCTAAG CTTCTAGGAT AATATTNATH 60
CTCTCAGGCT TTTGGAAGT CTGCCCAAAG TCATAGTTCT 100

【1160】

【配列表1070】

配列番号：5909

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06906

配列：

GATCTTTCCC NTTTGGATGT GCGTGTGTGT CTGCNTGTGC CATGTGCGTG GCACGCATAT 60
GAAGTGTGTG TGGTGTGAA CGGCTTTGGG TCCTGCTGGT 100

配列番号：5910

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06909

配列：

GATCAAAAA CCTAAANTCC ATAGGNACCC NAAATCCTCA CAGTTACAGA GACACCAAGA 60
AGANTCTGGA CAAATAGGAC TTGCTAAGGC CTCCACAGTT 100

配列番号：5911

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06910

配列：

GATCGAACGG ACTNTAAATC CGCTCTTTAT CGAAAGCTAA GCAAGCTGTG GCTTTTTTCC 60
AACTCCGTGT AACGATTCTA AGTGTAGTGT NGTAGGACCC 100

配列番号：5912

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06911

配列：

GATCACTTGA GCCCAGGAGT TCAAGACCAG CCTGGGCAAC ATGGCTAATN AACACTAAGC 60
ATAGTTTTAA TGTCTTTNAT ATTAAAGACT TTCTCAAATT 100

配列番号：5913

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS06912

配列：

GATCCATTCC AGCCACTCGG GGCTGACAGC GGCGACCCGT TCCAAAGTAA AAAGGGGTTT 60
GGGGACCCGT TTAGTGGAAG AGACCCATT GTCCCTCCT 100

【1161】

【配列表 1071】

配列番号： 5914
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06913

配列：
GATCTCGTCT CTAAATAAAA TATACAAAAG AGTATTGGGA GGGGGTATGA AGANTGTATA 60
GGGCAATANT TGAAATCTGT TGAAGCTGGG TACACAAAAG 100

配列番号： 5915
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06915

配列：
GATCAGTGGT TTCCATTGTC AGGACTGGGC ATGGGGAAGT NTGGCTGTAC AAGAGGAGCC 60
CAAGGGAACCT CCTTGTGGT GATGGAACG CTCTGTATCT 100

配列番号： 5916
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06916

配列：
GATCAGTGAA ATCCTAGGGT GCTCTATGAG ATTGTACTAG GCCTATNAAG AGTGGTAAGC 60
CAAATAGGTC TCCATGGGAG ATACATTATG TAAATAAATA 100

配列番号： 5917
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06917

配列：
GATCAAGAAT TGCAAAAATG GAAAAAATTA ATGAAAAGGC ATCTGATAAA TGTGGACGGC 60
TCCAAATCAT GTCCTTAGAA AATCTTTCTA TTGAAAAGGA 100

配列番号： 5918
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06918

配列：
GATCATCTGA GGTCAAGGAGT TCGAGACCAG CCAGGCCAAC ACGGTGAACC CCATCTTTAC 60
TAAAAATACA AAAATTAGCT GGGCGTGGTG GCCGGTGCCT 100

配列番号： 5919
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06919

配列：
GATCACCTCC GGGCACAGGA TCGAGGAAC TGTTGACATT CAGGGATGTG ACCATAGAAT 60
TCTNTCTGGA GGAGTGGGAG TTTCTNAACC CTGCTCAGCA 100

【1162】

【配列表1072】

配列番号: 5920

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06920

配列:

GATCTGTGCC CAGAGACGGG ACTGGNAGGG CCCACTTCAG GGTTCCTC TCCCCCTCTAA 60
GGCCGAAGAA GGGTCCTTCC CTCTCCCAA GACTTGGTGT 100

配列番号: 5921

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06922

配列:

GATCATAAGT NCTTCTATCT GCTGAGCTTT ATTTATTNAT TTTGGACAGA AAGTTTGGTG 60
GGAAGGTTGC AATAAAATCA GAATCTCTCT TGTNTGAATT 100

配列番号: 5922

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06923

配列:

GATCTTGTIT TAATTAAATA TGCCAGTTTG TATTTCCTG CTTGGGATT TTTTNTGTC 60
CGCTGTACAG TATTCTAAGG NAAAAAGAAA AAGAAAGATG 100

配列番号: 5923

配列の長さ: 96

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06927

配列:

GATCCCAGGG AAGACGTCTC TCTCNGCATC CCAAGCCATN CAGCCCTTAT CGCTGTACCC 60
AGTAAACCCT CAATAAATAT CTTTNTCAGC CAGAAA 96

配列番号: 5924

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06928

配列:

GATCACTGTA TTAATTTTGG TTTATCTTGG CATATATNGT TCAGTTTGTN TTTATTTTAA 60
ATTTTNCCTT TTTTCCGAT TAGGCTTTGG TCAGCATTTT 100

【1163】

【配列表1073】

配列番号：5925
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06929

配列：
 GATCTTTCTG CTTTCGAAGG TATANTGTAT CTATTICTGT CAGGAATNAT ATTCCAAAT 60
 GAAAATGTAA AGAACATTGG GAAATAATAA ACTTTCCTTT 100

配列番号：5926
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06930

配列：
 GATCTGTGTT TGGAAAGAAA AGAAGGAAAC TAAGACGTGC GAGGGNAAGA AAAAGCAAAA 60
 CCTAATTAAG AAATATGTAT CCTCTATAAT NAGTTATNAC 100

配列番号：5927
 配列の長さ：77
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06931

配列：
 GATCGACCGG CACCGCTGTT GCCTCGTAAG CCATAGCGCA TGC GCGCTCT CAGAATAAAC 60
 AGGCCCTGCC TGGGAAA 77

配列番号：5928
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06932

配列：
 GATCANATAA CAGAATGCAC CAGTCATCAG CTATTCAGTT GGTAAGCTTC CAGGAAAAAG 60
 GACAGGCAGA AAGAGTTTNA NACCTGAATA GCTCCCANAT 100

配列番号：5929
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06933

配列：
 GATCCAGCTT CATTCAACAT TACTACCACT TATTIGATAA TNATAGAACC CAACTAGGCG 60
 CAATTTACAT TGACGCGTCA TGCCTTACCT GGAAGGACA 100

配列番号：5930
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06934

配列：
 GATCTTCGTA ACGGCCTCGG CACGCTCCAC ACCCCTGGAG TCTCCCGAGG CCCCCATGTG 60
 CTGCTGAGTG GCCAAGATGA TGCCAGGCTG CCCTATACAC 100

【1164】

【配列表 1074】

配列番号: 5931

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06935

配列:

GATCTCGGCT CACTGCAACC TCTGCCTCCC GAGTCCTGGT TCAAAC TATT CTCCTGCCTC 60
ANTCTCCTGA GTAGCTGGGA CTACAGNNAC GAGCCACCAC 100

配列番号: 5932

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06936

配列:

GATCAGTTTT GCCAAGGGGC CAGAATTATT CCTTGTTAGA ATTGCTCCAG TTCAAGTCTG 60
CTGCTTTCCT ACAGTTTTTC AAATTTTATA ATGTATTAAA 100

配列番号: 5933

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06937

配列:

GATCAAAGAA AATTTATCTC TTTTATATAA CTTAAGGACA GTTGCAAAAG CCTTCAAGGA 60
ATTATCTCA ACATTATTCT TTCTATGTCC TAACTAAATT 100

配列番号: 5934

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06938

配列:

GATCTCCAGN GCGCAGTGGG TTGGAGGAAG TACTACGTGA CAGCTGGGGG AGCCTAGCCC 60
TTGTNTGGGN ACTCACACAT CCACTCTAAC CCTTCTNACC 100

配列番号: 5935

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06939

配列:

GATCTTGTGA CATTCCTTCT CCTGGACAAT NAGTCTCAGG AGCTCCTCAC CAAGCACCTT 60
GTTACCCCCA CCCCTGCCCA CAAGAGAAAA CGCACGTAA 100

【1165】

【配列表1075】

配列番号: 5936

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06941

配列:

GATCTTTTT CTAACACATA TTTGAACTGA ATAACAGACT TAAAGAAAGC CTTTGTTTAC 60
 ATTGCTATTT ACTTTTGTGT TTGGGGGAAA ATACGAGCGA 100

配列番号: 5937

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06942

配列:

GATCCCTCAG AAGACTTAAC TTGGCTGGAG TGGGAGGAAC TGAAAATACC ACTCCATGGT 60
 ATACCCATAT ATCCAAATCG TAGAGAACGA GAAGCTATGA 100

配列番号: 5938

配列の長さ: 54

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06943

配列:

GATCGGAGGT TGGGTTCTG ATTAACCTC ACTGTGTGT TTCTATNTCG GAAA 54

配列番号: 5939

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06945

配列:

GATCAGAGAN TTACCACCCC TGCTTNGAAG CAGTGTGGT GTATTCCAC TAAAAATAAC 60
 CAACTGGTAT AACATTCCCT GGAGCTTAAT AAGCACTCAA 100

配列番号: 5940

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06946

配列:

GATCTGCAGA TTCCAAATGG GAATAAGCTC TATCATATTC TGAAACAAGA ATTAGAATGN 60
 CTTGAGAACG GGCAATAAC AAAGCAAACC AATATAATTA 100

配列番号: 5941

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS06947

配列:

GATCATAAGG TGAAGTCCCA CAATAGGCCG TCTGCAAGCT GAGAAGCAGN GNAAGCCAGT 60
 CTCAGTCCCA AAACCCTAAC AGTAATCCTT TNCCTAACGTC 100

【1166】

【配列表1076】

配列番号: 5942
 配列の長さ: 65
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06948
 配列:
 GATCATCTTG AATTACTGTG GGATGTANGT TTCAAAATTT TCAAAATAAG CCTTTGCAAG 60
 ATAAA 65

配列番号: 5943
 配列の長さ: 55
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06949
 配列:
 GATCACATAC TGCAGTCCAG CCTAGGCAAC GNGCAAGAC GTCATCTCAA GGAAA 55

配列番号: 5944
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06951
 配列:
 GATCTCCCCA AATCCATTGN TNCACCAGG CCTCCCAGA ACCTCCTCAG TTCCTTCACA 60
 GTGCAACCCT NTGTACTTGG CCCGCAACCC ANTAGTATTG 100

配列番号: 5945
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06952
 配列:
 GATCAACTGA AAAAAGCATG ACTTTTGAAA TCTCTGAATG CCTTGGTTCT NAGTATTATC 60
 ATNCTTNATT GAATTTATTT CTNATTAAAN TATGTAGTTT 100

配列番号: 5946
 配列の長さ: 97
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06953
 配列:
 GATCATGTGG AGTGAAAGGC AAATCTTACT GCTTAATGTA TAAACTCTCA CCACAGGAAG 60
 CATCGCTGTT TCCAATAAAT ATTGCTGAAG ACAGAAA 97

配列番号: 5947
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06954
 配列:
 GATCTGNCCA GTTNGTGTAT GAAATGGATT TGATAAAGTT TTTGCTAGTT ATTTACTACA 60
 TTTNGGGATT AATAAGTGAT TTATATGCAT ATTTTCTTGT 100

【1167】

【配列表1077】

配列番号： 5948
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06955

配列：
GATCCCAAGT GTTTAGAAAA CTAAGTAAAC TTTGTTGTCA AGCAATTTGT CCATGTGGAA 60
AGAATTTAAA GAGAAGCTGA ACAATGGAAT AAACAAATAA 100

配列番号： 5949
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06956

配列：
GATCTTAAAA ACTGCAGTAT TCCCCCATTT TTTAATGAGA GTGTGGGGCT GGCAGGGNTT 60
GGTTGGAGGG AGGAGAGAAG ACAGAGGAGC ACTTAAGGTG 100

配列番号： 5950
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06957

配列：
GATCCGTGGA AATAGCCTGG CTCCCTCTTA CCCAGTAATG AGGGGCAGGG AAGGGAAGTG 60
GGAGGCAGCC GTTTAGTCCT CCCTGCCCTG CCCACTGCCT 100

配列番号： 5951
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06958

配列：
GATCGAGACC ATCCTGGCTA ACACGGGGAA ACCCGTCTN TGCTGAGAAT ACAAAAAATT 60
AGCTGGGCGT GGTGGCAGGC ACCTGTAGTG CCAGCTATTC 100

配列番号： 5952
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06959

配列：
GATCCAGTAC TATCAGAATG ACATCCCCTA CTGAGGAGGG GACCTTCGAG GGCCTCTGCC 60
CCATGTGCCC TCAAAGCTGT CCCACAATCA TGGAGCCCTG 100

配列番号： 5953
配列の長さ：100
配列の型：核酸
トポロジー：直鎖状
クローン名：HUMGS06960

配列：
GATCAGATTA CCAGGAACAT AGGAGTGGAT TCCTGCCCCA ACCAAACCGC ATTCGTGTGG 60
ATTTTTTAT TCAACTTAAT TGGCTATTCC AAAGATTTT 100

【1168】

【配列表1078】

配列番号: 5954
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06961
 配列:
 GATCATGTGG ACCAGAGCAA ANNAAAGTTC AGTTTGTGTC ACAATTCATT GCCAGACTTC 60
 ATTGGAATGC TTTGTTTGAT GATGTATGTH CATTCTCAGC 100

配列番号: 5955
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06963
 配列:
 GATCGTGGTG GTGGGGACTG GAGACCGGAC CGAGAGGCTG CAGTCCCAGG TGCTTCAAGC 60
 CATGAGGCAG CGGGGCATTG CTGTGGAAGT GCAGGACACG 100

配列番号: 5956
 配列の長さ: 60
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06964
 配列:
 GATCTGGTGA AAATAGGATT ACATTGGAGC CAATTGAATA AATTTATTCT TTCAATCAAA 60

配列番号: 5957
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06965
 配列:
 GATCTGGGAG GTGGAAGCCA GGCCAGAGGA CTTGGGGAAA ATAAGATGGA GGAAGGAAAA 60
 AGGGAGAAGC TGAGCCACAG CTTAACCTCT ACAGAGTGAA 100

配列番号: 5958
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06966
 配列:
 GATCATGGCT AACGGGCACA GGCTTTCTTT TTTGGGTGAT GAAAATATTC TAAAATAACT 60
 GTAAAAATAT TGCACAACCT TGTNAACATG TGAAAACCCA 100

配列番号: 5959
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06967
 配列:
 GATCAGAGCA ACAGAACTTC CAGAGATAAT GGATAGAATG AAAGAATATA TATCTATATA 60
 TATTTAACAT GTTGTITAGT AATCCCTATT TTAATTCAAT 100

【1169】

【配列表1079】

配列番号： 5960
 配列の長さ：57
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06969
 配列：
 GATCTTGGAC TTCCCAGCCT CCAAACTGT GAGAAATAAA CTCCTGTTGT TTGTAAA 57

配列番号： 5961
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06971
 配列：
 GATCATGGAC AGCTCACACC CTAATAAGTC CACATCTNCT CANNGTATA GCTGTTTTTT 60
 TCATTAGGTT TCCTATTATT CTGTACCTTG CAGCCATGAC 100

配列番号： 5962
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06972
 配列：
 GATCTCCTCT TCCACCTCTT CCTGGTTCCT TTGCGGGGAA AATTGCACTA AAACAGAACC 60
 TTTTCTTAAT CCATGTTGGA AGGAAGCAAC AGTGAACCT 100

配列番号： 5963
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06973
 配列：
 GATCCCCACC CTCACCAGTC CCATTTCCT CCCTCCAGCT CTGCTTAGGC ATTTTGCCCC 60
 TCACCCCAAT GTTCCACACC ATCGACAACC AAGGGGTGAG 100

配列番号： 5964
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06975
 配列：
 GATCTNCGAC TTCCAGAAAA CAGAACTGTG AAAAGNCAAG TTCTGTNGT TTAACCACC 60
 CAATCTGAAG TATTTNGTA TGGCAGTCCT NGGCAGACTA 100

配列番号： 5965
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06976
 配列：
 GATCGTGCCG CTGCACTCCG GTCTGGGTGT CAAAGTGAGA CTCCATCTCA AA 52

【1170】

【配列表1080】

配列番号: 5966
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06977
 配列:
 GATCAAATAA TGATGTTAAA TTCTTAAATC ATATTTGCTA TGCAGCTGAA GATGATATTT 60
 TGATTTGTAT TITGGGGGTA CCTGTGTTGA GTTGATAAAC 100

配列番号: 5967
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06978
 配列:
 GATCGGCGGG GCACAGTGGC TCGTGCCTGT AATCCCAGCA CTTTGGGAGG CCTAAGCAGG 60
 CTGGTCGCTT GANCCCAAGA GTTCGAGACC AGCCTGGGCA 100

配列番号: 5968
 配列の長さ: 98
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06979
 配列:
 GATCTGACTC TTCATTTNTA AGTTCCTTGT TACATCATGG TCATTTNCTA GTTTTTNACC 60
 AGACTCCCAT CTCACAATAA AATGCATCAA CAAGCAAA 98

配列番号: 5969
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06980
 配列:
 GATCTNAGCT ACTCCGGAGG CAGAGGCAGG AGAATCGCTT AAACCTGGGA GGCAGAGGTT 60
 GCAGTNAGCT GAGATTGCAC CACTGCACTC CAGCCTGGGC 100

配列番号: 5970
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06981
 配列:
 GATCTGCCGG CTCCCGCCCA GCCTGTGTNG AAAGAAGGCC CACGGGCACT AGGGGAGCCG 60
 AATTTACAA TCCCGCTGGG GCGNCCGGG CGGGAGAGAA 100

配列番号: 5971
 配列の長さ: 87
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS06982
 配列:
 GATCTTGTTT TNCCTCATCT GTAAAAGNAG GTTAACAAAG CTTTTCTGCC CACTTCTTGG 60
 GGAGAAGGGA ATAACATAAT TGGTAAA 87

【1171】

【配列表1081】

配列番号： 5972
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06983
 配列：
 GATCTTTGGC AGCGCATATG GCCTCTTTGG GGTTCATCGTC GCAATTNTTC AGACCTCCAG 60
 AGTGAAGATG CGTGA CTAGA TGATATGTGT GGGTNGGGCC 100

配列番号： 5973
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06984
 配列：
 GATCTNTTTT TTTTGGTAG TTCCTCAGCT ATTCAGGAAG GTGTATTTNT GCCAGTAATT 60
 ATCCCTATGC TAATACTTTT TAAACATTA CTAGTGAGTG 100

配列番号： 5974
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06985
 配列：
 GATCTCTATT ATNAGGCTAG ATGTATAGCC TCTACTCCCC CAGCTTCTTG CTCTTGACCC 60
 TGCACGTAA GTTGCCCTC TATTAGCAGC CAAGGAAAAG 100

配列番号： 5975
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06986
 配列：
 GATCATGGAA TACAAGATAA TTTCTCAGGA ATCAGATGGT CTTATTCCAC ACCTGCAGGA 60
 ATGTCAGCAT TGCAACCACC ATGGCAAATA TTGATTTAAT 100

配列番号： 5976
 配列の長さ：51
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06987
 配列：
 GATCCACAGT GTTGGGCACA ACTTTGACGT TTCTTAAAAA AAAAAATTTAA A 51

配列番号： 5977
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06988
 配列：
 GATCCTTGAT TGGTGAAGG ATACACAAAA TCAGGCTGCT TCAGAGGAAG TCATCTGCTC 60
 ACAGGAATCA GGGTGAAGC CAAGGACGGC ACTCAAGAAT 100

【1172】

【配列表1082】

配列番号：5978
 配列の長さ：54
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06989
 配列：
 GATCGCGCCA CTTCTCTCTA GCCCAGGCAA CAGAAAGAGG CCCCATCTCA GAAA 54

配列番号：5979
 配列の長さ：72
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06990
 配列：
 GATCCTTAAT TGCTACCACA TTTCAAACAA GAACTATGAC CAATTAAACT TTAAGTTTGT 60
 TGAAGTGGCA AA 72

配列番号：5980
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06991
 配列：
 GATCCNTTGG GAATCCAGTT GAAGTTCCCA AATACTTTAT AAGAGTTTAT CAGACATCTC 60
 TAATTTGGCC ATGTCCAGTT TATACAGTTT ACAAATATA 100

配列番号：5981
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06992
 配列：
 GATCATAAAA ATAGCAGNGC ATGTTNCCTG ATGATTTTAC AGTGCATATT GTCATGGCCA 60
 GGGCTTAGAG GTAGGGGAAA AACATGTGGA CAGCTTTGTG 100

配列番号：5982
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06993
 配列：
 GATCCATGCA AATTGTCGCA TCCGACGGGT TAACTTCTCA GACAGACTCT ACTCAGANGA 60
 TGAGCTGCCG GCAGAGTTCA AACTGTATCT CCCAGTTCAG 100

配列番号：5983
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS06994
 配列：
 GATCCTGGAC TGGGTACCTT ACATCAGTGG CAAGTTTAAG AAGGATAATT AATTACACAA 60
 ACCCTTACA GACTGCTCTG GTGCCTGGTG GCGCTANTCC 100

【1173】

【配列表 1083】

配列番号： 5984

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06995

配列：

GATCTTTGTA GGAATATATG TGTCAGTAAT NATGAGCTTC AATCCTGACA TTAATAACTT 60
ACTGTNGAGC AGAGAAGAGT TGCTTGTAAG CCTTGCTGCTT 100

配列番号： 5985

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06996

配列：

GATCAGCAAT AAAAAAANAAC CTACAAAAAA NCCTATATTC NTTAATTNTT GCTTTTACGG 60
TGATATAGTG CATGCAAACC AGGAGCATTG TGTGTCTTAA 100

配列番号： 5986

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06997

配列：

GATCAAATAT TGGTTGAATG CCTATGTATG TCAGGCCCTG TGCTGAGCCA TGAGGATTAA 60
AAAGATGAAT AANCATATCT TGTTTAGGAA ATGGATGTAT 100

配列番号： 5987

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06998

配列：

GATCGCTTGA ACCTGGGAGG CAGAATTTGC AATNAGCTGA GATTGCACCN TTGCACTCCN 60
GCCTGGGTGA CAGAGTGACA CTCTGTTTGA AACAAACAAA 100

配列番号： 5988

配列の長さ：65

配列の型：核酸

トポロジ：直鎖状

クローン名：HUMGS06999

配列：

GATCACTTGA GCTCAGGAGT CCTAAACCAG CCTGGGCAAC ATAGTGATAC CTTGTCTCTA 60
CCAAA 65

【1174】

【配列表 1084】

配列番号: 5989
 配列の長さ: 94
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07000
 配列:
 GATCTTGAAT AATTCATAAT TCTCCACAG TAGAAATAAA ATAATTNCTG GCTAGTTATT 60
 TTCTTAAAAA TAAAAAAAT TTGAAAACCT CAAA 94

配列番号: 5990
 配列の長さ: 89
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07001
 配列:
 GATCCCTCTT TTCCAGAAAA TTCTGTGGAA TTTTTCTGTA GGACTTTGTT CTCCACAAGC 60
 TTGAATTAAA GCAGGATTCA GTTGCAAA 89

配列番号: 5991
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07002
 配列:
 GATCAGCTGA AGTGTGTTTT AGACCCAAAC CATCTGGCCC CTTCGTTTTG CTCAGAGGAA 60
 GTAAATNTNC ACTTAAATGA AATTGAAAAC GCCATGTGGC 100

配列番号: 5992
 配列の長さ: 50
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07003
 配列:
 GATCCCAGTT TGCCTTGCCA AATAAACTGT GTNTATGTGA GTNTATTAAA 50

配列番号: 5993
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07004
 配列:
 GATCCCAGCT TTTTTCCTC TCCACAAAA CCAGGTAGTG AAGTTATATT ACCAGTTACA 60
 GCAAAATACT TTGTGTTCA CAAGCAACAA TAAATGTAGA 100

配列番号: 5994
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07005
 配列:
 GATCTCCCTA CTCCATTNN CCCTTTAATT NAAGTGGCCA CATGTATATG TCTTCCCTGC 60
 TGTGTTAGGA AAATGGGGC TGGATATCCC AGAATCAGA 100

【1175】

【配列表 1085】

配列番号： 5995

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07006

配列：

GATCGCTTTT GTGACTGTCC ATCTGTCCCT GACAGTGGCT GTCATATTGA CTCCTTTGNT 60
GNTTTGTTGG TATTGGGGAC ATTTCCACG GCTGAGTTNT 100

配列番号： 5996

配列の長さ：74

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07007

配列：

GATCTACTGT AAAAAGAGGA TTAAGTAAAA TAAATNAGA GCAATTATAT ATATAAATAT 60
ATATCATACA CAAA 74

配列番号： 5997

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07008

配列：

GATCACGGGA GCAATGCTGT ACGGTTTTGT ACACTGGTGG TTTGTTTCCT AGAAAACCCA 60
TTGNTCTCT GGATTCTAG CACATTACTA AAAGAGCCTC 100

配列番号： 5998

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07009

配列：

GATCANNCTG ANCCAATTTA CCAAGCATT TTAAGGAGGA ATAATNCCAT ACCATGTAAA 60
ATACCATGAT ATGCTGATTA TAATACATTA ACAAATTTTT 100

配列番号： 5999

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07011

配列：

GATCTACCCA ACTCTGTCAT CTGTAACAAC CAGTGATAAC TCTCTGTCT TGTA AAAAAGG 60
GTTTATACAT AACTTGATTA TGGTTTCATT TTGTATTTC 100

配列番号： 6000

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07012

配列：

GATCGAATTN CNACCCCTAA NCTTGTCCGG ACGTATGGTC CAAATTCANA TTAAGGTGGT 60
CACCAACCC GAGATGTCAG GAAAGGCCTT CTCACAGAGAA 100

【1176】

【配列表1086】

配列番号: 6001

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07013

配列:

GATCTAGAAT GGGGCTGCAA GNCGGTCCCC ATTTTGGATG GGTCACATTC AGACACCACA 60
CTATGGTTGC ATCACCTGTC ACACCGACCT AGACAGCTGG 100

配列番号: 6002

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07014

配列:

GATCCATGAA GGAATCGGGA GTGGATGGAA TGCCGTAAAA CTGTCCTGGG GCCGGACCCG 60
TNGCCCAAAG TCCGGACCNN GACCNAAAA ACGCTTCCAT 100

配列番号: 6003

配列の長さ: 93

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07015

配列:

GATCCCAATT TTGTA AAAAT ATCTGTAATA TGTAAGCATA GGTATTTGTA TATCTTAAGA 60
AAAAAAGCCT AGAAATAAAG CCACAAAAAT AAA 93

配列番号: 6004

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07016

配列:

GATCTCAATH TGCAAACTCC TTGGNCTCCA GACCCCTGTC TGGNTGGNAC TCCTAGCAGT 60
GTGTGGTTTC ATCAGGAAAT CCTTGCAGCA GGGGNTTAGA 100

配列番号: 6005

配列の長さ: 80

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07017

配列:

GATCATATAG AGTAGTTAAG ACAACTGTAA CAGCATTTTT TGAAATACAT TGTA AAAATAA 60
TAAAAGGTAA CATAATTAAA 80

配列番号: 6006

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07018

配列:

GATCTTAAGC TCTGCTCTCA GCAGATTTCA GGTGTACCAT TTGTAAACTG TACTGAAGGT 60
GTGTCCTCAA GAAGAAAGTG TTCAAATTAA AAAAGCTGCT 100

【1177】

【配列表1087】

配列番号：6007

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07020

配列：

GATCNGGAGN ACTGTGGCCA GCAATTAACA CCATGTAGAC TTCNTAGTT CTTAAGTGGT 60
TGAATTCNCT GCTTGTTC TG TAACGTTATA AATAATTTAT 100

配列番号：6008

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07021

配列：

GATCTCTCCC ATGCCTTTTA AGCAATTAGA ACTAGATAAT GCAGCCATT GTCACCCAAT 60
TAAATTTGAA AGGCCAGAAA TGCATGGATT AGCACTTCAG 100

配列番号：6009

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07022

配列：

GATCATAGCC CTNNGCCTGG CGGCACAGCA GCACTTGCGT TCTCGGGGCT GTCGATTNCC 60
TGCCACCTGG CCAGATAACC TCAAGATTTC CACCTTTTCT 100

配列番号：6010

配列の長さ：85

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07023

配列：

GATCCTTTGT CCAGAAGAAG CCCATGGAAT ATTGAATGTA ATACATTTAG TCAATTAANT 60
TTTAAGNAGA TTCTTATNTA ATAAA 85

配列番号：6011

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07025

配列：

GATCCAGCTC AGGGGAGCCC TCCTCCTGAC TTTGGAGACC TCCTTCCAGA AAGACTGCTC 60
GGACTATGGA CTCTGAGCTC TTAAGTTGCA CCCGCTGTAA 100

【1178】

【配列表1088】

配列番号: 6012

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07026

配列:

GATCCCTAGG GATTINTCAT CTTAAGACTC AAAAGGCTTA ATACCAGGAA CCACCTTGGC 60
AAGATATTTA CCCACCGGCC ATCTCTGTTT ACTCATGAAT 100

配列番号: 6013

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07027

配列:

GATCGGATTG ATTA AAAAAC AAATNCTCTG GAATTTTTNC GTTCATGCTT TTCCGTATTC 60
TTTATGGCTT TTAAATAAAT ATACAATGGT TAATAGTAAA 100

配列番号: 6014

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07028

配列:

GATCAGGGGT CCGGCTGTCC TTCTGTCTG CTGCAGACTA AAGGTCTGGC CAATGTCTTG 60
CCCCACCCCG CCAGCCGCGA TACGGCGCAG TTCCTATATT 100

配列番号: 6015

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07029

配列:

GATCACTGCT GCTAGCTGAC TGGACCTCCC CATTGGAAGT TTGTAATTTT NCTTTGGCAA 60
AGTTTCATTG ACTAGTAGAA CTCATTCTGT TTTAGTGTAT 100

配列番号: 6016

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07030

配列:

GATCCTAAGG AAGGAAAAAG AAAGTGTTAA AAATTAATAA AGGTTTTTTT GAATCCCGTG 60
TCCTTCAAGT GCTTCTAAC TTGAGAGGA AGAAATTGAC 100

配列番号: 6017

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07031

配列:

GATCTGCAAG TAGCCTAAAA ATGCGATTGC TGGTAAACCT GGCCTCAAAT TTCATACTAC 60
CATAACTNNT TTTATATATT GCCACTAATT TTGACTGGAT 100

【1179】

【配列表 1089】

配列番号: 6018

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07032

配列:

GATCTTATTT CATGAAGGTT GTATAAATGA AATCATTTCAG TAATGTATCT TTTTAAGACA 60
GGTTTTTTTT TTTCTCTCAG CACAATTTCC TTGAGGTTCA 100

配列番号: 6019

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07033

配列:

GATCTNTTTC ATAGTGTTCA AANCTGTATT ATTATATGTA GAGGGAAATA ATTTTCTCAA 60
CACTAATCGT TAATAACTAT TGTATTAAAT NGTCATNANG 100

配列番号: 6020

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07034

配列:

GATCTGCAGT TTCCCCTTTT NTCCCCTCTG AAGAGTGGTT CTTATGTGCA ATCTGCAGTA 60
ACCTTGAAGT CCAGAGCTGC ACTATAGAGG AGAATGCATG 100

配列番号: 6021

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07035

配列:

GATCTGGGGT AGGGGGCACC CTACAGTGGG ACCCNTCCCN CATTATTCTT TCTNTCCAGC 60
CCCTCCCTCC CACTGGAGCA GCTCCAGAGN CATTCTCAC 100

配列番号: 6022

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07036

配列:

GATCTCGATA TTTCAAATGG GCTTTNATG CACTGTTGCC AAGAAAGGCT TTTCTGATT 60
TTTTNACAAN TNAATTTTGG CACACTTTCA TTGGTGTCTT 100

【1180】

【配列表1090】

配列番号: 6023

配列の長さ: 90

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07037

配列:

GATCCCTGGG TTGCCCTGTC CCAACCTGCT TGTTAGGTGC TTTCCCATAG NAGGCCCTTC 60
TTGAGAAACA ATAACTAGG TAGAACTAAA 90

配列番号: 6024

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07038

配列:

GATCTCAAAA CTCATTGT GTACCATATA TATGGTTTT NTGTCTATAT CATATATTC 60
CCTACTTATG TGTTTAAATN CTATTTNGTN ATGTCAATCT 100

配列番号: 6025

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07039

配列:

GATCGGGGCC AGAGGCAGAA CCCTGGTGAG GAAGCTCCAG TCCTGCTCTC TACCCAGCCC 60
ATCTTGCCCTC CATGGTGCCT CTGGAGGCCT CTGGGCCTCC 100

配列番号: 6026

配列の長さ: 76

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07040

配列:

GATCCCACTG CAGTGGTGCC TACATTTATC ATCATGGCTC CTCTTGAATA AAATCTACCT 60
TACCATCTTC AACAAA 76

配列番号: 6027

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07041

配列:

GATCAGCACA GTAATGCCCA ACAATATTGT TTTAAACAA AAAATGTAAA CATTCAAAAG 60
AATCTCTCTA AATCACTGAT TAAATCATTT GACTGAAAAC 100

配列番号: 6028

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07042

配列:

GATCTGCCGN AAGTGCTATG CTCGCCCTTCA CCCTCGTGCT GTCAACTGCC GCAAGAAGAA 60
GTGTGGTNAC ACCAACAACC TCGTTCCAA GAAGCCGGTC 100

【1181】

【配列表 1091】

配列番号： 6029

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07043

配列：

GATCTACCCG NCTNGGCCTC CCAAAGTGCT GGCATTACAG GTGTGAGNCA CCGTGCCCGG 60
CACCAGNATC CTTTGGTATA GCCAAGCCTT TTGGTTACCG 100

配列番号： 6030

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07044

配列：

GATCTGAGCC CAGCGTACAG AGAAGGCTCT GTGCAGACAC TGCTCACACC TCCAGCTCCC 60
AGCTCACCTG CCCACAGGT GCCAGGNTAC CTNTTNTANT 100

配列番号： 6031

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07046

配列：

GATCTAGGAG AAGGGNCTCA TGCGGACCCT CACATGGGCA GAAAAATGGT GGTCATTGGC 60
CGACATCACA GTTTTCCNGT TTCCCACCCA GCTAAAAACC 100

配列番号： 6032

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07047

配列：

GATCAGTTAC ATTCATCAGT TGGTGAGTTT TGAAGAATAA CTACATTTNA TTTCAAACCTA 60
ACAAATGTAJ ACGGTTTTAG TTCAGTGTG AAGAATTNA 100

配列番号： 6033

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07048

配列：

GATCCCTTTT NAAAAATATA TGTATGCATG TNTGCATTAA AGAGTCTGAA AGGATACTTG 60
CCAAAGTGTA AAAGCATTTA TCTCTGGGAG GTGAGATTTG 100

【1182】

【配列表1092】

配列番号: 6034
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07049
 配列:
 GATCCAGACC ATCCTGGCTA ACATGATGAA ACCCTGTTC NTGTNGTACC AACTACTTGG 60
 GAGGCTGAGG CAGGAGAATG GCATGAACTC GGGAGGCCGA 100

配列番号: 6035
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07050
 配列:
 GATCCTGGGA GCCTCTGTTT TTTGCGCATT TCAGACACAG TCTGTGTGGC GAGGAGTGTG 60
 ANGGNAGGAG CCTNGGGTGC AAGCCCGTGT NTTTGGCCTC 100

配列番号: 6036
 配列の長さ: 50
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07052
 配列:
 GATCACACCA ATGCACTCCA GCCAGGGTGA GAGTGAGAGA CTGTCTCAAA 50

配列番号: 6037
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07053
 配列:
 GATCCTTCAG GCAGTAAGGG AGAGTTTTC CTCCTTACAC AGTGGNCTTT GCTTGCACCT 60
 CCAGCTGGAG ATGGGTGTGC CCAGAAGTAA GCTTTGCATC 100

配列番号: 6038
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07054
 配列:
 GATCCGGTNA TGGTCTGGGC AGAGGCTGGG TCAGGAGTCC CAAAGGTCAG TGACAGTTTC 60
 TCAGAAAGAGG CCCAGCGTCC ACCTCTCTCC CAGGGCCAGA 100

配列番号: 6039
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07055
 配列:
 GATCATTCAC TGTITNGTT TTAAGACTGG TCAGTACTAT GAAGCTTCTG TGGTTTGTAT 60
 GATGTTTTAA CTTTCACTTT AAGTGCATA GAATAAATTA 100

【1183】

【配列表 1093】

配列番号: 6040

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07056

配列:

GATCCGHAAG CNAGANACCC TGCAGGCTGG CGGGGACCCA NGGGAAGGC CTTCCCAGGC 50
 CCTTCTAACC CCTGTGGCCC TGGACTTTC TTGTNTGGAC 100

配列番号: 6041

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07057

配列:

GATCATAATC ACTGCCTTAC CHNCCTCAGG GTTGTNGTAA GGACTGAGTG TGTGGAAGTT 50
 TTTAATAAAC TTTGGATGCT AGTNTACTTA GGGGGTGTNC 100

配列番号: 6042

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07058

配列:

GATCTAGATT AGCAATATAA AGAAGCATAG TGGTACTCTG TTTACACTT TCAGTAGATT 50
 TATTAGAAGT CAAATNCTAT TCAACAGACA CITATTAGGA 100

配列番号: 6043

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07059

配列:

GATCTTTTGT GACTACAAC TCTNTTGTA ATAATGATAT ATGGTATTNC CATCGTCAGT 50
 TACCGAGTAT AGCCACTGGG TATCACTACT TTGTGTTAAA 100

配列番号: 6044

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07060

配列:

GATCCGCCTA CCTTGGCCTC CCAAAGTGCT GGGATTACAG GCATGAGCCA CCATGCCAG 50
 CCAGNGATT AATTNTAAT AACTAATTN AGGGCACAAT 100

配列番号: 6045

配列の長さ: 96

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07061

配列:

GATCTCCAGG CCCAGCCTGG CCCCAAATAT TCTTTCCTTT CATCCTCAGC AAGTGCTGAG 50
 TCTGTGAATA AAGCCACATA ACCAGCGGGC ACTAAA 96

【1184】

【配列表 1094】

配列番号： 6046

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07062

配列：

GATCATAAAG CCACCGGCCA CTGCCACGCA TGTTCACCT GTGCCATCGT GCTCCCTCCT 60
GATGGGCACC GTGGTGGAGG AAGTCACCCA GCTGTTTCTC 100

配列番号： 6047

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07063

配列：

GATCCAACCTG GGAGAACCTC AGCCAATGCT GGAAGNATGA TTGAAGTACC TCTCTTTTNT 60
NACTCTTGTA CAGCTTAATG TGCAATAAAG GAAAAGTTAT 100

配列番号： 6048

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07065

配列：

GATCGACCTG AAATCTCTCA CCAAAGTNCT CGNNCCGGAG CACGAAGTCC GGGAGGATGA 60
TGTCGACTGG GACTGGGACC ATCTGTTTAC TGAGGTGTCC 100

配列番号： 6049

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07066

配列：

GATCCACCAA AATAAATGTT TTCTNCATTT CCATTTGGAC TAAATCCCAC GAATGACAAC 60
TACCACCNHT TTTCCCTTTT NANTTAATAC TAAATATTGT 100

配列番号： 6050

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07067

配列：

GATCACACCC TGGAACAATT GGNGGATTGC TTGCTGCCCT GCATCTTAAG GCGTATTCTA 60
GCAGCAAAGC TTGTNATGCA CTGACTTGGG CCAAGTAAAA 100

【1185】

【配列表 1095】

配列番号： 6051

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07068

配列：

GATCTNCAGG GGNATGTTTT ACCATCTGNA TCCAGCCTCC TGCTAACTCC TAGCTGACTC 60
AGCATAGATT GTATAAANTA CCTTGTAAC GGCTCTTAGC 100

配列番号： 6052

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07069

配列：

GATCCGTNAA TNCNCGGAAT GGCAGGGGAA GCCTTGCACT AGGTTCAGA GAAGCATCCT 60
CCACATCCTG TGTCAAAAC CCTGGTCTCC GTGGCACTTG 100

配列番号： 6053

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07071

配列：

GATCTAGAAT TNACATTTN CTTTCTTGT TCCAGGTGT TCTATTTTT NTATTCTTC 60
AGAGAAATCT CATATTCGG TGTATTTATT GCTGTNACTA 100

配列番号： 6054

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07072

配列：

GATCCTCCAA AGGCCTGCCC CATGNATTTA ACAGTAATAC AGGAAGCATG GCAGGCACCA 60
TGCAAACCAA GGATGGATGG TGCAGTCCCT GTGTCACTGG 100

配列番号： 6055

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07074

配列：

GATCAGAAAG NATTAAATAT CACTACCACA TGAGTTAAAA CAAAAATGG AATAAAAAANC 60
AAAAGTGGTG TCTATGTTAT CAGTGGNTTA CTTGATAGGN 100

配列番号： 6056

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07075

配列：

GATCTTCACA AGGNTTGTAT TGGCCACATC CACGTCCTCC GAGCCTACAT CAAGACCCAA 60
GTGAACAAAG AGCTGGAGCA GCTCCAGGGG CTGGTGAGG 100

【1186】

【配列表1096】

配列番号：6057

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07076

配列：

GATCTAGTCA TCTGGTTAAG GATTTTAAGC AGATGCAACT ATAAACCCAA GAAACTGTAT 60
TACTATTACT GTTGGTCATA CTAAACCTGT CTATTTCCCTG 100

配列番号：6058

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07079

配列：

GATCTCAGCT CACTGCAACT NNTGCCACCT GGGCTTAAGC CATCCTCCCA CTCAGCATC 60
CCAAATAGCT GGGACTGCAG GCACACACCA CCACACCCAG 100

配列番号：6059

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07080

配列：

GATCCTGGAA TGTNTGCTGG NGAAATTTAA AATACTGGGG TTTTGTGTT AATGGTGCCT 60
ATTINGAGTT GGAAGTTGAA CAGCTGTTGC ATTACATACT 100

配列番号：6060

配列の長さ：91

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07081

配列：

GATCTGTCGT CTTCAAAAAA ATGGCAAAGT GGGAAATGTG GGAGGGGAAA ACACTTCAGA 60
ATAAAAGAGA TTAAAGAGAT GTATCAACAA A 91

配列番号：6061

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07082

配列：

GATCAGGTTG TCTGCATTTG TTGGTGTAAG TGAACATCAT CACAGTTATC CTGAGTTGAG 60
TTTAAGCCAA ATANATGCAT AGAAAAGGGT CTCCTATTA 100

【1187】

【配列表1097】

配列番号： 6062

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07083

配列：

GATCTGCCTG AAGAAAATAT CTGTTTCTA TATAAAAAA TTTTTTAAAA TAATTGTAAA 60
GTTAGATTTA AAATTGTAAA ATATAAAATC ACAAAGGAAT 100

配列番号： 6063

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07084

配列：

GATCCTTTTN AGTTTTTCCA GGTGAGAAAT CCTATCAATT ATGINATAAT NATATGTTTT 60
CCTNTTCAAA ATTTATAACA TAATTCCTGA CTGCATGGGT 100

配列番号： 6064

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07085

配列：

GATCAGAACA GGCTTAAATT GATGCTATAG AACCAATTAC TCTGTATTAT CTTTGCAACT 60
CTTTGTAAAG TCTAAAATTG TTTGGNAATA AAAGTTTATT 100

配列番号： 6065

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07086

配列：

GATCTTCTAA TCGACAATCT ACATCATAGT GACCACCAGT AATCACCTGT AAGAGATTAA 60
AAAAGAAAAA TCACTGTGAA AAGTGTGAAA AATTAATCAG 100

配列番号： 6066

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07087

配列：

GATCTGGTTA AGTGTGCGGC ATCTCATCCC CCACTCTNTC CCTTCTTGCT CCTGCTTCCC 60
CCTTATNACT TGCCAGCTCC TGCTTCACCT TCCACCATGA 100

配列番号： 6067

配列の長さ：72

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07088

配列：

GATCTTCCAA AAATTTATTA AGTGTTTACT TTTAAAGTGC AAACAATGTT TTTAAGAGGT 60
GATATAAAGA AA 72

【1188】

【配列表1098】

配列番号: 6068

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07089

配列:

GATCCCTAGC TTGTTTTCTG TCAGTCATNC ATTGTAAGTA GCACATNGCA ACAACAATCA 60
TGCTTATGAN CAATACAGTC ACTAGGTNTT AGTTTTNTTT 100

配列番号: 6069

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07090

配列:

GATCATTTGA GGTGAGGAGT TCGAGACCAG CCTNGCCAAC ATTGTGAAAC CCCCTNNTCT 60
ACTAAAAATA CAAAAATTAG CAGGNCATGG TGGCNCATGC 100

配列番号: 6070

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07091

配列:

GATCTGTGTG ACTGATGGGC AGGGCTCAAT GATGCCCAT TGAAGTGAAGT TACTGCTCAC 60
ACCACTGACC TGGACCCNAA CAAAAAGCTG ATTGTCTTTT 100

配列番号: 6071

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07093

配列:

GATCTACCCA CCTTGGCATC CTAAAGTGCT GGGATTACAG GCGTGANTAC CAAGCCCGGC 60
TTTTTTTGT TTAGCATGGA GTTTCGNTCT TGTCACCCAG 100

配列番号: 6072

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07094

配列:

GATCTGGAGG TTTACAGAAG CCTTTACCCA TCCTGAGACT CAGTTCTGCT GTTGGTCTNC 60
AGAGAAGTGT CTGCACCTGC TGAGANGNAA TCACACCACT 100

【1189】

【配列表 1099】

配列番号: 6073

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07095

配列:

GATCTGTTGA AGAACTCAGC TGCTGGAAAC CATGCAAAAT GTTTTGAATT GCCCTTAAAA 60
 TATGCAAAAT GTTTTCTGNN TGCTTTATAT TCTTNCNGCT 100

配列番号: 6074

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07096

配列:

GATCCCTGCC CTTTGGCACA TCCACTGAAA GGCCAAACAG CAAGTCCGAG TGAGTTTAA 60
 ATATTAATTA ATCACCCTTT ATTTTTTACA CTTGAGAGTG 100

配列番号: 6075

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07097

配列:

GATCTAGAAA TTGCCCTCCT TTTACCCCTA CCATGAGCCC TACCAAAACC AAACCTANCC 60
 CTGGGCAACT AANTAAGGT ATTGGACATN CCCTTCTNAA 100

配列番号: 6076

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07098

配列:

GATCTGACTT CAGACAGAAA CCAATACCAG CTTCTTTTC CTTTAAACNT TTGAAGAGTG 60
 TTGATTTGTT ACTATATTAC GTATGCAAAA CTGGAGAGNG 100

配列番号: 6077

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07099

配列:

GATCCGTCCC TAACAACTA GGAGGCGTCC TTGCCCTATT ACTATCCATC CGTCAATCCG 60
 TAGCAATAAT CCCCATCCTN CGATTATATC CAAACAACAG 100

配列番号: 6078

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07100

配列:

GATCATGTAG GACGNGGCAT CCTGCCCTG GTAGAGAGGA CGAATNTTCC AAAACANTGG 60
 CCTCTACGGN AAAAAGAAGT AGTTAGTCA CCTTCTGGAC 100

【1190】

【配列表1100】

配列番号: 6079

配列の長さ: 79

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07101

配列:

GATCTTATTT AACCAAAGAC TATTTTCATTC CTGATATGAT TTGTGTGCTT GATTAAAATG 60
GNANTTAATG ATATTGAAA 79

配列番号: 6080

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07102

配列:

GATCAACAGG CTTATTAGAA GAATGAACTA AGGTGAGAGA CCTCATCCTG AGAAAGGTTG 60
AGTTAATGTT AGAGTATAAG TGGTGGTAAT CTTGAATACT 100

配列番号: 6081

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07103

配列:

GATCAATATG TGA CTGGAAC CATTGGCGAG GATGAAGATT TGATAAAGTG GAAGGCACTG 60
TTTGAGGAAG TCCCTGAGTT ACTCACTGAG GCAGAGGAGG 100

配列番号: 6082

配列の長さ: 73

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07104

配列:

GATCTNATTG TATTGTGAA GGACTATTTT TNAACCTGTC CAAATAAACT CTGCAAAGNA 60
TTTCCACAAG AAA 73

配列番号: 6083

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07105

配列:

GATCCTGCCC TGCTCTCAGC CATAGTGAAG GACCAGCCCT AGGAGTCTGC GAGAGCCTCC 60
TTGGTTCCAT CGTGAAGCCA TAAACAGGAA TNCCTTTGGC 100

【1191】

【配列表 1 1 0 1】

配列番号： 6084

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07106

配列：

GATCCCCTGC CTGGTGCCCA CACTGCCCTCG CAAGCGCTCG CCACCCTCAC GTGGCTCACC 60
TGCTGTTGAG CCTGTGCTG TCAATAAACG GTTTGAGGAT 100

配列番号： 6085

配列の長さ：60

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07107

配列：

GATCTCGCCA CNGCACTCCA NCCTAGGTGA CAGAGCCAGA CTCTGTCTCA AAAAAATAAA 60

配列番号： 6086

配列の長さ：83

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07108

配列：

GATCAGATAT ATCCACAACG NGTTTAAGAT TTTCAATATT CTTAGAGAAA ATCAATAAAG 60
TCAATAACTA CTCCACCATG AAA 83

配列番号： 6087

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07110

配列：

GATCAAAAAT TGTGGACATA TCTGCAAAAT ACTACCTATA GCCTCATGAA AGTACATTTT 60
ACAAAATGTA AANNNCAATG AACACTAAAT TTAAGAGCAG 100

配列番号： 6088

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07111

配列：

GATCGAGTCT GCTCTGACCT CTCAATCTCC TTTCCTCCCC AGGCTGCTGC TCCTGCTGCC 60
CTGTGGGCTG TGCCAAGTGT GCCCAGGGCT GCATCTGCAA 100

配列番号： 6089

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07112

配列：

GATCTCCAAG CAGGAATATG AGGAGGGCGG GAAGCAGTGC GTGGAGCGAA AGTNCCTTG 60
ATGGCACTCC TCCCCACACA CCTGCTCCCA AGCTCAGATG 100

【1 1 9 2】

【配列表1102】

配列番号: 6090
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07113
 配列:
 GATCTTTAGC AGTCTCTTCT AGTTTCCCTG GATTTCACTG ATTTATTANT TAGGGAAAAT 60
 GAAAAGAGGA CCTTNCCTGTC CGCCTGCACT GCTTACTGGT 100

配列番号: 6091
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07114
 配列:
 GATCGCTTGA GCCTGGGTAG AGGCTGCTGT GAGCTGAAAT GCGCCNCTG CACTCCAGCC 60
 TGGGTAACAG AGCGAGNCCC CGACTCAATA AATAAATAAG 100

配列番号: 6092
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07115
 配列:
 GATCAGAACG AGCTGTTAGA ATTCAGAGTG CTAGAAGTGG AAGTAAGAGA CTCTATCTGT 60
 TGTAAGACTCT CAAACGGAGC AGACATTCTC TTTGAACCCA 100

配列番号: 6093
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07116
 配列:
 GATCTTCAAA ATCCAGGAGG GAACCGAGAT AACACAAGTA CAGGTGTGCA AAATTACTTA 60
 GTAAACTAT TTNTTCTATT ACTCCTTTTT TGCAAGTACA 100

配列番号: 6094
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07117
 配列:
 GATCCTCCTT CCTCAGCTAC TCAGGAGGCT GAGGCAGGNG AATGGCATGA ACCCAGGAGG 60
 CAGAGCTTGC AGGGAGCCAA GATTGTGCCA TGGCACTCCA 100

配列番号: 6095
 配列の長さ: 71
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07118
 配列:
 GATCCTATAG GGAGGCCATT TCCTGTCTCTG GAATNAGTTT TTCTAAAATG TGAATAAACT 60
 TGTTTTATAA A 71

【1193】

【配列表1103】

配列番号： 6096
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07119
 配列：
 GATCAGAAAG TGTATTAA CAGAACTAC ATACATTTT NATGTCTCTC TGGACCCTT 60
 GATTCTAAGT AAATTTNCAG TAAGTNAGCA GTAATAGACT 100

配列番号： 6097
 配列の長さ：60
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07120
 配列：
 GATCAAAAAG AGGAACTTG AAATGTGATG GTGTTTATAA TAAAAGATGG TAAACTAAA 60

配列番号： 6098
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07121
 配列：
 GATCTCCTTC AGAATTTTTC TCTTGACTTT GAATCTTTC CTGTTTGTCT AAACATTGA 60
 CTAACATTCT GTTTGAATTT GGAAGTATTC TAATACAAGA 100

配列番号： 6099
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07122
 配列：
 GATCCTGGAG CTGGAGCATG AGTGTCTGAC AATCAGAAGC ATGATGTCCA ATGTCNNGAT 60
 GGCCAGAATG AATGTAATAG TTCAGACCAA TGCCTGNCCA 100

配列番号： 6100
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07123
 配列：
 GATCCCAGCA TGGGGTGAGC ATGAAAGAGT GGCAAACAGA GTGGCATAAG ACAGATAAAA 60
 TACAAAAGGC AATTTACAAA GGACCAGGAC CGCAGAGGCA 100

配列番号： 6101
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07124
 配列：
 GATCTGTCTA GCTTATTAAG ATGAAACTG AATTGGAAAA ATAGCTCCAT TTTTGGTGC 60
 TTGGGAAGCA CAGTGACCAA AAAAGTTGTA TGGCTGCTTA 100

【1194】

【配列表 1104】

配列番号: 6102

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07125

配列:

GATCCAGTTG GGAATAAGTG ACATCGTATC GGTTCTGTT CAGATGACAT GGGGAAGATG 60
ATGGTTCAGC CACTGGTACT ACGAGAATGT TTGTATTACC 100

配列番号: 6103

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07126

配列:

GATCCTCAGG CTGGTATACG GCGCAATGTT GCATCAGCTN TGGGCAACTT GGGNCCTGAA 60
GGTTTGGGAG AGGAGCTGTT ACAGTGCGAA GTACCCAGC 100

配列番号: 6104

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07127

配列:

GATCTCTCTC CGGCCCCCTA GAAGCCCTCT CCTCACTGCA GCCCTGGTGC TCTGGGGAAG 60
GAGGGGCATT GACAGGTGGT TTGACTGTTC ACCCAGCAGC 100

配列番号: 6105

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07128

配列:

GATCCGAGGG GAAATHTTTA GAGCCCTCAG GAGGAGGAAG AGACCGAGTT TTAGGAAAAA 60
CATCAAAGCT GGATAGGTTG GGCAGAAGAG CTGGGGATAG 100

配列番号: 6106

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07129

配列:

GATCACAGGG AAAAACCGAC CGAGCTCAGG AAGCCTAATC CAGGTGGTAA CCACAGAAGG 60
AAGGACGGAA CTCACCCAG CATATTTTAA GGCCTCATCT 100

【1195】

【配列表 1105】

配列番号: 6107
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07130
 配列:
 GATCCCAGTN AGTCATGAGC CTCAACCCCC TCCAGCCCAC TGGGGCTCTN ACCTCCACAT 60
 GTGGGTAGAA GCTTNCCTGC CCCCTTNC TCCAGGAAGC 100

配列番号: 6108
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07131
 配列:
 GATCGCCTGA GCCCATGAGG CCAAGGCTGC AGTGAGCCAT GGTACGCCA CTGNATTCCA 60
 GCCTGAGTGA CAGAGCAAGA CCCTGTTGAA AACACAACA 100

配列番号: 6109
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07132
 配列:
 GATCTAAAC TATTTTCTG TATAATATT ATTGCGGAA AGTTTGTITA TATTNAGAAG 60
 TCTGACTATG ATGAATAAT CTAAATGCT TTGTTTAATT 100

配列番号: 6110
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07133
 配列:
 GATCCAAAGT AGCTGGGATT ACAGNCATGA TACCACANCA CAGTCATTTG AATNTATCAT 60
 TACTTAGTAC TCTATTTTT TTCCCTGCTG CTCITTATGC 100

配列番号: 6111
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07134
 配列:
 GATCTCCTTT TGATTAATTT ATAGAGTTTT TGATTATATG TCTTTGTATG ANCTTTTTAG 60
 TTATTGCTCA AATATCACAT TTNATATTTA TAACACAGGC 100

配列番号: 6112
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07135
 配列:
 GATCTGGGAC TGGCAGGTTA TTAATCGAGA TACACTTGT AGGAGGGACA GGGTTCCCCC 60
 AAGGCACTTT TAAAGATACT CTGTAAGAAC CATTACAAT 100

【1196】

【配列表1106】

配列番号： 6113
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07136
 配列：
 GATCGAGGTT GTTTGCAACG ACCGTCTGGG GAAGAAGGTC CGCGTTAAAT GCAACACGGA 60
 TGATACCATC GGGGACCTTA AGAAGCTGAT TGCAGCCCAA 100

配列番号： 6114
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07137
 配列：
 GATCCTAAGT AGAACCAGGT AATTGTCTCT TTTTCTAATA AGGAATTIGG GTAATTTTNA 60
 ATTTTNGT TTTTAAAAA TAACCTAGAC TATGCAAAAC 100

配列番号： 6115
 配列の長さ：53
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07138
 配列：
 GATCAGAGCA GAACTAAATN AAATTAGAAT AAAGTTAAAC AATTAAAAAG AAA 53

配列番号： 6116
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07139
 配列：
 GATCGACTTA TACCTATGCT AAAGTTAACG GTCTGAGAAG GTAGATTAGT GGTTCCTAG 60
 GGCTAGGCAG TGGGTTTGGG GGTGGGAAT AGAAAGTGAC 100

配列番号： 6117
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07140
 配列：
 GATCCGCTCC TAACCTGCGA CCGCAGCTGA CCTTCTCCTG CCACTAGCCC GNCCCTGNCC 60
 TTAACANACC GGATGAAGTT TCCTTTTCTG TCGCGGGCCG 100

配列番号： 6118
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07141
 配列：
 GATCTATTTT GTGTGTTTTG AAACCTAGGT GCAATNTCCC CTGGAAAAAG CTAAAGAAAT 60
 GTATATGTTT AATNACATT TAAAATAAAA TATTATATAT 100

【1197】

【配列表 1 1 0 7】

配列番号： 6119
 配列の長さ：52
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07142
 配列：
 GATCGATTTC ATAAAATTAA ACAAAGTGCT TTTAATGGAA AAAAAAAGA AA 52

配列番号： 6120
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07143
 配列：
 GATCCACTGT AATAGTCCAG TTTGGGGTGC AGACAAGTGT GAAGAACTTC TGGAAAAGAC 60
 AGTGA AAAAC TGCTTGGCCC TGGCTGTTGA TAAGAAGCTG 100

配列番号： 6121
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07144
 配列：
 GATCTTGGAG CTNCTGGAGA AGCAGGCTG CNAGCTGCTC AACCGTTCC AGGACTAGCC 60
 CCCGCAGGCT CGTGC GCCAC CCCGTCCTGG TGAATAAACG 100

配列番号： 6122
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07145
 配列：
 GATCCGATAA TGTACCATGT GCCTGCTGCT TTGGCCTGTG CTGTTTCTGC TTTTGGCCC 60
 TNACTTCCTG TGCTAGAGAA AGCCTTATTG GTGTTGGTGG 100

配列番号： 6123
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07146
 配列：
 GATCCAGGCC AATGCATGGC TATTGCTGTA AATCTTGATG TTTATTTCTG CCTTGTAAG 60
 TTCTATCAGC GCCTACCTGG AATTTAAAT TCAGTAGACA 100

配列番号： 6124
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07147
 配列：
 GATCAGAGTG GCTGGAGCAG AGTGAATNAG GAGGGAAGCT GAGTAGCAGC TATCTGAGAA 60
 GCAATGCAGC CCGCAGCTTA ACTTCAACAT GCTTTTAAAC 100

【1 1 9 8】

【配列表 1108】

配列番号: 6125

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07148

配列:

GATCTTTGGC AAGAAACCCT AATCTCCCTC CAGAAACAGT GGACTCTCTA AAAAATATCC 60
TGACTTCTAA TAACATTGAT GTGAAGANAA TGACGGTCAC 100

配列番号: 6126

配列の長さ: 67

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07149

配列:

GATCCCATGT CTCTGCCAGG ACCAAGGCNG ATGTTTCCCC ACTAATAAAG TGCCGGGTGT 60
CAGCAAA 67

配列番号: 6127

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07150

配列:

GATCTTGCTG CAGCCACAGT GCAGTCCACA TTAAGTCTAC AGACCAAACC ATTTGTATCT 60
GGCATCACTT ACTAACACAC GACATGCAGA AAAGCCGCAT 100

配列番号: 6128

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07151

配列:

GATCATAACT CTTTNTTGAA CTAGAGTATT TTTGCAGCAT TCCTTGTCAT CAGAAACATG 60
GTTAAAGTTT AAAACTAGAA GCAGCAGAAA ACTAGCTTGT 100

配列番号: 6129

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07152

配列:

GATCTTGTCG CATTNTTGAC CTTGGACCTG CTTGGTTAAG GAGGGAGTGG GCCAAACCAG 60
AGTCCAGGA GCTAATGGAG CCAGGCCTGA CTCCTAGGAG 100

【1199】

【配列表 1109】

配列番号: 6130

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS07153

配列:

GATCGGAGCC TACTTCCCTC CGCTCAGCCT NGAGGAGCTG AGNCCCTACT TCAGGGACCG 60
 TGGGTGGCCT CTGCCCGGGC CCCTCTAGAC GTGCACCAGA 100

配列番号: 6131

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS07154

配列:

GATCCAAACC CAAGTCTTGA GCAATGTTTT TCTCAAAAAG CTGCTATCCA ATNATATAGG 60
 AAAATACATT GTGTTTTCTT AAACACACTT TTCTTTTAA 100

配列番号: 6132

配列の長さ: 65

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS07156

配列:

GATCAGTTGA TGTACACTTG TATTATTAAG GCACTCAATA AATCACTGTG GCTGATAACT 60
 GCAAA 65

配列番号: 6133

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS07157

配列:

GATCCACATG GCACGGTGAC TGTAGTTAAT GCATTTTATA TGTCAAAATT CCTTANATAG 60
 TAGATTTTAA ATAATCTCAC CACAAAAAAG TAGATGTGT 100

配列番号: 6134

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS07158

配列:

GATCATCTTT ACAGTTCCTC GGGAAAATNT GAATGTCCTG CGTTTTGTTT TCTTTACTGT 60
 ATGAAAACAG GAAAATAAAA GAGAAATTTA GAAAATACAG 100

配列番号: 6135

配列の長さ: 52

配列の型: 核酸

トポロジ: 直鎖状

クローン名: HUMGS07159

配列:

GATCATGCCA CTGCACTCCA GTCTGGCAAC AGAGCAAGAC TCTTGTCTCA AA 52

【1200】

【配列表1110】

配列番号: 6136
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07160
 配列:
 GATCTGGCCC AAGCTGGGCT CCCTNNAAGC CAAGAGAGCC TCTNATHGAC CCCGCCCTGCC 60
 CGAATGAAAT CCGAACAGTT GGGGCTGTTC ATGGCAAGTG 100

配列番号: 6137
 配列の長さ: 77
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07161
 配列:
 GATCTGGGGT CTGTTTTGTT CATTACTTTG TTCACTCCTT CTCCATTTA TTCATTCAAT 60
 AAACATTTAT TGGGAAA 77

配列番号: 6138
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07162
 配列:
 GATCCGGCTT GCCCAGAAAG AGAAGACAGC CATGGAAGTG GAAGCCCCTT CAAAGCCAGC 60
 CAGGACTAGT GAACCACAGC TCAAAAGGCA AANGAAGACA 100

配列番号: 6139
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07163
 配列:
 GATCCAGAAC ACTTCAAGAA CTCGTCAAAC AGCTCGATAA GCCTTTTTGA CTGTNTACAT 60
 CTGTACCGGG AATAACATTC CTAGGCTGAA ATTTCCACAA 100

配列番号: 6140
 配列の長さ: 51
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07164
 配列:
 GATCAGCCCA CTGCACTCCA GCCTGGGCAC CAGAGTGAGA CACTGTTTAA A 51

配列番号: 6141
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジ: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07165
 配列:
 GATCTGGGCA GGGAAATCA CATACCAGGG CTGTCTGTCTG GGGGGGTGGA GGGCTGGGGG 60
 AGGGATAGCA TTAGGGGAAA TACCTAATGT AAATNACAAG 100

【1201】

【配列表 1 1 1 1】

配列番号： 6142
 配列の長さ： 75
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS07166
 配列：
 GATCAGGCC CACCTTGTGT CTACCCCAT CCCCCTGTN AACGTNCCAC TGAATAAAGT 60
 CGGGNAAACG AGAAA 75

配列番号： 6143
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS07167
 配列：
 GATCTGAATT GAGGAACCTG TAGTTTTTGC TCTCCACTT CTTGGAAACC CCTATCTACT 60
 TTCCTATGTA TTGACTACT TGAGGTAGCT TATACAAGTA 100

配列番号： 6144
 配列の長さ： 79
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS07169
 配列：
 GATCTAAGCT GATTAAATC TAAAACTGG ATAAGAAGCT GTGGCTTGTA ATTAAAAATA 60
 GACCTTTATT CACTAGAAA 79

配列番号： 6145
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS07170
 配列：
 GATCAGGTAT TTAAAGGACA TCTGACAGTG CCTGGCACGG GATAGGTGCT CCATAAATGC 60
 CTGTAGCTAT AATTATTACT GTNCCACTAG CTGTTTACTT 100

配列番号： 6146
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS07171
 配列：
 GATCTGGAGT GGAAGGGGAA TTCATTTGTT CATTGTCTAT CCTTTTGTAT TGATTGAATT 60
 TTTTATATAT ATATGTGAAT TTNCACAATA AAATTTTTTT 100

配列番号： 6147
 配列の長さ： 100
 配列の型： 核酸
 トポロジー： 直鎖状
 クローン名： HUMGS07173
 配列：
 GATCATAGCA CTNTATCATC TTAAAAGTTA ATAATAGATT ACTTGTAACA CAGGCTCACT 60
 ATGNAGAGAAT TCATCAAGCT GTATGTACAT TTATTGTGCT 100

【1 2 0 2】

【配列表 1 1 1 2】

配列番号： 6148
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07174
 配列：
 GATCCGTCAC AACTAAGGA GATGGCAGGC ATTGACAGCT TCACTCCATG AAGGCCATCT 60
 CNGTTTCTCT CCTCCGTTA ACCAAGCTGT TGTGGTTTTT 100

配列番号： 6149
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07175
 配列：
 GATCGTAATG TAAATNCTT TTACCATGTC AAGAAATNAT TAAAAATAAA 50

配列番号： 6150
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07178
 配列：
 GATCCTGAAA AGATAGGGCT ATTGTCCCCT GCCTCCTTGG TCACTGCCTC TNGCTGCACG 60
 GNCTCCTNAG CCCACCCCTT TGGGGCACAA CCTGCCACTG 100

配列番号： 6151
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07179
 配列：
 GATCCCCGTA CCACAGTGGC AGCCATGCCC TTCCCCTGGG CTACCATTGT CCCTTTCCTC 60
 ACCCAGTTGG TAGAGGAGTC AGGAGGTGGG AGGCCGTGGG 100

配列番号： 6152
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07180
 配列：
 GATCATCCTG GGCAGCAAAG TCATACACTC TTGAGGGAAG AGAGAGACCT TCTCATATTG 60
 TTTTATATTG TTTTATACTC AGTACCTGTT TTAAGAAAAA 100

配列番号： 6153
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07181
 配列：
 GATCACAGGC CTTTGGAGCA CTTTTACTCT CTGAGAAGAA CTGGAGCTAG AGATGTAAAA 60
 TGGACAGTCT TGATGGGGTT GAGAACCTTC TGGGGAGCCA 100

【1 2 0 3】

【配列表 1 1 1 3】

配列番号： 6154
 配列の長さ：92
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07182

配列：

GATCGNACCA CTGCACTCCA GCCTGGAAGA CCAAACGAGA CTCTGTATCA AAAAATAATA 60
 ATAATTAATA AAGTTTACT GGAAAAAGA AA 92

配列番号： 6155
 配列の長さ：92
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07183

配列：

GATCAGCTAC AATGCCCTGT GTTAAATTNT TTAAAAGTTT CCCTTTTCTT TTTTGCCAAT 60
 AAAGTTGTAA ATAAAGACCA TCATACATTA AA 92

配列番号： 6156
 配列の長さ：93
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07185

配列：

GATCCCTTCC CGCCACACNA TGCTCCGTTT TCTTCCGTTG TNAATGCCGC GTCCTGTCCT 60
 GGTGACAGGA GAACAATGTT GGTGAACGTC AAA 93

配列番号： 6157
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07186

配列：

GATCTCCTTC TCACTGCATT CACTCGGTTT CCATAGCCCA AGTCATATTG TNTCTCTCCT 60
 GGACAGTAAT AACCTTTTNT TGGGCTCCCT GCTTCCAACC 100

配列番号： 6158
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07187

配列：

GATCAGGAGG CCCACTTGGG TTTATAGTAT AGCCCTTCCT CCACTCCAC CAGACTTGCT 60
 CATTTTCCGA GTTTTAACT AGACTACACT CTATTGAGTT 100

【1 2 0 4】

【配列表 1 1 1 4】

配列番号: 6159
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07188
 配列:
 GATCTGAAAA CCAAGTGGTG ACCTAGGGAG GGAACAAGCH CTGTGCAGCA TTGATGAAAC 60
 TTAAGAAGATG AAGTCCTGGT CCGGGCACGG TGGCTCACTT 100

配列番号: 6160
 配列の長さ: 52
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07189
 配列:
 GATCGCNCCA TTGCACTCCA GCCTGGGTGA CAGGGCGAGA CTCAGTCTTA AA 52

配列番号: 6161
 配列の長さ: 53
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07190
 配列:
 GATCGCACTA TTGCACTCAG TCTGGGCAAC AAGAGTGAAG CTNTATCTCC AAA 53

配列番号: 6162
 配列の長さ: 53
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07191
 配列:
 GATCGCACCA TTGCACTCCA NCCTGGGTCCA TNAGAGTGAA ACCCTGTCTC AAA 53

配列番号: 6163
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07192
 配列:
 GATCTNTGGC CCACTCCGCA TAAATCAGGT GCATAATGTA GCTGCCCCGGG CTTCTATACT 60
 GCAACATTGG CAAGGCAATT AGCTTGAAAA CTGAATTGAT 100

配列番号: 6164
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07193
 配列:
 GATCTATACC CTAAGCAGAT AGCAAAGAAG ATAATGGAGG AGCAATTGGT CATGGCCTTG 60
 GTTTCCTCA AAACAACGCT GCAGATTNT CTGCACAAAC 100

【1 2 0 5】

【配列表1115】

配列番号: 6165
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07194
 配列:
 GATCCATCAT NATGTAAAAA TTCACAATAT GGTTCAAATG TAACANTGCA GAATTGAATA 60
 TGGAGGCATG CATAACCTTC CTCTTAGAAA ATGGCAGGTN 100

配列番号: 6166
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07195
 配列:
 GATCTTGCTT TAACTTTCAA CACTTAGAAA ATCTACAAAC ATTACAGACCT GTCTGGGTTG 60
 GTATTGCCAC CCATGACATT TAACATGTTG TGATGCTTGA 100

配列番号: 6167
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07196
 配列:
 GATCAGTAGT CTCTATTCAA ACTTTNAAAA TGTCGTGGTA TTGTAACAAT ATATTTAATG 60
 AAAGANGGTT ACAGACTCCC CTGAAGAACC ACCTTTCCTA 100

配列番号: 6168
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07199
 配列:
 GATCCAAACT CTACATCCAG AGATTATGAA AAATTCCTTAT AGAATTTTGT AACAACTATT 60
 TACATGTTGG GTGAAAGANA TTTCATAGTC GTTGGAGTGC 100

配列番号: 6169
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07200
 配列:
 GATCTTCGCT GATTNNNTCC ATCAATNACC CGGAGCATCC ACTNACGCTA GAGGAGTTGA 60
 ACGTAGTAGA GCAGGTGCGG GTTCAGGTGA GCGACCCCGA 100

配列番号: 6170
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07201
 配列:
 GATCAGTGCT CITCAAGGTG TCAAGATTAT CAAAGACATA AAAGANTGGN TGANCTGCCA 60
 TAGATTGGNG GAGACAATGC AATGTCAAAT CCTGANTTTG 100

【1206】

【配列表 1116】

配列番号: 6171

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07202

配列:

GATCTTTAGT CCGAGTATGN GAAATTCAAG CAACTTTGCG AGANAAAGGA ATACTATTTT 60
TNAGNCAACA AATTAAGGAA CTTGAAAAGC TAAAAANTCA 100

配列番号: 6172

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07204

配列:

GATCANNGAA ACTAAACATT ACACCTTCTG GNCITTTNATT TATGAAGTGG CACAGAATCT 60
AACTTTNCAC TGAATATCTT TCCATTGACA TCTCCTCTGC 100

配列番号: 6173

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07206

配列:

GATCTCCCAA GNAAGCACAA ATAGTTTTTT TCGCTAACTT AGTTATGAGT GAAGCCTCTG 60
TNCACCTATA ACTNGCCAGT TTCATTGGTG GAATAAGTCC 100

配列番号: 6174

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07209

配列:

GATCAGAGAA GGTTTTGTTT GTCCTTTTAA TCTTTACTTC TTTGAATTGT GAAAGTAATA 60
CTACATATTG ATAATAAATT CAAATAATAC AGAAGTATAT 100

配列番号: 6175

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07210

配列:

GATCCGTGCT GTCCAATCCG GTAGCCACAC ACGGCTCTCG GGCACCGCAC AGTGGCTAGT 60
CTGAAACCTG ACATGCTCTA AGTGTAATAA ACATGGTGGA 100

【1207】

【配列表 1 1 1 7】

配列番号： 6176
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07211
 配列：
 GATCCTGGCC CTCCACCTNC CTCCAGGCCA CGAAATGGGA ATNCCAGCAC TAAGCCAGGC 60
 ACCGGGCAGA AGCTGGGCCT TCCGCCTCCN TTGGATGGGG 100

配列番号： 6177
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07212
 配列：
 GATCTAGATA TNAGGTTTTT CTCCTTCATT CTCAGCTGTC GAAGAAATCA AAGTAGCATA 60
 TGCACAAGGT TAAAAACCAC ATATACAAAT ACTATAGAAC 100

配列番号： 6178
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07213
 配列：
 GATCTGAGAG ATGATACATG ATACCAGATG AAAAGAAGGA GAAGTGTGTA CCATATGTTT 60
 TNAGCAGAGG NCCCTCCAAC TTATGGCATC AGGGGCAAAA 100

配列番号： 6179
 配列の長さ：50
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07214
 配列：
 GATCTTAAAA CTGAATAAAA ATATTTAATA AAACCTTGAA ATATTTTAAA 50

配列番号： 6180
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07215
 配列：
 GATCCATTCT ATCCATCCGT TATGTGGCTT TGCCATCCCA GCTTGGAGTG TCTTTACAAA 60
 GATAATAACA GTTGTCTTCT TTGCTCTCGT TTTGGATGCA 100

配列番号： 6181
 配列の長さ：100
 配列の型：核酸
 トポロジー：直鎖状
 クローン名：HUMGS07216
 配列：
 GATCCTCAAT CAGTGGGTGG AGGATAACAG GGTAGATTCA CTTGTTTGCA CTINTACAGT 60
 TGTAGCTGCC AGTCCAGAAG TCCTCTAGAG CATGTTTACT 100

【1 2 0 8】

【配列表1118】

配列番号: 6182
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07217
 配列:
 GATCCGAGCG TCGTGAATC ACCTGAACTT TGGAAAGTTG GCACTGGGGG GCCGCATCCC 60
 CCTGGGAAAT NACTGAACGC GGGGTTTCAN TGGGTCCCGC 100

配列番号: 6183
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07218
 配列:
 GATCTATTGG ACCAAACCTT CTGCACACTC GGGCAGTTCC CTCTCCAATG TCCGGTGCCA 60
 TCTTCTCTGA CCTTTGTTTC TTTCTGTTCA GGAACCATCA 100

配列番号: 6184
 配列の長さ: 54
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07219
 配列:
 GATCTATCAT TACAAAATNA ATTGAATAAT AAAATAGTTT GGTAGAAACT TAAA 54

配列番号: 6185
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07220
 配列:
 GATCCAGAGT TGAAGACCCT TCAGCTGGCT CTGCCTGCCA GTGCCACANA GTGCCATGGC 60
 CCAGGAAGAC AGGTTTTNTT CCATCTAGGC CAGGCCATCC 100

配列番号: 6186
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07221
 配列:
 GATCTCTNCT AACNNTAGTA AATAAACACT AAAGTGGTGG GCTTTGATAA TGCAITTTNGT 60
 GGATACAAAA TCATCGNCTC ATCACTTTCT AGAATGAAAG 100

配列番号: 6187
 配列の長さ: 100
 配列の型: 核酸
 トポロジー: 直鎖状
 クローン名: HUMGS07222
 配列:
 GATCTNCCCT AGCCCTCTNT TCCAGAAGAT GCCCTCCAAT CCTTCCACC CNATTCCTTA 60
 ACTNTNGGA CCTCGTTTGG AAGTTTCTG TGGGCTTGGC 100

【1209】

【配列表1119】

配列番号：6188

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07223

配列：

GATCTAGTTT TCCAAGTAAC ATTTTGTGGT GACAGAAGCC TAAAAAAAAG CTAAATCAG 60
GAAAGAAAAG GAAAAATACG ANTTGAAAAT TAAGGAAATG 100

配列番号：6189

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07224

配列：

GATCACCTGC GTGTCCCATC TACAGACCTG CGGCTTCATA AAACCTNCTNA TTCTCTTCA 60
GCTTTGAAA GGGTTACCCT GGGCACTGGC CTAGAGCCTC 100

配列番号：6190

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07225

配列：

GATCTCAGCT ATTTAAATAC AAACCTGAAA AAAATATTTT TCCAGGGTAC CATAAATATG 60
ATTAANTNN TAAAAAATTT AGTGTCACTT CATGAAAATA 100

配列番号：6191

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07226

配列：

GATCCTGGGC TGCTGGTGCT ACCTGCGGCT GCAGCGCATC ANCCAGTCGG AGGACGAGGA 60
GAGCATCCTG GGGGATGGG AGACCAAGGA ACCCTTCCTG 100

配列番号：6192

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07227

配列：

GATCTTGCCA CATCTGGCAC GGAGACGACA CAGTAATNCT GAAAAAGCCT CTATGTAGTC 60
CTGTTAGTNT CTAAAGAAC CTAAAAGCTN GGACCAGTAA 100

配列番号：6193

配列の長さ：100

配列の型：核酸

トポロジー：直鎖状

クローン名：HUMGS07228

配列：

GATCCAATGG ATTTAAACAG AAGCNCITTTG CCAGGCTTGC CAGCAAGAAG GCAGTGGAGG 60
AACTTGCTA CAAATGGAGT GTTGAGGATA TGTAACITTC 100

【1210】

【配列表 1 1 2 0】

配列番号: 6194

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07229

配列:

GATCAGNAGA GGCCANGCTC CNCCCCACCC CAAACAGCAT GAACTTCCCA AGGCTCCATC 60
CCTTTCTCCC AGTGCACAGG CTGGTCACTT TCTCCGGGTA 100

配列番号: 6195

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07230

配列:

GATCTCAGAT TTTTTTTGAA GTTAACATGC CTGACACAGA CATCCTTTCC TCTCACAAGC 60
TGTGTGACTT AGTAGATAAA ATACTGCCTT CTGCCTTTGG 100

配列番号: 6196

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07231

配列:

GATCACTGGA CATCAAAGAT TCATTGCACT TATGAACAAG GAACCTTCTT TTCAATTTCT 60
GTGTAATTTG CAAGGCTGTA CAATGTGTGC TGATGCAAGC 100

配列番号: 6197

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07232

配列:

GATCTATAAA TCAAGAAAAT CCATTGTCAT AACCATTTTT AAAAGTCAAA AATTAAGACA 60
TCCTTAATTA AAANGTTTCA AATCTAGACA CTAATGTGT 100

配列番号: 6198

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07233

配列:

GATCGANACC ATCCTGGCTA ACATNATGAA GCCCCGTCTC TACTAGAGAT ACAGAAAATT 60
GGCTGGGTNC GGTGGCGGGC GCTTGTGGTA CCAGCTACTC 100

【1 2 1 1】

【配列表 1 1 2 1】

配列番号: 6199

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07235

配列:

GATCGAGGAC TATTCCNGTG CTATTCATTC CTCCATTGCT AAACAGATNA AAAGCGACGG 60
TTNCTNCACT AACAGCAGCT GGGAAAGANG TTATGCTTGT 100

配列番号: 6200

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07238

配列:

GATCCCAAGG ACCTGGAGCC ACGGGCTGCC AACTGCACTC GGGTACTGGT GTGGCATACT 60
CGGACAGAGA AGCCCAAGAT GAAGCAGGAG GAGCAGCTGC 100

配列番号: 6201

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07241

配列:

GATCCACCAG CCTCAGCCTC CCAGAGTGCT GGGATTACAG GCGTGAATGT AATNNTTTTT 60
AAAAAGAAAA ACATGGNTGT AAAGAAAGTA AAGCTTCGTT 100

配列番号: 6202

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07243

配列:

GATCTGTGAC ACTNACATGG CTGTGGTGTG CATACTGTGT AGTTACATAG CCCTTCCAAT 60
TCTGGGTCCA TTTGCACTAG CAAATTAATAA TATGCTTTGA 100

配列番号: 6203

配列の長さ: 81

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07244

配列:

GATCCCAAAAC NACTCACTCC TTAAATTAC ACTTTGCCAC TTAACCTCCAG TGTGGATGAC 60
AGAGCGAGAC CTGCCTCAA A 81

配列番号: 6204

配列の長さ: 100

配列の型: 核酸

トポロジー: 直鎖状

クローン名: HUMGS07245

配列:

GATCAACCTC AACACCTGGC NTCTCANGCC TATATACCGA CATATNCAGC AAACCTNAT 60
GNAGGCTACA AAGTACGGC AAGTACCCAC GTAACCTGACG 100

【図面の簡単な説明】

【図 1】

3' Mbo I cDNAライブラリーの作成を示す図である。

【図2】

プライマーの試験を示した図である。図中、Aは試験に用いたプライマーのベクター上の位置を、Bはプライマーにより増幅したDNA断片のゲル電気泳動のパターンを示す。用いたプライマーは以下の通りである。

レーン1；FW（-40）／RV（-14）

レーン2；FW（-40）／RV（-36）

レーン3；FW（-40）／RV（-71）

レーン4；FW（-40）／RV（-29）

レーン5；FW（-47）／RV（-48）

アーティファクトは、矢印で示してある。

【図3】

SW（-40）及びRV（-14）を用いたPCRを示した図である。図中、最も右側のレーンはサイズマーカーを、他のレーンはSW（-40）／RV（-14）を用いたPCR産物を電気泳動したパターンを示す。

【図4】

cDNAライブラリー内の各GSの出現頻度へのmRNA濃度の反映を示す図である。

【図5】

3' 領域He p⁺G2 cDNAライブラリーにおける種々のcDNA種の検索頻度を示す図である。

【図6】

PCRを用いた各GS（gs）のマッピングを示す図である。

【図7】

PCRを用いた各GS（gs）のマッピングを示す図である。

【図8】

PCRを用いた各GS（gs）のマッピングを示す図である。

【図9】

PCRを用いた各GS（gs）のマッピングを示す図である。

【図10】

PCRを用いた各GS (gs) のマッピングを示す図である。

【図11】

GS001418 (gs001418) のPCRによる染色体へのマッピングを示す図である。

【図12】

GS001457 (gs001457) のPCRによる染色体へのマッピングを示す図である。

【図13】

GSをプローブとしたヒト全染色体に対するサザンブロッティングを示す図である。

【図14】

GSをプローブとしたヒト全染色体に対するサザンブロッティングを示す図である。

【図15】

サザンハイブリダイゼーションに用いたハイブリッドセルを示す図である。

【図16】

GS000152 (クローンs14g02) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

【図17】

GS000041 (クローンs650) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

【図18】

GS000181 (クローンhm01e01) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

【図19】

GS000055 (クローンc13a18) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

【図20】

GS000180 (クローン s 479) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

【図21】

GS000094 (クローン s 173) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

【図22】

junk (クローン hm01g02) をプローブとしたハイブリッドセル染色体へのサザンブロッティングを示す図である。

【図23】

サザンブロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、EはEcoRIを、BaはBamHIを、BgはBglIIを示す。E/BはEcoRIとBamHIの二重切断を示す。

【図24】

サザンブロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、EはEcoRIを、BaはBamHIを、BgはBglIIを示す。E/BはEcoRIとBamHIの二重切断を示す。

【図25】

サザンブロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、EはEcoRIを、BaはBamHIを、BgはBglIIを示す。E/BはEcoRIとBamHIの二重切断を示す。

【図26】

サザンブロッティング法による各GSの染色体へのマッピングを示す図である。図中、EはEcoRIを、BaはBamHIを、BgはBglIIを示す。E/BはEcoRIとBamHIの二重切断を示す。

【図27】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図28】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図29】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図30】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図31】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図42】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図33】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図34】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図35】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図36】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図37】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図38】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図39】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図40】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図41】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図42】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図43】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図44】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図45】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図46】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図47】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図48】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図49】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図50】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図51】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図52】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図53】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図54】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図55】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図56】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図57】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図58】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図59】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図60】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図61】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図62】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図63】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図64】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図65】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図66】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図67】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図68】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図69】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図70】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図71】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図72】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図73】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図74】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図75】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図76】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図77】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図78】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図79】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図80】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図81】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図82】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図83】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図84】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図85】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図86】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図87】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図88】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図89】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図90】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図91】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図92】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図93】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図94】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図95】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図96】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図97】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図98】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図99】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図100】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図101】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図102】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図103】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図104】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図105】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図106】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図107】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図108】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図109】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図110】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図111】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図112】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図113】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図114】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図115】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図116】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図117】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図118】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図119】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図120】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図121】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図122】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図123】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図124】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図125】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図126】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図127】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図128】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図129】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図130】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図131】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図132】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図133】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図134】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図135】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図136】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図137】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図138】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図139】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図140】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図141】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図142】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図143】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図144】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図145】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図146】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図147】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図148】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図149】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図150】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図151】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図152】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図153】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図154】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図155】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図156】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図157】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図158】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図159】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図160】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図161】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図162】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図163】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図164】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図165】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図166】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図167】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図168】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図169】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図170】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図171】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図172】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図173】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図174】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図175】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図176】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図177】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図178】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図179】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図180】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図181】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図182】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図183】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図184】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図185】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図186】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図187】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図188】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図189】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図190】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図191】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図192】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図193】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図194】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図195】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図196】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図197】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図198】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図199】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図200】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図201】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図202】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図203】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図204】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図205】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図206】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図207】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図208】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図209】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図210】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図211】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図212】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図213】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図214】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図215】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図216】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図217】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図218】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図219】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図220】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図221】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図222】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図223】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図224】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図225】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図226】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図227】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図228】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図229】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図230】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図231】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図232】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図233】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図234】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図235】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図236】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図237】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図238】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図239】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図240】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図241】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図242】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図243】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図244】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図245】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図246】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図247】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図248】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図249】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図250】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図251】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図252】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図253】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図254】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図255】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図256】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図257】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図258】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図259】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図260】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図261】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図262】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図263】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図264】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図265】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図266】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図267】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図268】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図269】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図270】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図271】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図272】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図273】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図274】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図275】

各G Sの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図276】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図277】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図278】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図279】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図280】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図281】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図282】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図283】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図284】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図285】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図286】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図287】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図288】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図289】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図290】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図291】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図292】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図293】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図294】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図295】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図296】

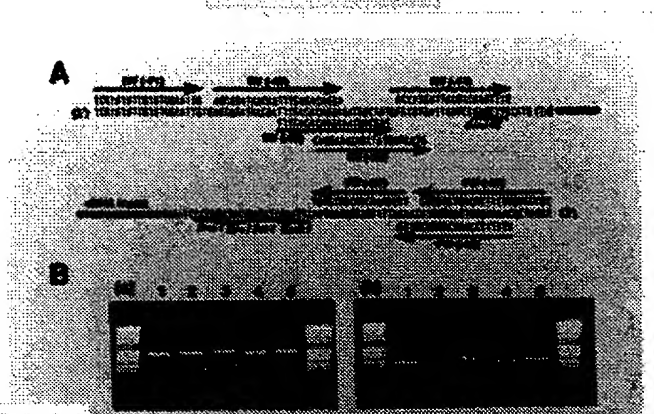
各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

【図297】

各GSの各臓器細胞における発現頻度を示す図である。

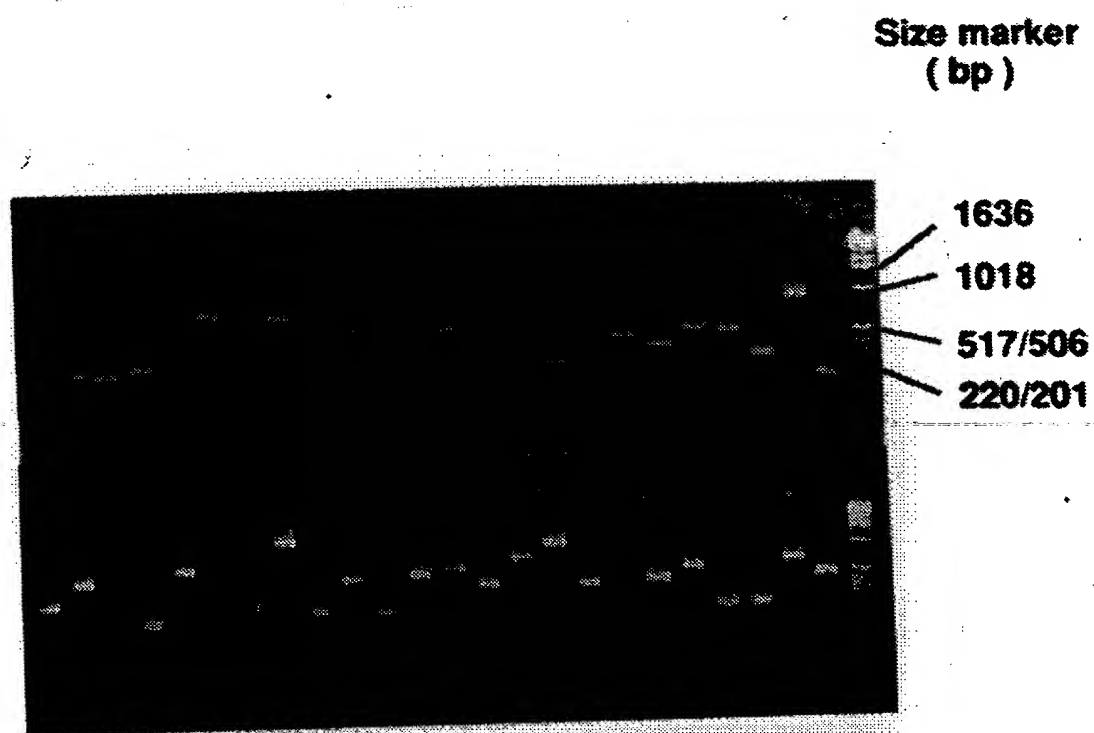
【図2】

図面代用写真



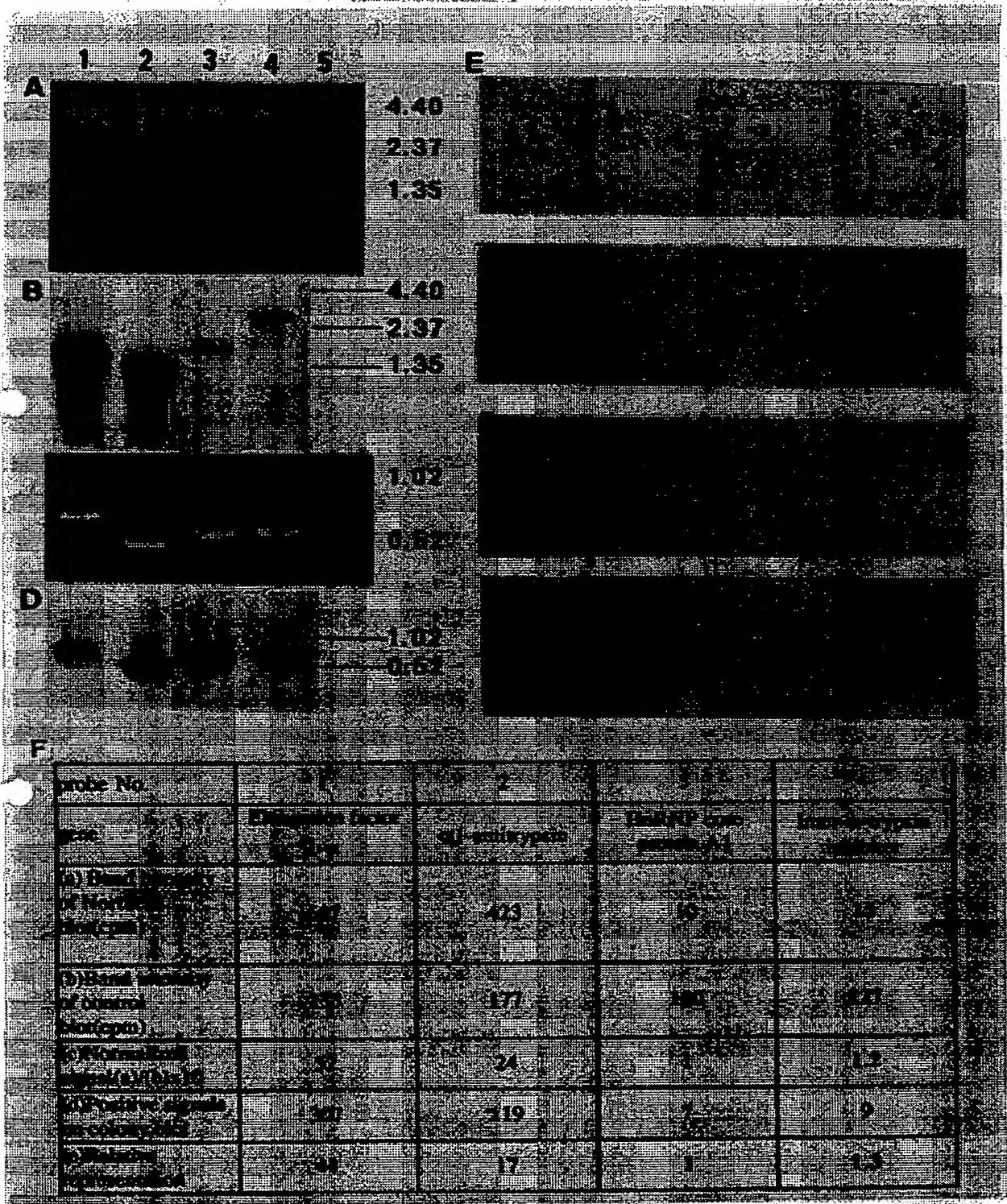
【図 3】

図面代用写真



【図4】

図面代用写真



3 指向 Hep G2 cDNA ライブラリーにおける種々の cDNA の存在割合

| グループ | クローン | 遺伝子 | A | | | B | | | C | | |
|------|---------|---------------------------|------------|--|--|----------------|--|--|-----------------|--|--|
| | | | In 982 (%) | | | "In 8,800 (%)" | | | "In 26,400 (%)" | | |
| I | a15 | 延長因子-1 A α | 22 (2.2) | | | 307 (3.5) | | | NT | | |
| | c321 | 細胞的に制御された腫瘍タンパク質 | 12 (1.2) | | | 89 (1.0) | | | NT | | |
| | tb038 | α -1-アンチトリプシン | 8 (0.8) | | | 119 (1.4) | | | NT | | |
| | hm01b02 | フェリチンの軽鎖 | 6 (0.6) | | | 62 (0.7) | | | NT | | |
| | c13a04 | NADP (H) メナジオン・オキシドレダクターゼ | 4 (0.4) | | | 27 (0.3) | | | NT | | |
| | hm02d02 | リボソーム・タンパク質 S11 | 3 (0.3) | | | 29 (0.3) | | | NT | | |
| | tb042 | ヒト RNP コア・タンパク質 A1 | 2 (0.2) | | | 7 (0.1) | | | NT | | |
| | s155 | 未知 | 1 | | | 2 | | | 5 (0.02) | | |
| II | s159 | 未知 | 1 | | | 2 | | | 4 (0.02) | | |
| | s639 | 未知 | 1 | | | 1 | | | 3 (0.01) | | |
| | s635 | 未知 | 1 | | | 0 | | | 2 (0.01) | | |
| | s170 | 未知 | 1 | | | 0 | | | 1 (0.004) | | |
| | s154 | 未知 | 1 | | | 0 | | | 1 (0.004) | | |
| | s167 | 未知 | 1 | | | 0 | | | 1 (0.004) | | |
| | s645 | 未知 | 1 | | | 0 | | | 1 (0.004) | | |
| | s647 | 未知 | 1 | | | 0 | | | 0 (<0.004) | | |
| | s632 | 未知 | 1 | | | 0 | | | 0 (<0.004) | | |
| | | | | | | | | | | | |

【図 6】

| Sequences of primers | | | | | | | | | | | |
|----------------------|--------|----------------------|-------------------------|-------------------------|----|---------|-----|------|------|---|---|
| GS | CN | Chromosomal position | Sense | Anti-sense | AT | HO | HE | MO | CO | G | T |
| gs000788 | pm2386 | 1 | CAGAGCCCACTACAACTAT | AAGTTTATGTTGGGGTCAG | 48 | 114 | 115 | 104 | 110 | 1 | 2 |
| gs001026 | pm2444 | 1 | AATGGACAGTTACACTGA | CCAGCTTCCTTGACTTGAGA | 48 | 83 | 84 | >200 | >200 | 1 | 1 |
| gs001075 | pm0883 | 1 | TGGACTGTGGATACCTATCT | ACAAGTACCCCTGAATGGCT | 48 | 124 | 124 | 103 | 107 | 4 | 4 |
| gs001087 | pm1772 | 1 | GTCACTCTCAGCCATAGCAC | ACCATCTTCAGCCCACTT | 50 | 104 | 104 | 180 | >200 | 6 | 6 |
| gs001094 | pm0347 | 1 | GCCCTTAACACGAGGAATC | TAATTTCCCACTCCCGTAAC | 51 | 114 | 116 | >200 | 200 | 1 | 1 |
| gs001116 | pm1771 | 1 | GGTTTTCAATAGGGGTATAGAC | GCCCAATCTGTCAAAAGCTG | 49 | 95 | 95 | 78 | 107 | 1 | 1 |
| gs001191 | pm0609 | 1 | TTGCTGGATTGTAACCTTTG | GGCTGAACATTCACTCTTTG | 47 | 97 | 97 | - | 200 | 1 | 1 |
| gs001200 | pm1351 | 1 | TTAAGAAGACCGTTATGGAGCC | AATAATCTGTGTTAGTCACTTAC | 47 | 97 | 98 | - | - | 1 | 1 |
| gs001346 | pm0982 | 1 | TCAGGTCTGCTGGAGGATG | AATCACAAGCAGCATATTG | 53 | 120 | 122 | >200 | >200 | 1 | 1 |
| gs001446 | pm1818 | 1 | AAGGTGTACAGGATATTTGAGA | TGCAATAGCCCAATCTCAT | 47 | 130 | 125 | >200 | >200 | 1 | 1 |
| gs001464 | pm1439 | 1 | CCAAAGACCTCCCTTGAACA | TTTGGAGAGCCATAGACAG | 51 | 100 | 100 | >200 | - | 1 | 1 |
| gs001468 | pm0427 | 1 | TACTCAGTGGAAAGATAAAC | CAGTGGACCACTTTTCTTA | 40 | 98 | 98 | - | - | 2 | 2 |
| gs001521 | pm2786 | 1 | CCAAATCAAAATTGTTAAATG | TTTGAATCAGAGACATGAAGTT | 43 | 102,175 | 100 | >200 | >200 | 1 | 1 |
| gs001554 | pm2281 | 1 | CCAGAGAGTTCAGGGATG | GGTACAAGTGCAAATGACT | 46 | 57 | 57 | 78 | 155 | 1 | 1 |
| gs001572 | pm2009 | 1 | CCAAATCAAGTCTAGCACTG | AAAGTTATTCAGACTTCTT | 44 | 88 | 58 | >200 | >200 | 4 | 4 |
| gs001620 | pm1350 | 2 | CATGATACCTCTGGTGTA | AAACAGTAGTCCAGGCAAT | 48 | 84 | 108 | - | - | 1 | 1 |
| gs001006 | pm1730 | 2 | AGCTGAATGTGGCATGCT | CCGTTATTGCTACATGCT | 48 | 119 | 119 | 93 | 115 | 1 | 1 |
| gs001081 | pm0931 | 2 | AAAGCAATACAAATACCAA | TTCAATATGTTTAACCACTA | 40 | 90 | 90 | - | - | 1 | 1 |
| gs001090 | pm0925 | 2 | TAATGTACCAAGATGAATAG | TAATGTAAATATGACGGTAA | 45 | 88 | 88 | - | - | 1 | 1 |
| gs001213 | pm2010 | 2 | CCAGATGGAAGGGAAGTCT | CTGGAAATGGAAGAAATCAACAG | 47 | 125 | 125 | 150 | >200 | 1 | 1 |
| gs001252 | pm0935 | 2 | TCGAGTTTGTCTCTAATAA | GGAAATATCAGTTCAGTTG | 43 | 103 | 103 | - | - | 1 | 1 |
| gs001268 | pm2083 | 2 | AGTCCTCTTGGCTCCTCAT | TATGCTCAGTGGCTTTATTG | 52 | 137 | 137 | >200 | - | 1 | 1 |
| gs001436 | pm2435 | 2 | TTTTATACCTAGCTAAGAGTACT | ATCGGTGCCACACATAGTGA | 45 | 105 | 108 | - | - | 1 | 2 |
| gs001442 | pm1871 | 2 | TTATTAGGAGTCATTATCTGTG | AGTTCCCATCTTCCACATG | 45 | 67 | 65 | >200 | >200 | 1 | 2 |
| gs001453 | pm1245 | 2 | TTGCTTCCCGTCTCTAAGT | ATGTACAATTTGCGTATGTAGG | 45 | 75 | 75 | 170 | 190 | 1 | 1 |
| gs001535 | pm1246 | 2 | ATCTACTGTTTGTGGAAGTG | ACTGATTTTGGTCCCATCTG | 44 | 68 | 67 | - | - | 1 | 1 |
| gs000978 | pm0449 | 3 | CGAACATTCACCTCTCATA | ATGATTTTATTAGGCAAGAA | 43 | 68 | 68 | - | - | 3 | 6 |
| gs001001 | pm1758 | 3 | TCGGGCTCTTGGGTGTGGA | GCCCACTGAGTACAAATGTC | 51 | 115 | 115 | - | - | 1 | 1 |
| gs001218 | pm2434 | 3 | AAAGAAAGCAGACTGCGCTAA | ATGTATAGACAATGCCAAG | 42 | 90 | 90 | - | - | 1 | 1 |
| gs001219 | pm0686 | 3 | GTAGTCTCTGCGCCTTTAGC | AAGGATTTGATTTTGTACAT | 43 | 77 | 77 | - | - | 1 | 1 |
| gs001277 | pm1728 | 3 | GGTCTGTTTATTTTGAAT | AAACAAGGAGATGGTTTCAGA | 43 | 75 | 75 | 155 | >200 | 1 | 1 |
| gs001306 | pm1822 | 3 | GATCCTTGTTGTAGTTCAAGTC | CTGCAAAATACAGGGAATCAT | 46 | 83 | 83 | 160 | 140 | 1 | 1 |
| gs001410 | pm2209 | 3 | ACCCAGTCCCAATCCAGT | ACAGTCCCGCCAGCCCTTACT | 55 | 105 | 105 | 113 | >200 | 1 | 1 |
| gs001466 | pm2455 | 3 | ATCTAGCTGGCTGATGATT | TTAAGAGATGAATTTATTGGT | 42 | 130 | 130 | 190 | >200 | 1 | 1 |
| gs000271 | pm1252 | 4 | GTCCCTTGTCTATCTGTGTTA | AAGCATTTATTGAGGTTTA | 43 | 90 | 90 | 95 | >200 | 1 | 3 |

| | | | | | | | | | | | |
|----------|--------|----|--------------------------|--------------------------|----|---------|-----|------|------|---|---|
| gs000448 | pm2256 | 4 | GGCCAAGTTTCTCTAGTAT | GTTGAGTTTATTCAGAGCA | 42 | 62 | 62 | >200 | 69 | 1 | 2 |
| gs001052 | pm1151 | 4 | GTGCCATGCGACGTGTTGTTAT | GTCCATATTTCCATCATCA | 43 | 80 | 80 | - | - | 1 | 1 |
| gs001215 | pm0988 | 4 | AGAAATTAATAGCATAGGT | TAGAGTCAAAAGTTGCTGTG | 43 | 100 | 100 | 130 | - | 1 | 1 |
| gs001288 | pm2367 | 4 | ATCAAAAGTTTAATTGCTTCA | GATCCCATCAGATACAAATC | 43 | 116 | 116 | >200 | 180 | 1 | 1 |
| gs000993 | pm0904 | 5 | TCTCGTGAAGAGCAGCACAA | TCTAAAGGAAGAACAGCATC | 49 | 101 | 102 | 113 | 200 | 1 | 1 |
| gs000998 | pm1988 | 5 | AAGCAATGCGTTATCCACAG | CTAAAGAGCTTGAAACCTTCAT | 45 | 87 | 87 | >200 | >200 | 1 | 1 |
| gs001085 | pm0319 | 5 | TAACCCAGATAATTACAGT | AGACATAAGCAGGTAAGAT | 44 | 120 | 120 | - | - | 1 | 1 |
| gs001101 | pm2364 | 5 | TTACCTTACCGTGCTTTAC | AGACAAATATCCGAAAGGC | 47 | 80 | 80 | 100 | >200 | 1 | 1 |
| gs001161 | pm1160 | 5 | ATTTGTGAGTGGTTTACTA | AGAAATGAGTGCCTTTTATTC | 43 | 101 | 89 | >200 | >200 | 1 | 1 |
| gs000053 | pm2720 | 6 | AATGTCATAGTCTCGTTTCA | TGCATCGTTCAATGTCTTCT | 44 | 78 | 78 | 72 | >200 | 2 | 3 |
| gs001326 | pm1154 | 6 | CATTGACACAGCAGCAACAG | CGTGCCCTCTTCTGAGTA | 53 | 102 | 104 | 145 | 200 | 1 | 1 |
| gs001434 | pm1216 | 6 | TAGGCAAAACACGAGAGAG | AAGGAGCTGGTGTGAGGTTG | 48 | 65 | 65 | 110 | >200 | 1 | 1 |
| gs001457 | pm1785 | 6 | TATATGCAATATTCGAAAGTCTG | TCTAATATTTGTTGCTCCTTATCT | 48 | 90,>200 | 90 | >200 | >200 | 1 | 1 |
| gs001523 | pm0285 | 6 | TTGTAAGTGTGTCGTCAAGT | TTTAAATATGTCATGTAAT | 42 | 86 | 70 | >200 | 100 | 1 | 1 |
| gs001525 | pm0328 | 6 | GCACCTAAGCCTCCCAAGT | TTTTATATGAGTCCAAAGGC | 49 | 138 | 138 | >200 | >200 | 1 | 1 |
| gs001562 | pm2819 | 6 | TCTGCATTGACAAGGACCAC | TTTGAGATTTTAAATGAGTCATC | 43 | 82 | 82 | >200 | 45 | 1 | 1 |
| gs000824 | pm0991 | 7 | GACCTGAAAGTGTGAATGAGT | AAGTTAGCTTTATGGAATTT | 45 | 119 | 119 | >200 | - | 1 | 2 |
| gs001145 | pm0281 | 7 | AGCCAAACTCGGGTGCATCT | CGAGGACAGAGGTGAGTCAT | 58 | 159 | 159 | 115 | >200 | 4 | 4 |
| gs001489 | pm0219 | 7 | AATCATTTGGCGAGAGTGTA | AGACAAAGTTTATCCAGACA | 45 | 88 | 88 | 130 | - | 1 | 1 |
| gs001579 | pm1102 | 7 | TCAGGCAAGTCTGCTCAGATA | TTTGACGATTAATGCTGTTTA | 44 | 77 | 78 | 170 | - | 1 | 1 |
| gs001207 | pm0956 | 8 | AAGCAATGCGTTGTGAGACTAG | TCCATTAATAGGCCAGCTCTCAG | 47 | 81 | 81 | 105 | 70 | 1 | 1 |
| gs001178 | pm2527 | 9 | TTGCCCTAATGCTGTCTAC | AAAACGAGAACACAGTAAG | 48 | 99 | 96 | 118 | 180 | 1 | 1 |
| gs001248 | pm2708 | 9 | TGTATTGGAATTGGATTCTC | CAAAAGCAAAACACAGATA | 44 | 95 | 95 | - | 85 | 1 | 1 |
| gs000280 | pm0995 | 97 | TTGCCATCAAAACACATACA | CTTGAGAGTTTGGTTTCTG | 43 | 55 | 55 | - | - | 1 | 1 |
| gs001055 | pm0959 | 97 | TTAAGAAATCACCCCTCATTG | CACATGCTTATGGAACACT | 44 | 74 | 74 | 72 | 73 | 1 | 1 |
| gs001167 | pm0547 | 10 | AAGTATTGTGCAAGATGTA | AAGAAACACATGCTTGTGG | 45 | 138 | 138 | >200 | >200 | 2 | 3 |
| gs001288 | pm2245 | 10 | TGTGAAATGCTATCTCTCT | GCATATGCTTCCATATCAGT | 47 | 100 | 100 | 200 | >200 | 1 | 1 |
| gs000228 | pm2884 | 11 | ATCAAAACAAACAATCCAGA | AGTATATATAGTCCCAACT | 42 | 117 | 121 | 134 | 95 | 2 | 2 |
| gs001199 | pm0880 | 11 | GAATAGCTTGGAGATTGAC | GGAGATCATACCTTCAGCA | 48 | 100 | 100 | 84 | 95 | 1 | 1 |
| gs001315 | pm0445 | 11 | AAAGTGACCTTGATGACAGTGG | TCGAGCCAAAATAACATGCTGACT | 50 | 153 | 153 | >200 | 180 | 1 | 2 |
| gs001352 | pm2843 | 11 | AGGGTGAAGGGTATTTTACG | CACATCATGTTGAGAGCTA | 47 | 83 | 85 | - | - | 2 | 2 |
| gs001489 | pm0559 | 11 | AACCTCTAGTAAGGCATTG | TTATTAACCAATCCAGTA | 37 | 47 | 47 | 125 | 53 | 1 | 1 |
| gs001570 | pm2810 | 11 | CTGTAAAGGTTTTGGAAATTATGT | TTTCATTTTCTACGAGTTTAT | 42 | 75,82 | 75 | 145 | >200 | 3 | 3 |
| gs000279 | pm0286 | 12 | AGTGTATGGAAGACCTTGAG | GTTTCATTGAAACGGTGTAGC | 48 | 130 | 130 | 103 | >200 | 1 | 2 |
| gs001163 | pm2786 | 12 | TGTCCGTATTACAAACCAAGT | AATGATTGCTAGATAGCA | 49 | 88 | 88 | >200 | 120 | 1 | 2 |
| gs001193 | pm1193 | 12 | CACAGCATAAAGAAATCAT | ACCTAATTTAGTTTCTCAC | 46 | 100 | 100 | - | - | 1 | 1 |
| gs001235 | pm2790 | 12 | CATCATGCTACAGTCAGAAG | CAGTTTGTCAAAATGTAATG | 44 | 83 | 82 | 93 | 87 | 1 | 1 |
| gs001274 | pm1355 | 12 | AGATGTCAGTATTTCTCATGG | GAGAACAGCAGTAAAGCAACAC | 47 | 87 | 87 | >200 | >200 | 1 | 1 |
| gs001308 | pm0388 | 12 | CCAAAGTCTAGGGTTACAG | TCAATAGACCTTGGGTTAC | 47 | 95,185 | 95 | >200 | >200 | 1 | 1 |
| gs000159 | pm2845 | 13 | CTAAGATTTAATGCCATTCC | AGTTAGTGTATGGCAGAGGA | 48 | 104 | 104 | >200 | - | 1 | 2 |

【図 8】

| | | | | | | | | | | |
|----------|--------|----|--------------------------|-------------------------|----|---------|-----|----------|------|---|
| gs001044 | pm1659 | 13 | TTGTAAGCCTATCAGAGTCA | AGACAGACTTATGCCATCTA | 44 | 109,200 | 109 | >200 | 100 | 1 |
| gs001200 | pm1731 | 13 | GCTTCTTCCTGTGCTGTGT | GCAGTTAATCATGGCTATTCTCC | 50 | 122 | 122 | >200 | 180 | 1 |
| gs001362 | pm0118 | 13 | ACTGAATGGAACATAGTCT | TACATTACATGACATTGTGA | 40 | 61 | 61 | 95 | 103 | 1 |
| gs001366 | pm0364 | 13 | TGCTTAGCTTTCCTCTTA | GAGCATTCCTGTGTTCTGA | 45 | 67 | 67 | - | - | 1 |
| gs001369 | pm2301 | 13 | CATGAACCTGTCCAGCAAA | GGCTTACTTAACTGTGACC | 51 | 100 | 100 | 100,>200 | - | 1 |
| gs001482 | pm0541 | 13 | AAATGAATGTAAATAGCACT | ATTAGTTACAGGAGAAAT | 41 | 72 | 72 | - | 74 | 1 |
| gs001367 | pm0441 | 14 | GTTTAAAGTTTGTATGGG | CATCCAGCTTACATTCT. | 41 | 77 | 77 | >200 | 180 | 3 |
| gs001504 | pm2307 | 14 | CGTTCCTAACTGTGAATC | AATGCTCATTTATTCTCAAG | 42 | 55 | 55 | >200 | >200 | 1 |
| gs001576 | pm2019 | 14 | ATCACAATTACGTTAGTTG | ACGATACTTTATTGGAGAT | 39 | 69 | 69 | - | - | 1 |
| gs001339 | pm2220 | 15 | TCCCATCCTCAGTTGAAT | TGAGAACAAAGAACCAAGT | 47 | 70 | 70 | 80 | 150 | 1 |
| gs000980 | pm0985 | 16 | TTGGAATGGAACCGCTGTA | ACTTATGCTGCCGTGAATGG | 48 | 78 | 78 | 68 | 70 | 2 |
| gs001242 | pm1127 | 16 | CCGTGTTTTTACATGTTCA | TATTAAATGTCCCATTCAT | 44 | 105 | 105 | 103 | 102 | 2 |
| gs001516 | pm2543 | 16 | ACAGTGTAAATCAAGGTG | TCTGACAACTCAAGGTGCAAT | 45 | 53 | 53 | >200 | >200 | 1 |
| gs001568 | pm0913 | 16 | TTGTGTCGAGTATGTAAT | TCACITTTAATGGGAACCA | 41 | 77 | 77 | 140 | >200 | 2 |
| gs000806 | pm1157 | 17 | CTCTCCATGTTCTGTACAAG | TAGAAGGAGAACTGTGGTT | 47 | 80 | 80 | >200 | >200 | 1 |
| gs001015 | pm2369 | 17 | ATATTACCTTCCCATCCAT | TCAATACGCTGCTGCAAGC | 50 | 80 | 80 | >200 | >200 | 1 |
| gs001156 | pm0202 | 17 | CAGAAATTAGTGCAGCAAT | TGCTATCTGCATCTTTAAGT | 45 | 103 | 100 | >200 | >200 | 2 |
| gs001173 | pm2117 | 17 | AAATCTGTGTGTTATTCC | GTGATCTACTGTACATTGC | 41 | 118 | 118 | 145 | 200 | 1 |
| gs001301 | pm1978 | 17 | TAAATTTGTGGAATCTGTGGA | ACACATTTGGGTTTGTCTTAAC | 47 | 100 | 100 | 95 | 97 | 1 |
| gs001316 | pm0514 | 17 | TGTGACAGCAGCAGCTTCAT | TCTGACATTTAATCCACC | 45 | 128 | 128 | - | 1 | 1 |
| gs001356 | pm0538 | 17 | CATCTCAGACAGCAAGAAAC | ACCTAAGAGTCCAGAGAAAC | 48 | 90 | 90 | 68 | >200 | 1 |
| gs001495 | pm2212 | 17 | TGACTGCAATAGGAGTGT | GAACATACCAGTTTATTCT | 46 | 90 | 90 | 180 | >200 | 1 |
| gs001522 | pm0842 | 17 | GTCTTCAGCAGATTTCAAGT | ACTTCTCTTGAAGACACA | 45 | 68 | 68 | 160 | - | 1 |
| gs001078 | pm1815 | 19 | TGTGTTCTCCAGCTTTGTAG | GTTACATTGCCCTTGTACAG | 48 | 65 | 65 | >200 | >200 | 1 |
| gs001417 | pm0289 | 19 | GGATCAGACCAACAGTGTG | GCAAGGTATAAACAGATTA | 46 | 90 | 90 | - | - | 1 |
| gs001467 | pm1688 | 19 | GGAAGCCACCTGCACCTCA | GGAGAGTATTGGGAACGGT | 54 | 93 | 93 | >200 | >200 | 2 |
| gs001069 | pm1979 | 20 | GCCATGCTTGTAAAGTGATGT | TTAAGAAGCCATTAGCTAGGATA | 48 | 140 | 140 | - | - | 1 |
| gs001089 | pm1146 | 20 | GCCCTTAGGATTCAGCTGCTC | ACCACCAAGGTCTTTCAAGG | 62 | 66 | 66 | 160 | >200 | 1 |
| gs001089 | pm0112 | 20 | TGCTGATGACTTCTACAG | TCCCTATCATGGCTGCTGT | 49 | 59 | 59 | 59,115 | 59 | 1 |
| gs001128 | pm0332 | 20 | GTGCTGGGTAGTCTGACTG | CAATGCTGTAAAGAGACAT | 49 | 135 | 135 | 153 | 180 | 1 |
| gs001132 | pm0547 | 20 | TCTGATGATGATGGAACA | ATCTAGTCCCAACCCAGTA | 48 | 109 | 109 | - | - | 1 |
| gs001158 | pm1774 | 20 | GGAGCCACATGGGATTGATTG | AAATGTACCCGTGGCACTC | 52 | 124 | 124 | >200 | >200 | 1 |
| gs001210 | pm1235 | 20 | AGCCATCTGTTATGTCTTA | GGAGCAGATGAAATCTCAC | 44 | 90 | 90 | >200 | >200 | 1 |
| gs001377 | pm1701 | 20 | TCCATGGTGTAGAAAGCCAG | CCACATCTCCAACAGGAGGT | 54 | 142 | 142 | >200 | 74 | 1 |
| gs001395 | pm2101 | 21 | GTCAAGCTCAATGCTACACAG | TTTATAGTGCACACAGAGT | 45 | 130 | 130 | 180 | >200 | 1 |
| gs001427 | pm0646 | 21 | CTTCTGCTATAAAGTAGAG | ACAATTGTTCACTAAATGA | 39 | 58 | 58 | 145 | >200 | 1 |
| gs000978 | pm0912 | 22 | GGTGTAGTGTAAACATTAG | AGTTGCACCATCTCTGTC | 48 | 124 | 124 | >200 | >200 | 1 |
| gs001444 | pm0911 | 22 | GGTGTGTGTTGCCATCTGT | AGAAAGCCCAAGTAGTCC | 48 | 65,88 | 65 | 100 | 125 | 1 |
| gs001473 | pm2231 | 22 | TGAGCTGCACATTACCTGTGAGAG | AAGCAGGTTGAGTTGGTTTTCT | 50 | 94 | 94 | 67 | 135 | 2 |
| gs001479 | pm2328 | 22 | TACAGCCCTCCAGCTAAAC | TTTATCTGCTCCACTAGAA | 46 | 65 | 65 | 180 | >200 | 1 |

【図9】

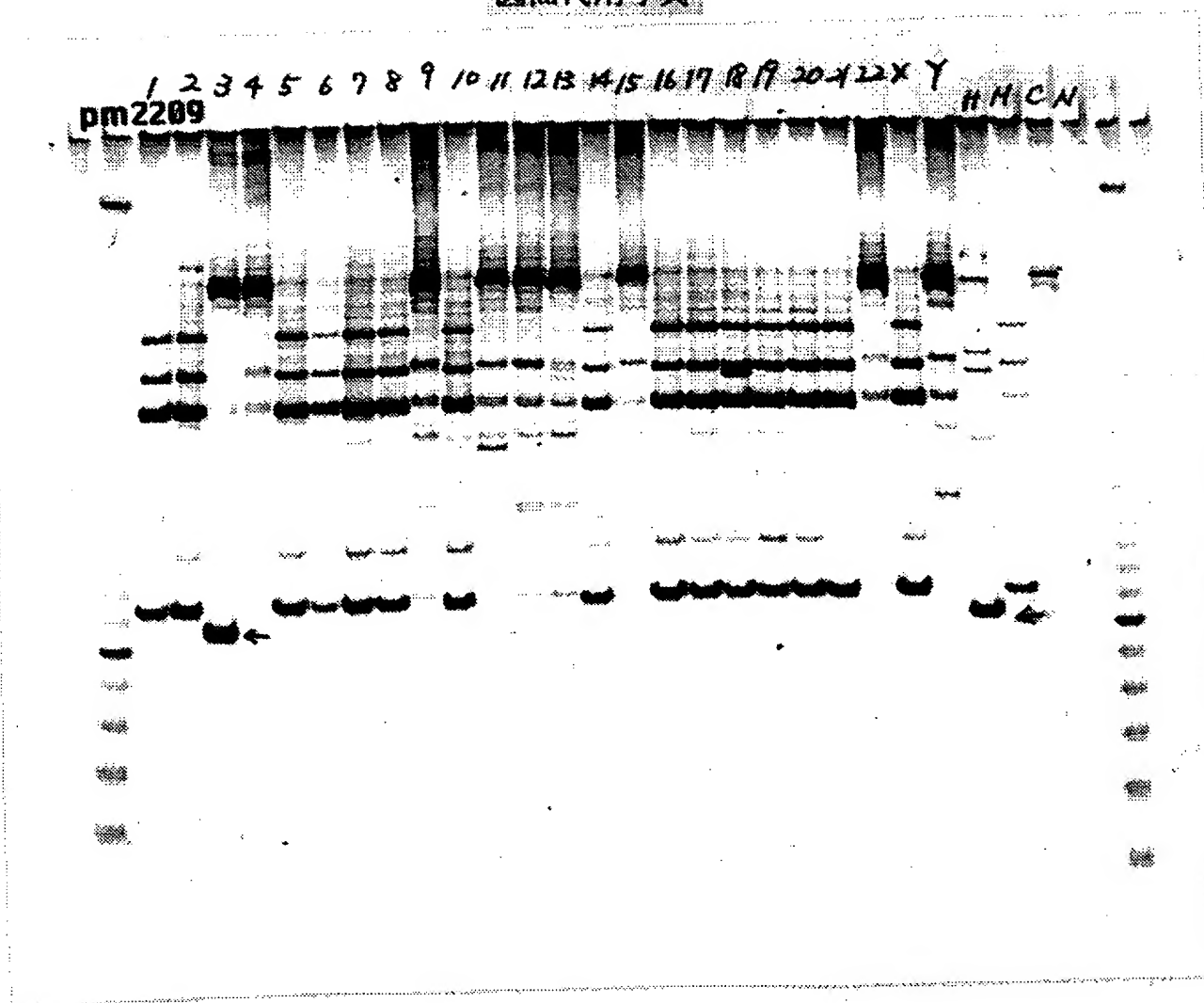
| | | | | | | | | | | | |
|----------|--------|---------------------------|--------------------------|---------------------------|----|---------|-----|------|------|----|----|
| g000999 | pm1759 | X | CTGCCATAGTTACCTGGATT | TCACCCACCACTATTAGCA | 47 | 103 | 103 | - | - | 1 | 1 |
| g001149 | pm2180 | X | GGAGGGGAGATATAGATTGT | AAAAAATCAGAGACTGA | 46 | 70 | 70 | 135 | 150 | 1 | 1 |
| g001161 | pm0608 | X | TTCTATAGTGTGACCAGTT | GGAGGATTTGAGATACAGT | 40 | 85 | 85 | >200 | >200 | 77 | 1 |
| g001406 | pm1264 | X | TAATGCCAGTGAATGTTGCGTAA | GTAAAGGTATTATCGTTGCATCAGA | 47 | 82 | 82 | >200 | >200 | 80 | 2 |
| g001169 | pm2289 | X | ATCGTCTGCTGAATACATGTG | GGGAGAGACATCACAAGAC | 46 | 70 | 70 | 68 | 130 | 1 | 1 |
| g001138 | pm0113 | 1,18 | ATCCGATGGAGTGTAAAT | AATAGAAGCTAAACACAA | 44 | 69 | 69 | 170 | - | 1 | 1 |
| g001404 | pm2272 | 1,2,3,5,8,12,14,17,X | TTGGAAATTGACATTGCTGAT | TTTATTGTAAACAAGCAACT | 43 | 130 | 130 | 150 | 132 | 2 | 2 |
| g000803 | pm0314 | 1,2,6,X | TATCAAGCTGAJAAATGTCAAC | TTACTGAATCCAGCCAAACCA | 45 | 93 | 93 | 110 | - | 1 | 3 |
| g000140 | pm1461 | 1,3,4,5,8,16 | TCCAATGAGAGAGTGTTA | AGTTGACAGCCAGGTGAATG | 48 | 98 | 98 | 100 | 100 | 1 | 3 |
| g001354 | pm1561 | 2,20,21,22 | GTGTGTCAAGCCAAGATTCA | TTTTATTGTGCTCCAAAGT | 48 | 110 | 110 | 170 | 150 | 1 | 1 |
| g000336 | pm2765 | 2,4,8,10,12,15,17,20,22,Y | GACCTGTGATCATTTGTGAGCT | TTATATGTTGTTTACACTCG | 43 | 81 | 81 | - | - | 2 | 6 |
| g001077 | pm0943 | 2,5,14+C | GCCTGTGTTATTCAGCACTC | ATCTCCCTTTGCTCCAGTTA | 46 | 82 | 82 | >200 | >200 | 82 | 1 |
| g001192 | pm1853 | 2,8,12 | TCTGAGGACATTCGAAGACAG | CAGTCAAAACCAACACCGTAT | 49 | 95 | 95 | 93 | 180 | 1 | 1 |
| g000213 | pm1778 | 2,9,13,17,X | TGCAATAAAGGGAAGACCA | CCGTTGTAGGTGATGAATG | 49 | 78 | 80 | >200 | >200 | 1 | 2 |
| g000919 | pm0885 | 20,X | GTCAATTGTATGCAATTTC | ACATTTTATTTTTCACCG | 37 | 45 | 45 | - | - | 1 | 2 |
| g001109 | pm0457 | 3,10,15 | CATGTACTCAGAGGCACCTC | GCAAGTACAATCCCAACT | 50 | 133 | 133 | >200 | 150 | 2 | 2 |
| g000071 | pm2651 | 3,4+M | CAGGAGCTGGAGCAGGAAG | GAITTAACCAITTAGGAAGC | 50 | 101 | 101 | 101 | 88 | 3 | 3 |
| g001428 | pm2832 | 3,6 | TTAGGAATATGTTTACAGAG | ATAGTATGGTGTGACACAGTA | 43 | 80 | 80 | >200 | 120 | 1 | 1 |
| g001391 | pm1133 | 3,8 | TGGAATTGCTTTACCTGTT | ACACCTCAGGAGATGTTAC | 47 | 93 | 93 | 95 | >200 | 1 | 1 |
| g000077 | pm2258 | 3,9,10,15 | GCATCAAGCCAAATCAGA | CTCTTAACCAACACAGCAG | 50 | 98 | 98 | >200 | >200 | 2 | 4 |
| g000605 | pm0828 | 4,9 | GGATTCTATTGTGTGAT | GTATTGTAGCGGATTTAC | 44 | 105 | 100 | >200 | >200 | 2 | 4 |
| g001212 | pm1234 | 6,20 | GCATTAAACAGGAACAATA | CTGTCCATGTGCGATAAACG | 44 | 110 | 110 | 105 | 107 | 1 | 1 |
| g0001312 | pm0606 | 7,18 | AGATGCTAACATTAGGGATA | TTTTAGACATACAGAGGAGT | 43 | 81 | 81 | 102 | - | 1 | 1 |
| g001441 | pm1253 | 8,11 | CCAAGCTACAGGCTGATGGC | CCCTTACCCACAGCAACTGTT | 55 | 75,130 | 75 | >200 | >200 | 1 | 1 |
| g001357 | pm0115 | 9+M | ACCAATGTCACTGCTTTCTAAATA | CCCATATAGTGAAGAGTATGTTT | 48 | 125,155 | 127 | 125 | >200 | 1 | 1 |
| g001281 | pm0428 | 10,15,22 | AAGAAATTGTTACTGGATT | TTATCTGACTTGGAGGAAT | 42 | 107 | 107 | - | - | 1 | 1 |
| g001456 | pm2420 | 10,15,22 | AGTACCCCTGAGATATTAGTT | TTCAATTTATTGATTAGTTGA | 46 | 100 | 100 | 170 | - | 1 | 1 |
| g000290 | pm2303 | 11+M | ATACCACTTCCGCTGTCAAG | GAGAGCGTCTACTGTGTTT | 50 | 72 | 74 | 72 | >200 | 3 | 20 |
| g000314 | pm2843 | 12,19 | GCACCAAGAGCAGTTCCAG | TTGGGAATGAGAAATAACT | 46 | 83 | 83 | 81 | - | 1 | 7 |
| g000403 | pm2773 | 12+M | GATCTCAGTTCTGCGTTTATT | TACATCAAAAGATGCAACAGT | 44 | 80 | 80 | 79 | 88 | 1 | 1 |
| g001487 | pm2725 | 13,16 | ATTCTGTGTGCTGCTTTCC | TGCTGTCTCTGATGCGTGA | 46 | 82 | 80 | 135 | 180 | 1 | 1 |
| g000976 | pm2760 | 14,18 | ACTGCTTTTACCGCATCTT | AGGTTATTTGTCACACAGAA | 48 | 87 | 87 | >200 | >200 | 1 | 1 |
| g001435 | pm1683 | 17,20+C | TGTTGTTCCACCAATTGAGAC | AGAACAACATCAAAAGATGC | 48 | 90 | 90 | >200 | >200 | 1 | 1 |
| g001363 | pm1748 | 17,22,Y | GAATGTATCTCAAGACGTAG | CTAGTTATATCTGGGCTCTG | 44 | 81 | 81 | >200 | 200 | 1 | 1 |
| g000098 | pm0904 | 17+O | TTTTATCCAGCAGCAACAAC | TCTTCTCTTCACTCTGCTC | 49 | 120 | 120 | >200 | 170 | 4 | 11 |
| g001309 | pm2217 | 17+O | ACTTAAGTAGCTTTGTACG | TGCCTCTGCTGCTGATATA | 43 | 95 | 95 | >200 | 95 | 1 | 1 |
| g001440 | pm1213 | 18+C | CCCAAGTAAAGATTATTGT | AGTGACGATGGAAGGATGTA | 44 | 92 | 92 | - | 92 | 1 | 1 |
| g001217 | pm1118 | 19,20 | TGCAGAGTGATTTCCAGAG | CGTAGGTGATTTCTTCAGC | 46 | 75 | 72 | 180 | 85 | 1 | 1 |
| g001009 | pm2824 | 19,22 | ATCCCTCTGTCTATTTCACAC | GCTCGTTTAACTCACTTCAC | 46 | 110 | 110 | 130 | 170 | 2 | 2 |
| g001172 | pm0887 | 19,22 | GCCTGCACTGTGTTGACTT | AACCTCTGGGAACAATCAT | 48 | 91 | 89 | 180 | 86 | 1 | 1 |

【図10】

| | | | | | | | | | | | |
|----------|--------|------------|----------------------|--------------------------|----|-----------|-----|-----|------|---|----|
| gs001057 | pm2049 | C | AGGACACAAACACGCTAT | TTTTCTGATTATGACATGAC | 45 | 75 | 75 | 101 | 75 | 1 | 1 |
| gs000473 | pm1753 | M | ATCTCTTTGAGCCATCTG | GTTAAGTCTGATGCCATT | 42 | 84,100 | 84 | 64 | >200 | 1 | 1 |
| gs001098 | pm2238 | M | GTAGAGCTGCATTGACTACC | ACAGACAAGGAATAATCATATA | 42 | 108,98 | 110 | 110 | 112 | 1 | 1 |
| gs001166 | pm0506 | M | GTCCACAGTCCAGCCTAAC | GCACATATTAGAATCCATC | 46 | 74 | 74 | 74 | >200 | 1 | 1 |
| gs001454 | pm2354 | M | TGTTCTTTTGAGACTGCGCT | TTTAACTGATCAATAATACATGTT | 44 | 110 | 110 | 110 | 108 | 1 | 1 |
| gs000026 | pm2402 | M+C | GCTAAAGAGAGGCGACTCA | CTTAACTGATAGCCAGGTC | 46 | 75 | 75 | 75 | 75 | 1 | 1 |
| gs000253 | pm2766 | M+C | CACAAAAGACAACTTCAG | ATGGTTATTTATCAGATTG | 41 | 83 | 83 | 82 | 83 | 2 | 3 |
| gs000265 | pm1704 | M+C | TCCACCCAGAGAACACACT | AATTCATAGGGAATAGGTTG | 49 | 76,130 | 76 | 76 | 76 | 1 | 23 |
| gs000302 | pm2318 | M+C | TCGAGAAAGACAAAATCAC | GAACAGGTTAGTCCATTG | 48 | 58 | 58 | 58 | 58 | 1 | 1 |
| gs000543 | pm1689 | M+C | CATGAGGCTACGGAACAGG | AGGAGTCCGTGGGTCTGAG | 51 | 84 | 84 | 84 | 84 | 4 | 18 |
| gs000676 | pm1442 | M+C | AAAGCATCTTGAGAGGAACA | GGAGGACTCGCTGGTCTTA | 49 | 110, >200 | 110 | 110 | 110 | 1 | 9 |
| gs000732 | pm1452 | M+C | GCAGCAGATACCTTTACAC | TGGTTCAATTCAGTTCTTC | 51 | 102 | 105 | 102 | 102 | 3 | 13 |
| gs000995 | pm0268 | M+C | GAAGCTGTGTGAGGAAGT | CAGACCCATCTTTATACC | 47 | 79 | 79 | 79 | 79 | 3 | 4 |
| gs001016 | pm2763 | M+C | ACGATATTTATAGTGATG | TCAAAACCTTAATATGCT | 40 | 93 | 93 | 91 | 92 | 1 | 1 |
| gs001053 | pm1144 | M+C | AGATGAGTGTGGTCAGAGA | CCATTCTGTCAATCCAGTT | 52 | 135 | 140 | 135 | 135 | 1 | 1 |
| gs001127 | pm2290 | M+C | ACTGTTGATGGAAGTTACA | CCACACAGTGAACCCGCTCT | 47 | 85 | 85 | 85 | 85 | 1 | 1 |
| gs001167 | pm1826 | M+C | GAGAGCCCTGCATCCTTTA | CTCCGTTTGGTCTTTCTGT | 49 | 100 | 100 | 100 | 100 | 1 | 1 |
| gs001216 | pm2109 | M+C | TAGTCAGAGATTCACTAAGT | ACATGTATTTGATAGCTT | 42 | 110 | 110 | 110 | 110 | 1 | 2 |
| gs001253 | pm1240 | M+C | AAGTGTTCATCAAGACTG | AGTGAATAAGTCTCCACTCC | 48 | 120 | 120 | 120 | 120 | 1 | 1 |
| gs001281 | pm1134 | M+C | ACTTAAAGCCACAGACAT | ACAACAGCAGTCAATAGAA | 47 | 97 | 97 | 97 | 97 | 1 | 1 |
| gs001375 | pm0952 | M+C | AAGAGAGTTTCCCTGCTCA | ATCATGGCAGATGGCAAGGA | 51 | 89 | 89 | 89 | 150 | 1 | 1 |
| gs001386 | pm2216 | M+C | ATCTGCATGAQCTATAATCT | CGTTCTCTTTATTTGACAT | 45 | 108 | 108 | 108 | 108 | 1 | 1 |
| gs001411 | pm0958 | M+C | ATGGTTTATCAGGGGTTTC | GAGACAAAGCAGCTTCTTA | 47 | 80 | 77 | 80 | 80 | 1 | 1 |
| gs001460 | pm2826 | M+C | ACATTGAATGGGATGAGGT | GGACATTTGTAGCCACAGC | 51 | 75,55 | 75 | 75 | 75 | 1 | 2 |
| gs001482 | pm1210 | M+C | TTGTTGACATTCCTTTAGAA | CAGTGCCTCTGTACTGAGACA | 48 | 85 | 85 | 85 | 85 | 1 | 2 |
| gs001490 | pm0109 | M+C | GCCACAGAGACATCATCT | TCTTAGTAGGTGCTGTGGTG | 51 | 98 | 98 | 98 | 98 | 1 | 1 |
| gs00188 | pm2042 | No product | CAACCACTTAGCGTGAAGT | GAAATACTCTGTCACTTA | 45 | 87 | 87 | 87 | 87 | 1 | 1 |
| gs000850 | pm0304 | No product | CTTTGGATATTTTCTTCAT | CCCTCGGTACTTTTCTATG | 43 | 60 | 60 | 60 | 62 | 1 | 2 |
| gs000883 | pm0888 | No product | AGCCAGCCTCTTTGTATGTG | CTGGATTTGATTTTCAATAG | 44 | 87 | 87 | 87 | 87 | 1 | 1 |
| gs001254 | pm1873 | No product | TGTGGTATGAAATATCTGA | TTATGAATGAAGACACACT | 43 | 98 | 98 | 163 | >200 | 1 | 1 |
| gs001365 | pm2808 | No product | CAGTAGTGTGCTTTGAAATG | TTTATGAAATGTGGTTGT | 41 | 83 | 83 | 83 | 83 | 3 | 3 |
| gs001373 | pm0381 | No product | TACAGCCGCTCTTAAAGTC | TTTGAGCATCAAGGAATCT | 48 | 82 | 82 | 82 | 82 | 1 | 1 |
| gs001556 | pm0040 | No product | TACATCTTCAGACTCATCG | TTTTCAAAAGCTTTATCTT | 40 | 86 | 86 | 86 | >200 | 1 | 1 |
| gs001574 | pm1284 | No product | ATCAGAGCTCAGTTCTGTAG | ATTTTGCCTCTTGCATGCTC | 44 | 57 | 57 | 87 | 87 | 2 | 2 |
| gs001622 | pm1606 | No product | GATCTGAGCCTTAAGTGA | TTTGCAGTTGAGCTTATTC | 45 | 54 | 54 | 54 | 54 | 1 | 1 |
| gs001640 | pm0852 | No product | GATCTGTCTTCTTTTTCACA | TTTATAACAGACACCATAC | 38 | 45 | 45 | 45 | 45 | 1 | 1 |

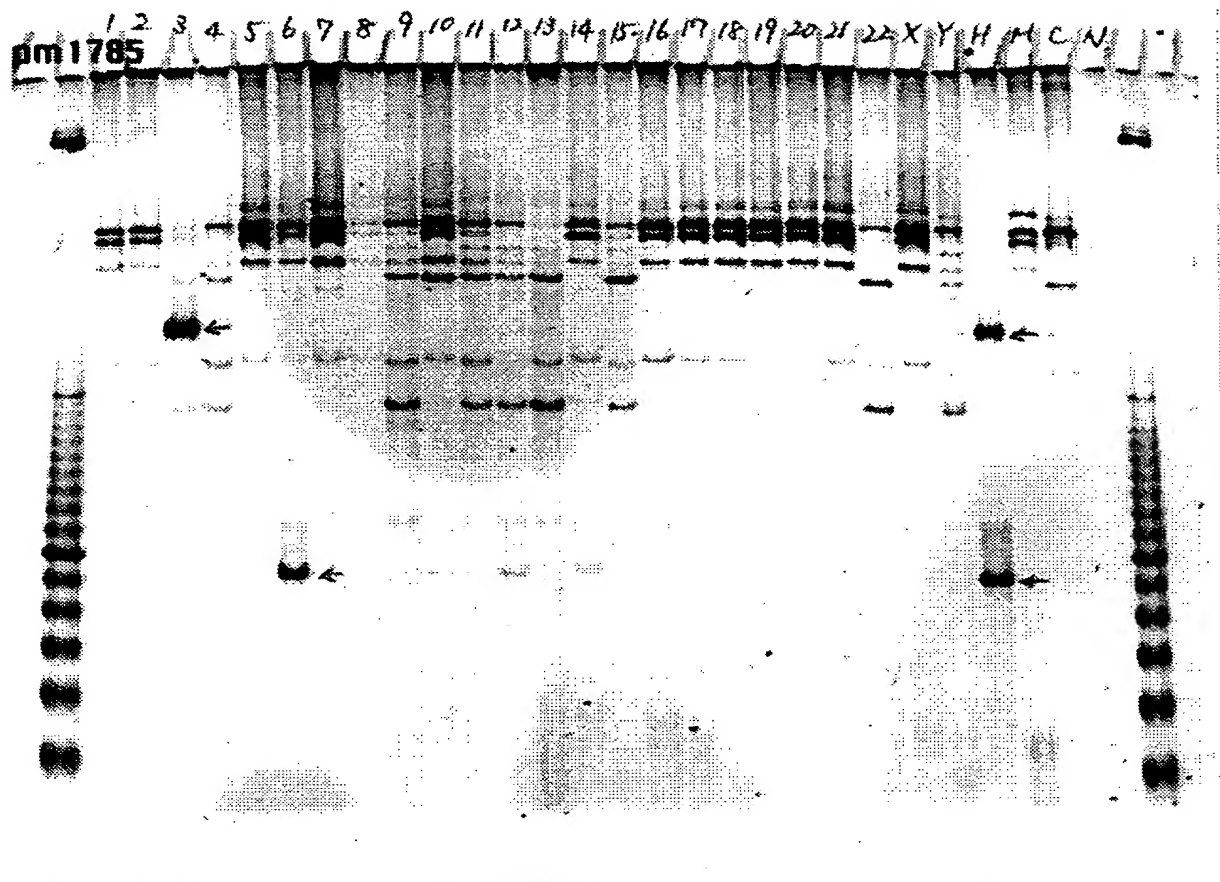
【図11】

図面代用写真



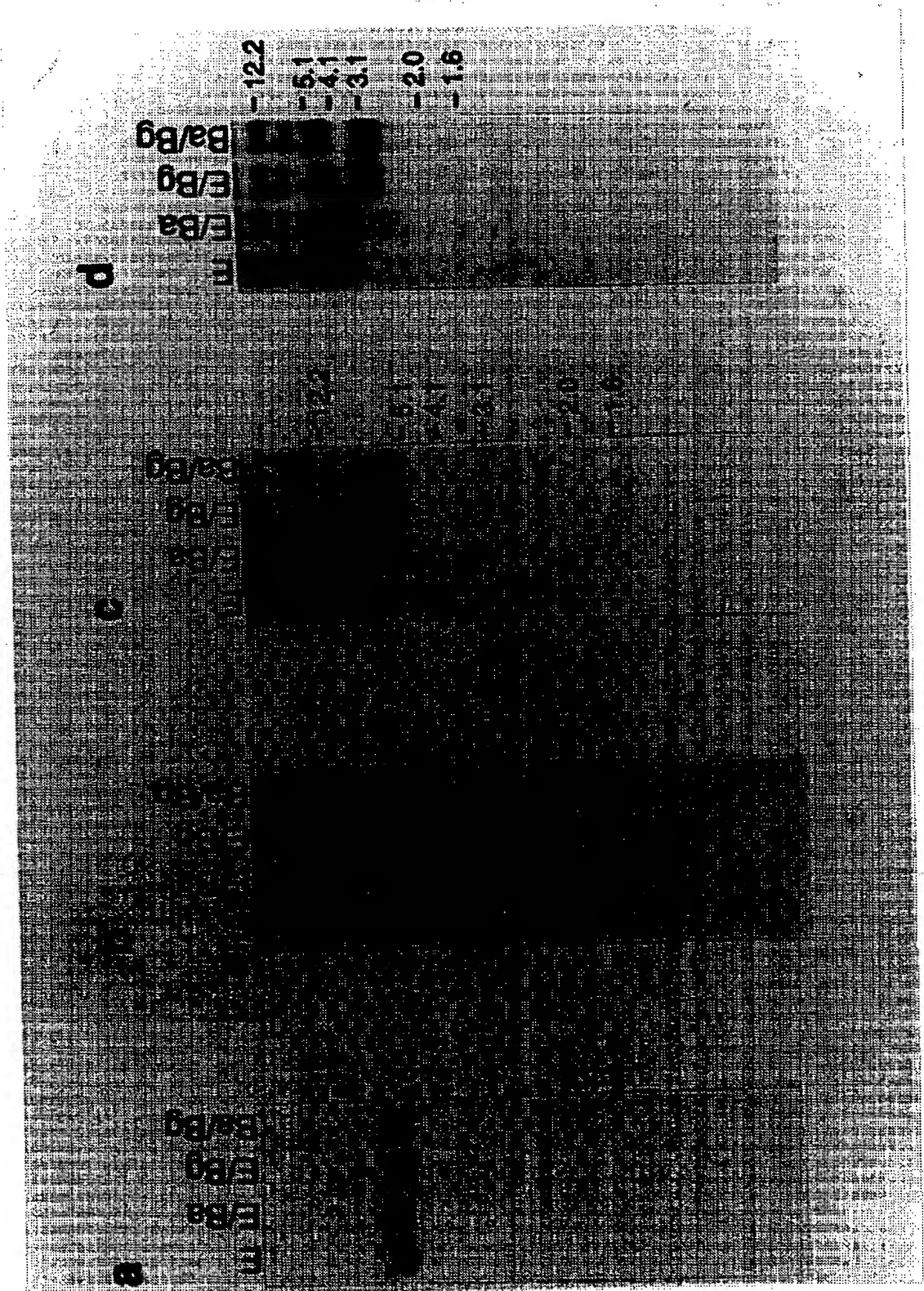
【図12】

図面代用写真



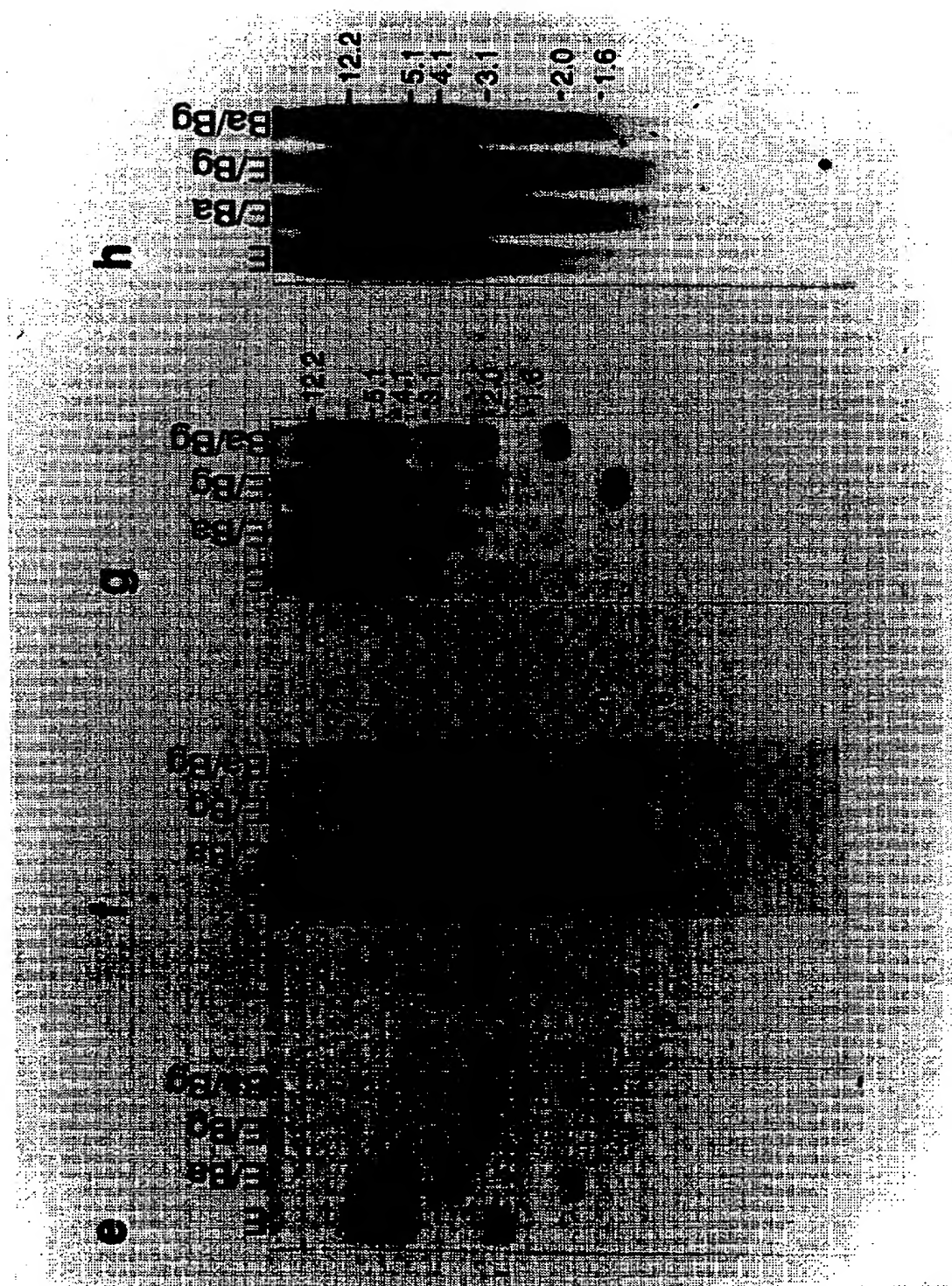
【図 1 3】

図面代用写真



【図14】

図面代用写真



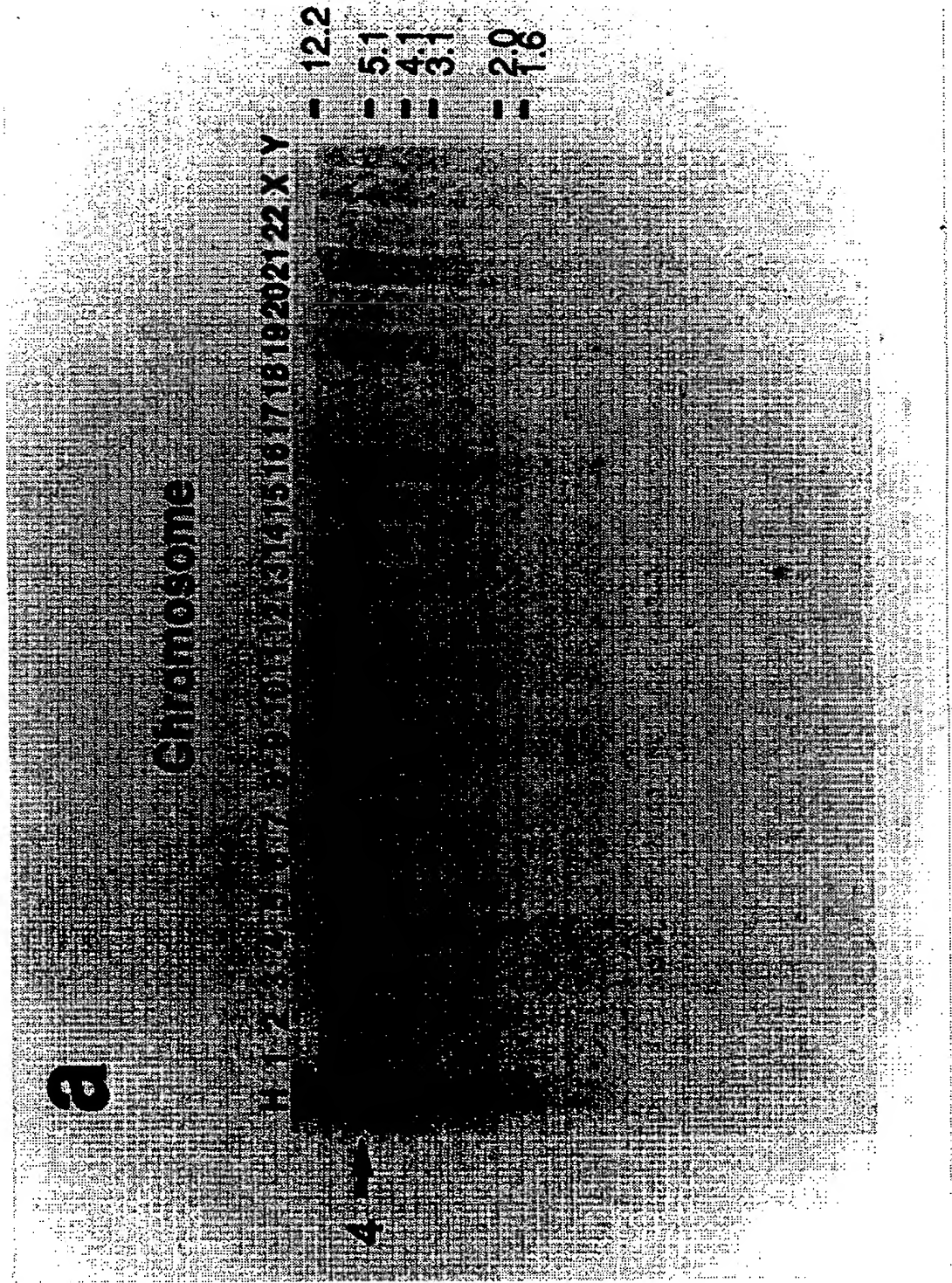
【図15】

サザンハイブリダイゼーションに用いたハイブリットセル

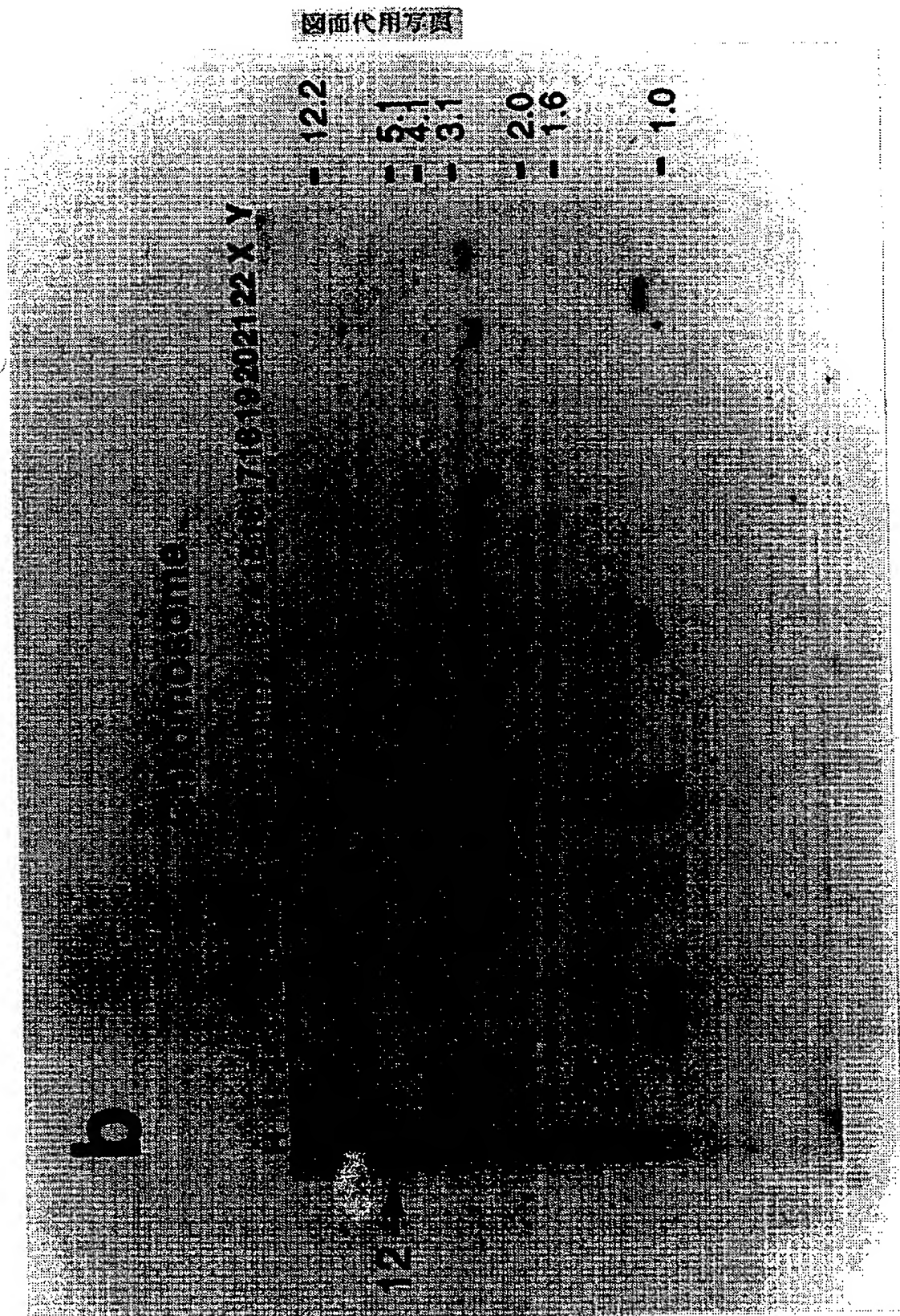
| ハイブリット セルの名称 | ヒト染色体の番号 | 親細胞 | インタクトな 染色体(%) | 転座した 染色体(%) |
|-----------------|----------|---------|------------------|----------------|
| A9(neo-1)-4 | 1 | A9 | 100 (0) | 0 |
| A9(neo-2)-1 | 2 | A9 | 93 (8) | 0 |
| GM10253 | 3 | CHO | 100 (0) | 0 |
| GM10115 | 4 | CHO | 100 (0) | 0 |
| A9(neo-5)-4 | 5 | A9 | 40 (0) | 90 |
| A9(neo-6)-3 | 6 | A9 | 100 (60) | 0 |
| A9(neo-7)-2 | 7 | A9 | 100 (89) | 0 |
| A9(neo-8)-1 | 8 | A9 | 91 (82) | 0 |
| GM10611 | 9 | CHO | 79 (5) | 11 |
| A9(neo-10)-3 | 10 | A9 | 94 (6) | 75 |
| A9(neo-11)-1 | 11 | A9 | 24 (0) | 76 |
| GM10927A * | 11 | CHO | 96 (21) | 4 |
| A9(neo-12)-4 | 12 | A9 | 0 (0) | 100 |
| GM10868 * | 12 | CHO | 82 (6) | 0 |
| GM10898 | 13 | CHO | 82 (0) | 10 |
| GM10479 | 14 | 3T6 | 76 (29) | 0 |
| A9(neo-15)-2 | 15 | A9 | 9 (0) | 78 |
| GM11418 * | 15 | CHO | 62 (0) | 100 |
| GM10567 | 16 | A9 | 69 (0) | 0 |
| GM10498 | 17 | LTMK | 80 (10) | 0 |
| A9(neo-18)-5 | 18 | A9 | 100 (66) | 0 |
| A9(neo-19)-1 | 19 | A9 | 92 (23) | 8 |
| A9(neo-20)-3 | 20 | A9 | 81 (5) | 17 |
| GM08854 | 21 | A9 | 81 (24) | 0 |
| GM10027 | 22 | CHO | 93 (0) | 100 |
| GM10324 | X | A9 | 81 (10) | 0 |
| GM06317 | Y | CHW1103 | 91 (0) | 9 |

【図16】

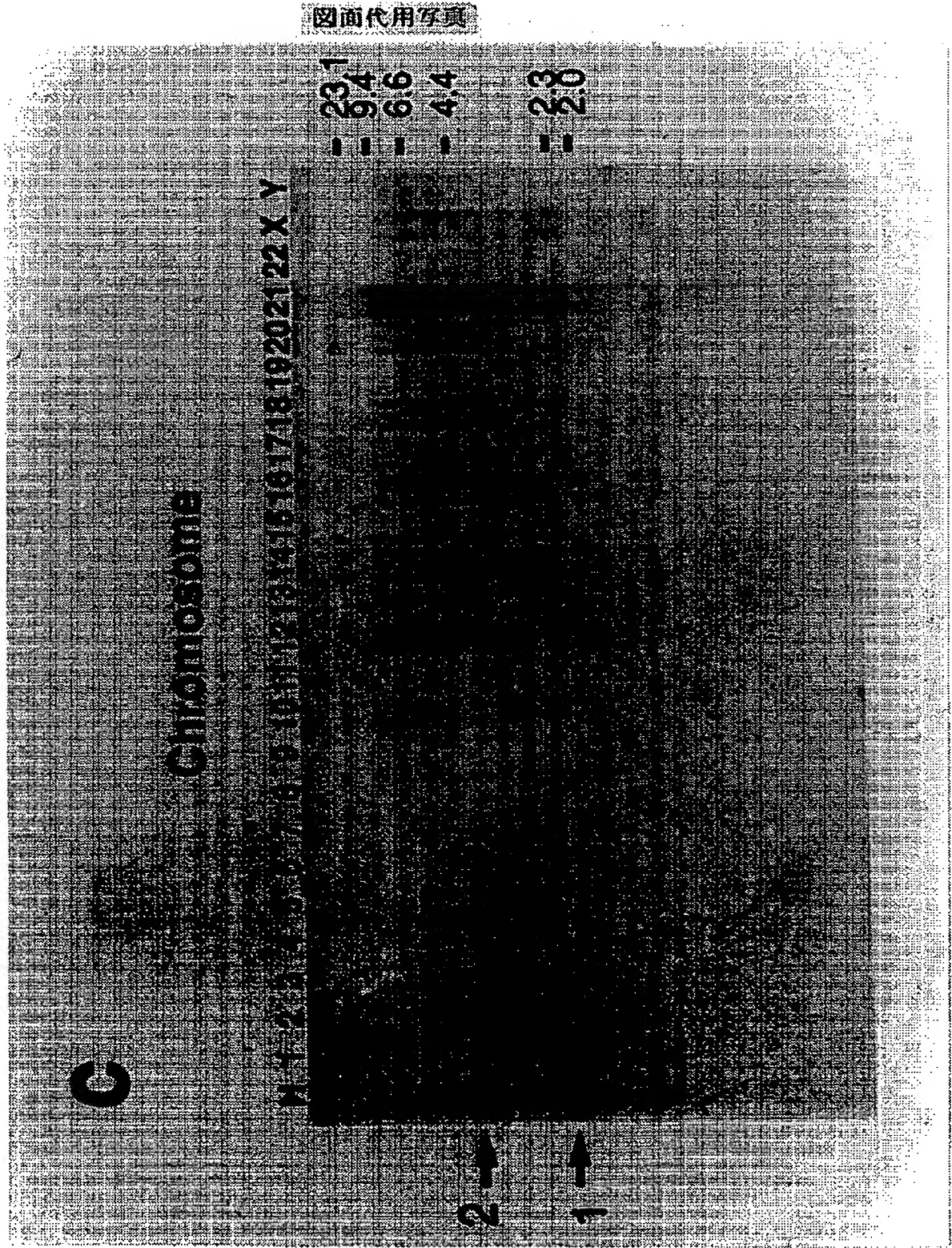
図面代用写真



【図 17】

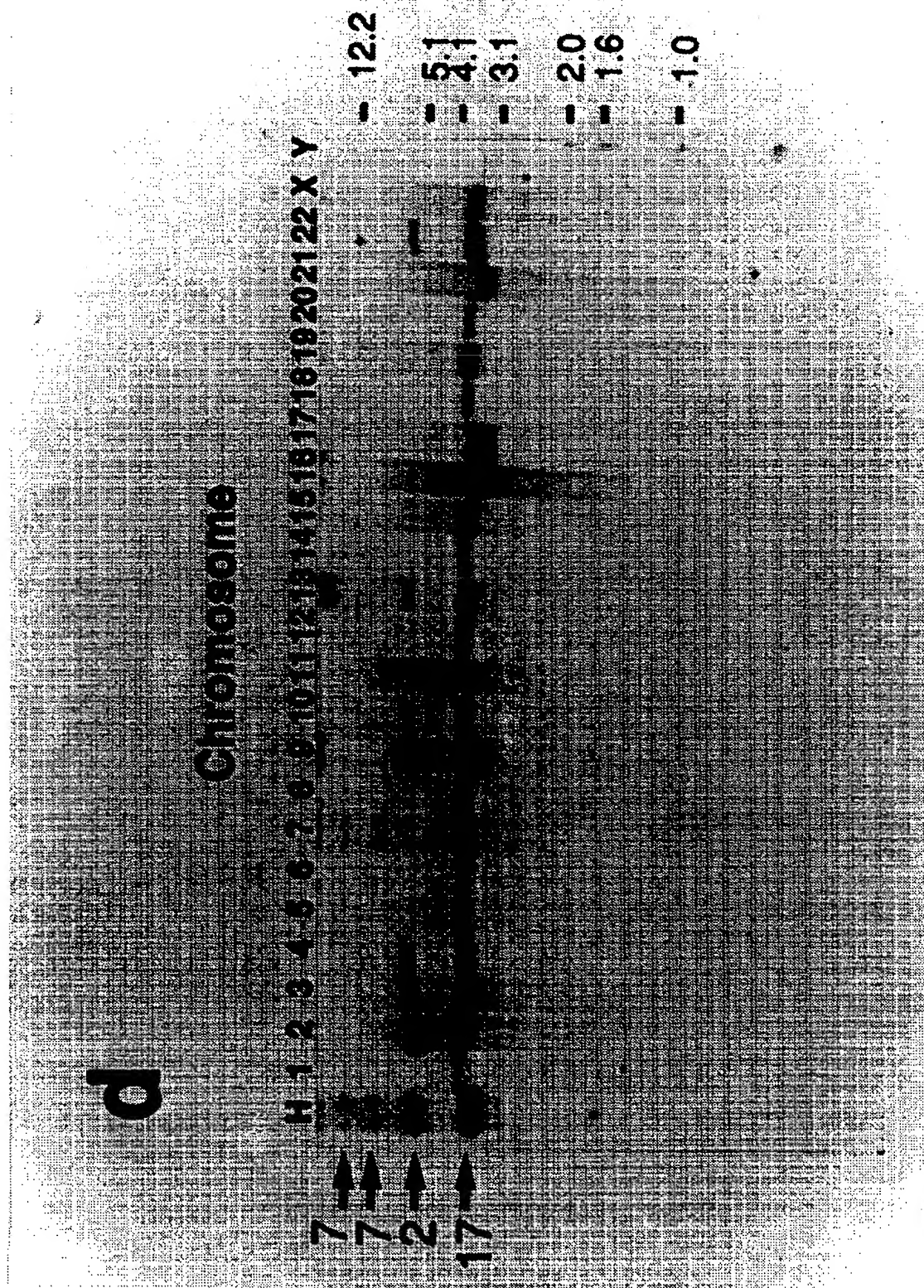


【図18】

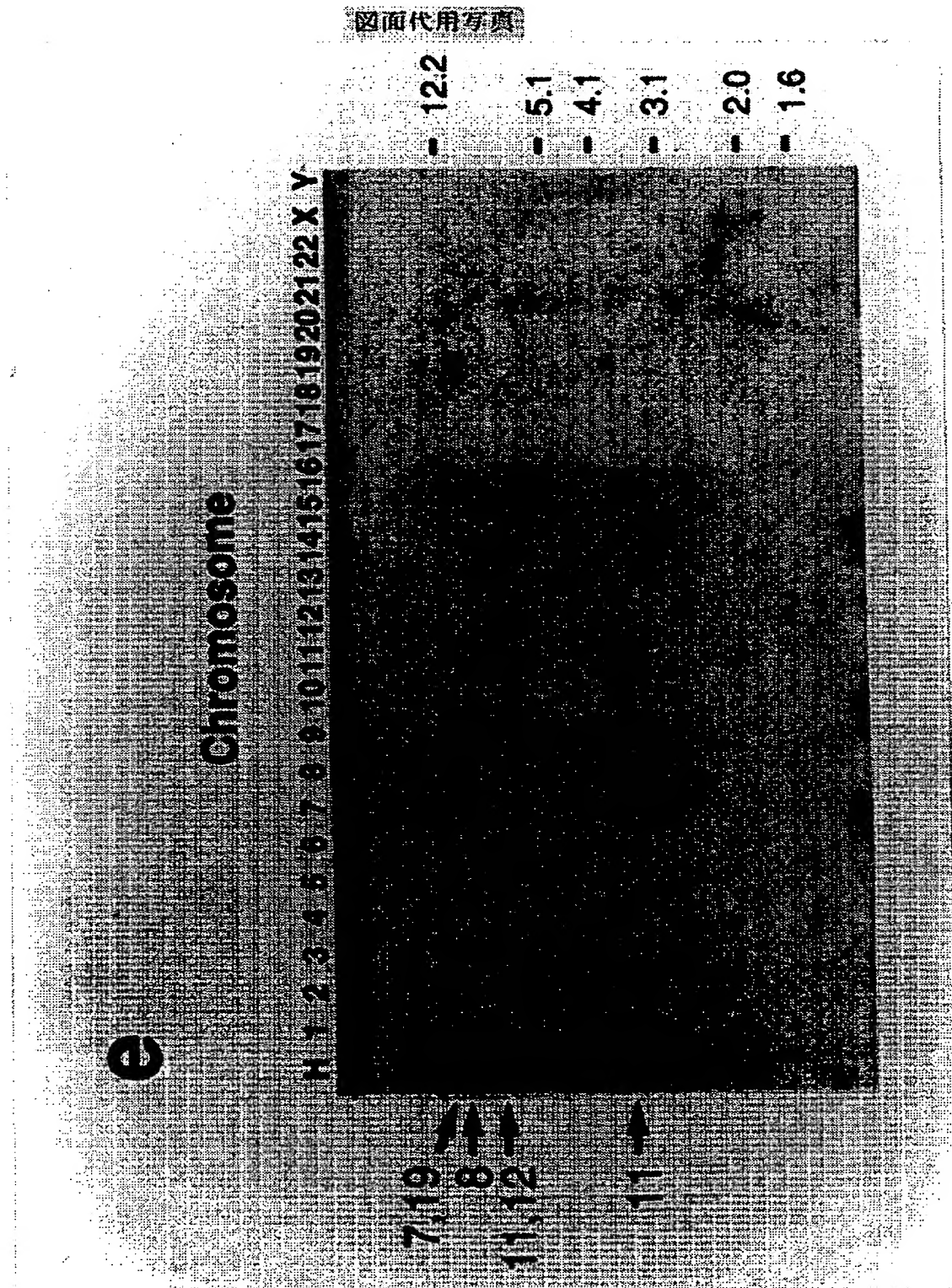


【図19】

図面代用写真

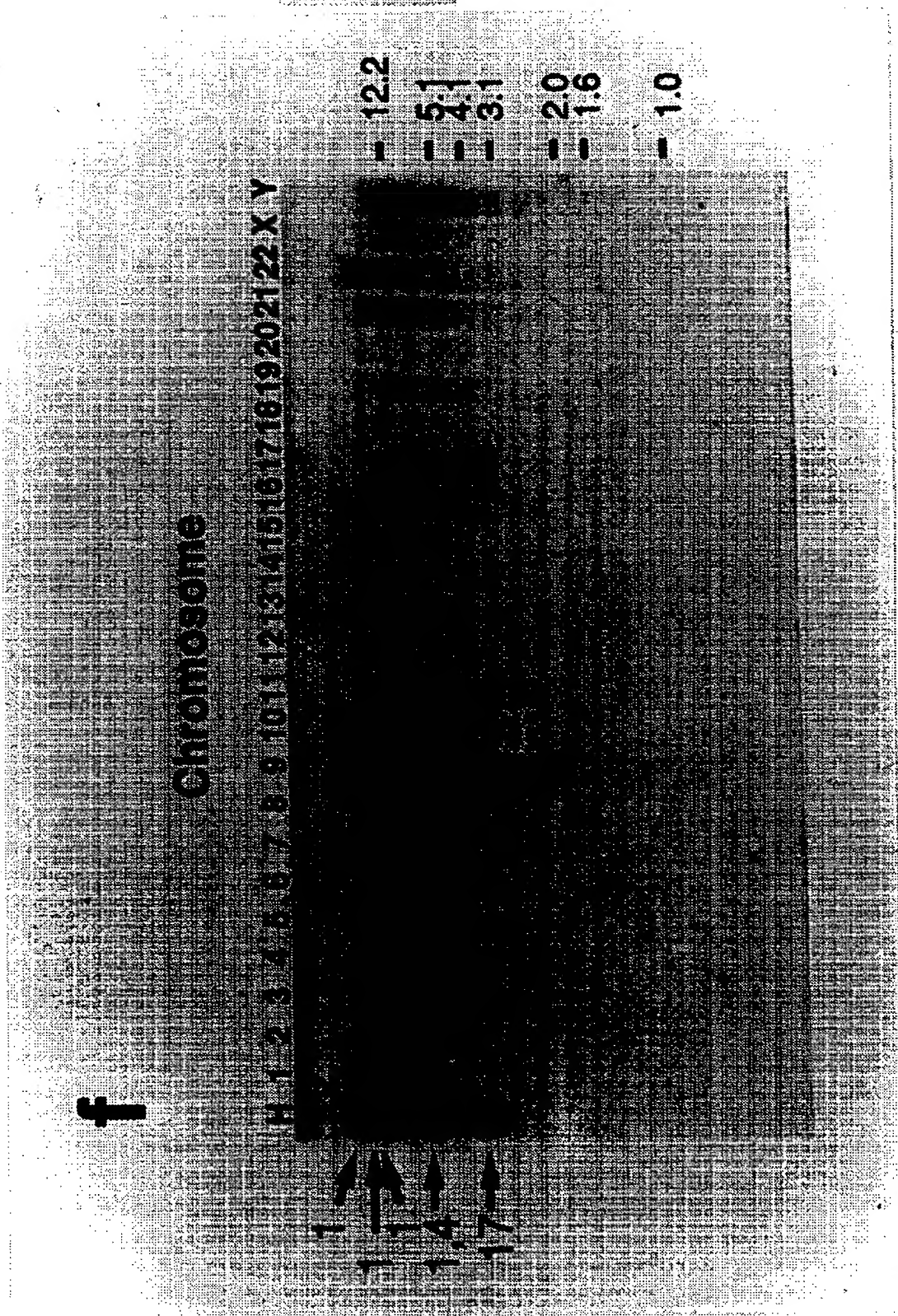


【図20】

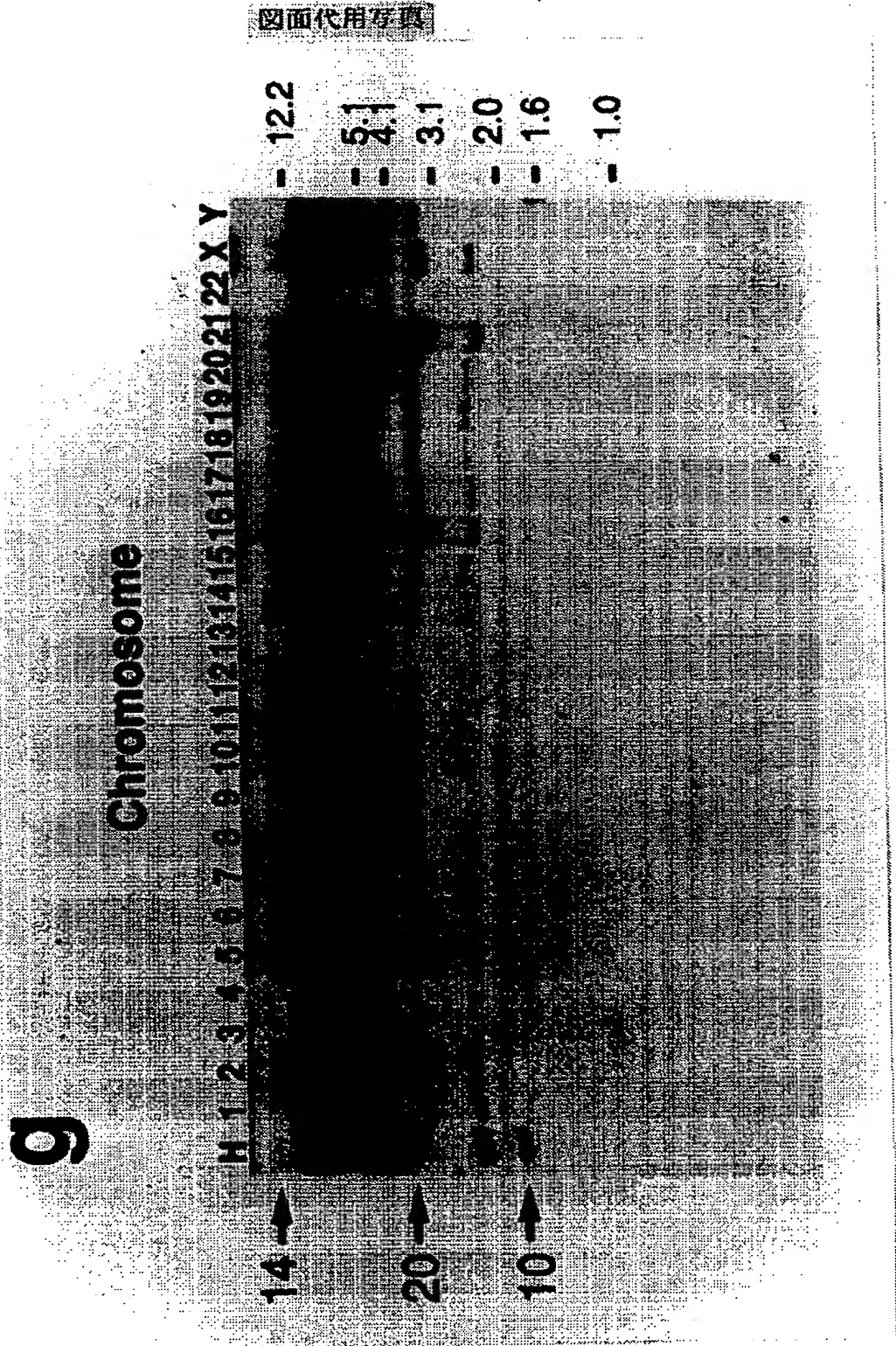


【図 2 1】

図面代用写真



【図22】



【図 2 3】

サザンブロッティング法による各GSの染色体へのマッピング

| | | ヒト全染色体で出現したバンドの数 | | | | 割当てられた染色体 | バックグラウンド | | |
|-----------------|----------|------------------|------|------|-------|-----------|----------|-----------------|---|
| クローン名 | 配列長 | E | E/Ba | E/Bg | Ba/Bg | | マウス | チャイニーズ ハムスター | |
| (単一のバンドが出現したもの) | | | | | | | | | |
| c12c11 | GS000075 | 432 | 1 | 1 | 1 | 1 | 9 | 0 | 0 |
| c12e06 | GS000082 | 540 | 1 | 1 | 1 | 1 | 6,15 | 0 | 0 |
| c12g01 | GS000280 | 212 | 1 | 1 | 1 | 1 | 2 | 1 | 1 |
| c13c05 | GS000117 | 359 | 1 | 1 | 1 | 1 | 11+ | 0 | 0 |
| c13c07 | GS000120 | 355 | 1 | 1 | 1 | 1 | 2 | 0 | 0 |
| c13f10 | GS000206 | 267 | 1 | 1 | 1 | 1 | 14 | 0 | 0 |
| c13h01 | GS000279 | 183 | 1 | 1 | 1 | 1 | 12+ | 0 | 0 |
| c13h02 | GS000322 | 167 | 1 | 1 | 1 | 1 | 6 | 0 | 0 |
| d0g02 | GS000095 | 397 | 1 | 1 | 1 | 1 | 8 | 0 | 0 |
| d0h07 | GS000164 | 313 | 1 | 1 | 1 | 1 | 11 | 1 | 1 |
| d1b10 | GS000348 | 153 | 1 | 1 | 1 | 1 | 20 | 0 | 0 |
| hm01a12 | GS000228 | 246 | 1 | 1 | 1 | 1 | Y? | 0 | 0 |
| hm01c09 | GS000428 | 157 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 |
| hm01c12 | junk | 394 | 1 | 1 | 1 | 1 | 17 | 0 | 0 |
| hm01f05 | GS000066 | 454 | 1 | 1 | 1 | 1 | 19,22 | 0 | 0 |
| hm01f10 | GS000299 | 178 | 0 | 1 | 1 | 1 | 10 | 0 | 0 |
| hm01g09 | GS000053 | 477 | 1 | 1 | 1 | 1 | 6 | 0 | 0 |
| hm01h07 | GS000115 | 368 | 1 | 1 | 1 | 1 | 12 | 0 | 0 |
| hm02a02 | GS000130 | 344 | 1 | 1 | 1 | 1 | 4 | 0 | 0 |
| hm02a04 | GS000329 | 164 | 1 | 1 | 0 | 0 | 10 | 0 | 0 |
| hm02c01 | GS000203 | 271 | 1 | 1 | 1 | 1 | 16 | 0 | 0 |
| hm02e01 | GS000016 | 590 | 1 | 1 | 1 | 1 | 20 | 0 | 0 |
| hm02e02 | GS000342 | 156 | 0 | 1 | 1 | 1 | 14 | 0 | 0 |
| hm02e05 | GS000401 | 223 | 1 | 1 | 0 | 0 | n.d. | 0 | 0 |
| hm02g02 | GS000191 | 278 | 1 | 1 | 1 | 1 | 17 | 0 | 0 |
| hm05a05 | GS000251 | 219 | 1 | 1 | 1 | 1 | 6 | 2 | 0 |
| hm05a10 | junk | 392 | 1 | 1 | 1 | 1 | 1 | 1 | 1 |
| hm05e10 | GS000009 | 606 | 1 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 |
| kmd01 | junk | 169 | 1 | 1 | 1 | 0 | n.d. | 0 | 0 |
| s105 | GS000001 | 703 | 1 | 1 | 1 | 1 | 5 | 0 | 0 |
| s110 | GS000057 | 471 | 1 | 1 | 1 | 1 | 8 | 0 | 0 |
| s11d11 | GS000307 | #175 | 0 | 0 | 0 | 1 | 7 | 0 | 0 |
| s11h01 | GS000269 | 204 | 1 | 1 | 1 | 1 | 8 | 0 | 0 |
| s147 | GS000060 | 461 | 1 | 1 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 |
| s14e06 | junk | 639 | 1 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 |
| s14g02 | GS000152 | 322 | 1 | 1 | 1 | 1 | 4 | 0 | 0 |
| s14h12 | GS000271 | 198 | 1 | 1 | 1 | 1 | 4 | 1 | 1 |
| s150 | GS000148 | 330 | 1 | 1 | 1 | 1 | 17 | 0 | 0 |
| s156 | GS000002 | 806 | 1 | 1 | 1 | 1 | 2 | 1 | 1 |
| s15b11 | GS000250 | 221 | 1 | 1 | 1 | 1 | 14 | 0 | 0 |
| s179 | GS000275 | 196 | 1 | 1 | 1 | 1 | n.d. | 0 | 0 |
| s246 | GS000234 | 241 | 1 | 1 | 1 | 1 | 9 | 0 | 0 |
| s247 | GS000347 | 153 | 1 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 |
| s270 | junk | 185 | 1 | 1 | 1 | 1 | 19 | 0 | 0 |

【図24】

| クロン名 | | ヒト全染色体で出現したバンドの数 | | | | | 割当てられた染色体 | バックグラウンド | |
|-----------------|----------|------------------|---|------|------|-------|-----------|----------|-----------------|
| | | 配列長 | E | E/Ba | E/Bg | Ba/Bg | | マウス | チャイニーズ ハムスター |
| s306 | GS000266 | 205 | 1 | 1 | 0 | 1 | X | 0 | 0 |
| s309 | GS000171 | 305 | 1 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 |
| s342 | GS000328 | 165 | 1 | 1 | 1 | 1 | 4 | 3 | 2 |
| s381 | GS000265 | 207 | 1 | 1 | 0 | 1 | 6,15 | 1 | 1 |
| s384 | GS000165 | 312 | 1 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 |
| s387 | GS000276 | 195 | 1 | 1 | 1 | 1 | 17 | 0 | 0 |
| s389 | GS000295 | 180 | 1 | 1 | 1 | 1 | n.d. | 0 | 1 |
| s443 | GS000330 | 251 | 1 | 1 | 1 | 1 | n.d. | 0 | 0 |
| s470 | junk | 261 | 1 | 1 | 1 | 1 | 17 | 0 | 0 |
| s474 | GS000192 | 278 | 1 | 1 | 1 | 1 | 5 | 0 | 0 |
| s503 | junk | 312 | 1 | 1 | 1 | 1 | 12 | 0 | 0 |
| s507 | junk | 600 | 1 | 1 | 1 | 1 | 1 | 2 | 1 |
| s517 | GS000334 | 161 | 1 | 1 | 1 | 1 | 14 | 1 | 1 |
| s632 | junk | 587 | 1 | 1 | 1 | 1 | 2 | 0 | 0 |
| s633 | GS000166 | 311 | 1 | 1 | 1 | 1 | 22 | 2 | 1 |
| s650 | GS000041 | 644 | 1 | 1 | 1 | 1 | 12 | 1 | 1 |
| tw1-04 | GS000026 | 537 | 1 | 1 | 1 | 1 | 3,7 | 0 | 0 |
| tw1-19 | GS000218 | 255 | 1 | 1 | 1 | 1 | 17 | 0 | 0 |
| tw1-32 | junk | 250 | 1 | 1 | 1 | 1 | 5 | 0 | 0 |
| tw1-37 | GS000237 | 235 | 1 | 1 | 1 | 1 | 22 | 0 | 0 |
| tw1-42 | junk | 391 | 1 | 1 | 1 | 1 | 8 | 1 | 1 |
| tw1-48 | GS000098 | 178 | 1 | 1 | 1 | 1 | 14 | 0 | 0 |
| tw1-96 | GS000138 | 389 | 1 | 1 | 1 | 1 | 11 | 0 | 0 |
| (2本のバンドが出現したもの) | | | | | | | | | |
| c12f12 | GS000195 | 277 | 1 | 2 | 2 | 2 | 1, | 1 | 1 |
| c13d02 | GS000042 | 503 | 2 | 2 | 1 | 1 | 2, | 0 | 0 |
| hm01a06 | GS000129 | 344 | 2 | 2 | 2 | 2 | 11,18 | 3 | 5 |
| hm01a07 | GS000207 | 269 | 2 | 2 | 2 | 2 | 7, | 0 | 0 |
| hm01d05 | GS000232 | 243 | 2 | 2 | 2 | 1 | 2, | 0 | 0 |
| hm01e01 | GS000181 | 292 | 2 | 2 | 2 | 2 | 1,2 | 0 | 0 |
| hm02a08 | GS000435 | 302 | 2 | 2 | 2 | 2 | 3, | 1 | 1 |
| hm02c04 | GS000221 | 253 | 2 | 2 | 2 | 2 | 3, | 0 | 0 |
| hm02c05 | GS000146 | 332 | 2 | 2 | 2 | 2 | 17,19,22 | 0 | 0 |
| hm05f07 | GS000048 | 503 | 1 | 1 | 2 | 1 | 3, | 0 | 0 |
| s11d06 | GS000268 | 205 | 2 | 2 | 2 | 2 | 11,12 | 0 | 0 |
| s11g12 | GS000337 | 255 | 2 | 2 | 2 | 2 | 6, | 0 | 0 |
| s124 | GS000088 | 404 | 2 | 2 | 2 | 2 | 9, | 1 | 1 |
| s144 | GS000132 | 342 | 1 | 2 | 2 | 2 | 1,7 | 0 | 0 |
| s14f08 | GS000239 | 243 | 1 | 2 | 2 | 2 | 2, | 3 | 2 |
| s15e02 | junk | 439 | 2 | 2 | 1 | 2 | 6, | 0 | 0 |
| s16b09 | junk | 420 | 1 | 1 | 1 | 2 | 10,14 | 0 | 0 |
| s17c09 | GS000248 | 223 | 2 | 2 | 2 | 2 | 14, | 0 | 0 |
| s231 | junk | 284 | 2 | 2 | 2 | 2 | 11, | 0 | 0 |
| s254 | GS000124 | 353 | 2 | 2 | 2 | 2 | 1, | 3 | 1 |
| s255 | GS000235 | 239 | 2 | 2 | 2 | 2 | 11, | 0 | 0 |
| s272 | junk | 195 | 2 | 2 | 2 | 2 | 10,16 | 1 | 1 |

【図25】

| クローン名 | 配列長 | ヒト全染色体で出現したバンドの数 | | | | 相当でもれた染色体 | バックグラウンド | |
|-------------------|----------|------------------|------|------|-------|-----------|-----------------|-----------------|
| | | E | E/Ba | E/Bg | Ba/Bg | | マウス | チャイニーズ ハムスター |
| s311 | GS000092 | 383 | 1 | 1 | 2 | 2 | 16, | 1 |
| s313 | junk | 182 | 2 | 2 | 1 | 0 | 20, | 0 |
| s317 | GS000100 | 389 | 0 | 0 | 1 | 2 | 14,14 | 1 |
| s336 | GS000184 | 387 | 2 | 2 | 2 | 2 | 12,14 | 0 |
| s338 | GS000189 | 283 | 2 | 2 | 2 | 1 | 22,X | 0 |
| s339 | GS000283 | 187 | 2 | 1 | 1 | 2 | 17, | 0 |
| s394 | GS000068 | 449 | 2 | 1 | 2 | 2 | 13,14 | 0 |
| s396 | junk | 277 | 2 | 2 | 2 | 2 | 17, | 0 |
| s455 | junk | 452 | 1 | 2 | 2 | 1 | 4, | 0 |
| s456 | GS000286 | 182 | 2 | 2 | 2 | 2 | 8,10 | 1 |
| s465 | GS000201 | 274 | 1 | 1 | 2 | 2 | 6,15 | 0 |
| s635 | junk | 260 | 1 | 1 | 1 | 2 | 9,13 | 0 |
| s639 | GS000267 | 205 | 1 | 2 | 2 | 2 | 2,X | 0 |
| s656 | GS000025 | #590 | 2 | 2 | 0 | 2 | 6,11 | 0 |
| tw1-33 | junk | 352 | 2 | 2 | 2 | 2 | 1, | 0 |
| tw1-39 | GS000153 | #321 | 2 | 2 | 2 | 2 | 17, | 0 |
| tw1-70 | GS000061 | 441 | 1 | 1 | 2 | 1 | 11, | 0 |
| tw1-80 | junk | 453 | 2 | 2 | 1 | 2 | 9,17 | 2 |
| tw1-87 | GS000158 | 316 | 2 | 2 | 2 | 2 | 7, | 0 |
| (3本のバンドが出現したもの) | | | | | | | | |
| d0h06 | GS000080 | 417 | 3 | 3 | 3 | 1 | 1, | 0 |
| hm05b07 | junk | 386 | 2 | 3 | 3 | 3 | 5, | 0 |
| hm05g02 | GS000209 | 267 | 2 | 2 | 2 | 1 | 3,17,19 | 1 |
| s129 | GS000107 | 378 | 3 | 3 | 3 | 3 | n.d. | 1 |
| s178 | GS000357 | 146 | 1 | 2 | 2 | 3 | 2, | 0 |
| s17a10 | GS000294 | 181 | 3 | 3 | 3 | 3 | 2,13,22 | 1 |
| s308 | GS000412 | 688 | 2 | 2 | 2 | 3 | XX | 1 |
| s401 | GS000224 | 249 | 2 | 3 | 3 | 3 | 6,6, | 0 |
| s654 | GS000045 | 491 | 3 | 3 | 3 | 3 | 1,22, | 0 |
| tw1-82 | GS000208 | 267 | 3 | 3 | 3 | 3 | 13, | 4 |
| (4本のバンドが出現したもの) | | | | | | | | |
| c12g07 | GS000154 | 320 | 4 | 4 | 2 | 3 | 5, 14, | 0 |
| c13a08 | GS000055 | 508 | 3 | 3 | 4 | 4 | 2,7,7,17 | 1 |
| c13c04 | GS000106 | #376 | 4 | 3 | 3 | 3 | n.d. | 0 |
| c13e09 | GS000302 | 195 | 4 | 2 | 4 | 4 | 2,17, | 7 |
| s136 | GS000160 | 315 | 4 | 4 | 4 | 4 | 4,X | 2 |
| s163 | GS000004 | #618 | 4 | 4 | 4 | 2 | 4,4,8,20 | 3 |
| s479 | GS000180 | 293 | 4 | 4 | 2 | 2 | 7,8,11,11,12,19 | 0 |
| (5本以上のバンドが出現したもの) | | | | | | | | |
| c12f08 | GS000253 | 217 | 5 | 5 | 5 | 2 | 2,7,9,14, | 2 |
| hc01 | junk | 374 | 12 | 12 | 15 | 18 | 1,2,6, | 22 |
| hd10 | junk | 361 | 4 | 4 | 4 | 8 | n.d. | 12 |
| he10 | junk | 178 | 6 | 2 | 3 | 3 | 6,8,9,19,21, | 3 |
| hm01c05 | GS000305 | 176 | 9 | 7 | 5 | 5 | X, | 9 |
| hm01f04 | GS000246 | 215 | 8 | 10 | 5 | 5 | n.d. | 12 |
| hm01g02 | junk | 411 | 9 | 6 | 6 | 4 | 10,14,20, | 14 |

【図 26】

| クローン名 | ヒト全染色体で出現したバンドの数 | 配列長 | E | | | | 割当てられた染色体 | バックグラウンド | |
|-----------------|------------------|------|----|------|------|-------|----------------------|----------|-----------------|
| | | | E | E/Ba | E/Bg | Ba/Bg | | マウス | チャイニーズ ハムスター |
| hm02f09 | GS000273 | 442 | 8 | 7 | 7 | 5 | 3,3,6,11,13,14,15,16 | 0 | 0 |
| hm05a02 | GS000098 | 373 | 5 | 6 | 4 | 6 | 2,8,17, | 3 | 3 |
| hm05a04 | GS000236 | #239 | 6 | 6 | 6 | 7 | n.d. | 8 | 5 |
| kmb01 | junk | 350 | 3 | 5 | 5 | 5 | 13, | 14 | 7 |
| s11f06 | GS000316 | 170 | 6 | 6 | 6 | 4 | 1,2,2,3,4,6,13,15, | 0 | 3 |
| s14f01 | GS000407 | 262 | 12 | 11 | 10 | 9 | 1,6,9,13, | 6 | 3 |
| s173 | GS000094 | 397 | 5 | 4 | 6 | 8 | 1,1,1,1,4,17 | 0 | 0 |
| s265 | GS000323 | 167 | 10 | 12 | 11 | 14 | 18, | 9 | 5 |
| s341 | junk | 494 | 9 | 9 | 8 | 6 | n.d. | 15 | 8 |
| s406 | GS000118 | 364 | 6 | 7 | 5 | 4 | 2,7,8,18,20,20 | 4 | 1 |
| tw1-46 | junk | 593 | 9 | 10 | 10 | 10 | 1,1,2,2,6,11,X, | 3 | 5 |
| tw1-63 | junk | 203 | 8 | 10 | 10 | 12 | 3,4, | 17 | 11 |
| (バンドが出現しなかったもの) | | | | | | | | | |
| cl3g02 | GS000340 | 157 | 0 | 0 | 0 | 0 | - | - | - |
| hm01e10 | junk | 232 | 0 | 0 | 0 | 0 | - | - | - |
| hm02d11 | GS000274 | 196 | 0 | 0 | 0 | 0 | - | - | - |
| s328 | GS000278 | 194 | 0 | 0 | 0 | 0 | - | - | - |
| s359 | GS000199 | 279 | 0 | 0 | 0 | 0 | - | - | - |
| s511 | junk | 283 | 0 | 0 | 0 | 0 | - | - | - |
| s645 | GS000012 | #784 | 0 | 0 | 0 | 0 | - | - | - |
| s647 | GS000105 | 360 | 0 | 0 | 0 | 0 | - | - | - |
| s651 | junk | 540 | 0 | 0 | 0 | 0 | - | - | - |

【図 27】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|----|---------|---------------|------|---|-------|------|---------|------|----------|----------|-------------|------|---------|----------|------------|--------------|-------------------|--------|-----------------|-------------------|------------------------|--------------|------------|-----------|---------------------------------|---------|------------|----------------------|---------------------------|---------------------|
| 1 | 89 | patent number | size | F | hepG2 | HL60 | granulo | mono | 40wliver | 19wliver | adult liver | lung | adipose | endothel | ostechlast | colon mucosa | small cell carci. | retina | cerebral cortex | adenocarci (lung) | squamous cell ca(lung) | keratinocyte | fibroblast | Alzheimer | Accession number of target mRNA | match % | match size | match starts at (GS) | match starts at (GenBank) | GenBank target size |
| 2 | 0000001 | 1 | 703 | 5 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | M77349 | 95.2 | 461 | 1 | 2003 | 2691 |
| 3 | 0000002 | 2 | 659 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | J05249 | 94.8 | 620 | 1 | 894 | 1512 |
| 4 | 0000003 | 3 | 624 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 5 | 0000004 | 4 | 618 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 6 | 0000005 | 5 | 615 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | I45702 | 91 | 613 | 1 | 1777 | 2388 |
| 7 | 0000006 | 6 | 614 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 8 | 0000007 | 7 | 607 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 9 | 0000008 | 8 | 606 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 10 | 0000009 | 9 | 606 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 11 | 0000010 | 10 | 605 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | Y00856 | 90.3 | 607 | 1 | 784 | 1397 |
| 12 | 0000011 | 11 | 598 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |

【図 2 8】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|----|---------|----|-----|----|----|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|---|
| 13 | 0000012 | 12 | 597 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 14 | 0000013 | 13 | 594 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 15 | 0000014 | 14 | 592 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 16 | 0000015 | 15 | 574 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 17 | 0000016 | 16 | 573 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 18 | 0000017 | 17 | 567 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 19 | 0000018 | 18 | 562 | 17 | 3 | 2 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 2 | 1 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 20 | 0000019 | 19 | 581 | 98 | 17 | 8 | 2 | 26 | 0 | 0 | 1 | 1 | 3 | 1 | 3 | 4 | 2 | 4 | 2 | 6 | 4 | 5 | 5 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | |
| 21 | 0000020 | 20 | 556 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 22 | 0000021 | 21 | 555 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | |
| 23 | 0000023 | 22 | 544 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 24 | 0000025 | 23 | 543 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 25 | 0000026 | 24 | 537 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 26 | 0000028 | 25 | 535 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | |
| 27 | 0000029 | 26 | 528 | 5 | 4 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 28 | 0000030 | 27 | 528 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 29 | 0000031 | 28 | 527 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 30 | 0000033 | 29 | 519 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 31 | 0000034 | 30 | 514 | 6 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 32 | 0000036 | 31 | 513 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 33 | 0000037 | 32 | 512 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 34 | 0000038 | 33 | 510 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 35 | 0000039 | 34 | 310 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|----|---------|----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|------|-----|------|------|-----|--|
| 36 | 0000040 | 35 | 507 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 37 | 0000041 | 36 | 505 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 38 | 0000042 | 37 | 503 | 6 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | | | | | | | | |
| 39 | 0000043 | 38 | 503 | 5 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 40 | 0000044 | 39 | 497 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 41 | 0000045 | 40 | 497 | 4 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 42 | 0000046 | 41 | 494 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 43 | 0000047 | 42 | 487 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 44 | 0000048 | 43 | 322 | 8 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 2 | 0 | X67951 | 94.4 | 322 | 1 | 483 | 937 | |
| 45 | 0000049 | 44 | 486 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X53595 | 93.6 | 392 | 1 | 348 | 1170 | | |
| 46 | 0000050 | 45 | 485 | 14 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 3 | 0 | 3 | 0 | 1 | 0 | M24070 | 96 | 421 | 1 | 1039 | 1452 | | |
| 47 | 0000051 | 46 | 479 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 48 | 0000053 | 47 | 477 | 4 | 1 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 49 | 0000055 | 48 | 476 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 50 | 0000056 | 49 | 471 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 51 | 0000057 | 50 | 471 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 52 | 0000060 | 51 | 461 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 53 | 0000061 | 52 | 460 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 54 | 0000062 | 53 | 458 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 55 | 0000064 | 54 | 458 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 56 | 0000065 | 55 | 458 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 57 | 0000066 | 56 | 454 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 58 | 0000067 | 57 | 452 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 29】

【図 30】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|----|---------|----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|------|-----|------|------|------|
| 59 | 0000068 | 58 | 449 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 60 | 0000069 | 59 | 447 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | M22382 | 93.1 | 432 | 1 | 1505 | 2227 |
| 61 | 0000070 | 60 | 444 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 62 | 0000071 | 61 | 459 | 5 | 1 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 63 | 0000072 | 62 | 441 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M16961 | 93.4 | 376 | 1 | 1131 | 1538 | |
| 64 | 0000073 | 63 | 435 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 65 | 0000074 | 64 | 433 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 66 | 0000075 | 65 | 432 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 67 | 0000076 | 66 | 431 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 68 | 0000077 | 67 | 459 | 25 | 1 | 3 | 2 | 5 | 1 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 4 | 0 | L20868 | 96.3 | 456 | 1 | 933 | 1379 | |
| 69 | 0000078 | 68 | 626 | 10 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 2 | 0 | X07979 | 90.9 | 572 | 1 | 3054 | 3614 | |
| 70 | 0000079 | 69 | 534 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 71 | 0000080 | 70 | 417 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | L06246 | 93 | 415 | 4 | 3501 | 3934 | |
| 72 | 0000081 | 71 | 416 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X70218 | 91.6 | 250 | 1 | 837 | 1382 | |
| 73 | 0000082 | 72 | 415 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 74 | 0000083 | 73 | 415 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 75 | 0000084 | 74 | 410 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | K03195 | 99.3 | 410 | 1 | 2134 | 2856 | |
| 76 | 0000085 | 75 | 408 | 20 | 5 | 3 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | M84334 | 94.6 | 406 | 1 | 1356 | 1760 | |
| 77 | 0000086 | 76 | 408 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 78 | 0000087 | 77 | 406 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 79 | 0000088 | 78 | 404 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 80 | 0000089 | 79 | 417 | 29 | 1 | 3 | 2 | 2 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 5 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 4 | 7 | 0 | X17206 | 94.5 | 397 | 1 | 543 | 934 | |
| 81 | 0000090 | 80 | 403 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|------|-----|------|------|------|
| 82 | 0000091 | 81 | 621 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | M84326 | 95.1 | 487 | 1 | 1204 | 1815 | |
| 83 | 0000092 | 82 | 399 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 84 | 0000093 | 83 | 397 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 85 | 0000094 | 84 | 400 | 8 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 86 | 0000095 | 85 | 397 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 87 | 0000096 | 86 | 394 | 46 | 6 | 5 | 4 | 2 | 0 | 0 | 1 | 2 | 6 | 5 | 1 | 2 | 1 | 1 | 1 | 3 | 3 | 3 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 88 | 0000097 | 87 | 392 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 89 | 0000098 | 88 | 393 | 7 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 90 | 0000099 | 89 | 391 | 8 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | Z11793 | 96.1 | 385 | 1 | 1637 | 2038 | |
| 91 | 0000100 | 90 | 389 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 92 | 0000101 | 91 | 389 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 93 | 0000102 | 92 | 391 | 38 | 2 | 4 | 0 | 3 | 0 | 1 | 1 | 1 | 6 | 2 | 1 | 2 | 8 | 0 | 1 | 1 | 1 | 4 | 0 | 0 | X64707 | 93.3 | 387 | 1 | 346 | 942 | |
| 94 | 0000103 | 93 | 383 | 4 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | V01514 | 99.7 | 380 | 1 | 1650 | 2029 | |
| 95 | 0000104 | 94 | 385 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 96 | 0000105 | 95 | 380 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 97 | 0000106 | 96 | 379 | 8 | 2 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 98 | 0000107 | 97 | 378 | 2 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 99 | 0000108 | 98 | 384 | 24 | 2 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 6 | 2 | 1 | 1 | M10939 | 95.4 | 372 | 1 | 117 | 487 | |
| 100 | 0000109 | 99 | 583 | 5 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 101 | 0000110 | 100 | 375 | 2 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 102 | 0000111 | 101 | 381 | 34 | 7 | 0 | 0 | 1 | 9 | 12 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | K01396 | 92.6 | 376 | 1 | 983 | 1352 | |
| 103 | 0000113 | 102 | 374 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 104 | 0000114 | 103 | 387 | 33 | 1 | 1 | 5 | 0 | 1 | 0 | 0 | 3 | 0 | 1 | 3 | 1 | 1 | 1 | 0 | 3 | 3 | 1 | 0 | 9 | 0 | X04098 | 92.2 | 383 | 1 | 1551 | 1918 |

【図 3 2】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|----|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 105 | 0000115 | 104 | 368 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 106 | 0000116 | 105 | 367 | 10 | 2 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | M1430 | 95.6 | 362 | 1 | 840 | 1200 |
| 107 | 0000117 | 106 | 366 | 3 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 108 | 0000118 | 107 | 364 | 7 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 109 | 0000119 | 108 | 363 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 110 | 0000120 | 109 | 348 | 3 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 111 | 0000121 | 110 | 430 | 3 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 112 | 0000122 | 111 | 357 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 113 | 0000123 | 112 | 356 | 12 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 1 | 2 | 0 | 2 | 0 | X55954 | 98.8 | 336 | 1 | 144 | 479 |
| 114 | 0000124 | 113 | 356 | 3 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 115 | 0000125 | 114 | 356 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 116 | 0000127 | 115 | 350 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 117 | 0000128 | 116 | 352 | 5 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | X54326 | 98 | 348 | 1 | 4238 | 4586 |
| 118 | 0000129 | 117 | 348 | 6 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | X65923 | 96.6 | 348 | 1 | 168 | 518 |
| 119 | 0000130 | 118 | 344 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 120 | 0000131 | 119 | 351 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 121 | 0000132 | 120 | 342 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 122 | 0000133 | 121 | 352 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 123 | 0000134 | 122 | 358 | 18 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 1 | 2 | 0 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 3 | 1 | 1 | M16660 | 95.9 | 343 | 1 | 2205 | 2543 |
| 124 | 0000135 | 123 | 373 | 75 | 5 | 4 | 0 | 14 | 2 | 4 | 2 | 0 | 2 | 0 | 4 | 1 | 1 | 0 | 3 | 5 | 14 | 1 | 12 | 1 | M11147 | 99.1 | 336 | 1 | 488 | 822 |
| 125 | 0000136 | 124 | 337 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 126 | 0000137 | 125 | 337 | 8 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | D00763 | 98.4 | 313 | 1 | 767 | 1078 |
| 127 | 0000138 | 126 | 336 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---------|---------|--------|------|-----|------|------|------|
| 128 | 0000139 | 127 | 338 | 8 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X03445 | 93.4 | 335 | 1 | 1698 | 2029 |
| 129 | 0000140 | 128 | 347 | 10 | 1 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 2 | | | | | | |
| 130 | 0000141 | 129 | 334 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 131 | 0000142 | 130 | 356 | 6 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 132 | 0000143 | 131 | 346 | 5 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 133 | 0000144 | 132 | 332 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 134 | 0000145 | 133 | 332 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 135 | 0000146 | 134 | 333 | 8 | 1 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 136 | 0000147 | 135 | 329 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | J05682 | 98.8 | 329 | 1 | 1245 | 1618 | |
| 137 | 0000148 | 136 | 326 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 138 | 0000149 | 137 | 325 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 139 | 0000150 | 138 | 326 | 12 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 4 | 0 | 0 | 1 | 0 | 3X05607 | 98.4 | 320 | 1 | 452 | 771 | |
| 140 | 0000151 | 139 | 324 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 141 | 0000152 | 140 | 322 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 142 | 0000153 | 141 | 321 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 143 | 0000154 | 142 | 323 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 144 | 0000155 | 143 | 349 | 59 | 1 | 0 | 3 | 8 | 0 | 3 | 0 | 2 | 2 | 3 | 4 | 5 | 1 | 0 | 5 | 15 | 4 | 1 | 2 | 0M11948 | 93.8 | 321 | 1 | 110 | 425 | |
| 145 | 0000156 | 144 | 369 | 11 | 2 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 3 | 0M23613 | 98.6 | 348 | 1 | 949 | 1296 | | |
| 146 | 0000157 | 145 | 324 | 11 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 8 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0M64982 | 96.9 | 323 | 1 | 5109 | 5943 | |
| 147 | 0000158 | 146 | 316 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 148 | 0000159 | 147 | 323 | 4 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0M30496 | 98.6 | 283 | 1 | 519 | 802 | |
| 149 | 0000160 | 148 | 334 | 7 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | |
| 150 | 0000161 | 149 | 315 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 3 4】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|------|-----|------|------|------|
| 151 | 0000162 | 150 | 329 | 44 | 1 | 4 | 3 | 2 | 1 | 0 | 1 | 2 | 5 | 2 | 4 | 4 | 2 | 0 | 0 | 2 | 2 | 1 | 7 | 1 | M17887 | 98.7 | 312 | 1 | 149 | 460 |
| 152 | 0000163 | 151 | 329 | 19 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 1 | 0 | 1 | 4 | 0 | 4 | 2 | M17886 | 95.7 | 305 | 1 | 210 | 512 |
| 153 | 0000164 | 152 | 313 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 154 | 0000165 | 153 | 312 | 3 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 155 | 0000166 | 154 | 334 | 3 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 156 | 0000167 | 155 | 309 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 157 | 0000168 | 156 | 309 | 5 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 158 | 0000169 | 157 | 307 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 159 | 0000170 | 158 | 306 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 160 | 0000171 | 159 | 305 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 161 | 0000172 | 160 | 310 | 13 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 5 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | M12623 | 98.3 | 301 | 1 | 879 | 1187 | |
| 162 | 0000173 | 161 | 306 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | M26658 | 98.7 | 305 | 1 | 31 | 2490 | |
| 163 | 0000174 | 162 | 260 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 164 | 0000175 | 163 | 303 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 165 | 0000176 | 164 | 298 | 5 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 1 | M03000 | 99.7 | 291 | 1 | 1269 | 1560 | |
| 166 | 0000177 | 165 | 335 | 12 | 2 | 2 | 0 | 1 | 0 | 2 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 167 | 0000178 | 166 | 295 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M06323 | 100 | 295 | 1 | 1001 | 1634 | |
| 168 | 0000179 | 167 | 294 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 169 | 0000180 | 168 | 300 | 6 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 170 | 0000181 | 169 | 292 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 171 | 0000182 | 170 | 292 | 5 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | M34671 | 99 | 97 | 1 | 1575 | 1671 |
| 172 | 0000183 | 171 | 291 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 173 | 0000184 | 172 | 401 | 4 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 3 5】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|----|----|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 174 | 0000185 | 173 | 290 | 11 | 2 | 1 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 1 | 0 | | | | | | |
| 175 | 0000186 | 174 | 288 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 176 | 0000187 | 175 | 285 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 177 | 0000188 | 176 | 290 | 8 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 1 | | | | | | |
| 178 | 0000189 | 177 | 283 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 179 | 0000190 | 178 | 281 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | J02645 | 98.9 | 281 | 1 | 1114 | 1393 |
| 180 | 0000191 | 179 | 278 | 2 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 181 | 0000192 | 180 | 281 | 2 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 182 | 0000193 | 181 | 277 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 183 | 0000194 | 182 | 278 | 34 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 21 | 8 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M16961 | 98.9 | 275 | 1 | 1265 | 1538 |
| 184 | 0000195 | 183 | 277 | 3 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 185 | 0000196 | 184 | 282 | 67 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 6 | 11 | 9 | 0 | 0 | 0 | 40 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M10617 | 94.9 | 274 | 4 | 193 | 462 |
| 186 | 0000197 | 185 | 277 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M36951 | 93.8 | 273 | 1 | 685 | 2034 |
| 187 | 0000198 | 186 | 276 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 188 | 0000199 | 187 | 276 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 189 | 0000200 | 188 | 276 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 190 | 0000201 | 189 | 274 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 191 | 0000202 | 190 | 273 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 192 | 0000203 | 191 | 271 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 193 | 0000204 | 192 | 270 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 194 | 0000205 | 193 | 166 | 5 | 2 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 195 | 0000206 | 194 | 276 | 5 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 196 | 0000207 | 195 | 273 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 3 6】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|-----|---------|-----|-----|----|---|----|---|----|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|--|
| 197 | 0000208 | 196 | 267 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 198 | 0000209 | 197 | 267 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 199 | 0000210 | 198 | 384 | 10 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | M6341 | 98.4 | 384 | 1 | 1135 | 1529 | |
| 200 | 0000211 | 199 | 304 | # | 8 | 24 | 2 | 10 | 0 | 4 | 2 | 5 | 16 | 9 | 1 | 5 | 0 | 3 | 0 | 12 | 5 | 1 | 0 | 4 | | | | | | | |
| 201 | 0000212 | 200 | 267 | 12 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 2 | 1 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | M95775 | 98.9 | 264 | 1 | 175 | 438 | |
| 202 | 0000213 | 201 | 264 | 4 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 203 | 0000215 | 202 | 257 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 204 | 0000216 | 203 | 257 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 205 | 0000217 | 204 | 256 | 5 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 206 | 0000218 | 205 | 255 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 207 | 0000219 | 206 | 264 | 7 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | D13388 | 97.7 | 220 | 1 | 1216 | 1435 | |
| 208 | 0000220 | 207 | 253 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 209 | 0000221 | 208 | 253 | 4 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 210 | 0000222 | 209 | 252 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 211 | 0000223 | 210 | 251 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 212 | 0000224 | 211 | 249 | 7 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 213 | 0000225 | 212 | 248 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 214 | 0000226 | 213 | 247 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 215 | 0000227 | 214 | 247 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 216 | 0000228 | 215 | 256 | 8 | 2 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 217 | 0000229 | 216 | 246 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 218 | 0000230 | 217 | 244 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X17206 | 98.5 | 202 | 31 | 733 | 934 | |
| 219 | 0000231 | 218 | 286 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|--------|--------|------|-----|------|------|------|
| 220 | 0000232 | 219 | 243 | 3 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 221 | 0000233 | 220 | 242 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 222 | 0000234 | 221 | 241 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 223 | 0000235 | 222 | 239 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 224 | 0000236 | 223 | 239 | 10 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 225 | 0000237 | 224 | 250 | 7 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 226 | 0000238 | 225 | 237 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | J02888 | 99.6 | 234 | 1 | 739 | 976 | |
| 227 | 0000239 | 226 | 243 | 4 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 228 | 0000240 | 227 | 238 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 229 | 0000241 | 228 | 237 | 7 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | X59357 | 99.6 | 237 | 1 | 258 | 602 | |
| 230 | 0000242 | 229 | 236 | 5 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 231 | 0000243 | 230 | 227 | 7 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | X12881 | 100 | 225 | 1 | 1174 | 1407 |
| 232 | 0000244 | 231 | 163 | 54 | 2 | 0 | 14 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 3 | 0 | 1 | 3 | 7 | 2 | 4 | 11 | 3 | X63432 | 95.7 | 163 | 1 | 1141 | 1802 |
| 233 | 0000245 | 232 | 226 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 234 | 0000246 | 233 | 228 | 25 | 3 | 5 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 3 | 3 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 2 | 1 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 235 | 0000247 | 234 | 308 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 236 | 0000248 | 235 | 230 | 7 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 237 | 0000249 | 236 | 228 | 8 | 1 | 0 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | M14636 | 99.1 | 222 | 1 | 2607 | 2828 | |
| 238 | 0000250 | 237 | 221 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 239 | 0000251 | 238 | 219 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 240 | 0000252 | 239 | 287 | 4 | 1 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 241 | 0000253 | 240 | 222 | 14 | 2 | 1 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 242 | 0000254 | 241 | 221 | 14 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 2 | 1 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 1 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | M24096 | 98.1 | 214 | 1 | 1152 | 1365 |

【図 3 7】

【図 3 8】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|----|---|----|----|----|----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|------|-----|------|------|------|
| 243 | 0000255 | 242 | 217 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 244 | 0000256 | 243 | 216 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 245 | 0000257 | 244 | 216 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 246 | 0000258 | 245 | 220 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | X04588 | 95.4 | 217 | 3 | 1857 | 2077 |
| 247 | 0000259 | 246 | 223 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 248 | 0000260 | 247 | 216 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 249 | 0000261 | 248 | 212 | 10 | 2 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | X65460 | 99 | 204 | 1 | 1607 | 1809 | |
| 250 | 0000262 | 249 | 220 | 34 | 2 | 7 | 2 | 0 | 1 | 1 | 2 | 0 | 3 | 6 | 0 | 1 | 3 | 0 | 0 | 3 | 0 | 1 | 2 | 0 | M17885 | 98.6 | 210 | 1 | 888 | 1097 | |
| 251 | 0000263 | 250 | 214 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 252 | 0000264 | 251 | 208 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 253 | 0000265 | 252 | 207 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 254 | 0000266 | 253 | 205 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 255 | 0000267 | 254 | 205 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | X56330 | 97.3 | 112 | 83 | 1 | 2150 | |
| 256 | 0000268 | 255 | 208 | 5 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 257 | 0000269 | 256 | 204 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X63679 | 98.3 | 116 | 1 | 1152 | 1267 | |
| 258 | 0000270 | 257 | 212 | 9 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | X04526 | 95.2 | 209 | 1 | 2887 | 3088 | |
| 259 | 0000271 | 258 | 209 | 18 | 2 | 0 | 1 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 5 | 0 | 1 | 2 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 260 | 0000272 | 259 | 197 | 7 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | J05262 | 100 | 197 | 1 | 931 | 1148 | |
| 261 | 0000273 | 260 | 196 | 93 | 9 | 6 | 4 | 13 | 2 | 11 | 2 | 1 | 12 | 14 | 0 | 6 | 0 | 6 | 0 | 3 | 1 | 3 | 0 | 0 | L13806 | 94.8 | 192 | 1 | 375 | 563 | |
| 262 | 0000274 | 261 | 196 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 263 | 0000275 | 262 | 196 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 264 | 0000276 | 263 | 197 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 265 | 0000277 | 264 | 197 | 36 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 8 | 14 | 11 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M29882 | 100 | 191 | 1 | 234 | 424 | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 266 | 0000278 | 265 | 194 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 267 | 0000279 | 266 | 193 | 10 | 2 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 268 | 0000280 | 267 | 196 | 3 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X64228 | 99.5 | 196 | 1 | 6389 | 6597 |
| 269 | 0000281 | 268 | 189 | 6 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | L07395 | 100 | 189 | 1 | 2036 | 2226 |
| 270 | 0000282 | 269 | 189 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 271 | 0000283 | 270 | 187 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 272 | 0000284 | 271 | 187 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 273 | 0000285 | 272 | 190 | 74 | 6 | 14 | 1 | 8 | 0 | 3 | 4 | 1 | 4 | 4 | 3 | 5 | 3 | 5 | 0 | 2 | 5 | 1 | 1 | 4 | | | | | | |
| 274 | 0000286 | 273 | 189 | 3 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | LI1284 | 96.3 | 189 | 1 | 1999 | 2222 |
| 275 | 0000287 | 274 | 186 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 276 | 0000288 | 275 | 185 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 277 | 0000289 | 276 | 185 | 3 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 278 | 0000290 | 277 | 184 | 77 | 5 | 9 | 3 | 8 | 4 | 2 | 1 | 1 | 1 | 7 | 4 | 1 | 4 | 5 | 0 | 2 | 6 | 5 | 3 | 6 | X66699 | 98.4 | 184 | 1 | 163 | 349 |
| 279 | 0000291 | 278 | 183 | 6 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 280 | 0000292 | 279 | 188 | 47 | 4 | 12 | 1 | 0 | 2 | 1 | 1 | 4 | 6 | 4 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 5 | 4 | 0 | 1 | 0 | M60854 | 100 | 181 | 1 | 358 | 538 |
| 281 | 0000293 | 280 | 182 | 54 | 6 | 13 | 1 | 6 | 2 | 4 | 3 | 3 | 2 | 5 | 0 | 1 | 0 | 4 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | | | | | | |
| 282 | 0000294 | 281 | 195 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 283 | 0000295 | 282 | 180 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 284 | 0000296 | 283 | 183 | 8 | 1 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | M86737 | 100 | 183 | 1 | 2641 | 2839 |
| 285 | 0000297 | 284 | 179 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 286 | 0000298 | 285 | 179 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 287 | 0000299 | 286 | 178 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 288 | 0000300 | 287 | 182 | 22 | 2 | 1 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 2 | 0 | 3 | 1 | 4 | 2 | 0 | 1 | 1 | 0 | M37104 | 98.3 | 179 | 1 | 294 | 471 |

【図40】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 289 | 0000301 | 288 | 178 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 290 | 0000302 | 289 | 201 | 4 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 291 | 0000303 | 290 | 176 | 10 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 292 | 0000304 | 291 | 176 | 36 | 2 | 1 | 2 | 2 | 1 | 0 | 1 | 1 | 3 | 2 | 2 | 3 | 1 | 0 | 4 | 2 | 6 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 293 | 0000305 | 292 | 176 | 38 | 1 | 6 | 0 | 2 | 2 | 3 | 1 | 2 | 1 | 4 | 4 | 2 | 2 | 0 | 2 | 0 | 1 | 4 | 1 | 0 | | | | | | |
| 294 | 0000306 | 293 | 175 | 3 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 295 | 0000307 | 294 | 175 | 4 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 296 | 0000308 | 295 | 185 | 8 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 297 | 0000309 | 296 | 174 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 298 | 0000310 | 297 | 406 | 4 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 299 | 0000311 | 298 | 173 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 300 | 0000312 | 299 | 173 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 301 | 0000313 | 300 | 172 | 15 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 2 | 1 | 0 | 3 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 302 | 0000314 | 301 | 173 | 34 | 1 | 3 | 1 | 3 | 0 | 1 | 1 | 5 | 1 | 1 | 0 | 0 | 7 | 2 | 0 | 3 | 2 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 303 | 0000315 | 302 | 167 | 19 | 3 | 4 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 3 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 304 | 0000316 | 303 | 170 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 305 | 0000317 | 304 | 176 | 10 | 1 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | |
| 306 | 0000318 | 305 | 169 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 307 | 0000320 | 306 | 169 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 308 | 0000322 | 307 | 167 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 309 | 0000323 | 308 | 167 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 310 | 0000325 | 309 | 166 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 311 | 0000326 | 310 | 165 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 312 | 0000327 | 311 | 170 | 16 | 1 | 3 | 1 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 3 | 0 | X03342 | 96.4 | 169 | 1 | 328 | 505 |
| 313 | 0000328 | 312 | 171 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 314 | 0000329 | 313 | 164 | 3 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 315 | 0000330 | 314 | 261 | 8 | 1 | 0 | 2 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 316 | 0000331 | 315 | 163 | 5 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 317 | 0000332 | 316 | 165 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X12517 | 98.8 | 165 | 1 | 554 | 733 |
| 318 | 0000333 | 317 | 164 | 15 | 1 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 1 | 0 | M34539 | 98.1 | 157 | 1 | 1375 | 1532 |
| 319 | 0000334 | 318 | 161 | 2 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 320 | 0000335 | 319 | 176 | 61 | 1 | 16 | 4 | 3 | 1 | 1 | 0 | 3 | 7 | 3 | 1 | 6 | 6 | 1 | 2 | 2 | 1 | 1 | 1 | 1 | M36072 | 100 | 165 | 1 | 727 | 891 |
| 321 | 0000336 | 320 | 167 | 35 | 1 | 2 | 2 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 5 | 6 | 0 | 1 | 2 | 0 | 3 | 4 | 3 | 1 | 1 | 1 | S45214 | 97 | 167 | 1 | 308 | 478 |
| 322 | 0000337 | 321 | 258 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 323 | 0000338 | 322 | 157 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 324 | 0000339 | 323 | 157 | 7 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | J03934 | 96.8 | 155 | 1 | 857 | 2447 |
| 325 | 0000340 | 324 | 161 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 326 | 0000341 | 325 | 157 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 327 | 0000342 | 326 | 161 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 328 | 0000343 | 327 | 163 | 12 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | L07633 | 97.4 | 153 | 1 | 833 | 965 |
| 329 | 0000344 | 328 | 156 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 330 | 0000346 | 329 | 255 | 8 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | S46268 | 99.6 | 250 | 1 | 569 | 826 |
| 331 | 0000347 | 330 | 153 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 332 | 0000348 | 331 | 153 | 6 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 333 | 0000349 | 332 | 154 | 19 | 2 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 1 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 3 | 1 | 1 | 1 | X53280 | 100 | 104 | 1 | 863 | 979 |
| 334 | 0000350 | 333 | 152 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【图 4 2】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD | | |
|-----|---------|-----|-----|----|----|----|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|------|-----|------|------|------|--|--|
| 335 | 0000351 | 334 | 155 | 8 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 336 | 0000352 | 335 | 165 | 6 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | | | |
| 337 | 0000353 | 336 | 149 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 338 | 0000354 | 337 | 151 | 6 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | | | |
| 339 | 0000355 | 338 | 147 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 340 | 0000356 | 339 | 151 | 35 | 1 | 17 | 0 | 2 | 2 | 1 | 3 | 0 | 0 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | X53777 | 96 | 151 | 1 | 582 | 770 | | |
| 341 | 0000357 | 340 | 154 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 342 | 0000358 | 341 | 146 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 343 | 0000359 | 342 | 146 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 344 | 0000360 | 343 | 146 | 15 | 2 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 2 | 0 | X60036 | 98.6 | 147 | 1 | 1171 | 1330 | | |
| 345 | 0000361 | 344 | 147 | 10 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 346 | 0000362 | 345 | 140 | 19 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 12 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 347 | 0000363 | 346 | 144 | 24 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 5 | 0 | 2 | 0 | 1 | 1 | 3 | 2 | 2 | 1 | 3 | D14696 | 98.6 | 141 | 1 | 1262 | 1402 | | |
| 348 | 0000364 | 347 | 291 | # | 17 | 0 | 0 | 0 | # | # | # | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | L00132 | 98.6 | 290 | 1 | 1961 | 2251 | | |
| 349 | 0000365 | 348 | 139 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 350 | 0000366 | 349 | 143 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | | | | |
| 351 | 0000367 | 350 | 138 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 352 | 0000368 | 351 | 140 | 9 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | M31627 | 98.6 | 141 | 1 | 1657 | 1818 | | |
| 353 | 0000369 | 352 | 142 | 2 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | L10379 | 98.6 | 142 | 1 | 1581 | 1725 | | | |
| 354 | 0000370 | 353 | 154 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 355 | 0000372 | 354 | 134 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 356 | 0000373 | 355 | 133 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 357 | 0000374 | 356 | 137 | 9 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |

【図 4 3】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | | |
|-----|---------|-----|-----|----|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|---|---|
| 358 | 0000375 | 357 | 132 | 26 | 2 | 3 | 0 | 3 | 1 | 2 | 0 | 0 | 3 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | 2 | | | | | | | | |
| 359 | 0000376 | 358 | 142 | 17 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 4 | 1 | 3 | 1 | | | | | | | | |
| 360 | 0000377 | 359 | 142 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | | |
| 361 | 0000378 | 360 | 131 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 362 | 0000379 | 361 | 131 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 363 | 0000380 | 362 | 143 | 37 | 1 | 12 | 0 | 1 | 0 | 1 | 3 | 0 | 2 | 5 | 2 | 0 | 1 | 3 | 1 | 3 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 364 | 0000381 | 363 | 133 | 18 | 1 | 0 | 2 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 6 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | | | |
| 365 | 0000382 | 364 | 133 | 4 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 366 | 0000383 | 365 | 130 | 24 | 3 | 1 | 3 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 3 | 0 | 0 | 1 | 3 | 2 | 1 | 0 | | | | | | | | |
| 367 | 0000384 | 366 | 157 | 7 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 368 | 0000385 | 367 | 132 | 4 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 369 | 0000386 | 368 | 197 | 5 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 370 | 0000387 | 369 | 128 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 371 | 0000388 | 370 | 127 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 372 | 0000389 | 371 | 129 | 4 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 373 | 0000390 | 372 | 125 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 374 | 0000391 | 373 | 125 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 375 | 0000392 | 374 | 132 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 376 | 0000393 | 375 | 131 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 377 | 0000394 | 376 | 123 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 378 | 0000395 | 377 | 123 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 379 | 0000396 | 378 | 123 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 380 | 0000397 | 379 | 121 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |

【図 4 4】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|----|---|----|---|---|---|---|----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 381 | 0000398 | 380 | 121 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 382 | 0000399 | 381 | 119 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 383 | 0000400 | 382 | 119 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 384 | 0000401 | 383 | 225 | 11 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 1 | 0 | | | | | | |
| 385 | 0000402 | 384 | 121 | 13 | 1 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 386 | 0000403 | 385 | 147 | 19 | 7 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 3 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 2 | | | | | | | |
| 387 | 0000404 | 386 | 117 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 388 | 0000405 | 387 | 119 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 389 | 0000406 | 388 | 115 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 390 | 0000407 | 389 | 115 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 391 | 0000408 | 390 | 113 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 392 | 0000409 | 391 | 113 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 393 | 0000410 | 392 | 118 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 394 | 0000411 | 393 | 112 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 395 | 0000412 | 394 | 112 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 396 | 0000413 | 395 | 111 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 397 | 0000414 | 396 | 110 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 398 | 0000415 | 397 | 110 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 399 | 0000416 | 398 | 109 | 3 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 400 | 0000417 | 399 | 116 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 401 | 0000418 | 400 | 113 | 85 | 5 | 22 | 1 | 13 | 1 | 5 | 1 | 0 | 10 | 10 | 0 | 0 | 0 | 9 | 0 | 1 | 6 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 402 | 0000419 | 401 | 114 | 2 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 403 | 0000420 | 402 | 106 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|------|-----|------|------|-----|
| 404 | 0000421 | 403 | 107 | 11 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 4 | 1 | 1 | 0 | 0 | 3 | | | | | | |
| 405 | 0000422 | 404 | 112 | 15 | 1 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 1 | 2 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | MI0036 | 91.4 | 105 | 1 | 1462 | 1835 | |
| 406 | 0000423 | 405 | 105 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 407 | 0000424 | 406 | 104 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 408 | 0000425 | 407 | 104 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 409 | 0000426 | 408 | 109 | 12 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 4 | 1 | | | | | | |
| 410 | 0000427 | 409 | 110 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 411 | 0000428 | 410 | 157 | 3 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X61970 | 99.4 | 157 | 1 | 756 | 959 | |
| 412 | 0000429 | 411 | 103 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 413 | 0000430 | 412 | 105 | 3 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 414 | 0000431 | 413 | 104 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 415 | 0000433 | 414 | 105 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 416 | 0000434 | 415 | 105 | 10 | 1 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 417 | 0000435 | 416 | 101 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 418 | 0000436 | 417 | 100 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 419 | 0000437 | 418 | 103 | 23 | 5 | 4 | 2 | 2 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 2 | 1 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | X57958 | 98 | 101 | 1 | 754 | 861 |
| 420 | 0000438 | 419 | 96 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 421 | 0000439 | 420 | 99 | 8 | 1 | 1 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 422 | 0000440 | 421 | 95 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 423 | 0000441 | 422 | 97 | 3 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 424 | 0000442 | 423 | 92 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 425 | 0000443 | 424 | 92 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 426 | 0000444 | 425 | 98 | 61 | 6 | 10 | 1 | 4 | 2 | 4 | 1 | 1 | 0 | 3 | 1 | 0 | 5 | 0 | 0 | 1 | 4 | 8 | 5 | 5 | M81757 | 98.9 | 90 | 1 | 410 | 510 |

【図 4 6】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|--------|------|----|----|------|------|
| 427 | 0000445 | 426 | 100 | 3 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 428 | 0000446 | 427 | 93 | 4 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 429 | 0000447 | 428 | 94 | 32 | 2 | 6 | 1 | 1 | 0 | 3 | 2 | 0 | 2 | 6 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 3 | 1 | 1 | 1 | 0 | 557263 | 94.7 | 94 | 1 | 836 | 932 |
| 430 | 0000448 | 429 | 206 | 12 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 1 | | | | | | |
| 431 | 0000450 | 430 | 481 | 21 | 3 | 2 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 10 | | | | | | |
| 432 | 0000451 | 431 | 87 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 433 | 0000453 | 432 | 93 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 434 | 0000454 | 433 | 85 | 6 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 435 | 0000455 | 434 | 85 | 6 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 436 | 0000456 | 435 | 91 | 6 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 437 | 0000457 | 436 | 84 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 438 | 0000458 | 437 | 82 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 439 | 0000459 | 438 | 82 | 6 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 440 | 0000460 | 439 | 79 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 107493 | 97.5 | 79 | 1 | 395 | 692 |
| 441 | 0000461 | 440 | 86 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 442 | 0000462 | 441 | 78 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 443 | 0000463 | 442 | 85 | 19 | 2 | 2 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 2 | 2 | 2 | 3 | 1 | X02152 | 94.7 | 76 | 1 | 1587 | 1661 |
| 444 | 0000464 | 443 | 86 | 16 | 1 | 1 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 3 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 2 | 1 | 0 | D13630 | 98.6 | 74 | 1 | 2925 | 2998 |
| 445 | 0000465 | 444 | 83 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | X17644 | 96 | 75 | 1 | 2513 | 2587 |
| 446 | 0000466 | 445 | 77 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 447 | 0000467 | 446 | 80 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 448 | 0000468 | 447 | 73 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 449 | 0000469 | 448 | 197 | 5 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 4 7】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|----|----|------|------|
| 450 | 0000470 | 449 | 75 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 451 | 0000471 | 450 | 72 | 6 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 452 | 0000473 | 451 | 73 | 10 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 5 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 453 | 0000474 | 452 | 68 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X16354 | 100 | 68 | 1 | 3387 | 3464 |
| 454 | 0000475 | 453 | 68 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 455 | 0000477 | 454 | 67 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 456 | 0000478 | 455 | 70 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 457 | 0000479 | 456 | 65 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 458 | 0000480 | 457 | 65 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 459 | 0000481 | 458 | 70 | 19 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 3 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 3 | 0 | 0 | 3 | 0 | 1 | 3 | | | | | | |
| 460 | 0000482 | 459 | 61 | 6 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 461 | 0000483 | 460 | 63 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | J05272 | 100 | 51 | 1 | 2808 | 2858 |
| 462 | 0000484 | 461 | 68 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 463 | 0000485 | 462 | 62 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 464 | 0000486 | 463 | 61 | 6 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 465 | 0000487 | 464 | 61 | 8 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 3 | 0 | | | | | | |
| 466 | 0000488 | 465 | 61 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 467 | 0000489 | 466 | 61 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 468 | 0000491 | 467 | 60 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 469 | 0000493 | 468 | 65 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 470 | 0000494 | 469 | 66 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 471 | 0000495 | 470 | 70 | 9 | 1 | 2 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 472 | 0000496 | 471 | 56 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 4 8】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 473 | 0000497 | 472 | 65 | 10 | 1 | 1 | 1 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 474 | 0000498 | 473 | 54 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X60036 | 94 | 50 | 5 | 1266 | 1330 |
| 475 | 0000500 | 474 | 56 | 46 | 6 | 4 | 1 | 1 | 0 | 2 | 2 | 2 | 3 | 3 | 2 | 3 | 1 | 1 | 0 | 3 | 8 | 1 | 2 | 1 | | | | | | |
| 476 | 0000503 | 475 | 52 | 7 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X57346 | 98.1 | 52 | 1 | 1131 | 1213 |
| 477 | 0000504 | 476 | 54 | 40 | 1 | 5 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 2 | 2 | 2 | 3 | 4 | 2 | 1 | 6 | 2 | 3 | 3 | M4328 | 98 | 51 | 1 | 1706 | 1755 |
| 478 | 0000505 | 477 | 57 | 7 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | X36981 | 90 | 50 | 1 | 622 | 670 |
| 479 | 0000506 | 478 | 54 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 480 | 0000507 | 479 | 51 | 5 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 481 | 0000510 | 480 | 80 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 482 | 0000511 | 481 | 77 | 7 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | | | | | | |
| 483 | 0000532 | 482 | 669 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 484 | 0000533 | 483 | 651 | 32 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 4 | 0 | 1 | 1 | 1 | 4 | 4 | 3 | 9 | 2 | M97164 | 92.1 | 644 | 1 | 201 | 1119 |
| 485 | 0000534 | 484 | 324 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 486 | 0000535 | 485 | 569 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 487 | 0000536 | 486 | 556 | 4 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 488 | 0000537 | 487 | 551 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 489 | 0000538 | 488 | 520 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 490 | 0000539 | 489 | 517 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 491 | 0000540 | 490 | 515 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 492 | 0000541 | 491 | 510 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 493 | 0000542 | 492 | 507 | 2 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 494 | 0000543 | 493 | 155 | 53 | 0 | 9 | 4 | 5 | 0 | 2 | 2 | 0 | 2 | 11 | 0 | 2 | 7 | 4 | 0 | 0 | 1 | 3 | 1 | 0 | X56932 | 97.9 | 144 | 1 | 512 | 672 |
| 495 | 0000544 | 494 | 499 | 4 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【图 4 9】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|------|-----|-----|------|-----|
| 496 | 0000545 | 495 | 516 | 22 | 0 | 3 | 0 | 2 | 0 | 0 | 2 | 1 | 2 | 3 | 0 | 1 | 3 | 1 | 1 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | M94314 | 93.4 | 439 | 1 | 75 | 556 |
| 497 | 0000546 | 496 | 497 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 498 | 0000547 | 497 | 494 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 499 | 0000548 | 498 | 489 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M64716 | 94.4 | 478 | 2 | 24 | 497 | |
| 500 | 0000549 | 499 | 487 | 2 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 501 | 0000551 | 500 | 481 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 502 | 0000552 | 501 | 472 | 4 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 503 | 0000553 | 502 | 461 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 504 | 0000554 | 503 | 459 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 505 | 0000555 | 504 | 481 | 4 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | D14662 | 97.5 | 481 | 1 | 395 | 1653 | |
| 506 | 0000556 | 505 | 453 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 507 | 0000557 | 506 | 446 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 508 | 0000558 | 507 | 434 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 509 | 0000560 | 508 | 430 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 510 | 0000561 | 509 | 428 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 511 | 0000562 | 510 | 422 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 512 | 0000564 | 511 | 417 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 513 | 0000565 | 512 | 421 | 40 | 0 | 4 | 2 | 5 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | 1 | 4 | 5 | 1 | 1 | 0 | 4 | 6 | 2 | 0 | 1 | M30684 | 96.1 | 411 | 1 | 519 | 929 |
| 514 | 0000567 | 513 | 413 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | L06432 | 95.9 | 98 | # | 332 | 549 | |
| 515 | 0000568 | 514 | 407 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 516 | 0000569 | 515 | 402 | 7 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 517 | 0000571 | 516 | 396 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 518 | 0000572 | 517 | 384 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 50】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 519 | 0000573 | 518 | 383 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 520 | 0000574 | 519 | 381 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 521 | 0000575 | 520 | 381 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 522 | 0000576 | 521 | 377 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 523 | 0000577 | 522 | 375 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 524 | 0000578 | 523 | 374 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 525 | 0000579 | 524 | 374 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 526 | 0000580 | 525 | 372 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 527 | 0000581 | 526 | 371 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 528 | 0000582 | 527 | 382 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 529 | 0000583 | 528 | 382 | 30 | 0 | 2 | 5 | 3 | 0 | 0 | 1 | 3 | 1 | 3 | 0 | 2 | 1 | 4 | 0 | 0 | 2 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 530 | 0000584 | 529 | 367 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 531 | 0000585 | 530 | 365 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 532 | 0000586 | 531 | 396 | 6 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 533 | 0000589 | 532 | 360 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 534 | 0000590 | 533 | 267 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 535 | 0000591 | 534 | 362 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 536 | 0000592 | 535 | 351 | 12 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 537 | 0000593 | 536 | 348 | 4 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 538 | 0000594 | 537 | 347 | 11 | 0 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 539 | 0000595 | 538 | 346 | 3 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 540 | 0000596 | 539 | 346 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 541 | 0000597 | 540 | 345 | 3 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 5 1】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|---------|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 542 | 0000598 | 541 354 | 3 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 543 | 0000599 | 542 343 | 3 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 544 | 0000600 | 543 340 | 6 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 545 | 0000601 | 544 339 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 546 | 0000602 | 545 339 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 547 | 0000603 | 546 339 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 548 | 0000604 | 547 355 | 2 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 549 | 0000606 | 548 331 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 550 | 0000607 | 549 330 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 551 | 0000608 | 550 329 | 14 | 0 | 5 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 211566 | 97.6 | 327 | 1 | 878 | 1640 |
| 552 | 0000609 | 551 329 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 553 | 0000610 | 552 328 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 554 | 0000611 | 553 328 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 555 | 0000612 | 554 322 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 556 | 0000614 | 555 318 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 557 | 0000615 | 556 317 | 4 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | X67688 | 97.5 | 317 | 1 | 1735 | 2106 |
| 558 | 0000616 | 557 314 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 559 | 0000617 | 558 313 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 560 | 0000618 | 559 310 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 561 | 0000619 | 560 310 | 4 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 562 | 0000620 | 561 308 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 563 | 0000621 | 562 300 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 564 | 0000622 | 563 299 | 2 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | S43127 | 98 | 298 | 1 | 1145 | 1441 |

【図 5 2】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 565 | 0000623 | 564 | 301 | 4 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 566 | 0000624 | 565 | 297 | 3 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 567 | 0000625 | 566 | 304 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 568 | 0000626 | 567 | 301 | 4 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 569 | 0000627 | 568 | 294 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 570 | 0000628 | 569 | 296 | 4 | 0 | 1 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 571 | 0000629 | 570 | 307 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 572 | 0000630 | 571 | 296 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 573 | 0000631 | 572 | 288 | 2 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 574 | 0000632 | 573 | 292 | 5 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 575 | 0000633 | 574 | 287 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 576 | 0000634 | 575 | 285 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | ML9961 | 93.6 | 283 | 1 | 171 | 494 |
| 577 | 0000635 | 576 | 285 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 578 | 0000636 | 577 | 287 | 4 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 579 | 0000637 | 578 | 282 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 580 | 0000638 | 579 | 279 | 2 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 581 | 0000639 | 580 | 279 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 582 | 0000640 | 581 | 280 | 6 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 583 | 0000641 | 582 | 300 | 8 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | MS5621 | 98.3 | 289 | 1 | 2311 | 2602 |
| 584 | 0000642 | 583 | 278 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 585 | 0000643 | 584 | 277 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | KI3482 | 96 | 277 | 1 | 760 | 1054 |
| 586 | 0000644 | 585 | 277 | 16 | 0 | 5 | 0 | 2 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 3 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 587 | 0000645 | 586 | 276 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X71491 | 93 | 285 | 1 | 929 | 1234 |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|------|-----|-----|------|------|
| 588 | 0000646 | 587 | 275 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 589 | 0000647 | 588 | 307 | 3 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | M31520 | 97.4 | 305 | 1 | 133 | | 620 |
| 590 | 0000648 | 589 | 277 | 6 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | |
| 591 | 0000649 | 590 | 279 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 592 | 0000650 | 591 | 273 | 43 | 0 | 14 | 2 | 6 | 0 | 2 | 0 | 1 | 1 | 2 | 1 | 6 | 3 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | L06432 | 97.4 | 265 | 1 | 280 | 549 |
| 593 | 0000651 | 592 | 275 | 7 | 0 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | L07916 | 97.4 | 266 | 1 | 906 | 1171 |
| 594 | 0000652 | 593 | 269 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 595 | 0000653 | 594 | 270 | 7 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | J04046 | 97.7 | 264 | 1 | 1910 | 2175 |
| 596 | 0000654 | 595 | 268 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X54942 | 97.8 | 268 | 1 | 348 | 627 |
| 597 | 0000656 | 596 | 267 | 3 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 598 | 0000657 | 597 | 265 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 599 | 0000658 | 598 | 264 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 600 | 0000659 | 599 | 262 | 4 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 601 | 0000661 | 600 | 259 | 7 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 602 | 0000662 | 601 | 259 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 603 | 0000663 | 602 | 257 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 604 | 0000664 | 603 | 252 | 2 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 605 | 0000665 | 604 | 250 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 606 | 0000666 | 605 | 250 | 3 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X65867 | 98.4 | 248 | 1 | 1335 | 1692 |
| 607 | 0000667 | 606 | 247 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 608 | 0000668 | 607 | 246 | 8 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 609 | 0000669 | 608 | 284 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 610 | 0000670 | 609 | 249 | 9 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | M60857 | 98.4 | 249 | 1 | 600 | 851 |

【图 5 4】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 611 | 0000671 | 610 | 244 | 2 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 612 | 0000672 | 611 | 244 | 7 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | X66975 | 97.9 | 241 | 1 | 2915 | 3319 |
| 613 | 0000673 | 612 | 242 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X57500 | 98.8 | 242 | 1 | 2728 | 2969 |
| 614 | 0000674 | 613 | 245 | 5 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 615 | 0000675 | 614 | 245 | 24 | 0 | 4 | 1 | 4 | 0 | 1 | 0 | 2 | 1 | 1 | 0 | 0 | 2 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | L01124 | 100 | 237 | 1 | 291 | 530 |
| 616 | 0000676 | 615 | 241 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 617 | 0000677 | 616 | 240 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 618 | 0000678 | 617 | 240 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 619 | 0000679 | 618 | 242 | 13 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 3 | 1 | 2 | 2 | | | | | | |
| 620 | 0000680 | 619 | 239 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 621 | 0000681 | 620 | 238 | 6 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | L01457 | 100 | 238 | 1 | 2484 | 2739 |
| 622 | 0000682 | 621 | 254 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 623 | 0000683 | 622 | 247 | 18 | 0 | 1 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 2 | 2 | 1 | 3 | 0 | 0 | 3 | X13238 | 96.1 | 230 | 1 | 194 | 422 |
| 624 | 0000684 | 623 | 235 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 625 | 0000685 | 624 | 238 | 14 | 0 | 2 | 5 | 4 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 626 | 0000686 | 625 | 234 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 627 | 0000687 | 626 | 251 | 16 | 0 | 1 | 3 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 628 | 0000689 | 627 | 235 | 34 | 0 | 1 | 1 | 2 | 0 | 1 | 3 | 3 | 0 | 4 | 0 | 3 | 2 | 2 | 2 | 1 | 2 | 1 | 5 | 1 | | | | | | |
| 629 | 0000690 | 628 | 231 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 630 | 0000691 | 629 | 231 | 3 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 631 | 0000692 | 630 | 229 | 4 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 632 | 0000693 | 631 | 230 | 4 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 633 | 0000694 | 632 | 202 | 3 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【55】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---------|------|-----|----|------|------|----|--|
| 634 | 0000695 | 633 | 226 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 635 | 0000696 | 634 | 226 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 636 | 0000697 | 635 | 226 | 7 | 0 | 2 | 3 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | ML8082 | 96.9 | 226 | 1 | 1640 | 1880 | | |
| 637 | 0000698 | 636 | 226 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 638 | 0000699 | 637 | 222 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 639 | 0000700 | 638 | 222 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 640 | 0000701 | 639 | 221 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 641 | 0000702 | 640 | 220 | 2 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 642 | 0000703 | 641 | 220 | 12 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 1 | 2 | | | | | | | |
| 643 | 0000704 | 642 | 219 | 33 | 0 | 4 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 6 | 1 | 2 | 3 | 2 | 0 | 0 | 0 | 3 | 8 | MT3791 | 97.7 | 217 | 1 | 506 | 722 | | |
| 644 | 0000705 | 643 | 215 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 645 | 0000706 | 644 | 214 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 646 | 0000707 | 645 | 215 | 9 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 1 | MT4194 | 92.3 | 209 | 1 | 887 | 1093 | | |
| 647 | 0000708 | 646 | 220 | 24 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 3 | 3 | 3 | 2 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 2 | 3 | 2 | 0 | | | | | | | |
| 648 | 0000710 | 647 | 210 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 649 | 0000711 | 648 | 208 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 650 | 0000712 | 649 | 206 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 651 | 0000713 | 650 | 244 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 652 | 0000714 | 651 | 231 | 7 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | MX17620 | 99 | 202 | 1 | 531 | 732 | | |
| 653 | 0000715 | 652 | 200 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 654 | 0000716 | 653 | 199 | 37 | 0 | 5 | 3 | 3 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 3 | 0 | 1 | 3 | 1 | 0 | 2 | 9 | 2 | 2 | MX56999 | 96.5 | 199 | 1 | 300 | 501 | | |
| 655 | 0000717 | 654 | 199 | 6 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | ML9067 | 97.5 | 198 | 1 | 2231 | 2444 | | |
| 656 | 0000718 | 655 | 206 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |

【図 5 6】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD | |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|-----|-----|------|
| 657 | 0000719 | 656 | 198 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 658 | 0000720 | 657 | 198 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 659 | 0000721 | 658 | 197 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 660 | 0000722 | 659 | 197 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 661 | 0000723 | 660 | 201 | 10 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 110376 | 97 | 202 | 1 | 509 | 753 | |
| 662 | 0000725 | 661 | 199 | 9 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 663 | 0000726 | 662 | 196 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 664 | 0000727 | 663 | 201 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 665 | 0000728 | 664 | 197 | 4 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1064 |
| 666 | 0000729 | 665 | 195 | 4 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 667 | 0000730 | 666 | 196 | 4 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 668 | 0000731 | 667 | 194 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 669 | 0000732 | 668 | 246 | 47 | 0 | 6 | 3 | 4 | 0 | 1 | 5 | 1 | 1 | 1 | 0 | 1 | 6 | 2 | 0 | 2 | 7 | 0 | 4 | 3 | | | | | | | |
| 670 | 0000733 | 669 | 192 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 671 | 0000734 | 670 | 191 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 672 | 0000735 | 671 | 188 | 11 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 1 | 3 | 0 | | | | | | | |
| 673 | 0000736 | 672 | 184 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 674 | 0000737 | 673 | 184 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 675 | 0000738 | 674 | 180 | 4 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 676 | 0000739 | 675 | 179 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 677 | 0000740 | 676 | 179 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 678 | 0000741 | 677 | 177 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 679 | 0000742 | 678 | 175 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |

【図 5 7】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 680 | 0000743 | 679 | 179 | 44 | 0 | 7 | 1 | 7 | 2 | 6 | 1 | 0 | 1 | 8 | 0 | 0 | 3 | 3 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | | | | | | |
| 681 | 0000745 | 680 | 176 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 682 | 0000746 | 681 | 173 | 10 | 0 | 1 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 683 | 0000747 | 682 | 173 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 684 | 0000748 | 683 | 326 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 685 | 0000749 | 684 | 173 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 686 | 0000750 | 685 | 173 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 687 | 0000751 | 686 | 170 | 3 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 688 | 0000752 | 687 | 170 | 4 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 689 | 0000753 | 688 | 239 | 6 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 690 | 0000754 | 689 | 170 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 691 | 0000755 | 690 | 168 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 000723 | 97.6 | 168 | 1 | 989 | 1192 |
| 692 | 0000757 | 691 | 169 | 5 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 693 | 0000758 | 692 | 171 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | D14663 | 97 | 164 | 1 | 1145 | 1308 |
| 694 | 0000759 | 693 | 167 | 17 | 0 | 4 | 1 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | M13932 | 97.5 | 159 | 1 | 320 | 477 |
| 695 | 0000760 | 694 | 166 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 696 | 0000761 | 695 | 175 | 8 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 697 | 0000762 | 696 | 165 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X05875 | 93.8 | 160 | 1 | 761 | 920 |
| 698 | 0000763 | 697 | 164 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 699 | 0000764 | 698 | 171 | 3 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 700 | 0000765 | 699 | 164 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X05875 | 93.2 | 161 | 1 | 761 | 920 |
| 701 | 0000766 | 700 | 162 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 702 | 0000768 | 701 | 160 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 5 8】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 703 | 0000769 | 702 | 161 | 8 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 4 | | | | | |
| 704 | 0000770 | 703 | 159 | 3 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 705 | 0000771 | 704 | 159 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 706 | 0000772 | 705 | 161 | 5 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 707 | 0000773 | 706 | 157 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 708 | 0000774 | 707 | 160 | 5 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | |
| 709 | 0000775 | 708 | 155 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X63692 | 98.1 | 155 | 1 | 5018 | 5194 |
| 710 | 0000777 | 709 | 154 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | |
| 711 | 0000778 | 710 | 153 | 2 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 712 | 0000779 | 711 | 152 | 3 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X55668 | 92.6 | 149 | 1 | 824 | 965 |
| 713 | 0000780 | 712 | 152 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | X70944 | 100 | 152 | 1 | 2916 | 3071 |
| 714 | 0000781 | 713 | 151 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 715 | 0000782 | 714 | 152 | 7 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 716 | 0000783 | 715 | 147 | 4 | 0 | 1 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 717 | 0000784 | 716 | 146 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 718 | 0000785 | 717 | 145 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | X37716 | 100 | 145 | 1 | 329 | 491 |
| 719 | 0000786 | 718 | 145 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 720 | 0000787 | 719 | 145 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 721 | 0000788 | 720 | 154 | 4 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 722 | 0000789 | 721 | 144 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | ML5502 | 96.5 | 141 | 1 | 1310 | 1447 |
| 723 | 0000790 | 722 | 149 | 4 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | X59417 | 96.6 | 149 | 1 | 824 | 979 |
| 724 | 0000791 | 723 | 145 | 5 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 725 | 0000792 | 724 | 142 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 726 | 0000793 | 725 | 142 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 727 | 0000794 | 726 | 142 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 728 | 0000795 | 727 | 147 | 28 | 0 | 1 | 1 | 2 | 0 | 1 | 3 | 0 | 5 | 0 | 2 | 0 | 4 | 5 | 0 | 1 | 2 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 729 | 0000796 | 728 | 140 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 730 | 0000797 | 729 | 150 | 29 | 0 | 4 | 0 | 1 | 0 | 2 | 1 | 0 | 1 | 1 | 2 | 1 | 5 | 2 | 1 | 0 | 4 | 1 | 3 | 0 | J02964 | 100 | 137 | 1 | 362 | 498 |
| 731 | 0000798 | 730 | 140 | 4 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 732 | 0000799 | 731 | 141 | 11 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 1 | 2 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | X63423 | 94.3 | 141 | 1 | 545 | 691 |
| 733 | 0000800 | 732 | 136 | 5 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 734 | 0000801 | 733 | 135 | 6 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | J04823 | 99.2 | 132 | 1 | 342 | 472 |
| 735 | 0000802 | 734 | 135 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 736 | 0000803 | 735 | 134 | 7 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 737 | 0000804 | 736 | 134 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 738 | 0000805 | 737 | 134 | 5 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 739 | 0000806 | 738 | 137 | 6 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 740 | 0000807 | 739 | 133 | 14 | 0 | 2 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 3 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | X69392 | 99.2 | 133 | 1 | 357 | 773 |
| 741 | 0000808 | 740 | 132 | 6 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 742 | 0000809 | 741 | 132 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 743 | 0000810 | 742 | 131 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | V00568 | 95.4 | 130 | 1 | 1953 | 2121 |
| 744 | 0000811 | 743 | 383 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 745 | 0000813 | 744 | 128 | 7 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 746 | 0000814 | 745 | 128 | 7 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 747 | 0000815 | 746 | 128 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 748 | 0000816 | 747 | 138 | 9 | 0 | 1 | 5 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M33552 | 100 | 125 | 1 | 1507 | 1631 |

【図 60】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|------|
| 749 | 0000817 | 748 | 127 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 750 | 0000818 | 749 | 124 | 16 | 0 | 4 | 1 | 1 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | | |
| 751 | 0000819 | 750 | 124 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 752 | 0000820 | 751 | 124 | 11 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 1 | 2 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 753 | 0000821 | 752 | 123 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 754 | 0000822 | 753 | 122 | 3 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 755 | 0000823 | 754 | 122 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 756 | 0000824 | 755 | 122 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 757 | 0000825 | 756 | 122 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 758 | 0000826 | 757 | 273 | 5 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 759 | 0000827 | 758 | 144 | 9 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 837 |
| 760 | 0000828 | 759 | 132 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 761 | 0000829 | 760 | 117 | 3 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | | |
| 762 | 0000830 | 761 | 117 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 763 | 0000831 | 762 | 119 | 4 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 764 | 0000832 | 763 | 167 | 6 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 765 | 0000833 | 764 | 179 | 4 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | | |
| 766 | 0000834 | 765 | 121 | 11 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 4 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 767 | 0000835 | 766 | 303 | 5 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 768 | 0000836 | 767 | 372 | 5 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2035 |
| 769 | 0000837 | 768 | 114 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 770 | 0000839 | 769 | 120 | 5 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4181 |
| 771 | 0000840 | 770 | 115 | 6 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 6 1】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 772 | 0000841 | 771 | 113 | 10 | 0 | 5 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 773 | 0000842 | 772 | 112 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 774 | 0000843 | 773 | 112 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 775 | 0000844 | 774 | 130 | 5 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 776 | 0000845 | 775 | 111 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 777 | 0000846 | 776 | 110 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 778 | 0000847 | 777 | 109 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 779 | 0000848 | 778 | 109 | 6 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | Y00711 | 100 | 107 | 1 | 1154 | 1260 |
| 780 | 0000849 | 779 | 109 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 781 | 0000850 | 780 | 109 | 7 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 782 | 0000851 | 781 | 108 | 14 | 0 | 5 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | D00761 | 100 | 87 | 1 | 737 | 823 |
| 783 | 0000852 | 782 | 108 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 784 | 0000853 | 783 | 106 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M34082 | 90.5 | 105 | 1 | 591 | 702 |
| 785 | 0000854 | 784 | 130 | 5 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 786 | 0000855 | 785 | 104 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 787 | 0000856 | 786 | 107 | 4 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 788 | 0000857 | 787 | 103 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 789 | 0000858 | 788 | 125 | 5 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 790 | 0000859 | 789 | 103 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 791 | 0000860 | 790 | 102 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 792 | 0000861 | 791 | 99 | 24 | 0 | 6 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 4 | 1 | 0 | 2 | 3 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 1 | M31520 | 93.5 | 92 | 5 | 529 | 620 |
| 793 | 0000862 | 792 | 94 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | J03490 | 95.7 | 94 | 1 | 2002 | 2314 |
| 794 | 0000863 | 793 | 101 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 6 2】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|----|----|------|------|
| 795 | 0000864 | 794 | 93 | 4 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 796 | 0000865 | 795 | 100 | 44 | 0 | 9 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 2 | 8 | 2 | 1 | 4 | 1 | 0 | 3 | 5 | 4 | 0 | 0 | MS5409 | 100 | 89 | 1 | 1067 | 1155 |
| 797 | 0000866 | 796 | 92 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 798 | 0000867 | 797 | 93 | 8 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 799 | 0000868 | 798 | 90 | 4 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 800 | 0000869 | 799 | 90 | 4 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 801 | 0000870 | 800 | 88 | 4 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 802 | 0000871 | 801 | 88 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 803 | 0000872 | 802 | 88 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 804 | 0000873 | 803 | 86 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 805 | 0000874 | 804 | 86 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 806 | 0000875 | 805 | 87 | 21 | 0 | 2 | 3 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 1 | 1 | 6 | 1 | 0 | 1 | | | | | | |
| 807 | 0000876 | 806 | 86 | 7 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 808 | 0000877 | 807 | 84 | 5 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 809 | 0000878 | 808 | 84 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 810 | 0000879 | 809 | 84 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 811 | 0000880 | 810 | 82 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 812 | 0000881 | 811 | 81 | 3 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 813 | 0000882 | 812 | 81 | 13 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 2 | 2 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 1 | 1 | | | | | | | |
| 814 | 0000883 | 813 | 78 | 4 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 815 | 0000884 | 814 | 78 | 3 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 816 | 0000885 | 815 | 77 | 2 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 817 | 0000886 | 816 | 77 | 3 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |

【表 63】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|----|----|------|------|
| 818 | 0000887 | 817 | 75 | 13 | 0 | 2 | 1 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 4 | 1 | 0 | | | | | | |
| 819 | 0000889 | 818 | 75 | 15 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 4 | 2 | 1 | 1 | | | | | | |
| 820 | 0000890 | 819 | 129 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 821 | 0000891 | 820 | 73 | 4 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 822 | 0000892 | 821 | 82 | 4 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 823 | 0000894 | 822 | 72 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 824 | 0000895 | 823 | 72 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 825 | 0000896 | 824 | 71 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 826 | 0000897 | 825 | 71 | 9 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 827 | 0000898 | 826 | 84 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 828 | 0000900 | 827 | 73 | 24 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 6 | 1 | 1 | 3 | 0 | 2 | 4 | 2 | K00558 | 100 | 69 | 1 | 1528 | 1596 |
| 829 | 0000903 | 828 | 69 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 830 | 0000904 | 829 | 69 | 8 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 831 | 0000905 | 830 | 72 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | L16991 | 98.6 | 73 | 1 | 969 | 1250 |
| 832 | 0000906 | 831 | 68 | 2 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 833 | 0000908 | 832 | 67 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 834 | 0000910 | 833 | 342 | 2 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 835 | 0000911 | 834 | 72 | 8 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 836 | 0000912 | 835 | 66 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 837 | 0000913 | 836 | 66 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 838 | 0000914 | 837 | 66 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 839 | 0000915 | 838 | 63 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 840 | 0000917 | 839 | 68 | 38 | 0 | 3 | 1 | 3 | 0 | 3 | 3 | 0 | 2 | 1 | 1 | 5 | 6 | 3 | 0 | 0 | 0 | 3 | 3 | 1 | | | | | | |

【図 6 4】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|--------|------|----|----|------|------|--|
| 841 | 0000918 | 840 | 63 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 842 | 0000919 | 841 | 109 | 5 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 843 | 0000920 | 842 | 62 | 4 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 844 | 0000922 | 843 | 61 | 9 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 2 | 1 | 0 | | | | | | | | |
| 845 | 0000924 | 844 | 56 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 846 | 0000925 | 845 | 56 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 847 | 0000926 | 846 | 55 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 848 | 0000929 | 847 | 52 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 849 | 0000930 | 848 | 52 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | | |
| 850 | 0000931 | 849 | 52 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 851 | 0000932 | 850 | 52 | 13 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 3 | | | | | | | |
| 852 | 0000934 | 851 | 53 | 26 | 0 | 3 | 1 | 1 | 0 | 1 | 5 | 0 | 2 | 3 | 0 | 0 | 3 | 2 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | X13923 | 100 | 48 | 1 | 392 | 439 | |
| 853 | 0000935 | 852 | 52 | 4 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1L3773 | 94.2 | 52 | 1 | 9332 | 9390 | |
| 854 | 0000936 | 853 | 51 | 5 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 855 | 0000937 | 854 | 61 | 38 | 0 | 1 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 12 | 0 | 6 | 4 | 0 | 2 | 0 | 0 | 2 | 2 | 1 | 0 | 3 | | | | | | | |
| 856 | 0000938 | 855 | 59 | 6 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 857 | 0000955 | 856 | 71 | 6 | 0 | 3 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 859 | 0000972 | 858 | 661 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 860 | 0000973 | 859 | 641 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 861 | 0000974 | 860 | 627 | 49 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 5 | 5 | 0 | 5 | 16 | 9 | 5 | | | | | | | |
| 862 | 0000976 | 861 | 617 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 863 | 0000977 | 862 | 372 | 5 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 6 5】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---------|--------|-----|-----|------|------|------|
| 864 | 0000978 | 863 | 595 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 865 | 0000979 | 864 | 581 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 866 | 0000980 | 865 | 293 | 10 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 3 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | | | | | | | |
| 867 | 0000981 | 866 | 566 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 868 | 0000982 | 867 | 556 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 869 | 0000983 | 868 | 555 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 870 | 0000984 | 869 | 554 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 004739 | 100 | 136 | 1 | 1068 | 1813 |
| 871 | 0000985 | 870 | 549 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 872 | 0000986 | 871 | 543 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 873 | 0000987 | 872 | 538 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 874 | 0000988 | 873 | 533 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 875 | 0000989 | 874 | 532 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 876 | 0000990 | 875 | 528 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 877 | 0000991 | 876 | 526 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 878 | 0000992 | 877 | 526 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 879 | 0000993 | 878 | 520 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 880 | 0000994 | 879 | 343 | 12 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 5X59834 | 93.3 | 298 | 1 | 2169 | 2727 | |
| 881 | 0000995 | 880 | 517 | 17 | 0 | 0 | 3 | 1 | 1 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 3 | 0 | 2 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 882 | 0000996 | 881 | 515 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 883 | 0000997 | 882 | 514 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 884 | 0000998 | 883 | 513 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 885 | 0000999 | 884 | 510 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 886 | 0001000 | 885 | 504 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 6 6】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 887 | 0001001 | 886 | 500 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 888 | 0001002 | 887 | 500 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 889 | 0001003 | 888 | 500 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 890 | 0001004 | 889 | 498 | 4 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 891 | 0001005 | 890 | 494 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 892 | 0001006 | 891 | 375 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 893 | 0001007 | 892 | 462 | 22 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 2 | 2 | 1 | 0 | 5 | 1 | 1 | 2 | 2 | 1 | | | | | | |
| 894 | 0001009 | 893 | 490 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 895 | 0001010 | 894 | 467 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 896 | 0001011 | 895 | 465 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 897 | 0001012 | 896 | 465 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 898 | 0001013 | 897 | 492 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 899 | 0001015 | 898 | 478 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 900 | 0001016 | 899 | 474 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 901 | 0001017 | 900 | 473 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 902 | 0001018 | 901 | 473 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 903 | 0001019 | 902 | 468 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 904 | 0001020 | 903 | 462 | 6 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 905 | 0001021 | 904 | 462 | 8 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 906 | 0001023 | 905 | 459 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 907 | 0001024 | 906 | 457 | 6 | 0 | 0 | 4 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 908 | 0001025 | 907 | 457 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 909 | 0001026 | 908 | 454 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 67】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 910 | 0001027 | 909 | 453 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 911 | 0001028 | 910 | 432 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 912 | 0001029 | 911 | 466 | 11 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 4 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 003077 | 94.8 | 466 | 1 | 2034 | 2767 |
| 913 | 0001030 | 912 | 461 | 8 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 914 | 0001032 | 913 | 453 | 8 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 915 | 0001033 | 914 | 445 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 916 | 0001034 | 915 | 444 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 917 | 0001035 | 916 | 440 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 918 | 0001036 | 917 | 439 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 919 | 0001037 | 918 | 435 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 920 | 0001038 | 919 | 433 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 921 | 0001039 | 920 | 431 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 922 | 0001040 | 921 | 431 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 923 | 0001041 | 922 | 430 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 924 | 0001042 | 923 | 429 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 925 | 0001043 | 924 | 428 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 926 | 0001044 | 925 | 424 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 927 | 0001045 | 926 | 422 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 928 | 0001046 | 927 | 422 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 929 | 0001047 | 928 | 410 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 930 | 0001048 | 929 | 342 | 4 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 931 | 0001049 | 930 | 407 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 932 | 0001051 | 931 | 407 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 6 8】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 933 | 0001052 | 932 | 95 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 934 | 0001053 | 933 | 405 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M2423 | 90.3 | 380 | 24 | 3711 | 4221 |
| 935 | 0001054 | 934 | 405 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 936 | 0001055 | 935 | 404 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 937 | 0001057 | 936 | 399 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 938 | 0001061 | 937 | 397 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M74782 | 98.3 | 347 | 1 | 1115 | 1460 |
| 939 | 0001062 | 938 | 402 | 7 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | V00599 | 97.2 | 394 | 1 | 1011 | 1441 |
| 940 | 0001063 | 939 | 396 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 941 | 0001064 | 940 | 394 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 942 | 0001065 | 941 | 393 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 943 | 0001066 | 942 | 393 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 944 | 0001067 | 943 | 392 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 945 | 0001068 | 944 | 391 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 946 | 0001069 | 945 | 390 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 947 | 0001070 | 946 | 389 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 948 | 0001071 | 947 | 390 | 2 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 949 | 0001072 | 948 | 543 | 5 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 950 | 0001073 | 949 | 387 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 951 | 0001074 | 950 | 387 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | X63071 | 97.3 | 377 | 1 | 4591 | 4972 |
| 952 | 0001075 | 951 | 386 | 9 | 0 | 0 | 4 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | | | | | | |
| 953 | 0001076 | 952 | 383 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 954 | 0001077 | 953 | 382 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | D13435 | 99 | 311 | 69 | 608 | 917 |
| 955 | 0001078 | 954 | 381 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 6 9】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|-----|---------|-----|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 956 | 0001079 | 955 | 380 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 957 | 0001080 | 956 | 380 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 958 | 0001081 | 957 | 398 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 959 | 0001082 | 958 | 379 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 960 | 0001083 | 959 | 376 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 961 | 0001084 | 960 | 375 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 962 | 0001085 | 961 | 374 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 963 | 0001086 | 962 | 376 | 7 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | |
| 964 | 0001087 | 963 | 371 | 13 | 0 | 0 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 965 | 0001088 | 964 | 368 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 966 | 0001089 | 965 | 367 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 967 | 0001090 | 966 | 366 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 968 | 0001091 | 967 | 364 | 5 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 969 | 0001092 | 968 | 364 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | D12902 | 93 | 343 | 16 | 1 | 1391 |
| 970 | 0001093 | 969 | 362 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 971 | 0001094 | 970 | 360 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 972 | 0001095 | 971 | 357 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 973 | 0001096 | 972 | 182 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | X66899 | 99.5 | 190 | 1 | 1981 | 2371 |
| 974 | 0001097 | 973 | 356 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 975 | 0001098 | 974 | 356 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X52195 | 98.4 | 64 | 1 | 477 | 540 |
| 976 | 0001099 | 975 | 356 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 977 | 0001100 | 976 | 356 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 978 | 0001101 | 977 | 356 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 70】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|----|
| 979 | 0001102 | 978 | 355 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 980 | 0001103 | 979 | 355 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 981 | 0001104 | 980 | 352 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M60091 | 98.6 | 351 | 1 | 945 | 1295 | |
| 982 | 0001105 | 981 | 358 | 8 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 3 | 0 | | | | | | |
| 983 | 0001106 | 982 | 354 | 12 | 0 | 0 | 4 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 1 | 0 | 0 | M19045 | 98.3 | 348 | 1 | 1138 | 1483 | |
| 984 | 0001107 | 983 | 351 | 11 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 1 | 1 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | M75883 | 97.7 | 347 | 1 | 2225 | 2570 | |
| 985 | 0001108 | 984 | 420 | 5 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 986 | 0001109 | 985 | 349 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 987 | 0001110 | 986 | 349 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 988 | 0001111 | 987 | 345 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 989 | 0001112 | 988 | 308 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | I20010 | 99.4 | 308 | 1 | 7851 | 8240 | |
| 990 | 0001115 | 989 | 357 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 991 | 0001116 | 990 | 340 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 992 | 0001117 | 991 | 340 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 993 | 0001118 | 992 | 339 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 994 | 0001119 | 993 | 339 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 995 | 0001120 | 994 | 339 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 996 | 0001122 | 995 | 337 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 997 | 0001123 | 996 | 337 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 998 | 0001126 | 997 | 334 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 999 | 0001127 | 998 | 333 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X70218 | 92.2 | 332 | 1 | 837 | 1382 | |
| 1000 | 0001128 | 999 | 329 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1001 | 0001129 | 1000 | 332 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 1002 | 0001130 | 1001 | 330 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1003 | 0001131 | 1002 | 330 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M50721 | 94.6 | 331 | 1 | 1900 | 2231 |
| 1004 | 0001132 | 1003 | 338 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 1005 | 0001133 | 1004 | 328 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1006 | 0001134 | 1005 | 326 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1007 | 0001135 | 1006 | 325 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1008 | 0001136 | 1007 | 322 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1009 | 0001137 | 1008 | 322 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1010 | 0001138 | 1009 | 353 | 6 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1011 | 0001139 | 1010 | 319 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1012 | 0001140 | 1011 | 318 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | L11066 | 95.8 | 310 | 1 | 2517 | 2845 |
| 1013 | 0001141 | 1012 | 316 | 9 | 0 | 0 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1014 | 0001142 | 1013 | 315 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1015 | 0001143 | 1014 | 315 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1016 | 0001144 | 1015 | 315 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1017 | 0001145 | 1016 | 347 | 7 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1018 | 0001147 | 1017 | 313 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1019 | 0001148 | 1018 | 311 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1020 | 0001149 | 1019 | 308 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1021 | 0001150 | 1020 | 308 | 5 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | M50613 | 93.5 | 308 | 1 | 3730 | 4053 |
| 1022 | 0001151 | 1021 | 307 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 1023 | 0001152 | 1022 | 306 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1024 | 0001153 | 1023 | 306 | 3 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図72】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 1025 | 0001154 | 1024 | 308 | 13 | 0 | 0 | 2 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 2 | 0 | 003191 | 96.7 | 301 | 1 | 496 | 793 |
| 1026 | 0001155 | 1025 | 304 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1027 | 0001156 | 1026 | 304 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1028 | 0001157 | 1027 | 169 | 7 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | | | | | | |
| 1029 | 0001158 | 1028 | 303 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1030 | 0001159 | 1029 | 303 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1031 | 0001160 | 1030 | 303 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1032 | 0001161 | 1031 | 303 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 1033 | 0001162 | 1032 | 302 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1034 | 0001163 | 1033 | 435 | 12 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 1 | 2 | | | | | | |
| 1035 | 0001164 | 1034 | 298 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 023197 | 99 | 297 | 1 | 1140 | 1437 |
| 1036 | 0001165 | 1035 | 328 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1037 | 0001166 | 1036 | 298 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1038 | 0001167 | 1037 | 297 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 1039 | 0001168 | 1038 | 297 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1040 | 0001169 | 1039 | 296 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1041 | 0001170 | 1040 | 294 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1042 | 0001171 | 1041 | 293 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1043 | 0001172 | 1042 | 293 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1044 | 0001173 | 1043 | 308 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1045 | 0001174 | 1044 | 292 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1046 | 0001175 | 1045 | 363 | 11 | 0 | 0 | 1 | 2 | 1 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 1047 | 0001176 | 1046 | 288 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 98】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 1623 | 0001827 | 1622 | 226 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1624 | 0001828 | 1623 | 224 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1625 | 0001829 | 1624 | 222 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1626 | 0001830 | 1625 | 222 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1627 | 0001831 | 1626 | 219 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 1628 | 0001832 | 1627 | 220 | 6 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | X51345 | 97 | 219 | 1 | 1580 | 1797 |
| 1629 | 0001833 | 1628 | 216 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X14813 | 93 | 213 | 1 | 1432 | 1642 |
| 1630 | 0001834 | 1629 | 214 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1631 | 0001835 | 1630 | 214 | 4 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1632 | 0001836 | 1631 | 211 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1633 | 0001837 | 1632 | 211 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1634 | 0001838 | 1633 | 212 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1635 | 0001839 | 1634 | 208 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1636 | 0001840 | 1635 | 210 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1637 | 0001841 | 1636 | 208 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1638 | 0001842 | 1637 | 203 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1639 | 0001843 | 1638 | 203 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1640 | 0001844 | 1639 | 201 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1641 | 0001845 | 1640 | 201 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1642 | 0001846 | 1641 | 217 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1643 | 0001847 | 1642 | 200 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1644 | 0001848 | 1643 | 200 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1645 | 0001849 | 1644 | 333 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 9 9】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 1646 | 0001850 | 1645 | 199 | 4 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1647 | 0001851 | 1646 | 196 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1648 | 0001852 | 1647 | 196 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1649 | 0001853 | 1648 | 195 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1650 | 0001854 | 1649 | 194 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1651 | 0001855 | 1650 | 268 | 7 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1652 | 0001856 | 1651 | 193 | 4 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | M33146 | 100 | 186 | 6 | 1612 | 1797 |
| 1653 | 0001857 | 1652 | 193 | 4 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1654 | 0001858 | 1653 | 193 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1655 | 0001859 | 1654 | 192 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1656 | 0001860 | 1655 | 188 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1657 | 0001861 | 1656 | 189 | 13 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 1 | 2 | 0 | 1 | 2 | 0 | 2 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1658 | 0001862 | 1657 | 183 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1659 | 0001863 | 1658 | 361 | 14 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 2 | 2 | 2 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 2 | 0 | | | | | | |
| 1660 | 0001864 | 1659 | 183 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1661 | 0001865 | 1660 | 178 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1662 | 0001866 | 1661 | 178 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1663 | 0001867 | 1662 | 189 | 4 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1664 | 0001868 | 1663 | 174 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1665 | 0001869 | 1664 | 173 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1666 | 0001870 | 1665 | 172 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1667 | 0001871 | 1666 | 171 | 5 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1668 | 0001872 | 1667 | 171 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M13932 | 94 | 167 | 1 | 136 | 477 |

【図100】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 1669 | 0001873 | 1668 | 171 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1670 | 0001874 | 1669 | 170 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1671 | 0001875 | 1670 | 167 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1672 | 0001876 | 1671 | 165 | 8 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 2 | 1 | 0 | M96982 | 93 | 163 | 1 | 745 | 904 |
| 1673 | 0001877 | 1672 | 165 | 5 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1674 | 0001878 | 1673 | 165 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1675 | 0001880 | 1674 | 161 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1676 | 0001881 | 1675 | 158 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1677 | 0001882 | 1676 | 158 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M15400 | 99 | 153 | 1 | 4588 | 4740 |
| 1678 | 0001883 | 1677 | 155 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1679 | 0001884 | 1678 | 155 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1680 | 0001885 | 1679 | 161 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1681 | 0001886 | 1680 | 153 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1682 | 0001887 | 1681 | 444 | 3 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1683 | 0001888 | 1682 | 151 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1684 | 0001889 | 1683 | 150 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1685 | 0001890 | 1684 | 148 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1686 | 0001891 | 1685 | 568 | 6 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1687 | 0001892 | 1686 | 146 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1688 | 0001893 | 1687 | 144 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1689 | 0001895 | 1688 | 151 | 6 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1690 | 0001896 | 1689 | 140 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1691 | 0001897 | 1690 | 139 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図101】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|----|---|---|--------|--------|-----|-----|------|------|------|
| 1692 | 0001898 | 1691 | 139 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1693 | 0001899 | 1692 | 143 | 13 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 3 | 1 | 0 | 0 | 1 | 3 | 0 | K00557 | 95 | 145 | 1 | 1104 | 1246 |
| 1694 | 0001900 | 1693 | 136 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1695 | 0001901 | 1694 | 136 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1696 | 0001902 | 1695 | 136 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | M98252 | 99 | 136 | 1 | 2804 | 2939 | |
| 1697 | 0001903 | 1696 | 135 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1698 | 0001904 | 1697 | 135 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1699 | 0001905 | 1698 | 136 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1700 | 0001906 | 1699 | 134 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1701 | 0001907 | 1700 | 134 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1702 | 0001908 | 1701 | 134 | 21 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 9 | 0 | 1 | 0 | L16510 | 99 | 126 | 1 | 1871 | 1996 |
| 1703 | 0001909 | 1702 | 140 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | X71129 | 100 | 140 | 1 | 699 | 852 |
| 1704 | 0001910 | 1703 | 133 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1705 | 0001911 | 1704 | 133 | 9 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 1706 | 0001912 | 1705 | 131 | 4 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | I09209 | 99 | 131 | 1 | 2598 | 3725 |
| 1707 | 0001913 | 1706 | 130 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1708 | 0001914 | 1707 | 130 | 3 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1709 | 0001915 | 1708 | 130 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1710 | 0001916 | 1709 | 129 | 3 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1711 | 0001917 | 1710 | 129 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1712 | 0001918 | 1711 | 128 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1713 | 0001919 | 1712 | 137 | 77 | 0 | 0 | 0 | 5 | 0 | 1 | 0 | 3 | 5 | 6 | 12 | 3 | 2 | 0 | 0 | 7 | 23 | 5 | 2 | 3 | | | | | | |
| 1714 | 0001920 | 1713 | 128 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|--|
| 1715 | 0001921 | 1714 | 127 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | -0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1716 | 0001922 | 1715 | 126 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1717 | 0001923 | 1716 | 240 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1718 | 0001924 | 1717 | 124 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 1719 | 0001925 | 1718 | 124 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1720 | 0001926 | 1719 | 146 | 16 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 1 | 2 | 1 | 0 | 0 | 2 | 3 | M29870 | 100 | 64 | 1 | 516 | 579 | |
| 1721 | 0001927 | 1720 | 120 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1722 | 0001928 | 1721 | 121 | 10 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 3 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1723 | 0001929 | 1722 | 125 | 14 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 1 | 3 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1724 | 0001930 | 1723 | 119 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1725 | 0001931 | 1724 | 85 | 4 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1726 | 0001932 | 1725 | 116 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1727 | 0001933 | 1726 | 278 | 8 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 1 | 0 | 0 | X60111 | 98 | 276 | 1 | 756 | 1120 | |
| 1728 | 0001934 | 1727 | 171 | 5 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1729 | 0001935 | 1728 | 115 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1730 | 0001936 | 1729 | 115 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M24283 | 94 | 114 | 1 | 2851 | 3003 | |
| 1731 | 0001937 | 1730 | 115 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1732 | 0001938 | 1731 | 114 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1733 | 0001939 | 1732 | 119 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 1734 | 0001940 | 1733 | 113 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1735 | 0001941 | 1734 | 113 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1736 | 0001943 | 1735 | 111 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1737 | 0001944 | 1736 | 113 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図103】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|----|-----|----|------|------|
| 1738 | 0001945 | 1737 | 109 | 5 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1739 | 0001946 | 1738 | 329 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 1740 | 0001947 | 1739 | 109 | 5 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1741 | 0001948 | 1740 | 215 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 1742 | 0001949 | 1741 | 107 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1743 | 0001950 | 1742 | 107 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1744 | 0001951 | 1743 | 106 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1745 | 0001952 | 1744 | 106 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1746 | 0001953 | 1745 | 117 | 13 | 0 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 3 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 1747 | 0001954 | 1746 | 106 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1748 | 0001955 | 1747 | 106 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1749 | 0001956 | 1748 | 105 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1750 | 0001957 | 1749 | 105 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1751 | 0001958 | 1750 | 107 | 5 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1752 | 0001959 | 1751 | 119 | 4 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1753 | 0001960 | 1752 | 114 | 5 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | M33519 | 98 | 100 | 1 | 3640 | 3740 |
| 1754 | 0001961 | 1753 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1755 | 0001962 | 1754 | 101 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1756 | 0001963 | 1755 | 100 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1757 | 0001964 | 1756 | 99 | 5 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1758 | 0001965 | 1757 | 97 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1759 | 0001966 | 1758 | 99 | 4 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1760 | 0001967 | 1759 | 95 | 12 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 1 | 0 | 0 | 2 | 1 | 2 | 0 | X14986 | 100 | 57 | 36 | 1 | 57 | |

【図104】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 1761 | 0001968 | 1760 | 94 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1762 | 0001969 | 1761 | 89 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1763 | 0001970 | 1762 | 89 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1764 | 0001972 | 1763 | 88 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1765 | 0001973 | 1764 | 87 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1766 | 0001974 | 1765 | 85 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1767 | 0001975 | 1766 | 88 | 6 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1768 | 0001976 | 1767 | 84 | 4 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1769 | 0001977 | 1768 | 82 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1770 | 0001978 | 1769 | 82 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1771 | 0001979 | 1770 | 81 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1772 | 0001981 | 1771 | 79 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1773 | 0001982 | 1772 | 79 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1774 | 0001983 | 1773 | 80 | 16 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 2 | 3 | 0 | 1 | 1 | 0 | 2 | 1 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 1775 | 0001984 | 1774 | 79 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1776 | 0001985 | 1775 | 78 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1777 | 0001986 | 1776 | 75 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1778 | 0001987 | 1777 | 75 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1779 | 0001988 | 1778 | 78 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1780 | 0001989 | 1779 | 74 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1781 | 0001990 | 1780 | 72 | 4 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1782 | 0001991 | 1781 | 69 | 5 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1783 | 0001992 | 1782 | 68 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図105】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|---------|-----|-----|------|------|------|--|
| 1784 | 0001994 | 1783 | 66 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1785 | 0001995 | 1784 | 66 | 10 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | XL3710 | 97 | 63 | 1 | 1039 | 1100 | |
| 1786 | 0001996 | 1785 | 65 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1787 | 0001997 | 1786 | 65 | 6 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | XL3973 | 100 | 62 | 1 | 1860 | 1921 | | |
| 1788 | 0001998 | 1787 | 65 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1789 | 0001999 | 1788 | 65 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1790 | 0002000 | 1789 | 62 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1791 | 0002001 | 1790 | 313 | 4 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1792 | 0002002 | 1791 | 60 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1793 | 0002003 | 1792 | 59 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1794 | 0002005 | 1793 | 58 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1795 | 0002006 | 1794 | 57 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | ML6750 | 97 | 57 | 1 | 2239 | 2297 | | |
| 1796 | 0002007 | 1795 | 59 | 12 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 4 | 0 | 0 | 1 | ML69023 | 100 | 56 | 1 | 1064 | 1119 | |
| 1797 | 0002010 | 1796 | 52 | 4 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1798 | 0002011 | 1797 | 51 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1799 | 0002012 | 1798 | 54 | 11 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | | | | | | | |
| 1800 | 0002013 | 1799 | 53 | 9 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 2 | 0 | | | | | | | |
| 1801 | 0002025 | 1800 | 58 | 7 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 1802 | 0002039 | 1801 | 557 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1803 | 0002040 | 1802 | 518 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1804 | 0002041 | 1803 | 513 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | ML29038 | 91 | 505 | 1 | 3509 | 4153 | |
| 1805 | 0002042 | 1804 | 499 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 1806 | 0002043 | 1805 | 483 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | ML2215 | 95 | 477 | 1 | 1435 | 2099 | |

【図106】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 1807 | 0002044 | 1806 | 481 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1808 | 0002045 | 1807 | 462 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1809 | 0002046 | 1808 | 448 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1810 | 0002047 | 1809 | 448 | 13 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 7 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X14174 | 99 | 140 | # | 7 | 2339 |
| 1811 | 0002048 | 1810 | 432 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1812 | 0002049 | 1811 | 430 | 19 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 10 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 4 | 0 | K01228 | 92 | 432 | 1 | 2919 | 3347 |
| 1813 | 0002050 | 1812 | 428 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1814 | 0002051 | 1813 | 401 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1815 | 0002052 | 1814 | 396 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1816 | 0002053 | 1815 | 392 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1817 | 0002054 | 1816 | 389 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1818 | 0002055 | 1817 | 388 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1819 | 0002056 | 1818 | 379 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1820 | 0002057 | 1819 | 379 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 1821 | 0002058 | 1820 | 358 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1822 | 0002059 | 1821 | 358 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | X67698 | 97 | 346 | 1 | 448 | 808 |
| 1823 | 0002060 | 1822 | 344 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M3159 | 98 | 341 | 1 | 2135 | 2474 |
| 1824 | 0002062 | 1823 | 338 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1825 | 0002063 | 1824 | 336 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1826 | 0002064 | 1825 | 335 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1827 | 0002065 | 1826 | 335 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X64877 | 100 | 335 | 1 | 690 | 1040 |
| 1828 | 0002066 | 1827 | 334 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1829 | 0002067 | 1828 | 328 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図107】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|----|----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 1830 | 0002068 | 1829 | 328 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1831 | 0002069 | 1830 | 328 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 1832 | 0002070 | 1831 | 319 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1833 | 0002071 | 1832 | 315 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1834 | 0002072 | 1833 | 315 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1835 | 0002073 | 1834 | 332 | 13 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 3 | 0 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 1836 | 0002074 | 1835 | 311 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1837 | 0002075 | 1836 | 309 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 3 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X07173 | 96 | 308 | 1 | 2782 | 3089 |
| 1838 | 0002076 | 1837 | 301 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 1839 | 0002077 | 1838 | 302 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1840 | 0002078 | 1839 | 293 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1841 | 0002079 | 1840 | 291 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M64925 | 96 | 281 | 1 | 1708 | 1989 |
| 1842 | 0002080 | 1841 | 288 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 1843 | 0002081 | 1842 | 288 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1844 | 0002082 | 1843 | 285 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | M25113 | 98 | 279 | 1 | 298 | 576 |
| 1845 | 0002084 | 1844 | 282 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1846 | 0002085 | 1845 | 279 | 82 | 0 | 0 | 0 | 0 | 16 | 26 | 40 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X00637 | 98 | 274 | 1 | 956 | 1230 |
| 1847 | 0002086 | 1846 | 275 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1848 | 0002087 | 1847 | 269 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1849 | 0002088 | 1848 | 268 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1850 | 0002089 | 1849 | 265 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1851 | 0002090 | 1850 | 261 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1852 | 0002091 | 1851 | 263 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M44036 | 98 | 210 | 1 | 878 | 1088 |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|----|---|----|----|---|---|---|---|---|---|---|----|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 1853 | 0002092 | 1852 | 264 | 10 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X00129 | 98 | 254 | 1 | 629 | 882 |
| 1854 | 0002093 | 1853 | 244 | 11 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 3 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X02747 | 100 | 241 | 1 | 1412 | 1652 |
| 1855 | 0002094 | 1854 | 243 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1856 | 0002095 | 1855 | 240 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | S46963 | 100 | 240 | 1 | 1564 | 1814 |
| 1857 | 0002096 | 1856 | 239 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X17544 | 99 | 237 | 1 | 1308 | 1545 |
| 1858 | 0002097 | 1857 | 231 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X04481 | 100 | 229 | 1 | 2381 | 2609 |
| 1859 | 0002098 | 1858 | 231 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1860 | 0002099 | 1859 | 228 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1861 | 0002100 | 1860 | 236 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1862 | 0002101 | 1861 | 227 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1863 | 0002102 | 1862 | 229 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1864 | 0002103 | 1863 | 224 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1865 | 0002104 | 1864 | 223 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M25897 | 98 | 223 | 1 | 187 | 439 |
| 1866 | 0002105 | 1865 | 227 | # | 0 | 0 | 0 | 0 | 6 | 4 | 3 | 10 | 0 | 36 | 22 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 2 | 22 | 1 | X02761 | 99 | 219 | 1 | 7462 | 7680 |
| 1867 | 0002106 | 1866 | 219 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1868 | 0002107 | 1867 | 219 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1869 | 0002108 | 1868 | 219 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M28880 | 97 | 215 | 1 | 5979 | 6192 |
| 1870 | 0002110 | 1869 | 217 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1871 | 0002111 | 1870 | 216 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 1872 | 0002112 | 1871 | 213 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1873 | 0002113 | 1872 | 210 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1874 | 0002115 | 1873 | 208 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1875 | 0002116 | 1874 | 208 | 12 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 2 | 5 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | M12272 | 100 | 208 | 1 | 1262 | 1486 |

【図109】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|-----|-----|------|------|------|
| 1876 | 0002117 | 1875 | 201 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | ML4057 | 99 | 70 | 1 | 1884 | 2171 | |
| 1877 | 0002118 | 1876 | 200 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | JD0127 | 97 | 188 | 11 | 1989 | 2182 | |
| 1878 | 0002119 | 1877 | 198 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 1879 | 0002120 | 1878 | 200 | 19 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 12 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 1880 | 0002121 | 1879 | 194 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | JD2770 | 95 | 191 | 1 | 1773 | 1963 |
| 1881 | 0002122 | 1880 | 190 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1882 | 0002123 | 1881 | 188 | 21 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 12 | 4 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1883 | 0002124 | 1882 | 184 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1884 | 0002126 | 1883 | 181 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 6 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1885 | 0002127 | 1884 | 181 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1886 | 0002128 | 1885 | 179 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1887 | 0002129 | 1886 | 178 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | ML1723 | 99 | 175 | 1 | 1785 | 1959 |
| 1888 | 0002130 | 1887 | 175 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1889 | 0002131 | 1888 | 172 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | JD3810 | 100 | 169 | 1 | 3000 | 3168 | |
| 1890 | 0002132 | 1889 | 170 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1891 | 0002133 | 1890 | 168 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1892 | 0002134 | 1891 | 168 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1893 | 0002135 | 1892 | 167 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1894 | 0002136 | 1893 | 165 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1895 | 0002137 | 1894 | 165 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 1896 | 0002138 | 1895 | 163 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 1897 | 0002139 | 1896 | 159 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1898 | 0002140 | 1897 | 154 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図110】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|----|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 1899 | 0002141 | 1898 | 151 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M12654 | 100 | 148 | 1 | 1506 | 1653 |
| 1900 | 0002142 | 1899 | 150 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1901 | 0002143 | 1900 | 149 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1902 | 0002144 | 1901 | 148 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | Z15108 | 96 | 140 | 1 | 1998 | 2146 |
| 1903 | 0002145 | 1902 | 147 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1904 | 0002146 | 1903 | 146 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1905 | 0002147 | 1904 | 144 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | J05016 | 100 | 134 | 1 | 2732 | 2865 |
| 1906 | 0002148 | 1905 | 141 | 21 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 6 | 6 | 4 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | M36501 | 100 | 127 | 1 | 1915 | 2041 |
| 1907 | 0002149 | 1906 | 142 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1908 | 0002150 | 1907 | 133 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1909 | 0002151 | 1908 | 130 | 14 | 0 | 0 | 0 | 0 | 9 | 3 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1910 | 0002152 | 1909 | 247 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 4 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | K02403 | 96 | 245 | 1 | 5155 | 5406 |
| 1911 | 0002153 | 1910 | 132 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1912 | 0002154 | 1911 | 128 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1913 | 0002155 | 1912 | 127 | 24 | 0 | 0 | 0 | 0 | 7 | 3 | 11 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M12530 | 98 | 124 | 1 | 2175 | 2298 |
| 1914 | 0002156 | 1913 | 128 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | M86511 | 99 | 124 | 1 | 1204 | 1327 |
| 1915 | 0002157 | 1914 | 126 | 34 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 12 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 0 | 0 | 14 | 0 | M14083 | 100 | 89 | 1 | 2849 | 2937 |
| 1916 | 0002158 | 1915 | 122 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1917 | 0002159 | 1916 | 121 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1918 | 0002160 | 1917 | 119 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1919 | 0002161 | 1918 | 120 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | M91029 | 97 | 110 | 1 | 3250 | 3359 |
| 1920 | 0002162 | 1919 | 116 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1921 | 0002163 | 1920 | 116 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | |

【図111】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|-----|-----|------|------|
| 1922 | 0002164 | 1921 | 120 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1923 | 0002165 | 1922 | 115 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1924 | 0002166 | 1923 | 112 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1925 | 0002167 | 1924 | 112 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X02761 | 99 | 101 | 6 | 7470 |
| 1926 | 0002168 | 1925 | 112 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1927 | 0002169 | 1926 | 112 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1928 | 0002170 | 1927 | 112 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1929 | 0002171 | 1928 | 160 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 1930 | 0002172 | 1929 | 110 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1931 | 0002173 | 1930 | 275 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1932 | 0002174 | 1931 | 108 | 25 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 1 | 20 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M13692 | 100 | 101 | 1 | 637 |
| 1933 | 0002175 | 1932 | 108 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1934 | 0002176 | 1933 | 272 | 13 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 1 | 9 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M29844 | 97 | 96 | 1 | 325 |
| 1935 | 0002177 | 1934 | 109 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1936 | 0002178 | 1935 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1937 | 0002179 | 1936 | 104 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1938 | 0002180 | 1937 | 103 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1939 | 0002181 | 1938 | 106 | 12 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 1 | 1 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 3 | 0 | | | | | | |
| 1940 | 0002182 | 1939 | 272 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1941 | 0002183 | 1940 | 101 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1942 | 0002184 | 1941 | 99 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1943 | 0002185 | 1942 | 99 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1944 | 0002186 | 1943 | 99 | 21 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 2 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 2 | 0 | 1 | 8 | X14723 | 96 | 99 | 1 | 1551 | 1676 |

【図 1 1 2】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|----|----|---|---|---|---|----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|----|----|------|------|
| 1945 | 0002187 | 1944 | 90 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1946 | 0002188 | 1945 | 90 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1947 | 0002189 | 1946 | 91 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 1948 | 0002191 | 1947 | 86 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X04608 | 99 | 83 | 1 | 842 | 923 |
| 1949 | 0002192 | 1948 | 86 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1950 | 0002193 | 1949 | 91 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1951 | 0002194 | 1950 | 84 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M86752 | 97 | 73 | 11 | 2040 | 2113 |
| 1952 | 0002195 | 1951 | 79 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1953 | 0002196 | 1952 | 78 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1954 | 0002197 | 1953 | 77 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1955 | 0002198 | 1954 | 76 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1956 | 0002199 | 1955 | 76 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | I00972 | 99 | 76 | 1 | 2595 | 2718 |
| 1957 | 0002200 | 1956 | 75 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1958 | 0002202 | 1957 | 74 | 32 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 12 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M64983 | 100 | 60 | 1 | 8480 | 8878 |
| 1959 | 0002203 | 1958 | 73 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1960 | 0002204 | 1959 | 73 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1961 | 0002205 | 1960 | 72 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1962 | 0002206 | 1961 | 66 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1963 | 0002207 | 1962 | 65 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1964 | 0002208 | 1963 | 62 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1965 | 0002209 | 1964 | 62 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1966 | 0002210 | 1965 | 61 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 1967 | 0002211 | 1966 | 59 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 1 1 3】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|--|
| 1968 | 0002212 | 1967 | 59 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M35433 | 98 | 57 | 1 | 143 | 282 | |
| 1969 | 0002213 | 1968 | 57 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1970 | 0002214 | 1969 | 56 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1971 | 0002215 | 1970 | 111 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1972 | 0002216 | 1971 | 167 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1973 | 0002237 | 1972 | 516 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | D90282 | 93 | 101 | 1 | 5116 | 5215 | |
| 1974 | 0002238 | 1973 | 483 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1975 | 0002239 | 1974 | 452 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | M24095 | 97 | 454 | 1 | 885 | 1443 | |
| 1976 | 0002240 | 1975 | 339 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 1977 | 0002241 | 1976 | 424 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1978 | 0002242 | 1977 | 418 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X60364 | 98 | 416 | 1 | 1523 | 1941 | |
| 1979 | 0002243 | 1978 | 413 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1980 | 0002244 | 1979 | 412 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M86609 | 93 | 399 | 1 | 665 | 1207 | |
| 1981 | 0002245 | 1980 | 406 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1982 | 0002246 | 1981 | 401 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1983 | 0002247 | 1982 | 384 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M14091 | 94 | 380 | 1 | 1496 | 1872 | |
| 1984 | 0002248 | 1983 | 383 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1985 | 0002249 | 1984 | 375 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X67055 | 93 | 374 | 1 | 2279 | 2807 | |
| 1986 | 0002250 | 1985 | 370 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 1987 | 0002251 | 1986 | 368 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X01396 | 92 | 370 | 1 | 983 | 1352 | |
| 1988 | 0002252 | 1987 | 367 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1989 | 0002254 | 1988 | 353 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X00484 | 92 | 275 | 1 | 48 | 333 | |
| 1990 | 0002255 | 1989 | 351 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|-----|-----|-----|------|------|
| 1991 | 0002256 | 1990 | 342 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | M76766 | 99 | 339 | 1 | 930 | 1268 |
| 1992 | 0002257 | 1991 | 340 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X04225 | 98 | 210 | 1 | 306 | 1239 | |
| 1993 | 0002258 | 1992 | 339 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1994 | 0002259 | 1993 | 344 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X03001 | 94 | 332 | 1 | 1273 | 1603 |
| 1995 | 0002260 | 1994 | 332 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1996 | 0002261 | 1995 | 331 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 1997 | 0002262 | 1996 | 326 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M28614 | 100 | 262 | 64 | 83 | 519 |
| 1998 | 0002263 | 1997 | 321 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 1999 | 0002264 | 1998 | 321 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2000 | 0002266 | 1999 | 315 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2001 | 0002268 | 2000 | 312 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2002 | 0002269 | 2001 | 310 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | M19922 | 99 | 233 | 1 | 1149 | 1382 |
| 2003 | 0002270 | 2002 | 305 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2004 | 0002271 | 2003 | 301 | 9 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | M77025 | 96 | 303 | 1 | 1100 | 1415 |
| 2005 | 0002272 | 2004 | 311 | 9 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | X00457 | 93 | 308 | 1 | 752 | 1048 |
| 2006 | 0002274 | 2005 | 297 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | S46622 | 97 | 297 | 1 | 1821 | 2134 |
| 2007 | 0002275 | 2006 | 293 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2008 | 0002276 | 2007 | 290 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M63175 | 97 | 192 | 1 | 655 | 1810 |
| 2009 | 0002277 | 2008 | 289 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2010 | 0002278 | 2009 | 279 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2011 | 0002279 | 2010 | 274 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | J00127 | 94 | 188 | 83 | 1988 | 2182 |
| 2012 | 0002280 | 2011 | 280 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2013 | 0002281 | 2012 | 271 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 114】

【図 115】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 2014 | 0002282 | 2013 | 270 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2015 | 0002283 | 2014 | 265 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X58529 | 95 | 264 | 1 | 2068 | 2325 |
| 2016 | 0002285 | 2015 | 359 | 9 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 4 | 0 | J03464 | 96 | 358 | 1 | 4976 | 5416 |
| 2017 | 0002287 | 2016 | 242 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X53414 | 100 | 240 | 1 | 1360 | 1600 |
| 2018 | 0002288 | 2017 | 239 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2019 | 0002289 | 2018 | 238 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2020 | 0002290 | 2019 | 236 | 16 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 16 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | ML5386 | 94 | 230 | 1 | 315 | 545 |
| 2021 | 0002291 | 2020 | 235 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 574678 | 98 | 80 | 1 | 1406 | 2302 |
| 2022 | 0002292 | 2021 | 233 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | ML5386 | 93 | 231 | 1 | 315 | 545 |
| 2023 | 0002293 | 2022 | 229 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2024 | 0002294 | 2023 | 223 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2025 | 0002295 | 2024 | 221 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | ML7886 | 99 | 210 | 10 | 303 | 512 |
| 2026 | 0002296 | 2025 | 219 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2027 | 0002297 | 2026 | 216 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2028 | 0002298 | 2027 | 210 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2029 | 0002299 | 2028 | 219 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2030 | 0002300 | 2029 | 208 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2031 | 0002301 | 2030 | 202 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | S99471 | 97 | 137 | 1 | 929 | 1065 |
| 2032 | 0002302 | 2031 | 224 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 2033 | 0002303 | 2032 | 195 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2034 | 0002304 | 2033 | 193 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2035 | 0002305 | 2034 | 192 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2036 | 0002306 | 2035 | 191 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図116】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|-----|-----|------|------|
| 2037 | 0002307 | 2036 | 186 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2038 | 0002308 | 2037 | 379 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2039 | 0002309 | 2038 | 395 | 12 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 2 | 1 | 2 | 4 | 0 | X15183 | 96 | 174 | 1 | 2742 | 2912 |
| 2040 | 0002310 | 2039 | 188 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2041 | 0002311 | 2040 | 178 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2042 | 0002312 | 2041 | 176 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2043 | 0002313 | 2042 | 174 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | X61971 | 100 | 174 | 1 | 444 |
| 2044 | 0002314 | 2043 | 172 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2045 | 0002315 | 2044 | 170 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2046 | 0002316 | 2045 | 167 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | M38188 | 100 | 164 | 1 | 728 | 891 |
| 2047 | 0002317 | 2046 | 155 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2048 | 0002318 | 2047 | 151 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2049 | 0002319 | 2048 | 148 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2050 | 0002321 | 2049 | 143 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | M15796 | 99 | 137 | 1 | 1095 | 1231 |
| 2051 | 0002322 | 2050 | 142 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M13656 | 96 | 129 | 10 | 1673 | 1801 |
| 2052 | 0002323 | 2051 | 156 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2053 | 0002324 | 2052 | 138 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2054 | 0002325 | 2053 | 137 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2055 | 0002326 | 2054 | 134 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2056 | 0002327 | 2055 | 133 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2057 | 0002328 | 2056 | 132 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2058 | 0002329 | 2057 | 130 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 2059 | 0002330 | 2058 | 130 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 1 1 7】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|-----|-----|------|------|------|
| 2060 | 0002331 | 2059 | 130 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2061 | 0002332 | 2060 | 129 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2062 | 0002333 | 2061 | 129 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2063 | 0002334 | 2062 | 148 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | | | |
| 2064 | 0002336 | 2063 | 132 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2065 | 0002337 | 2064 | 126 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2066 | 0002338 | 2065 | 126 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2067 | 0002339 | 2066 | 125 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2068 | 0002340 | 2067 | 124 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | J02943 | 98 | 121 | 1 | 1302 | 1422 |
| 2069 | 0002341 | 2068 | 123 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | S50157 | 96 | 120 | 1 | 1017 | 1134 | |
| 2070 | 0002342 | 2069 | 120 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2071 | 0002343 | 2070 | 119 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X56352 | 94 | 118 | 1 | 861 | 1882 | |
| 2072 | 0002345 | 2071 | 127 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | M24398 | 96 | 122 | 1 | 991 | 1109 | |
| 2073 | 0002346 | 2072 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2074 | 0002347 | 2073 | 115 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | | |
| 2075 | 0002348 | 2074 | 114 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2076 | 0002349 | 2075 | 114 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2077 | 0002350 | 2076 | 113 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2078 | 0002351 | 2077 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X05607 | 91 | 108 | 1 | 452 | 771 | |
| 2079 | 0002352 | 2078 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X04393 | 93 | 107 | 1 | 1445 | 1752 | |
| 2080 | 0002353 | 2079 | 108 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2081 | 0002354 | 2080 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2082 | 0002355 | 2081 | 294 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|----|----|------|------|
| 2083 | 0002356 | 2082 | 101 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2084 | 0002357 | 2083 | 102 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2085 | 0002358 | 2084 | 95 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X69078 | 98 | 95 | 1 | 3127 | 3228 |
| 2086 | 0002359 | 2085 | 90 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2087 | 0002360 | 2086 | 90 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2088 | 0002361 | 2087 | 87 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2089 | 0002362 | 2088 | 88 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2090 | 0002363 | 2089 | 85 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2091 | 0002364 | 2090 | 82 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2092 | 0002365 | 2091 | 80 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2093 | 0002366 | 2092 | 80 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2094 | 0002367 | 2093 | 80 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2095 | 0002368 | 2094 | 76 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2096 | 0002369 | 2095 | 70 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X00317 | 99 | 67 | 1 | 2027 | 2093 |
| 2097 | 0002370 | 2096 | 64 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2098 | 0002371 | 2097 | 64 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2099 | 0002372 | 2098 | 61 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2100 | 0002373 | 2099 | 60 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2101 | 0002374 | 2100 | 66 | 11 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 5 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2102 | 0002375 | 2101 | 59 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2103 | 0002376 | 2102 | 73 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2104 | 0002377 | 2103 | 56 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X64594 | 100 | 56 | 1 | 1839 | 1927 |
| 2105 | 0002378 | 2104 | 55 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |

【図 1 1 9】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|--|
| 2106 | 0002379 | 2105 | 54 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2107 | 0002380 | 2106 | 52 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2108 | 0002382 | 2107 | 263 | 9 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2109 | 0002399 | 2108 | 451 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2110 | 0002400 | 2109 | 441 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2111 | 0002401 | 2110 | 440 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2112 | 0002402 | 2111 | 411 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 2113 | 0002403 | 2112 | 408 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X03557 | 100 | 273 | 1 | 1370 | 1642 | |
| 2114 | 0002404 | 2113 | 397 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2115 | 0002406 | 2114 | 219 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2116 | 0002408 | 2115 | 380 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2117 | 0002409 | 2116 | 323 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | J05037 | 95 | 305 | 1 | 1093 | 1393 | |
| 2118 | 0002410 | 2117 | 375 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | K01396 | 95 | 371 | 1 | 983 | 1352 | |
| 2119 | 0002411 | 2118 | 374 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M62401 | 97 | 378 | 1 | 1500 | 1880 | |
| 2120 | 0002412 | 2119 | 369 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2121 | 0002413 | 2120 | 368 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2122 | 0002414 | 2121 | 368 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2123 | 0002415 | 2122 | 368 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M65131 | 98 | 340 | 1 | 1994 | 2798 | |
| 2124 | 0002416 | 2123 | 365 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2125 | 0002417 | 2124 | 363 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | K01396 | 97 | 347 | 1 | 559 | 1352 | |
| 2126 | 0002418 | 2125 | 362 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X00442 | 98 | 211 | # | 1199 | 1412 | |
| 2127 | 0002419 | 2126 | 362 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2128 | 0002420 | 2127 | 355 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 2129 | 0002421 | 2128 | 350 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2130 | 0002422 | 2129 | 344 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2131 | 0002423 | 2130 | 339 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2132 | 0002424 | 2131 | 334 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2133 | 0002425 | 2132 | 330 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | S49975 | 99 | 178 | 1 | 410 | 790 |
| 2134 | 0002426 | 2133 | 327 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2135 | 0002427 | 2134 | 324 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2136 | 0002428 | 2135 | 355 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2137 | 0002429 | 2136 | 324 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2138 | 0002430 | 2137 | 324 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2139 | 0002431 | 2138 | 321 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2140 | 0002432 | 2139 | 319 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M81182 | 98 | 319 | 1 | 3042 | 3397 |
| 2141 | 0002433 | 2140 | 315 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2142 | 0002434 | 2141 | 311 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | K01500 | 96 | 309 | 1 | 1214 | 1520 |
| 2143 | 0002435 | 2142 | 309 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | K00485 | 93 | 214 | 12 | 107 | 323 |
| 2144 | 0002436 | 2143 | 307 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2145 | 0002437 | 2144 | 306 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2146 | 0002438 | 2145 | 306 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2147 | 0002439 | 2146 | 305 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2148 | 0002441 | 2147 | 250 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2149 | 0002442 | 2148 | 301 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | J04794 | 98 | 300 | 1 | 834 | 1132 |
| 2150 | 0002443 | 2149 | 302 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2151 | 0002444 | 2150 | 297 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | L19297 | 100 | 294 | 1 | 790 | 1083 |

【図 121】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---------|----|-----|----|------|------|
| 2152 | 0002445 | 2151 | 295 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2153 | 0002446 | 2152 | 294 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2154 | 0002447 | 2153 | 292 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2155 | 0002448 | 2154 | 280 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2156 | 0002449 | 2155 | 280 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2157 | 0002450 | 2156 | 278 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2158 | 0002452 | 2157 | 277 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2159 | 0002453 | 2158 | 275 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2160 | 0002454 | 2159 | 274 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2161 | 0002455 | 2160 | 266 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2162 | 0002456 | 2161 | 306 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2163 | 0002457 | 2162 | 264 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2164 | 0002458 | 2163 | 259 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2165 | 0002459 | 2164 | 255 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2166 | 0002461 | 2165 | 248 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0M5943 | 98 | 236 | 1 | 1746 | 1981 |
| 2167 | 0002462 | 2166 | 245 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2168 | 0002463 | 2167 | 244 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0L1245 | 99 | 245 | 1 | 857 | 1101 |
| 2169 | 0002464 | 2168 | 237 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2170 | 0002465 | 2169 | 234 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0M18930 | 99 | 231 | 1 | 1553 | 1783 |
| 2171 | 0002466 | 2170 | 233 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2172 | 0002467 | 2171 | 229 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2173 | 0002468 | 2172 | 227 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2174 | 0002469 | 2173 | 226 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図122】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---------|-----|-----|----|------|------|---|
| 2175 | 0002470 | 2174 | 226 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2176 | 0002471 | 2175 | 224 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | IL1708 | 99 | 219 | 1 | 1124 | 1344 | |
| 2177 | 0002472 | 2176 | 221 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2178 | 0002473 | 2177 | 210 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2179 | 0002474 | 2178 | 209 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2180 | 0002475 | 2179 | 203 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2181 | 0002476 | 2180 | 200 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2182 | 0002477 | 2181 | 200 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2183 | 0002478 | 2182 | 197 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2184 | 0002479 | 2183 | 201 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 2185 | 0002480 | 2184 | 196 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X01630 | 100 | 196 | 1 | 1355 | 1560 | |
| 2186 | 0002481 | 2185 | 195 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2187 | 0002482 | 2186 | 194 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2188 | 0002483 | 2187 | 192 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 2189 | 0002484 | 2188 | 192 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2190 | 0002486 | 2189 | 187 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | IL13176 | 91 | 173 | 15 | 5142 | 5417 | |
| 2191 | 0002487 | 2190 | 187 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2192 | 0002488 | 2191 | 186 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2193 | 0002489 | 2192 | 179 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 2194 | 0002490 | 2193 | 179 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 2195 | 0002491 | 2194 | 177 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2196 | 0002493 | 2195 | 176 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2197 | 0002494 | 2196 | 175 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 1 2 3】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|-------|-------|
| 2198 | 0002495 | 2197 | 166 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2199 | 0002496 | 2198 | 164 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 2200 | 0002497 | 2199 | 164 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2201 | 0002498 | 2200 | 163 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2202 | 0002499 | 2201 | 162 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2203 | 0002500 | 2202 | 154 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2204 | 0002501 | 2203 | 154 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2205 | 0002502 | 2204 | 153 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2206 | 0002503 | 2205 | 151 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2207 | 0002504 | 2206 | 345 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 2208 | 0002505 | 2207 | 147 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | X04701 | 97 | 147 | 1 | 2139 | 2386 |
| 2209 | 0002506 | 2208 | 145 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2210 | 0002507 | 2209 | 144 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2211 | 0002508 | 2210 | 143 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2212 | 0002509 | 2211 | 141 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2213 | 0002510 | 2212 | 137 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2214 | 0002511 | 2213 | 135 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2215 | 0002512 | 2214 | 135 | 13 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 8 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | M85289 | 99 | 132 | 1 | 14196 | 14327 |
| 2216 | 0002513 | 2215 | 133 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2217 | 0002514 | 2216 | 138 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 2218 | 0002515 | 2217 | 130 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2219 | 0002516 | 2218 | 176 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 2220 | 0002517 | 2219 | 130 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | J03746 | 97 | 127 | 1 | 784 | 909 |

【図125】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|-----|----|------|------|-----|
| 2244 | 0002546 | 2243 | 102 | 19 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 18 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2245 | 0002547 | 2244 | 93 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2246 | 0002548 | 2245 | 92 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2247 | 0002549 | 2246 | 91 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2248 | 0002551 | 2247 | 89 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 2249 | 0002552 | 2248 | 88 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2250 | 0002553 | 2249 | 88 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2251 | 0002554 | 2250 | 88 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2252 | 0002555 | 2251 | 96 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X51442 | 100 | 86 | 1 | 182 | 269 |
| 2253 | 0002556 | 2252 | 86 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2254 | 0002557 | 2253 | 90 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 2255 | 0002559 | 2254 | 85 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X02750 | 98 | 85 | 1 | 1696 | 1843 | |
| 2256 | 0002560 | 2255 | 84 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2257 | 0002562 | 2256 | 80 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2258 | 0002563 | 2257 | 79 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2259 | 0002564 | 2258 | 78 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2260 | 0002565 | 2259 | 76 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2261 | 0002567 | 2260 | 74 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X06465 | 94 | 64 | 1 | 795 | 857 | |
| 2262 | 0002568 | 2261 | 73 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2263 | 0002569 | 2262 | 73 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2264 | 0002570 | 2263 | 72 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 2265 | 0002571 | 2264 | 74 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2266 | 0002572 | 2265 | 71 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |

【図 1 2 6】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 2267 | 0002573 | 2266 | 71 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2268 | 0002574 | 2267 | 71 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2269 | 0002575 | 2268 | 69 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2270 | 0002576 | 2269 | 69 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2271 | 0002577 | 2270 | 69 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2272 | 0002578 | 2271 | 68 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2273 | 0002580 | 2272 | 63 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2274 | 0002581 | 2273 | 63 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2275 | 0002582 | 2274 | 85 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2276 | 0002583 | 2275 | 60 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2277 | 0002585 | 2276 | 67 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2278 | 0002586 | 2277 | 58 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2279 | 0002588 | 2278 | 55 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2280 | 0002589 | 2279 | 53 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2281 | 0002590 | 2280 | 53 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2282 | 0002591 | 2281 | 52 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2283 | 0002592 | 2282 | 50 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2284 | 0002593 | 2283 | 50 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2285 | 0002612 | 2284 | 290 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2286 | 0002627 | 2285 | 556 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2287 | 0002628 | 2286 | 527 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2288 | 0002629 | 2287 | 458 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2289 | 0002630 | 2288 | 452 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 1 2 7】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|--|
| 2290 | 0002631 | 2289 | 451 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2291 | 0002632 | 2290 | 446 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M31899 | 96.4 | 446 | 1 | 2302 | 2751 | |
| 2292 | 0002633 | 2291 | 424 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2293 | 0002634 | 2292 | 414 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2294 | 0002635 | 2293 | 281 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2295 | 0002637 | 2294 | 400 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2296 | 0002638 | 2295 | 400 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2297 | 0002639 | 2296 | 386 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2298 | 0002640 | 2297 | 384 | 9 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | | | | | | |
| 2299 | 0002641 | 2298 | 383 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2300 | 0002642 | 2299 | 424 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2301 | 0002643 | 2300 | 378 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2302 | 0002644 | 2301 | 370 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2303 | 0002645 | 2302 | 370 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2304 | 0002646 | 2303 | 367 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2305 | 0002648 | 2304 | 359 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2306 | 0002650 | 2305 | 357 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2307 | 0002651 | 2306 | 355 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2308 | 0002652 | 2307 | 354 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2309 | 0002653 | 2308 | 352 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2310 | 0002654 | 2309 | 351 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2311 | 0002656 | 2310 | 357 | 15 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 1 | 2 | 2 | 0 | 2 | 3 | 2 | 0 | 0 | 0 | X00497 | 92.3 | 351 | 1 | 962 | 1304 | |
| 2312 | 0002657 | 2311 | 344 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 2313 | 0002658 | 2312 | 462 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2314 | 0002659 | 2313 | 341 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2315 | 0002660 | 2314 | 338 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2316 | 0002661 | 2315 | 441 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2317 | 0002662 | 2316 | 336 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2318 | 0002663 | 2317 | 363 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | M14219 | 91.5 | 319 | 1 | 1004 | 1778 |
| 2319 | 0002664 | 2318 | 232 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | Z15008 | 97.9 | 233 | 1 | 4204 | 5200 |
| 2320 | 0002665 | 2319 | 330 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2321 | 0002666 | 2320 | 328 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2322 | 0002667 | 2321 | 327 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2323 | 0002668 | 2322 | 326 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2324 | 0002669 | 2323 | 322 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2325 | 0002670 | 2324 | 321 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2326 | 0002672 | 2325 | 319 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2327 | 0002673 | 2326 | 326 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2328 | 0002675 | 2327 | 313 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2329 | 0002676 | 2328 | 364 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2330 | 0002677 | 2329 | 308 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2331 | 0002678 | 2330 | 306 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2332 | 0002679 | 2331 | 305 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2333 | 0002680 | 2332 | 303 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M18737 | 99 | 303 | 1 | 541 | 849 |
| 2334 | 0002681 | 2333 | 302 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2335 | 0002682 | 2334 | 301 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M18216 | 97 | 296 | 1 | 2232 | 2527 |

【図 1 2 9】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 2336 | 0002684 | 2335 | 284 | 13 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 5 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 2 | 0 | X14787 | 96.1 | 284 | 1 | 5182 | 5722 |
| 2337 | 0002685 | 2336 | 299 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2338 | 0002686 | 2337 | 297 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2339 | 0002687 | 2338 | 297 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2340 | 0002688 | 2339 | 297 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2341 | 0002689 | 2340 | 324 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2342 | 0002690 | 2341 | 291 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2343 | 0002691 | 2342 | 290 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M5542 | 97.6 | 289 | 1 | 2370 | 2881 |
| 2344 | 0002692 | 2343 | 225 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2345 | 0002693 | 2344 | 285 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | J03553 | 97.8 | 276 | 1 | 504 | 991 |
| 2346 | 0002694 | 2345 | 285 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2347 | 0002695 | 2346 | 283 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2348 | 0002696 | 2347 | 283 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2349 | 0002697 | 2348 | 283 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2350 | 0002698 | 2349 | 282 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2351 | 0002699 | 2350 | 284 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2352 | 0002700 | 2351 | 280 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2353 | 0002701 | 2352 | 279 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2354 | 0002702 | 2353 | 278 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2355 | 0002703 | 2354 | 519 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2356 | 0002704 | 2355 | 272 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2357 | 0002705 | 2356 | 272 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2358 | 0002706 | 2357 | 273 | 13 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 2359 | 0002707 | 2358 | 270 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2360 | 0002708 | 2359 | 353 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2361 | 0002709 | 2360 | 268 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M29873 | 95.1 | 263 | 1 | 2644 | 2907 |
| 2362 | 0002710 | 2361 | 268 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2363 | 0002711 | 2362 | 268 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2364 | 0002712 | 2363 | 398 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 3 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X53331 | 94.1 | 392 | 1 | 217 | 603 |
| 2365 | 0002713 | 2364 | 266 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2366 | 0002714 | 2365 | 265 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2367 | 0002715 | 2366 | 265 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2368 | 0002716 | 2367 | 379 | 14 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 8 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | X04412 | 93.6 | 375 | 1 | 2229 | 2602 |
| 2369 | 0002717 | 2368 | 261 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2370 | 0002718 | 2369 | 259 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2371 | 0002719 | 2370 | 296 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2372 | 0002721 | 2371 | 254 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2373 | 0002722 | 2372 | 253 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M16552 | 98.4 | 252 | 1 | 3303 | 3653 |
| 2374 | 0002723 | 2373 | 253 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2375 | 0002724 | 2374 | 252 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X00532 | 98.8 | 251 | 1 | 684 | 950 |
| 2376 | 0002725 | 2375 | 251 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2377 | 0002727 | 2376 | 308 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | D13748 | 96.3 | 218 | 87 | 1090 | 1383 |
| 2378 | 0002728 | 2377 | 245 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | D16366 | 98 | 245 | 1 | 1 | 244 |
| 2379 | 0002729 | 2378 | 249 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2380 | 0002730 | 2379 | 240 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2381 | 0002731 | 2380 | 245 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図131】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 2382 | 0002732 | 2381 | 239 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2383 | 0002733 | 2382 | 239 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2384 | 0002734 | 2383 | 237 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2385 | 0002735 | 2384 | 236 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | K03000 | 97 | 235 | 1 | 768 | 1560 |
| 2386 | 0002736 | 2385 | 236 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2387 | 0002737 | 2386 | 245 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2388 | 0002738 | 2387 | 231 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2389 | 0002739 | 2388 | 236 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2390 | 0002740 | 2389 | 235 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2391 | 0002741 | 2390 | 233 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2392 | 0002742 | 2391 | 232 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2393 | 0002743 | 2392 | 232 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2394 | 0002744 | 2393 | 232 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2395 | 0002745 | 2394 | 236 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2396 | 0002746 | 2395 | 229 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | J03503 | 99.1 | 226 | 1 | 1221 | 1446 |
| 2397 | 0002747 | 2396 | 227 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2398 | 0002749 | 2397 | 223 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2399 | 0002750 | 2398 | 221 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2400 | 0002751 | 2399 | 220 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2401 | 0002752 | 2400 | 220 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2402 | 0002753 | 2401 | 339 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2403 | 0002754 | 2402 | 219 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2404 | 0002755 | 2403 | 219 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 1 3 2】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 2405 | 0002756 | 2404 | 218 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | XL5977 | 99.5 | 216 | 1 | 392 | 608 |
| 2406 | 0002758 | 2405 | 217 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2407 | 0002760 | 2406 | 216 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2408 | 0002761 | 2407 | 215 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2409 | 0002762 | 2408 | 214 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2410 | 0002764 | 2409 | 212 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2411 | 0002765 | 2410 | 212 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2412 | 0002767 | 2411 | 213 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2413 | 0002768 | 2412 | 211 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2414 | 0002769 | 2413 | 211 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | | | | | | |
| 2415 | 0002770 | 2414 | 205 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2416 | 0002771 | 2415 | 205 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2417 | 0002772 | 2416 | 205 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2418 | 0002773 | 2417 | 204 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2419 | 0002774 | 2418 | 203 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2420 | 0002775 | 2419 | 203 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2421 | 0002776 | 2420 | 205 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2422 | 0002777 | 2421 | 201 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | R01740 | 99.5 | 200 | 1 | 8592 | 9009 |
| 2423 | 0002778 | 2422 | 200 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2424 | 0002779 | 2423 | 198 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2425 | 0002780 | 2424 | 198 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2426 | 0002781 | 2425 | 196 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2427 | 0002782 | 2426 | 359 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【 1 3 3 】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|----|
| 2428 | 0002783 | 2427 | 198 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2429 | 0002785 | 2428 | 196 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M91211 | 96.9 | 163 | 1 | 1230 | 1391 | |
| 2430 | 0002786 | 2429 | 195 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2431 | 0002787 | 2430 | 194 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2432 | 0002788 | 2431 | 193 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2433 | 0002789 | 2432 | 193 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M86667 | 99 | 192 | 1 | 1219 | 1560 | |
| 2434 | 0002790 | 2433 | 192 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M83738 | 97.9 | 192 | 1 | 3744 | 3956 | |
| 2435 | 0002791 | 2434 | 276 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 2436 | 0002792 | 2435 | 190 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2437 | 0002793 | 2436 | 189 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2438 | 0002794 | 2437 | 187 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2439 | 0002795 | 2438 | 187 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 3 | | | | | | |
| 2440 | 0002796 | 2439 | 184 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2441 | 0002797 | 2440 | 181 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2442 | 0002798 | 2441 | 180 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2443 | 0002799 | 2442 | 186 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2444 | 0002800 | 2443 | 180 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2445 | 0002801 | 2444 | 180 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2446 | 0002802 | 2445 | 179 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X65018 | 98.2 | 171 | 1 | 1230 | 1410 | |
| 2447 | 0002803 | 2446 | 178 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2448 | 0002804 | 2447 | 178 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2449 | 0002805 | 2448 | 176 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 2450 | 0002806 | 2449 | 175 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【图 1 3 4】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|--|
| 2451 | 0002807 | 2450 | 174 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2452 | 0002808 | 2451 | 174 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X70991 | 95.4 | 174 | 1 | 2015 | 2192 | |
| 2453 | 0002809 | 2452 | 172 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2454 | 0002810 | 2453 | 171 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2455 | 0002811 | 2454 | 170 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | D14665 | 100 | 165 | 1 | 3377 | 3541 | |
| 2456 | 0002812 | 2455 | 196 | 10 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 2 | | | | | | | |
| 2457 | 0002813 | 2456 | 216 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2458 | 0002814 | 2457 | 173 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 2 | | | | | | | |
| 2459 | 0002815 | 2458 | 223 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2460 | 0002816 | 2459 | 168 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2461 | 0002817 | 2460 | 168 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2462 | 0002818 | 2461 | 167 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2463 | 0002819 | 2462 | 167 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2464 | 0002820 | 2463 | 167 | 24 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 15 | 0 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 1 | 1 | 1 | X02490 | 91.9 | 135 | 14 | 435 | 568 | |
| 2465 | 0002821 | 2464 | 407 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X68277 | 94.1 | 404 | 1 | 1601 | 2000 | |
| 2466 | 0002822 | 2465 | 166 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2467 | 0002823 | 2466 | 165 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 2468 | 0002824 | 2467 | 164 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2469 | 0002825 | 2468 | 164 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2470 | 0002826 | 2469 | 164 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2471 | 0002827 | 2470 | 162 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2472 | 0002828 | 2471 | 161 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2473 | 0002829 | 2472 | 159 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 1 3 5】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|---|
| 2474 | 0002830 | 2473 | 159 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2475 | 0002831 | 2474 | 158 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2476 | 0002832 | 2475 | 157 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2477 | 0002833 | 2476 | 405 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | MS1013 | 90.4 | 407 | 1 | 4603 | 5122 | |
| 2478 | 0002834 | 2477 | 156 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2479 | 0002835 | 2478 | 191 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2480 | 0002836 | 2479 | 155 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | MS2449 | 90.7 | 150 | 1 | 1084 | 1233 | |
| 2481 | 0002837 | 2480 | 154 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2482 | 0002838 | 2481 | 154 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2483 | 0002839 | 2482 | 153 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2484 | 0002840 | 2483 | 153 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2485 | 0002843 | 2484 | 152 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2486 | 0002844 | 2485 | 151 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2487 | 0002845 | 2486 | 150 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2488 | 0002846 | 2487 | 149 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2489 | 0002847 | 2488 | 151 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 2490 | 0002848 | 2489 | 147 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2491 | 0002849 | 2490 | 207 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 2492 | 0002850 | 2491 | 146 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2493 | 0002851 | 2492 | 144 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | | |
| 2494 | 0002852 | 2493 | 143 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2495 | 0002853 | 2494 | 290 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 3 | 0 | MS8366 | 98.3 | 287 | 1 | 1158 | 1444 | |
| 2496 | 0002854 | 2495 | 143 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |

【図137】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 2520 | 0002879 | 2519 | 128 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2521 | 0002880 | 2520 | 127 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2522 | 0002881 | 2521 | 128 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 2523 | 0002882 | 2522 | 125 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2524 | 0002883 | 2523 | 125 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2525 | 0002884 | 2524 | 124 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2526 | 0002885 | 2525 | 124 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2527 | 0002886 | 2526 | 123 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2528 | 0002887 | 2527 | 123 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2529 | 0002888 | 2528 | 121 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2530 | 0002889 | 2529 | 120 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 95724 | 98.3 | 117 | 1 | 2991 | 3132 |
| 2531 | 0002890 | 2530 | 122 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 2532 | 0002891 | 2531 | 119 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2533 | 0002893 | 2532 | 118 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2534 | 0002894 | 2533 | 118 | 89 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 87 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2535 | 0002895 | 2534 | 118 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2536 | 0002896 | 2535 | 118 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2537 | 0002897 | 2536 | 117 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2538 | 0002898 | 2537 | 116 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2539 | 0002899 | 2538 | 116 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2540 | 0002900 | 2539 | 117 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | X02751 | 98.3 | 117 | 1 | 333 | 2436 |
| 2541 | 0002901 | 2540 | 119 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 2542 | 0002902 | 2541 | 115 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|----|----|------|------|--|
| 2543 | 0002903 | 2542 | 119 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2544 | 0002904 | 2543 | 114 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2545 | 0002905 | 2544 | 119 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 2546 | 0002906 | 2545 | 113 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2547 | 0002907 | 2546 | 348 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2548 | 0002908 | 2547 | 111 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2549 | 0002909 | 2548 | 110 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2550 | 0002910 | 2549 | 110 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2551 | 0002911 | 2550 | 110 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2552 | 0002912 | 2551 | 109 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2553 | 0002913 | 2552 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2554 | 0002914 | 2553 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2555 | 0002915 | 2554 | 107 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 2556 | 0002916 | 2555 | 112 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 3 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2557 | 0002917 | 2556 | 109 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2558 | 0002919 | 2557 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2559 | 0002920 | 2558 | 311 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2560 | 0002921 | 2559 | 107 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2561 | 0002922 | 2560 | 105 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2562 | 0002923 | 2561 | 103 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2563 | 0002924 | 2562 | 104 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | M31606 | 95.9 | 97 | 5 | 1475 | 1571 | |
| 2564 | 0002925 | 2563 | 103 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2565 | 0002926 | 2564 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |

【図 139】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 2566 | 0002927 | 2565 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2567 | 0002928 | 2566 | 101 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | |
| 2568 | 0002929 | 2567 | 390 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | |
| 2569 | 0002930 | 2568 | 227 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | |
| 2570 | 0002931 | 2569 | 106 | 11 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 5 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | D10653 | 100 | 100 | 1 | 1644 | 1743 |
| 2571 | 0002932 | 2570 | 99 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2572 | 0002933 | 2571 | 98 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2573 | 0002934 | 2572 | 97 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2574 | 0002935 | 2573 | 93 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2575 | 0002936 | 2574 | 92 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2576 | 0002937 | 2575 | 91 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2577 | 0002938 | 2576 | 96 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2578 | 0002940 | 2577 | 88 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2579 | 0002942 | 2578 | 87 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2580 | 0002943 | 2579 | 227 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2581 | 0002944 | 2580 | 87 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2582 | 0002946 | 2581 | 86 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2583 | 0002947 | 2582 | 86 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2584 | 0002948 | 2583 | 85 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2585 | 0002949 | 2584 | 85 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2586 | 0002950 | 2585 | 85 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2587 | 0002951 | 2586 | 85 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2588 | 0002953 | 2587 | 84 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 140】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|----|----|------|------|
| 2589 | 0002955 | 2588 | 84 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2590 | 0002957 | 2589 | 82 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2591 | 0002958 | 2590 | 82 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 860088 | 92.7 | 82 | 1 | 2535 | 4121 |
| 2592 | 0002959 | 2591 | 81 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2436 |
| 2593 | 0002960 | 2592 | 81 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2594 | 0002961 | 2593 | 81 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2595 | 0002962 | 2594 | 79 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2596 | 0002963 | 2595 | 79 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2597 | 0002964 | 2596 | 75 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2598 | 0002965 | 2597 | 73 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2599 | 0002966 | 2598 | 72 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1100 |
| 2600 | 0002967 | 2599 | 72 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1696 |
| 2601 | 0002968 | 2600 | 72 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2602 | 0002969 | 2601 | 74 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2603 | 0002970 | 2602 | 71 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2604 | 0002971 | 2603 | 72 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2605 | 0002972 | 2604 | 69 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2606 | 0002973 | 2605 | 69 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 2 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 500 |
| 2607 | 0002974 | 2606 | 68 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 2608 | 0002975 | 2607 | 68 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2609 | 0002976 | 2608 | 68 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2610 | 0002977 | 2609 | 68 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2611 | 0002978 | 2610 | 67 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 1 4 1】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|----|----|------|------|
| 2612 | 0002979 | 2611 | 66 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2613 | 0002980 | 2612 | 66 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2614 | 0002981 | 2613 | 64 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M84526 | 98.4 | 63 | 1 | 894 | 1071 |
| 2615 | 0002982 | 2614 | 63 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2616 | 0002983 | 2615 | 61 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2617 | 0002984 | 2616 | 60 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2618 | 0002985 | 2617 | 59 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M31210 | 100 | 58 | 1 | 2699 | 2757 |
| 2619 | 0002986 | 2618 | 58 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2620 | 0002987 | 2619 | 74 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2621 | 0002988 | 2620 | 57 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | S57501 | 98.2 | 57 | 1 | 1336 | 1400 |
| 2622 | 0002989 | 2621 | 56 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | X16901 | 96.2 | 53 | 1 | 1357 | 1408 |
| 2623 | 0002990 | 2622 | 55 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2624 | 0002991 | 2623 | 59 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 2625 | 0002992 | 2624 | 54 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | X62585 | 100 | 54 | 1 | 2506 | 2563 |
| 2626 | 0002993 | 2625 | 53 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | X03747 | 96.2 | 52 | 1 | 2154 | 2208 |
| 2627 | 0002994 | 2626 | 52 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2628 | 0002995 | 2627 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2629 | 0002996 | 2628 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2630 | 0002997 | 2629 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | J04621 | 98.1 | 52 | 1 | 2626 | 3414 |
| 2631 | 0002998 | 2630 | 51 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2632 | 0002999 | 2631 | 50 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2633 | 0003002 | 2632 | 50 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2634 | 0003005 | 2633 | 51 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|----|---|---|---|--------|--------|------|-----|------|------|------|
| 2635 | 0003028 | 2634 | 165 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2636 | 0003030 | 2635 | 254 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2637 | 0003031 | 2636 | 271 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2638 | 0003053 | 2637 | 489 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2639 | 0003055 | 2638 | 471 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2640 | 0003056 | 2639 | 435 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | J02874 | 93.5 | 429 | 1 | 209 | 634 | |
| 2641 | 0003058 | 2640 | 411 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2642 | 0003059 | 2641 | 410 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2643 | 0003060 | 2642 | 408 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2644 | 0003061 | 2643 | 398 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2645 | 0003062 | 2644 | 394 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | D14662 | 97.1 | 375 | 1 | 1280 | 1653 | |
| 2646 | 0003063 | 2645 | 392 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2647 | 0003064 | 2646 | 385 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2648 | 0003065 | 2647 | 385 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2649 | 0003066 | 2648 | 385 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 2650 | 0003067 | 2649 | 381 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2651 | 0003068 | 2650 | 370 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2652 | 0003069 | 2651 | 344 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2653 | 0003070 | 2652 | 324 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2654 | 0003071 | 2653 | 340 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2655 | 0003072 | 2654 | 335 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2656 | 0003073 | 2655 | 332 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2657 | 0003074 | 2656 | 335 | 44 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 18 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 20 | 1 | 0 | 2 | 0 | X14420 | 97.3 | 329 | 1 | 4459 | 5460 |

【図 1 4 3】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|----|
| 2658 | 0003075 | 2657 | 305 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | X61598 | 96.4 | 304 | 1 | 1507 | 1936 | |
| 2659 | 0003077 | 2658 | 352 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2660 | 0003078 | 2659 | 321 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2661 | 0003079 | 2660 | 320 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2662 | 0003080 | 2661 | 303 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2663 | 0003081 | 2662 | 315 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2664 | 0003082 | 2663 | 314 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2665 | 0003083 | 2664 | 310 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2666 | 0003084 | 2665 | 308 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2667 | 0003085 | 2666 | 302 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2668 | 0003086 | 2667 | 302 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2669 | 0003087 | 2668 | 353 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | S45630 | 99.3 | 298 | 1 | 394 | 691 | |
| 2670 | 0003088 | 2669 | 296 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2671 | 0003089 | 2670 | 291 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2672 | 0003090 | 2671 | 290 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 2673 | 0003091 | 2672 | 287 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2674 | 0003092 | 2673 | 287 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2675 | 0003094 | 2674 | 281 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2676 | 0003095 | 2675 | 279 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M12623 | 97.1 | 279 | 1 | 159 | 1187 | |
| 2677 | 0003096 | 2676 | 279 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2678 | 0003097 | 2677 | 274 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2679 | 0003098 | 2678 | 273 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2680 | 0003099 | 2679 | 272 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X63546 | 91 | 266 | 7 | 7537 | 7878 | |

【図 1 4 4】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 2681 | 0003100 | 2680 | 270 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2682 | 0003101 | 2681 | 268 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2683 | 0003102 | 2682 | 267 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 2684 | 0003103 | 2683 | 266 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2685 | 0003104 | 2684 | 265 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M27508 | 99.6 | 265 | 1 | 1741 | 2007 |
| 2686 | 0003105 | 2685 | 300 | 12 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 3 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | | | | | | |
| 2687 | 0003106 | 2686 | 263 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X58295 | 99.2 | 256 | 1 | 1333 | 1606 |
| 2688 | 0003108 | 2687 | 258 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2689 | 0003109 | 2688 | 257 | 13 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 13 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2690 | 0003110 | 2689 | 257 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2691 | 0003111 | 2690 | 256 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2692 | 0003112 | 2691 | 256 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2693 | 0003115 | 2692 | 432 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | J03037 | 91.5 | 435 | 1 | 941 | 1551 |
| 2694 | 0003116 | 2693 | 250 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2695 | 0003117 | 2694 | 247 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2696 | 0003118 | 2695 | 245 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2697 | 0003119 | 2696 | 347 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2698 | 0003120 | 2697 | 242 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2699 | 0003121 | 2698 | 410 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2700 | 0003122 | 2699 | 240 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | J03344 | 96.6 | 236 | 1 | 3586 | 3616 |
| 2701 | 0003123 | 2700 | 237 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2702 | 0003124 | 2701 | 236 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2703 | 0003125 | 2702 | 236 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 145】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 2704 | 0003126 | 2703 | 233 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2705 | 0003127 | 2704 | 230 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2706 | 0003128 | 2705 | 232 | 13 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 2 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 1 | 4 | 1 | 0 | X15480 | 96 | 224 | 1 | 500 | 725 |
| 2707 | 0003129 | 2706 | 229 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2708 | 0003131 | 2707 | 223 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2709 | 0003132 | 2708 | 222 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2710 | 0003133 | 2709 | 222 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2711 | 0003134 | 2710 | 220 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2712 | 0003135 | 2711 | 219 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2713 | 0003136 | 2712 | 219 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2714 | 0003138 | 2713 | 217 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2715 | 0003139 | 2714 | 216 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2716 | 0003140 | 2715 | 216 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2717 | 0003141 | 2716 | 216 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2718 | 0003142 | 2717 | 211 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 1 | X13839 | 99.5 | 210 | 1 | 1121 | 1330 |
| 2719 | 0003145 | 2718 | 236 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 2720 | 0003146 | 2719 | 206 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2721 | 0003147 | 2720 | 206 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2722 | 0003148 | 2721 | 205 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X51405 | 99.5 | 205 | 1 | 2216 | 2443 |
| 2723 | 0003149 | 2722 | 203 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2724 | 0003150 | 2723 | 203 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2725 | 0003151 | 2724 | 198 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | Z11793 | 93.9 | 197 | 1 | 154 | 2038 |
| 2726 | 0003152 | 2725 | 198 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | |

【図 1 4 6】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 2727 | 0003153 | 2726 | 196 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2728 | 0003154 | 2727 | 193 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2729 | 0003155 | 2728 | 193 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2730 | 0003156 | 2729 | 192 | 12 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 6 | 0 | | | | | | |
| 2731 | 0003157 | 2730 | 190 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 2732 | 0003159 | 2731 | 189 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2733 | 0003160 | 2732 | 189 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2734 | 0003162 | 2733 | 187 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2735 | 0003163 | 2734 | 186 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2736 | 0003164 | 2735 | 184 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2737 | 0003166 | 2736 | 183 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2738 | 0003167 | 2737 | 182 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2739 | 0003168 | 2738 | 181 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2740 | 0003169 | 2739 | 178 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2741 | 0003170 | 2740 | 286 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2742 | 0003171 | 2741 | 178 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2743 | 0003172 | 2742 | 178 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 2744 | 0003173 | 2743 | 396 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2745 | 0003175 | 2744 | 180 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2746 | 0003176 | 2745 | 175 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2747 | 0003177 | 2746 | 175 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2748 | 0003178 | 2747 | 174 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2749 | 0003179 | 2748 | 174 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図147】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 2750 | 0003180 | 2749 | 178 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2751 | 0003181 | 2750 | 172 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2752 | 0003182 | 2751 | 170 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2753 | 0003183 | 2752 | 167 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2754 | 0003185 | 2753 | 163 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2755 | 0003186 | 2754 | 162 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2756 | 0003187 | 2755 | 160 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2757 | 0003188 | 2756 | 159 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2758 | 0003189 | 2757 | 157 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2759 | 0003190 | 2758 | 153 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2760 | 0003192 | 2759 | 151 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X67001 | 97.8 | 137 | 1 | 2676 | 2938 |
| 2761 | 0003193 | 2760 | 150 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2762 | 0003194 | 2761 | 150 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2763 | 0003195 | 2762 | 149 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2764 | 0003196 | 2763 | 145 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | | | | | | |
| 2765 | 0003197 | 2764 | 143 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2766 | 0003198 | 2765 | 142 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2767 | 0003200 | 2766 | 142 | 47 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 4 | 20 | 0 | 0 | 0 | 0 | 9 | 2 | 0 | 7 | 1 | J03040 | 97.9 | 142 | 1 | 1968 | 2133 |
| 2768 | 0003201 | 2767 | 141 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2769 | 0003202 | 2768 | 140 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2770 | 0003204 | 2769 | 135 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2771 | 0003205 | 2770 | 134 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2772 | 0003206 | 2771 | 133 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 1 4 8】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|------|-----|------|------|------|--|
| 2773 | 0003207 | 2772 | 141 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2774 | 0003208 | 2773 | 132 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2775 | 0003212 | 2774 | 131 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2776 | 0003213 | 2775 | 129 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2777 | 0003214 | 2776 | 129 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2778 | 0003215 | 2777 | 129 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2779 | 0003216 | 2778 | 128 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | D10040 | 95.3 | 127 | 1 | 3055 | 3634 | |
| 2780 | 0003217 | 2779 | 128 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2781 | 0003218 | 2780 | 127 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2782 | 0003219 | 2781 | 128 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2783 | 0003220 | 2782 | 126 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2784 | 0003221 | 2783 | 126 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2785 | 0003222 | 2784 | 125 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2786 | 0003223 | 2785 | 124 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 853910 | 98.4 | 124 | 1 | 2325 | 2463 | | |
| 2787 | 0003224 | 2786 | 131 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2788 | 0003225 | 2787 | 123 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2789 | 0003227 | 2788 | 388 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | KL3519 | 96.1 | 387 | 1 | 1250 | 1832 | |
| 2790 | 0003229 | 2789 | 122 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2791 | 0003230 | 2790 | 120 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2792 | 0003231 | 2791 | 120 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2793 | 0003233 | 2792 | 119 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2794 | 0003234 | 2793 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2795 | 0003235 | 2794 | 115 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |

【図149】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|----|----|------|------|
| 2796 | 0003236 | 2795 | 217 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2797 | 0003237 | 2796 | 114 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2798 | 0003239 | 2797 | 113 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2799 | 0003240 | 2798 | 324 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2800 | 0003241 | 2799 | 191 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2801 | 0003242 | 2800 | 111 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2802 | 0003243 | 2801 | 109 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2803 | 0003244 | 2802 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2804 | 0003245 | 2803 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2805 | 0003247 | 2804 | 108 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2806 | 0003248 | 2805 | 107 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2807 | 0003249 | 2806 | 124 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 2808 | 0003251 | 2807 | 104 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2809 | 0003252 | 2808 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2810 | 0003253 | 2809 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2811 | 0003255 | 2810 | 124 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | | |
| 2812 | 0003257 | 2811 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2813 | 0003258 | 2812 | 100 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2814 | 0003259 | 2813 | 100 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | IL9182 | 93.9 | 93 | 1 | 1010 | 1115 |
| 2815 | 0003261 | 2814 | 98 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2816 | 0003263 | 2815 | 97 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | ML5856 | 96.8 | 94 | 1 | 3055 | 3549 |
| 2817 | 0003264 | 2816 | 96 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M98398 | 96.9 | 96 | 1 | 1840 | 1942 |
| 2818 | 0003267 | 2817 | 93 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 150】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|----|----|------|------|
| 2819 | 0003268 | 2818 | 93 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2820 | 0003271 | 2819 | 89 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2821 | 0003274 | 2820 | 95 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | MB4526 | 100 | 93 | 1 | 720 | 1071 |
| 2822 | 0003279 | 2821 | 84 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 2823 | 0003281 | 2822 | 79 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2824 | 0003282 | 2823 | 79 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2825 | 0003283 | 2824 | 77 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2826 | 0003284 | 2825 | 77 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2827 | 0003285 | 2826 | 76 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2828 | 0003286 | 2827 | 75 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2829 | 0003289 | 2828 | 74 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | L08647 | 100 | 71 | 1 | 533 | 603 |
| 2830 | 0003294 | 2829 | 73 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | | | | | | |
| 2831 | 0003296 | 2830 | 66 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2832 | 0003297 | 2831 | 66 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2833 | 0003299 | 2832 | 63 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X15977 | 96.7 | 60 | 1 | 549 | 608 |
| 2834 | 0003300 | 2833 | 62 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2835 | 0003304 | 2834 | 60 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X16940 | 94.7 | 57 | 1 | 1224 | 1279 |
| 2836 | 0003305 | 2835 | 68 | 12 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 2 | 2 | 2 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 2837 | 0003306 | 2836 | 58 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2838 | 0003307 | 2837 | 58 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2839 | 0003308 | 2838 | 57 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2840 | 0003310 | 2839 | 56 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2841 | 0003311 | 2840 | 59 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 151】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 2842 | 0003312 | 2841 | 55 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2843 | 0003313 | 2842 | 54 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2844 | 0003315 | 2843 | 53 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2845 | 0003317 | 2844 | 53 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2846 | 0003318 | 2845 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2847 | 0003319 | 2846 | 51 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2848 | 0003324 | 2847 | 50 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X05978 | 100 | 48 | 1 | 362 | 439 |
| 2849 | 0003325 | 2848 | 50 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2850 | 0003326 | 2849 | 50 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2851 | 0003331 | 2850 | 55 | 24 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 10 | 1 | 0 | 0 | 0 | 6 | 2 | 0 | 3 | 0 | | | | | | |
| 2852 | 0003332 | 2851 | 53 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 2853 | 0003356 | 2852 | 131 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M68510 | 100 | 128 | 1 | 3228 | 3355 |
| 2854 | 0003374 | 2853 | 431 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | D14658 | 96.5 | 429 | 1 | 889 | 1370 |
| 2855 | 0003375 | 2854 | 429 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2856 | 0003376 | 2855 | 427 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2857 | 0003377 | 2856 | 306 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2858 | 0003378 | 2857 | 398 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2859 | 0003379 | 2858 | 395 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | M65028 | 98 | 394 | 1 | 1021 | 1337 |
| 2860 | 0003380 | 2859 | 388 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M24070 | 96.1 | 386 | 1 | 1063 | 1452 |
| 2861 | 0003381 | 2860 | 80 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2862 | 0003382 | 2861 | 394 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2863 | 0003383 | 2862 | 376 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2864 | 0003384 | 2863 | 370 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 152】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 2865 | 0003385 | 2864 | 367 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2866 | 0003386 | 2865 | 366 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2867 | 0003387 | 2866 | 365 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2868 | 0003388 | 2867 | 353 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 2869 | 0003389 | 2868 | 363 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2870 | 0003390 | 2869 | 361 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2871 | 0003391 | 2870 | 325 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | X04744 | 93.2 | 325 | 1 | 1304 | 1962 |
| 2872 | 0003392 | 2871 | 344 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2873 | 0003393 | 2872 | 341 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X15606 | 96.2 | 339 | 1 | 704 | 1041 |
| 2874 | 0003394 | 2873 | 333 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2875 | 0003395 | 2874 | 348 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2876 | 0003396 | 2875 | 334 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2877 | 0003397 | 2876 | 332 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2878 | 0003398 | 2877 | 331 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2879 | 0003399 | 2878 | 351 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2880 | 0003400 | 2879 | 330 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2881 | 0003401 | 2880 | 330 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2882 | 0003402 | 2881 | 395 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | X72841 | 95.2 | 394 | 1 | 1556 | 1943 |
| 2883 | 0003403 | 2882 | 330 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2884 | 0003404 | 2883 | 329 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2885 | 0003405 | 2884 | 329 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2886 | 0003406 | 2885 | 328 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2887 | 0003407 | 2886 | 327 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 153】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|------|-----|------|------|------|
| 2888 | 0003408 | 2887 | 327 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2889 | 0003409 | 2888 | 326 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2890 | 0003410 | 2889 | 325 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2891 | 0003411 | 2890 | 325 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2892 | 0003412 | 2891 | 325 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2893 | 0003413 | 2892 | 323 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X66397 | 97.2 | 323 | 1 | 7170 | 7496 | |
| 2894 | 0003414 | 2893 | 322 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2895 | 0003415 | 2894 | 319 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | -2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2896 | 0003416 | 2895 | 319 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2897 | 0003417 | 2896 | 308 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2898 | 0003418 | 2897 | 308 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2899 | 0003419 | 2898 | 307 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2900 | 0003420 | 2899 | 307 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2901 | 0003421 | 2900 | 305 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2902 | 0003422 | 2901 | 305 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2903 | 0003423 | 2902 | 303 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2904 | 0003424 | 2903 | 351 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | M29536 | 95.1 | 350 | 1 | 970 | 1416 |
| 2905 | 0003426 | 2904 | 301 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2906 | 0003427 | 2905 | 297 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2907 | 0003428 | 2906 | 296 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2908 | 0003429 | 2907 | 296 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2909 | 0003430 | 2908 | 356 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2910 | 0003431 | 2909 | 293 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 2911 | 0003432 | 2910 | 289 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2912 | 0003433 | 2911 | 286 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2913 | 0003434 | 2912 | 286 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2914 | 0003435 | 2913 | 285 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2915 | 0003436 | 2914 | 284 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2916 | 0003437 | 2915 | 283 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2917 | 0003438 | 2916 | 279 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2918 | 0003439 | 2917 | 278 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | X14957 | 96 | 278 | 1 | 1629 | 1907 |
| 2919 | 0003440 | 2918 | 276 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2920 | 0003441 | 2919 | 274 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | M86667 | 97.6 | 83 | 1 | 1085 | 1560 |
| 2921 | 0003442 | 2920 | 273 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2922 | 0003443 | 2921 | 352 | 9 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 4 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2923 | 0003444 | 2922 | 268 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2924 | 0003445 | 2923 | 264 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2925 | 0003446 | 2924 | 258 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2926 | 0003447 | 2925 | 264 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 854769 | 96.2 | 264 | 1 | 161 | 429 |
| 2927 | 0003448 | 2926 | 257 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 2928 | 0003449 | 2927 | 256 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2929 | 0003450 | 2928 | 256 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2930 | 0003451 | 2929 | 255 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2931 | 0003452 | 2930 | 254 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2932 | 0003453 | 2931 | 253 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2933 | 0003454 | 2932 | 253 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 1 5 5】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|-------|-------|-----|-----|------|------|------|
| 2934 | 0003455 | 2933 | 254 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 3 | 0 | | | | | | | | |
| 2935 | 0003456 | 2934 | 249 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2936 | 0003457 | 2935 | 249 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2937 | 0003458 | 2936 | 249 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 98479 | 95.1 | 247 | 1 | 1311 | 1557 | |
| 2938 | 0003459 | 2937 | 249 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | | |
| 2939 | 0003460 | 2938 | 245 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 05481 | 95.5 | 242 | 1 | 2363 | 2620 | |
| 2940 | 0003461 | 2939 | 384 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2941 | 0003462 | 2940 | 240 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2942 | 0003463 | 2941 | 238 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2943 | 0003464 | 2942 | 238 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2944 | 0003465 | 2943 | 238 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2945 | 0003466 | 2944 | 347 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2946 | 0003467 | 2945 | 236 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2947 | 0003468 | 2946 | 271 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | | | | | | | | |
| 2948 | 0003469 | 2947 | 235 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 14134 | 100 | 234 | 1 | 1436 | 2229 |
| 2949 | 0003470 | 2948 | 234 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2950 | 0003471 | 2949 | 233 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2951 | 0003472 | 2950 | 231 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2952 | 0003473 | 2951 | 231 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2953 | 0003474 | 2952 | 230 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2954 | 0003476 | 2953 | 327 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2955 | 0003477 | 2954 | 220 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 2956 | 0003478 | 2955 | 219 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |

【図156】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---------|------|-----|----|------|------|
| 2957 | 0003479 | 2956 | 218 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2958 | 0003480 | 2957 | 218 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2959 | 0003481 | 2958 | 218 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2960 | 0003482 | 2959 | 217 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2961 | 0003483 | 2960 | 216 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2962 | 0003484 | 2961 | 213 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2963 | 0003485 | 2962 | 212 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0M6342 | 98.6 | 210 | 1 | 1079 | 1666 |
| 2964 | 0003486 | 2963 | 212 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2965 | 0003487 | 2964 | 212 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2966 | 0003488 | 2965 | 211 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2967 | 0003489 | 2966 | 209 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2968 | 0003490 | 2967 | 208 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2969 | 0003491 | 2968 | 207 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2970 | 0003492 | 2969 | 203 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2971 | 0003493 | 2970 | 201 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2972 | 0003494 | 2971 | 200 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2973 | 0003495 | 2972 | 199 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2974 | 0003496 | 2973 | 319 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2975 | 0003497 | 2974 | 193 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0M64671 | 100 | 191 | 1 | 917 | 1671 |
| 2976 | 0003498 | 2975 | 193 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2977 | 0003499 | 2976 | 193 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2978 | 0003500 | 2977 | 192 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2979 | 0003501 | 2978 | 190 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図157】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 2980 | 0003502 | 2979 | 190 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2981 | 0003503 | 2980 | 193 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2982 | 0003504 | 2981 | 184 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2983 | 0003505 | 2982 | 183 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2984 | 0003506 | 2983 | 177 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2985 | 0003507 | 2984 | 176 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2986 | 0003508 | 2985 | 172 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2987 | 0003509 | 2986 | 172 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2988 | 0003510 | 2987 | 170 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2989 | 0003511 | 2988 | 354 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2990 | 0003512 | 2989 | 258 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2991 | 0003513 | 2990 | 81 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2992 | 0003514 | 2991 | 169 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2993 | 0003515 | 2992 | 168 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2994 | 0003516 | 2993 | 225 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | | | | | | |
| 2995 | 0003517 | 2994 | 168 | 9 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2996 | 0003518 | 2995 | 167 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 195929 | 100 | 96 | 1 | 1335 | 1433 |
| 2997 | 0003519 | 2996 | 167 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 2998 | 0003520 | 2997 | 167 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 2999 | 0003521 | 2998 | 166 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 113597 | 97.6 | 166 | 1 | 2220 | 3511 |
| 3000 | 0003522 | 2999 | 165 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3001 | 0003523 | 3000 | 165 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3002 | 0003524 | 3001 | 163 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 158】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 3003 | 0003525 | 3002 | 162 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3004 | 0003526 | 3003 | 161 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M33308 | 100 | 161 | 1 | 4937 | 5102 |
| 3005 | 0003527 | 3004 | 161 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3006 | 0003528 | 3005 | 161 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 3007 | 0003529 | 3006 | 160 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 3008 | 0003530 | 3007 | 157 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3009 | 0003531 | 3008 | 157 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3010 | 0003532 | 3009 | 157 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3011 | 0003533 | 3010 | 156 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3012 | 0003534 | 3011 | 155 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3013 | 0003535 | 3012 | 156 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 3014 | 0003536 | 3013 | 154 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3015 | 0003537 | 3014 | 154 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3016 | 0003538 | 3015 | 153 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3017 | 0003539 | 3016 | 153 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3018 | 0003540 | 3017 | 152 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3019 | 0003541 | 3018 | 152 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3020 | 0003542 | 3019 | 152 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3021 | 0003543 | 3020 | 151 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3022 | 0003544 | 3021 | 151 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3023 | 0003545 | 3022 | 150 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3024 | 0003546 | 3023 | 149 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3025 | 0003547 | 3024 | 149 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 159】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|-----|-----|----|------|------|
| 3026 | 0003548 | 3025 | 241 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 3027 | 0003549 | 3026 | 148 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3028 | 0003550 | 3027 | 148 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3029 | 0003551 | 3028 | 148 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3030 | 0003552 | 3029 | 171 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3031 | 0003553 | 3030 | 145 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3032 | 0003554 | 3031 | 144 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3033 | 0003555 | 3032 | 144 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3034 | 0003556 | 3033 | 142 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3035 | 0003557 | 3034 | 142 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3036 | 0003558 | 3035 | 147 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3037 | 0003559 | 3036 | 140 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3038 | 0003560 | 3037 | 153 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | | | | | | |
| 3039 | 0003561 | 3038 | 134 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3040 | 0003562 | 3039 | 131 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3041 | 0003563 | 3040 | 131 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3042 | 0003564 | 3041 | 206 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | | | | | | |
| 3043 | 0003565 | 3042 | 130 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3044 | 0003566 | 3043 | 129 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 100 | 127 | 1 | 1222 | 1348 |
| 3045 | 0003567 | 3044 | 129 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 3046 | 0003568 | 3045 | 129 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3047 | 0003569 | 3046 | 128 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3048 | 0003570 | 3047 | 140 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 1 6 0】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|----|------|
| 3049 | 0003571 | 3048 | 127 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3050 | 0003572 | 3049 | 223 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3051 | 0003573 | 3050 | 132 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | J04615 | 99.2 | 129 | 1 | 1198 | | 1326 |
| 3052 | 0003574 | 3051 | 123 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3053 | 0003575 | 3052 | 123 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3054 | 0003576 | 3053 | 270 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3055 | 0003577 | 3054 | 127 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3056 | 0003578 | 3055 | 120 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3057 | 0003579 | 3056 | 120 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M61764 | 94.4 | 108 | 1 | 1460 | | 1568 |
| 3058 | 0003580 | 3057 | 176 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3059 | 0003581 | 3058 | 119 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3060 | 0003582 | 3059 | 119 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3061 | 0003583 | 3060 | 132 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | M10321 | 95.4 | 131 | 1 | 5755 | | 6360 |
| 3062 | 0003584 | 3061 | 118 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | J03171 | 100 | 115 | 1 | 2641 | | 2755 |
| 3063 | 0003585 | 3062 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3064 | 0003586 | 3063 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3065 | 0003587 | 3064 | 116 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3066 | 0003588 | 3065 | 116 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3067 | 0003589 | 3066 | 116 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3068 | 0003590 | 3067 | 115 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3069 | 0003591 | 3068 | 179 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 2 | 0 | 2 | 0 | L06328 | 97.8 | 179 | 1 | 1061 | | 1404 |
| 3070 | 0003592 | 3069 | 239 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X59543 | 97.1 | 238 | 1 | 2559 | | 3075 |
| 3071 | 0003593 | 3070 | 114 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|------|-----|----|------|------|
| 3072 | 0003594 | 3071 | 113 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3073 | 0003595 | 3072 | 113 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3074 | 0003596 | 3073 | 113 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 95.5 | 111 | 1 | 479 | 978 |
| 3075 | 0003597 | 3074 | 111 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3076 | 0003598 | 3075 | 110 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3077 | 0003599 | 3076 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 98.3 | 98 | 52 | 8 | 1760 |
| 3078 | 0003600 | 3077 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3079 | 0003602 | 3078 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3080 | 0003603 | 3079 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3081 | 0003604 | 3080 | 107 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3082 | 0003605 | 3081 | 238 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3083 | 0003606 | 3082 | 103 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3084 | 0003607 | 3083 | 103 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3085 | 0003608 | 3084 | 159 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3086 | 0003609 | 3085 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3087 | 0003610 | 3086 | 186 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 93.4 | 182 | 1 | 3284 | 3798 |
| 3088 | 0003611 | 3087 | 100 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3089 | 0003612 | 3088 | 98 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3090 | 0003613 | 3089 | 98 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3091 | 0003614 | 3090 | 107 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3092 | 0003615 | 3091 | 97 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3093 | 0003616 | 3092 | 95 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3094 | 0003617 | 3093 | 94 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図162】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 3095 | 0003618 | 3094 | 183 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3096 | 0003619 | 3095 | 91 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 3097 | 0003620 | 3096 | 92 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3098 | 0003621 | 3097 | 91 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3099 | 0003622 | 3098 | 91 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3100 | 0003623 | 3099 | 238 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 3 | 0 | ML1718 | 95 | 238 | 1 | 920 | 1317 |
| 3101 | 0003624 | 3100 | 196 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 3102 | 0003625 | 3101 | 90 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3103 | 0003626 | 3102 | 90 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3104 | 0003627 | 3103 | 89 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X63564 | 100 | 86 | 1 | 6647 | 6732 |
| 3105 | 0003628 | 3104 | 88 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3106 | 0003629 | 3105 | 85 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3107 | 0003631 | 3106 | 89 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3108 | 0003632 | 3107 | 84 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3109 | 0003633 | 3108 | 82 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3110 | 0003634 | 3109 | 81 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 3 | | | | | | |
| 3111 | 0003635 | 3110 | 79 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 3112 | 0003636 | 3111 | 78 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3113 | 0003637 | 3112 | 77 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3114 | 0003638 | 3113 | 75 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3115 | 0003639 | 3114 | 75 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3116 | 0003640 | 3115 | 78 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3117 | 0003641 | 3116 | 74 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 9 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 3118 | 0003642 | 3117 | 74 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3119 | 0003643 | 3118 | 73 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3120 | 0003644 | 3119 | 71 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3121 | 0003645 | 3120 | 69 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 3122 | 0003646 | 3121 | 67 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3123 | 0003647 | 3122 | 65 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3124 | 0003648 | 3123 | 64 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3125 | 0003649 | 3124 | 64 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 3126 | 0003650 | 3125 | 63 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3127 | 0003651 | 3126 | 68 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3128 | 0003652 | 3127 | 58 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3129 | 0003653 | 3128 | 58 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3130 | 0003654 | 3129 | 55 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3131 | 0003655 | 3130 | 53 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3132 | 0003659 | 3131 | 51 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 3133 | 0003661 | 3132 | 76 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 3134 | 0003679 | 3133 | 451 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3135 | 0003680 | 3134 | 445 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3136 | 0003681 | 3135 | 439 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X62320 | 95.1 | 430 | 1 | 1700 | 2152 |
| 3137 | 0003682 | 3136 | 431 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3138 | 0003683 | 3137 | 427 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3139 | 0003684 | 3138 | 423 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3140 | 0003685 | 3139 | 421 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【 1 6 4 】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|--|
| 3141 | 0003686 | 3140 | 410 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3142 | 0003688 | 3141 | 402 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3143 | 0003689 | 3142 | 409 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 3144 | 0003690 | 3143 | 400 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | J04164 | 96.7 | 399 | 1 | 388 | 853 | |
| 3145 | 0003691 | 3144 | 337 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3146 | 0003693 | 3145 | 397 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3147 | 0003694 | 3146 | 236 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | M19311 | 90 | 249 | 1 | 697 | 1126 | |
| 3148 | 0003695 | 3147 | 391 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3149 | 0003696 | 3148 | 389 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3150 | 0003697 | 3149 | 380 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3151 | 0003698 | 3150 | 352 | 12 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 4 | 1 | 1 | | | | | | |
| 3152 | 0003699 | 3151 | 375 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3153 | 0003701 | 3152 | 369 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X71973 | 97.8 | 358 | 1 | 524 | 896 | |
| 3154 | 0003702 | 3153 | 367 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3155 | 0003703 | 3154 | 366 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3156 | 0003704 | 3155 | 364 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3157 | 0003705 | 3156 | 963 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3158 | 0003707 | 3157 | 359 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M64571 | 92.1 | 353 | 1 | 4646 | 5022 | |
| 3159 | 0003708 | 3158 | 358 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M94556 | 98.3 | 355 | 1 | 275 | 628 | |
| 3160 | 0003709 | 3159 | 356 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3161 | 0003710 | 3160 | 325 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | | |
| 3162 | 0003711 | 3161 | 352 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3163 | 0003712 | 3162 | 349 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | | |

【図 165】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|
| 3164 | 0003713 | 3163 | 348 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3165 | 0003714 | 3164 | 348 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3166 | 0003715 | 3165 | 370 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3167 | 0003716 | 3166 | 370 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 3168 | 0003717 | 3167 | 346 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 676979 | 96 | 343 | 1 | 1490 |
| 3169 | 0003718 | 3168 | 344 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3170 | 0003719 | 3169 | 341 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3171 | 0003720 | 3170 | 339 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3172 | 0003721 | 3171 | 337 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3173 | 0003722 | 3172 | 336 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3174 | 0003723 | 3173 | 334 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3175 | 0003724 | 3174 | 330 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3176 | 0003725 | 3175 | 330 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3177 | 0003726 | 3176 | 329 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3178 | 0003727 | 3177 | 329 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3179 | 0003728 | 3178 | 327 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3180 | 0003729 | 3179 | 324 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3181 | 0003730 | 3180 | 322 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3182 | 0003731 | 3181 | 320 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3183 | 0003732 | 3182 | 320 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3184 | 0003733 | 3183 | 319 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3185 | 0003734 | 3184 | 303 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3186 | 0003736 | 3185 | 311 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 1 6 6】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|------|-----|------|------|------|
| 3187 | 0003737 | 3186 | 309 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3188 | 0003738 | 3187 | 309 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3189 | 0003739 | 3188 | 306 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3190 | 0003740 | 3189 | 306 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3191 | 0003741 | 3190 | 306 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3192 | 0003742 | 3191 | 305 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3193 | 0003743 | 3192 | 303 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 121186 | 97.3 | 300 | 1 | 2029 | 2328 |
| 3194 | 0003744 | 3193 | 303 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3195 | 0003745 | 3194 | 301 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3196 | 0003746 | 3195 | 299 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3197 | 0003747 | 3196 | 298 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3198 | 0003748 | 3197 | 297 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3199 | 0003749 | 3198 | 297 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3200 | 0003750 | 3199 | 295 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3201 | 0003751 | 3200 | 211 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3202 | 0003752 | 3201 | 294 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 4 | 0 | | | | | | | |
| 3203 | 0003753 | 3202 | 293 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 3204 | 0003754 | 3203 | 293 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3205 | 0003755 | 3204 | 394 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 4 | 0 | X02598 | 97.7 | 393 | 1 | 227 | 760 | |
| 3206 | 0003756 | 3205 | 290 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | Y00285 | 96.6 | 58 | 1 | 6745 | 9090 | |
| 3207 | 0003757 | 3206 | 288 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3208 | 0003758 | 3207 | 288 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | D90228 | 97.6 | 287 | 1 | 1184 | 1518 | |
| 3209 | 0003759 | 3208 | 285 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図167】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 3210 | 0003760 | 3209 | 284 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3211 | 0003761 | 3210 | 281 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3212 | 0003762 | 3211 | 279 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3213 | 0003763 | 3212 | 277 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3214 | 0003764 | 3213 | 277 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3215 | 0003765 | 3214 | 272 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | S43246 | 91.2 | 57 | 11 | 2387 | 2886 |
| 3216 | 0003766 | 3215 | 272 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M36035 | 92.6 | 272 | 1 | 392 | 821 |
| 3217 | 0003767 | 3216 | 269 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3218 | 0003768 | 3217 | 269 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3219 | 0003769 | 3218 | 267 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X51699 | 96.7 | 241 | 1 | 211 | 451 |
| 3220 | 0003770 | 3219 | 266 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3221 | 0003771 | 3220 | 265 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3222 | 0003772 | 3221 | 262 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3223 | 0003773 | 3222 | 260 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3224 | 0003774 | 3223 | 225 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 3225 | 0003775 | 3224 | 215 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | I11373 | 95.8 | 212 | 1 | 4478 | 4688 |
| 3226 | 0003776 | 3225 | 256 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3227 | 0003777 | 3226 | 256 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3228 | 0003778 | 3227 | 253 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3229 | 0003779 | 3228 | 252 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3230 | 0003780 | 3229 | 251 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | J03459 | 99.6 | 246 | 1 | 1815 | 2060 |
| 3231 | 0003781 | 3230 | 251 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3232 | 0003782 | 3231 | 251 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | D13636 | 97.2 | 248 | 1 | 3347 | 3594 |

【図168】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 3233 | 0003783 | 3232 | 250 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3234 | 0003784 | 3233 | 250 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3235 | 0003785 | 3234 | 250 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3236 | 0003786 | 3235 | 250 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3237 | 0003787 | 3236 | 252 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 3238 | 0003788 | 3237 | 248 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3239 | 0003789 | 3238 | 227 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3240 | 0003790 | 3239 | 245 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3241 | 0003791 | 3240 | 245 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3242 | 0003792 | 3241 | 244 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3243 | 0003793 | 3242 | 244 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3244 | 0003794 | 3243 | 242 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 3245 | 0003795 | 3244 | 242 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3246 | 0003796 | 3245 | 241 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3247 | 0003797 | 3246 | 240 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3248 | 0003798 | 3247 | 239 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3249 | 0003799 | 3248 | 238 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3250 | 0003800 | 3249 | 237 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3251 | 0003801 | 3250 | 515 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3252 | 0003802 | 3251 | 227 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | D13639 | 100 | 224 | 1 | 6255 | 6478 |
| 3253 | 0003803 | 3252 | 224 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3254 | 0003804 | 3253 | 310 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3255 | 0003805 | 3254 | 220 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 169】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|---|
| 3256 | 0003806 | 3255 | 219 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3257 | 0003807 | 3256 | 219 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3258 | 0003808 | 3257 | 218 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3259 | 0003809 | 3258 | 217 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3260 | 0003810 | 3259 | 217 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3261 | 0003811 | 3260 | 216 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3262 | 0003812 | 3261 | 214 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3263 | 0003813 | 3262 | 214 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 3264 | 0003814 | 3263 | 212 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 3265 | 0003815 | 3264 | 210 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 3266 | 0003816 | 3265 | 210 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3267 | 0003817 | 3266 | 210 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3268 | 0003818 | 3267 | 210 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3269 | 0003819 | 3268 | 206 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3270 | 0003820 | 3269 | 209 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 3271 | 0003821 | 3270 | 334 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | | |
| 3272 | 0003822 | 3271 | 207 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 3273 | 0003823 | 3272 | 201 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3274 | 0003824 | 3273 | 201 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3275 | 0003825 | 3274 | 199 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3276 | 0003826 | 3275 | 391 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3277 | 0003827 | 3276 | 194 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3278 | 0003828 | 3277 | 190 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図170】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 3279 | 0003829 | 3278 | 190 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3280 | 0003830 | 3279 | 189 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3281 | 0003831 | 3280 | 188 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3282 | 0003832 | 3281 | 184 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3283 | 0003833 | 3282 | 184 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3284 | 0003834 | 3283 | 183 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3285 | 0003835 | 3284 | 181 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3286 | 0003836 | 3285 | 180 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3287 | 0003837 | 3286 | 227 | 13 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 7 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3288 | 0003838 | 3287 | 171 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X04665 | 100 | 171 | 1 | 3674 | 4434 |
| 3289 | 0003839 | 3288 | 171 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X61123 | 95.3 | 170 | 1 | 1050 | 1783 |
| 3290 | 0003840 | 3289 | 170 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3291 | 0003841 | 3290 | 168 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3292 | 0003842 | 3291 | 167 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3293 | 0003843 | 3292 | 167 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3294 | 0003844 | 3293 | 166 | 45 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 25 | 0 | 0 | 0 | 0 | 8 | 3 | 0 | 9 | 0 | J03464 | 96.9 | 162 | 1 | 4723 | 5416 |
| 3295 | 0003845 | 3294 | 165 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3296 | 0003846 | 3295 | 163 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3297 | 0003847 | 3296 | 163 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | L08246 | 97.5 | 163 | 1 | 2385 | 3934 |
| 3298 | 0003848 | 3297 | 164 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3299 | 0003849 | 3298 | 162 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3300 | 0003850 | 3299 | 162 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3301 | 0003851 | 3300 | 160 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図171】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---------|------|-----|----|-----|-----|
| 3302 | 0003852 | 3301 | 159 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3303 | 0003853 | 3302 | 159 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3304 | 0003854 | 3303 | 158 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3305 | 0003855 | 3304 | 158 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3306 | 0003856 | 3305 | 390 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3307 | 0003857 | 3306 | 156 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3308 | 0003859 | 3307 | 155 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3309 | 0003860 | 3308 | 137 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 3310 | 0003861 | 3309 | 152 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3311 | 0003862 | 3310 | 152 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3312 | 0003863 | 3311 | 153 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3313 | 0003864 | 3312 | 144 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 113803 | 99.3 | 143 | 1 | 35 | 312 |
| 3314 | 0003865 | 3313 | 149 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3315 | 0003866 | 3314 | 149 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3316 | 0003867 | 3315 | 157 | 15 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 5 | 3 | 3 | 1 | 0 | 1181457 | 99.3 | 145 | 1 | 465 | 609 |
| 3317 | 0003868 | 3316 | 148 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3318 | 0003869 | 3317 | 332 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3319 | 0003870 | 3318 | 147 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3320 | 0003871 | 3319 | 355 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 3321 | 0003872 | 3320 | 147 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3322 | 0003873 | 3321 | 147 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3323 | 0003874 | 3322 | 147 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3324 | 0003875 | 3323 | 147 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |

【図 172】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|--|
| 3325 | 0003876 | 3324 | 147 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3326 | 0003877 | 3325 | 150 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3327 | 0003878 | 3326 | 146 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3328 | 0003879 | 3327 | 143 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | | | | | | | | |
| 3329 | 0003880 | 3328 | 143 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3330 | 0003881 | 3329 | 142 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3331 | 0003882 | 3330 | 142 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3332 | 0003883 | 3331 | 141 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3333 | 0003884 | 3332 | 139 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3334 | 0003885 | 3333 | 138 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3335 | 0003886 | 3334 | 138 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3336 | 0003887 | 3335 | 136 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3337 | 0003888 | 3336 | 135 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3338 | 0003889 | 3337 | 133 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3339 | 0003890 | 3338 | 132 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3340 | 0003891 | 3339 | 132 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3341 | 0003892 | 3340 | 132 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3342 | 0003893 | 3341 | 131 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3343 | 0003894 | 3342 | 131 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 3344 | 0003895 | 3343 | 131 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3345 | 0003896 | 3344 | 433 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | D10522 | 96.1 | 407 | 1 | 1997 | 2589 | |
| 3346 | 0003897 | 3345 | 129 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3347 | 0003898 | 3346 | 129 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |

【図 173】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---------|---------|------|-----|------|------|------|
| 3348 | 0003899 | 3347 | 128 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3349 | 0003900 | 3348 | 127 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3350 | 0003901 | 3349 | 131 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3351 | 0003902 | 3350 | 123 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3352 | 0003903 | 3351 | 123 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3353 | 0003904 | 3352 | 122 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3354 | 0003905 | 3353 | 122 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 3355 | 0003906 | 3354 | 120 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3356 | 0003907 | 3355 | 119 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | IL3923 | 100 | 116 | 1 | 9539 | 9662 | |
| 3357 | 0003908 | 3356 | 119 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3358 | 0003909 | 3357 | 273 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | ML4676 | 94.5 | 273 | 1 | 2088 | 2435 | |
| 3359 | 0003910 | 3358 | 119 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3360 | 0003911 | 3359 | 118 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3361 | 0003912 | 3360 | 118 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3362 | 0003913 | 3361 | 118 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3363 | 0003914 | 3362 | 312 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1S56151 | 93.2 | 293 | 1 | 979 | 1270 | |
| 3364 | 0003915 | 3363 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3365 | 0003916 | 3364 | 116 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3366 | 0003917 | 3365 | 116 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3367 | 0003918 | 3366 | 116 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 3368 | 0003919 | 3367 | 116 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | IL12350 | 94.7 | 113 | 1 | 5395 | 5784 |
| 3369 | 0003920 | 3368 | 116 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3370 | 0003921 | 3369 | 115 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 174】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 3371 | 0003922 | 3370 | 115 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3372 | 0003923 | 3371 | 113 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3373 | 0003924 | 3372 | 113 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3374 | 0003925 | 3373 | 117 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3375 | 0003926 | 3374 | 112 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3376 | 0003927 | 3375 | 111 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3377 | 0003928 | 3376 | 111 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3378 | 0003929 | 3377 | 111 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3379 | 0003930 | 3378 | 110 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3380 | 0003931 | 3379 | 110 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X1580 | 93.6 | 110 | 1 | 1128 | 2291 |
| 3381 | 0003932 | 3380 | 110 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3382 | 0003933 | 3381 | 213 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3383 | 0003934 | 3382 | 110 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3384 | 0003935 | 3383 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3385 | 0003936 | 3384 | 107 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3386 | 0003937 | 3385 | 106 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3387 | 0003938 | 3386 | 105 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3388 | 0003939 | 3387 | 105 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3389 | 0003940 | 3388 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M31211 | 95.8 | 96 | 1 | 662 | 757 |
| 3390 | 0003941 | 3389 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3391 | 0003942 | 3390 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3392 | 0003943 | 3391 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3393 | 0003944 | 3392 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 175】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|------|----|------|------|------|--|
| 3394 | 0003945 | 3393 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3395 | 0003946 | 3394 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3396 | 0003947 | 3395 | 99 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3397 | 0003948 | 3396 | 97 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 3398 | 0003949 | 3397 | 97 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 3399 | 0003951 | 3398 | 94 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3400 | 0003952 | 3399 | 93 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3401 | 0003954 | 3400 | 91 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3402 | 0003955 | 3401 | 91 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3403 | 0003956 | 3402 | 91 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3404 | 0003958 | 3403 | 89 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3405 | 0003959 | 3404 | 88 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3406 | 0003960 | 3405 | 88 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3407 | 0003961 | 3406 | 87 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3408 | 0003962 | 3407 | 85 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3409 | 0003963 | 3408 | 84 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M76729 | 92.9 | 84 | 1 | 6245 | 7138 | |
| 3410 | 0003964 | 3409 | 81 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3411 | 0003965 | 3410 | 81 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3412 | 0003966 | 3411 | 88 | 15 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 9 | 0 | 0 | 5 | M35618 | 95.5 | 88 | 1 | 7295 | 7390 | | |
| 3413 | 0003967 | 3412 | 76 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | L13210 | 98.6 | 73 | 1 | 2185 | 2257 | | |
| 3414 | 0003968 | 3413 | 75 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3415 | 0003969 | 3414 | 73 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3416 | 0003971 | 3415 | 67 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | | |

【図 1 7 6】

[illegible]

【図177】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 3440 | 0004025 | 3439 | 464 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 3441 | 0004026 | 3440 | 302 | 9 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 2 | 2 | 1 | X05236 | 95 | 301 | 1 | 947 | 1440 |
| 3442 | 0004028 | 3441 | 452 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3443 | 0004029 | 3442 | 450 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3444 | 0004030 | 3443 | 444 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3445 | 0004031 | 3444 | 439 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3446 | 0004032 | 3445 | 437 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3447 | 0004033 | 3446 | 424 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3448 | 0004034 | 3447 | 422 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3449 | 0004035 | 3448 | 408 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3450 | 0004036 | 3449 | 378 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M80783 | 98 | 375 | 1 | 3139 | 3512 |
| 3451 | 0004037 | 3450 | 376 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3452 | 0004039 | 3451 | 368 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3453 | 0004040 | 3452 | 374 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | M83088 | 96 | 365 | 1 | 1957 | 2320 |
| 3454 | 0004041 | 3453 | 369 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3455 | 0004042 | 3454 | 358 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3456 | 0004044 | 3455 | 354 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3457 | 0004045 | 3456 | 354 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3458 | 0004046 | 3457 | 350 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3459 | 0004047 | 3458 | 348 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3460 | 0004048 | 3459 | 346 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3461 | 0004049 | 3460 | 346 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | S45936 | 96 | 350 | 1 | 2281 | 2687 |
| 3462 | 0004050 | 3461 | 343 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図178】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|---|--|
| 3463 | 0004051 | 3462 | 333 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3464 | 0004052 | 3463 | 339 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3465 | 0004053 | 3464 | 339 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3466 | 0004054 | 3465 | 339 | 9 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | | | | | | | | |
| 3467 | 0004055 | 3466 | 334 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3468 | 0004056 | 3467 | 334 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3469 | 0004057 | 3468 | 332 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X02160 | 100 | 154 | 1 | 1927 | 5180 | | |
| 3470 | 0004058 | 3469 | 332 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3471 | 0004059 | 3470 | 326 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3472 | 0004060 | 3471 | 329 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | | |
| 3473 | 0004061 | 3472 | 325 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M89458 | 94 | 325 | 1 | 536 | 1180 | | |
| 3474 | 0004062 | 3473 | 324 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3475 | 0004063 | 3474 | 339 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3476 | 0004064 | 3475 | 317 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3477 | 0004065 | 3476 | 315 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3478 | 0004066 | 3477 | 312 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3479 | 0004067 | 3478 | 309 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3480 | 0004068 | 3479 | 309 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3481 | 0004069 | 3480 | 308 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3482 | 0004070 | 3481 | 351 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | |
| 3483 | 0004071 | 3482 | 305 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3484 | 0004072 | 3483 | 303 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 3485 | 0004073 | 3484 | 303 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 3486 | 0004074 | 3485 | 301 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M62831 | 97 | 300 | 1 | 1467 | 1811 |
| 3487 | 0004075 | 3486 | 299 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3488 | 0004076 | 3487 | 415 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X53143 | 98 | 273 | 1 | 379 | 651 |
| 3489 | 0004077 | 3488 | 295 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3490 | 0004078 | 3489 | 292 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3491 | 0004079 | 3490 | 291 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3492 | 0004080 | 3491 | 300 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 1 | 2 | 0 | | | | | | |
| 3493 | 0004081 | 3492 | 287 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3494 | 0004082 | 3493 | 287 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3495 | 0004083 | 3494 | 278 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3496 | 0004084 | 3495 | 278 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3497 | 0004085 | 3496 | 277 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3498 | 0004087 | 3497 | 273 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3499 | 0004088 | 3498 | 272 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | L11315 | 95 | 271 | 1 | 3144 | 3741 |
| 3500 | 0004089 | 3499 | 270 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | D00099 | 97 | 270 | 1 | 3174 | 4108 |
| 3501 | 0004090 | 3500 | 267 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | M58459 | 100 | 264 | 1 | 594 | 870 |
| 3502 | 0004091 | 3501 | 263 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | L08044 | 92 | 243 | 1 | 166 | 398 |
| 3503 | 0004092 | 3502 | 257 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M35252 | 99 | 250 | 1 | 836 | 1104 |
| 3504 | 0004093 | 3503 | 255 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3505 | 0004094 | 3504 | 255 | 13 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 13 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3506 | 0004095 | 3505 | 253 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3507 | 0004096 | 3506 | 251 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3508 | 0004097 | 3507 | 249 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 180】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|-----|-----|------|------|------|
| 3509 | 0004098 | 3508 | 248 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M65131 | 95 | 246 | 1 | 237 | 2798 |
| 3510 | 0004099 | 3509 | 183 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3511 | 0004100 | 3510 | 245 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | D14658 | 100 | 243 | 1 | 452 | 1370 |
| 3512 | 0004101 | 3511 | 239 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X03363 | 99 | 236 | 1 | 4238 | 4473 |
| 3513 | 0004102 | 3512 | 239 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3514 | 0004103 | 3513 | 238 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M24048 | 97 | 235 | 1 | 1113 | 1347 | |
| 3515 | 0004104 | 3514 | 235 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3516 | 0004105 | 3515 | 233 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X53578 | 97 | 233 | 1 | 1795 | 2043 |
| 3517 | 0004106 | 3516 | 243 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 3518 | 0004107 | 3517 | 231 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | J04501 | 98 | 223 | 1 | 3309 | 3531 | |
| 3519 | 0004108 | 3518 | 231 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3520 | 0004109 | 3519 | 224 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3521 | 0004110 | 3520 | 294 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3522 | 0004111 | 3521 | 221 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M37197 | 93 | 219 | 1 | 2983 | 3216 | |
| 3523 | 0004112 | 3522 | 220 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3524 | 0004113 | 3523 | 219 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3525 | 0004114 | 3524 | 215 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3526 | 0004115 | 3525 | 213 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3527 | 0004116 | 3526 | 212 | 12 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 10 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | M93036 | 97 | 212 | 1 | 413 | 672 | |
| 3528 | 0004117 | 3527 | 211 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3529 | 0004118 | 3528 | 209 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3530 | 0004119 | 3529 | 208 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3531 | 0004120 | 3530 | 321 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 3532 | 0004121 | 3531 | 205 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3533 | 0004122 | 3532 | 205 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3534 | 0004123 | 3533 | 204 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3535 | 0004125 | 3534 | 201 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3536 | 0004126 | 3535 | 200 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3537 | 0004127 | 3536 | 209 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3538 | 0004128 | 3537 | 198 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3539 | 0004129 | 3538 | 191 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3540 | 0004130 | 3539 | 191 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3541 | 0004131 | 3540 | 187 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | M75099 | 97 | 186 | 1 | 377 | 562 |
| 3542 | 0004132 | 3541 | 184 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3543 | 0004133 | 3542 | 177 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3544 | 0004134 | 3543 | 173 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | M75099 | 98 | 173 | 1 | 345 | 562 |
| 3545 | 0004135 | 3544 | 172 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3546 | 0004136 | 3545 | 169 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M34079 | 96 | 168 | 1 | 1172 | 1341 |
| 3547 | 0004137 | 3546 | 169 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3548 | 0004139 | 3547 | 165 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3549 | 0004140 | 3548 | 165 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X56976 | 93 | 164 | 1 | 3066 | 3419 |
| 3550 | 0004141 | 3549 | 165 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3551 | 0004142 | 3550 | 161 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3552 | 0004143 | 3551 | 161 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3553 | 0004144 | 3552 | 159 | 9 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 5 | 1 | X69654 | 99 | 156 | 1 | 283 | 438 |
| 3554 | 0004145 | 3553 | 159 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【图 182】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 3555 | 0004146 | 3554 | 391 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3556 | 0004147 | 3555 | 157 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3557 | 0004148 | 3556 | 154 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3558 | 0004149 | 3557 | 151 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3559 | 0004150 | 3558 | 150 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3560 | 0004151 | 3559 | 148 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3561 | 0004152 | 3560 | 148 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | M73547 | 96 | 148 | 1 | 2918 | 3178 |
| 3562 | 0004153 | 3561 | 147 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3563 | 0004154 | 3562 | 146 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3564 | 0004155 | 3563 | 144 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3565 | 0004156 | 3564 | 140 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3566 | 0004157 | 3565 | 138 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3567 | 0004158 | 3566 | 137 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3568 | 0004159 | 3567 | 136 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3569 | 0004160 | 3568 | 135 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3570 | 0004161 | 3569 | 134 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3571 | 0004162 | 3570 | 134 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3572 | 0004163 | 3571 | 133 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3573 | 0004164 | 3572 | 132 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3574 | 0004165 | 3573 | 154 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 1 | 1 | 0 | J03592 | 96 | 127 | 1 | 980 | 1116 |
| 3575 | 0004166 | 3574 | 133 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3576 | 0004167 | 3575 | 125 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3577 | 0004169 | 3576 | 127 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 183】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---------|-----|----|----|------|------|----|
| 3578 | 0004170 | 3577 | 126 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3579 | 0004171 | 3578 | 123 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3580 | 0004172 | 3579 | 121 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3581 | 0004173 | 3580 | 121 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3582 | 0004174 | 3581 | 120 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3583 | 0004175 | 3582 | 119 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3584 | 0004176 | 3583 | 118 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3585 | 0004177 | 3584 | 118 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3586 | 0004178 | 3585 | 116 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3587 | 0004179 | 3586 | 82 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3588 | 0004180 | 3587 | 157 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3589 | 0004181 | 3588 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3590 | 0004182 | 3589 | 101 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3591 | 0004183 | 3590 | 99 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3592 | 0004184 | 3591 | 97 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3593 | 0004186 | 3592 | 95 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3594 | 0004187 | 3593 | 94 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3595 | 0004188 | 3594 | 93 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3596 | 0004189 | 3595 | 89 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3597 | 0004190 | 3596 | 90 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 3598 | 0004191 | 3597 | 87 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 003058 | 100 | 81 | 1 | 1422 | 1502 | |
| 3599 | 0004192 | 3598 | 87 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3600 | 0004193 | 3599 | 83 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0096684 | 99 | 83 | 1 | 1027 | 1144 | |

【図 1 8 4】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 3601 | 0004194 | 3600 | 83 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3602 | 0004195 | 3601 | 80 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3603 | 0004196 | 3602 | 112 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 3604 | 0004197 | 3603 | 74 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3605 | 0004198 | 3604 | 74 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 3606 | 0004199 | 3605 | 71 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3607 | 0004200 | 3606 | 71 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3608 | 0004201 | 3607 | 69 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3609 | 0004202 | 3608 | 65 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3610 | 0004203 | 3609 | 65 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3611 | 0004204 | 3610 | 153 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3612 | 0004205 | 3611 | 64 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3613 | 0004206 | 3612 | 64 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3614 | 0004207 | 3613 | 64 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3615 | 0004210 | 3614 | 63 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3616 | 0004211 | 3615 | 63 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3617 | 0004212 | 3616 | 61 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3618 | 0004213 | 3617 | 59 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3619 | 0004214 | 3618 | 58 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3620 | 0004215 | 3619 | 56 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3621 | 0004216 | 3620 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3622 | 0004218 | 3621 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3623 | 0004219 | 3622 | 51 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図185】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|-----|------|
| 3624 | 0004220 | 3623 | SL | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3625 | 0004247 | 3624 | 466 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | M94630 | 96 | 328 | 1 | 767 | 1154 |
| 3626 | 0004248 | 3625 | 429 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3627 | 0004249 | 3626 | 419 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3628 | 0004250 | 3627 | 419 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3629 | 0004252 | 3628 | 404 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3630 | 0004253 | 3629 | 403 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3631 | 0004256 | 3630 | 396 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3632 | 0004257 | 3631 | 392 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3633 | 0004258 | 3632 | 392 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3634 | 0004259 | 3633 | 391 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3635 | 0004261 | 3634 | 386 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3636 | 0004264 | 3635 | 375 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3637 | 0004265 | 3636 | 372 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3638 | 0004266 | 3637 | 372 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3639 | 0004267 | 3638 | 370 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3640 | 0004268 | 3639 | 370 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3641 | 0004269 | 3640 | 368 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3642 | 0004270 | 3641 | 364 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3643 | 0004271 | 3642 | 363 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3644 | 0004272 | 3643 | 361 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3645 | 0004273 | 3644 | 359 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3646 | 0004274 | 3645 | 356 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図186】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 3647 | 0004275 | 3646 | 355 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3648 | 0004276 | 3647 | 352 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3649 | 0004278 | 3648 | 348 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 3650 | 0004279 | 3649 | 347 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3651 | 0004280 | 3650 | 341 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3652 | 0004281 | 3651 | 341 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3653 | 0004282 | 3652 | 340 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3654 | 0004284 | 3653 | 339 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3655 | 0004285 | 3654 | 339 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3656 | 0004286 | 3655 | 337 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3657 | 0004287 | 3656 | 337 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3658 | 0004288 | 3657 | 390 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | X58141 | 96 | 356 | 1 | 3557 | 3936 |
| 3659 | 0004289 | 3658 | 73 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3660 | 0004290 | 3659 | 328 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3661 | 0004291 | 3660 | 328 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3662 | 0004292 | 3661 | 326 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3663 | 0004293 | 3662 | 326 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3664 | 0004294 | 3663 | 325 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 3665 | 0004295 | 3664 | 390 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3666 | 0004296 | 3665 | 324 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3667 | 0004297 | 3666 | 323 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3668 | 0004298 | 3667 | 320 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3669 | 0004299 | 3668 | 319 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 1 8 7】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 3670 | 0004300 | 3669 | 318 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3671 | 0004302 | 3670 | 317 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3672 | 0004303 | 3671 | 317 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3673 | 0004304 | 3672 | 317 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3674 | 0004305 | 3673 | 317 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3675 | 0004306 | 3674 | 316 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3676 | 0004307 | 3675 | 374 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3677 | 0004308 | 3676 | 316 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3678 | 0004309 | 3677 | 315 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3679 | 0004310 | 3678 | 315 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3680 | 0004311 | 3679 | 347 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 3681 | 0004312 | 3680 | 312 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3682 | 0004313 | 3681 | 307 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3683 | 0004314 | 3682 | 306 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3684 | 0004315 | 3683 | 351 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3685 | 0004316 | 3684 | 304 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3686 | 0004317 | 3685 | 303 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3687 | 0004318 | 3686 | 302 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3688 | 0004319 | 3687 | 301 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3689 | 0004320 | 3688 | 300 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3690 | 0004321 | 3689 | 299 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3691 | 0004322 | 3690 | 417 | 11 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 1 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 2 | 2 | MB6400 | 100 | 415 | 1 | 2379 | 2834 |
| 3692 | 0004323 | 3691 | 298 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図188】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|----|-----|----|-----|
| 3693 | 0004324 | 3692 | 294 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3694 | 0004325 | 3693 | 293 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3695 | 0004326 | 3694 | 292 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3696 | 0004327 | 3695 | 291 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3697 | 0004328 | 3696 | 291 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3698 | 0004329 | 3697 | 290 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3699 | 0004330 | 3698 | 288 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3700 | 0004331 | 3699 | 285 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3701 | 0004332 | 3700 | 285 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3702 | 0004333 | 3701 | 282 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3703 | 0004334 | 3702 | 303 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3704 | 0004335 | 3703 | 278 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3705 | 0004336 | 3704 | 277 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3706 | 0004337 | 3705 | 275 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3707 | 0004339 | 3706 | 269 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3708 | 0004340 | 3707 | 266 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3709 | 0004341 | 3708 | 266 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3710 | 0004342 | 3709 | 270 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3711 | 0004343 | 3710 | 264 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3712 | 0004344 | 3711 | 262 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 92 | 299 | 98 | 259 | 1 | 179 |
| 3713 | 0004345 | 3712 | 255 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 3714 | 0004346 | 3713 | 251 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3715 | 0004347 | 3714 | 250 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 1 8 9】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 3716 | 0004348 | 3715 | 248 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3717 | 0004349 | 3716 | 248 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3718 | 0004351 | 3717 | 248 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3719 | 0004352 | 3718 | 245 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3720 | 0004353 | 3719 | 243 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3721 | 0004354 | 3720 | 241 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | MS167 | 98 | 217 | 1 | 2394 | 2610 |
| 3722 | 0004355 | 3721 | 239 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3723 | 0004356 | 3722 | 236 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3724 | 0004357 | 3723 | 235 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3725 | 0004358 | 3724 | 232 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3726 | 0004359 | 3725 | 231 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3727 | 0004360 | 3726 | 237 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3728 | 0004361 | 3727 | 231 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | K02054 | 97 | 224 | 1 | 575 | 797 |
| 3729 | 0004362 | 3728 | 229 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3730 | 0004363 | 3729 | 228 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3731 | 0004364 | 3730 | 228 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3732 | 0004365 | 3731 | 226 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3733 | 0004366 | 3732 | 224 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3734 | 0004368 | 3733 | 223 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3735 | 0004369 | 3734 | 221 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3736 | 0004370 | 3735 | 219 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3737 | 0004371 | 3736 | 214 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3738 | 0004372 | 3737 | 215 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図190】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|-----|------|
| 3739 | 0004373 | 3738 | 213 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X62534 | 99 | 212 | 1 | 550 | 1301 |
| 3740 | 0004374 | 3739 | 211 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3741 | 0004375 | 3740 | 390 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3742 | 0004377 | 3741 | 235 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3743 | 0004378 | 3742 | 209 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3744 | 0004379 | 3743 | 209 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3745 | 0004380 | 3744 | 208 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3746 | 0004381 | 3745 | 208 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3747 | 0004382 | 3746 | 207 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3748 | 0004383 | 3747 | 207 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3749 | 0004384 | 3748 | 204 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3750 | 0004385 | 3749 | 202 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3751 | 0004386 | 3750 | 201 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3752 | 0004387 | 3751 | 200 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3753 | 0004388 | 3752 | 198 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3754 | 0004389 | 3753 | 197 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3755 | 0004390 | 3754 | 197 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3756 | 0004391 | 3755 | 195 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3757 | 0004392 | 3756 | 195 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3758 | 0004393 | 3757 | 195 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3759 | 0004394 | 3758 | 193 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3760 | 0004395 | 3759 | 190 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3761 | 0004396 | 3760 | 190 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 3762 | 0004397 | 3761 | 187 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3763 | 0004398 | 3762 | 187 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3764 | 0004399 | 3763 | 186 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3765 | 0004400 | 3764 | 185 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3766 | 0004401 | 3765 | 182 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3767 | 0004402 | 3766 | 180 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 3 | 0 | 1 | 0 | DI3629 | 97 | 177 | 1 | 4282 | 4457 |
| 3768 | 0004403 | 3767 | 179 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | X05026 | 95 | 179 | 1 | 516 | 1074 |
| 3769 | 0004404 | 3768 | 178 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M31523 | 99 | 175 | 1 | 4222 | 4396 |
| 3770 | 0004405 | 3769 | 332 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3771 | 0004406 | 3770 | 177 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3772 | 0004407 | 3771 | 186 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3773 | 0004408 | 3772 | 175 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3774 | 0004409 | 3773 | 172 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3775 | 0004410 | 3774 | 107 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3776 | 0004411 | 3775 | 169 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3777 | 0004412 | 3776 | 167 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3778 | 0004414 | 3777 | 168 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3779 | 0004415 | 3778 | 162 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3780 | 0004416 | 3779 | 161 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3781 | 0004417 | 3780 | 160 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3782 | 0004418 | 3781 | 158 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3783 | 0004419 | 3782 | 158 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3784 | 0004420 | 3783 | 156 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図192】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|---|--|
| 3765 | 0004421 | 3784 | 158 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3786 | 0004422 | 3785 | 158 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3787 | 0004423 | 3786 | 157 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3788 | 0004424 | 3787 | 157 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3789 | 0004425 | 3788 | 161 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 3 | | | | | | | | | |
| 3790 | 0004426 | 3789 | 156 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3791 | 0004427 | 3790 | 155 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3792 | 0004428 | 3791 | 155 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3793 | 0004429 | 3792 | 155 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3794 | 0004430 | 3793 | 153 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3795 | 0004431 | 3794 | 153 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3796 | 0004432 | 3795 | 152 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3797 | 0004433 | 3796 | 151 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3798 | 0004434 | 3797 | 151 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3799 | 0004435 | 3798 | 151 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3800 | 0004436 | 3799 | 150 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3801 | 0004437 | 3800 | 146 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3802 | 0004439 | 3801 | 145 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3803 | 0004440 | 3802 | 149 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3804 | 0004441 | 3803 | 144 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | |
| 3805 | 0004442 | 3804 | 144 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3806 | 0004443 | 3805 | 139 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | | |
| 3807 | 0004445 | 3806 | 137 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | |

【図 1 9 3】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 3808 | 0004446 | 3807 | 137 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3809 | 0004447 | 3808 | 137 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3810 | 0004448 | 3809 | 133 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3811 | 0004449 | 3810 | 132 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3812 | 0004450 | 3811 | 130 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3813 | 0004452 | 3812 | 129 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3814 | 0004453 | 3813 | 129 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3815 | 0004454 | 3814 | 126 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3816 | 0004455 | 3815 | 126 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3817 | 0004456 | 3816 | 126 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3818 | 0004457 | 3817 | 126 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3819 | 0004460 | 3818 | 123 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3820 | 0004461 | 3819 | 122 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3821 | 0004462 | 3820 | 125 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | X04526 | 100 | 125 | 1 | 1493 | 3088 |
| 3822 | 0004463 | 3821 | 119 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3823 | 0004464 | 3822 | 133 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3824 | 0004465 | 3823 | 119 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3825 | 0004466 | 3824 | 118 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3826 | 0004467 | 3825 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3827 | 0004468 | 3826 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3828 | 0004469 | 3827 | 116 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3829 | 0004470 | 3828 | 115 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3830 | 0004471 | 3829 | 114 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 194】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|-----|-----|----|------|------|
| 3831 | 000472 | 3830 | 114 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 95 | 114 | 1 | 1932 | 2389 |
| 3832 | 000473 | 3831 | 112 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3833 | 000474 | 3832 | 111 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3834 | 000476 | 3833 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3835 | 000478 | 3834 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3836 | 000482 | 3835 | 182 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3837 | 000483 | 3836 | 105 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 3 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 3838 | 000484 | 3837 | 105 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3839 | 000485 | 3838 | 105 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3840 | 000486 | 3839 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3841 | 000487 | 3840 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3842 | 000488 | 3841 | 103 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 97 | 99 | 1 | 217 | 721 |
| 3843 | 000489 | 3842 | 103 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3844 | 000491 | 3843 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3845 | 000492 | 3844 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3846 | 000493 | 3845 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3847 | 000494 | 3846 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3848 | 000495 | 3847 | 101 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3849 | 000496 | 3848 | 101 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3850 | 000497 | 3849 | 100 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3851 | 000498 | 3850 | 97 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3852 | 000499 | 3851 | 96 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3853 | 0004500 | 3852 | 95 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 100 | 83 | 1 | 1974 | 2075 |

【図 196】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 3877 | 0004528 | 3876 | 67 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3878 | 0004529 | 3877 | 66 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3879 | 0004530 | 3878 | 64 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3880 | 0004531 | 3879 | 64 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3881 | 0004532 | 3880 | 62 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3882 | 0004533 | 3881 | 61 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3883 | 0004534 | 3882 | 60 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3884 | 0004535 | 3883 | 60 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3885 | 0004536 | 3884 | 60 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3886 | 0004537 | 3885 | 60 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3887 | 0004538 | 3886 | 59 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3888 | 0004539 | 3887 | 59 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3889 | 0004541 | 3888 | 58 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3890 | 0004542 | 3889 | 57 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3891 | 0004543 | 3890 | 56 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3892 | 0004544 | 3891 | 56 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3893 | 0004546 | 3892 | 55 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3894 | 0004547 | 3893 | 55 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3895 | 0004548 | 3894 | 85 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3896 | 0004549 | 3895 | 53 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3897 | 0004551 | 3896 | 53 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3898 | 0004552 | 3897 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3899 | 0004556 | 3898 | 51 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図197】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|----|
| 3900 | 0004557 | 3899 | 50 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3901 | 0004597 | 3900 | 443 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3902 | 0004598 | 3901 | 423 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3903 | 0004599 | 3902 | 413 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3904 | 0004600 | 3903 | 410 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3905 | 0004601 | 3904 | 402 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3906 | 0004602 | 3905 | 393 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3907 | 0004603 | 3906 | 392 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3908 | 0004604 | 3907 | 385 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3909 | 0004605 | 3908 | 383 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3910 | 0004606 | 3909 | 383 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3911 | 0004607 | 3910 | 380 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 3912 | 0004608 | 3911 | 377 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3913 | 0004609 | 3912 | 367 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | XL2453 | 99 | 362 | 1 | 1217 | 1582 | |
| 3914 | 0004610 | 3913 | 360 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3915 | 0004611 | 3914 | 359 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 3916 | 0004612 | 3915 | 359 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3917 | 0004613 | 3916 | 359 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3918 | 0004614 | 3917 | 358 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3919 | 0004615 | 3918 | 356 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3920 | 0004616 | 3919 | 355 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3921 | 0004617 | 3920 | 351 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3922 | 0004618 | 3921 | 349 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 1 9 8】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 3923 | 0004619 | 3922 | 346 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3924 | 0004620 | 3923 | 347 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3925 | 0004621 | 3924 | 345 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3926 | 0004623 | 3925 | 342 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3927 | 0004624 | 3926 | 409 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3928 | 0004625 | 3927 | 338 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3929 | 0004626 | 3928 | 331 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3930 | 0004627 | 3929 | 331 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3931 | 0004628 | 3930 | 328 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3932 | 0004629 | 3931 | 327 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3933 | 0004630 | 3932 | 326 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3934 | 0004631 | 3933 | 325 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3935 | 0004632 | 3934 | 324 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3936 | 0004633 | 3935 | 319 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3937 | 0004634 | 3936 | 317 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3938 | 0004635 | 3937 | 317 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3939 | 0004636 | 3938 | 316 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3940 | 0004637 | 3939 | 316 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3941 | 0004638 | 3940 | 313 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3942 | 0004639 | 3941 | 312 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3943 | 0004640 | 3942 | 311 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3944 | 0004641 | 3943 | 307 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3945 | 0004642 | 3944 | 306 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図199】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 3946 | 0004643 | 3945 | 306 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3947 | 0004644 | 3946 | 306 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3948 | 0004645 | 3947 | 304 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3949 | 0004646 | 3948 | 301 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3950 | 0004647 | 3949 | 301 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3951 | 0004648 | 3950 | 299 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3952 | 0004649 | 3951 | 293 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3953 | 0004650 | 3952 | 293 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3954 | 0004651 | 3953 | 292 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3955 | 0004652 | 3954 | 291 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3956 | 0004653 | 3955 | 290 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3957 | 0004654 | 3956 | 287 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3958 | 0004655 | 3957 | 298 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 3959 | 0004656 | 3958 | 287 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 3960 | 0004657 | 3959 | 286 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3961 | 0004658 | 3960 | 283 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3962 | 0004659 | 3961 | 283 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3963 | 0004660 | 3962 | 281 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3964 | 0004661 | 3963 | 280 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3965 | 0004662 | 3964 | 278 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3966 | 0004663 | 3965 | 301 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3967 | 0004664 | 3966 | 276 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 3968 | 0004665 | 3967 | 276 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |

【図200】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 3969 | 0004666 | 3968 | 279 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3970 | 0004667 | 3969 | 273 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3971 | 0004668 | 3970 | 268 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3972 | 0004669 | 3971 | 268 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 113738 | 93 | 269 | 1 | 4278 | 4545 |
| 3973 | 0004670 | 3972 | 267 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3974 | 0004671 | 3973 | 266 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3975 | 0004672 | 3974 | 265 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3976 | 0004673 | 3975 | 265 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3977 | 0004674 | 3976 | 263 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3978 | 0004675 | 3977 | 261 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3979 | 0004676 | 3978 | 315 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3980 | 0004677 | 3979 | 258 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3981 | 0004678 | 3980 | 258 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3982 | 0004679 | 3981 | 257 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3983 | 0004680 | 3982 | 257 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3984 | 0004681 | 3983 | 256 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3985 | 0004682 | 3984 | 254 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3986 | 0004683 | 3985 | 252 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3987 | 0004684 | 3986 | 251 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3988 | 0004685 | 3987 | 251 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3989 | 0004686 | 3988 | 251 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3990 | 0004687 | 3989 | 250 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 3991 | 0004688 | 3990 | 245 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 201】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 3992 | 0004689 | 3991 | 245 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3993 | 0004690 | 3992 | 244 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3994 | 0004691 | 3993 | 244 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3995 | 0004692 | 3994 | 242 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3996 | 0004693 | 3995 | 241 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3997 | 0004694 | 3996 | 240 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3998 | 0004695 | 3997 | 238 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 3999 | 0004696 | 3998 | 238 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4000 | 0004697 | 3999 | 237 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4001 | 0004698 | 4000 | 236 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4002 | 0004699 | 4001 | 235 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4003 | 0004700 | 4002 | 234 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4004 | 0004701 | 4003 | 234 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4005 | 0004702 | 4004 | 234 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4006 | 0004703 | 4005 | 231 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4007 | 0004704 | 4006 | 231 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4008 | 0004705 | 4007 | 242 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4009 | 0004706 | 4008 | 230 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4010 | 0004707 | 4009 | 229 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | XL5088 | 94 | 230 | 1 | 1045 | 1292 |
| 4011 | 0004708 | 4010 | 226 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4012 | 0004709 | 4011 | 226 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4013 | 0004710 | 4012 | 225 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4014 | 0004711 | 4013 | 221 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図202】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 4015 | 0004712 | 4014 | 221 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4016 | 0004713 | 4015 | 220 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4017 | 0004714 | 4016 | 218 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4018 | 0004715 | 4017 | 217 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4019 | 0004716 | 4018 | 217 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4020 | 0004717 | 4019 | 217 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4021 | 0004718 | 4020 | 216 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4022 | 0004719 | 4021 | 215 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4023 | 0004720 | 4022 | 215 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4024 | 0004721 | 4023 | 214 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4025 | 0004722 | 4024 | 213 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4026 | 0004723 | 4025 | 212 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4027 | 0004724 | 4026 | 211 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4028 | 0004725 | 4027 | 210 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4029 | 0004726 | 4028 | 232 | 15 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 3 | 10 | 0 | 0 | X64879 | 100 | 232 | 1 | 587 | 1692 |
| 4030 | 0004728 | 4029 | 209 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4031 | 0004729 | 4030 | 209 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4032 | 0004730 | 4031 | 208 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4033 | 0004732 | 4032 | 207 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4034 | 0004733 | 4033 | 207 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4035 | 0004734 | 4034 | 205 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4036 | 0004735 | 4035 | 204 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | J02966 | 100 | 204 | 1 | 1097 | 1320 |
| 4037 | 0004736 | 4036 | 203 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 203】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 4038 | 0004737 | 4037 | 202 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4039 | 0004738 | 4038 | 201 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4040 | 0004739 | 4039 | 201 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4041 | 0004740 | 4040 | 201 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4042 | 0004741 | 4041 | 200 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4043 | 0004742 | 4042 | 200 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4044 | 0004743 | 4043 | 200 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | S42457 | 98 | 198 | 1 | 2483 | 2857 |
| 4045 | 0004744 | 4044 | 200 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 4046 | 0004745 | 4045 | 199 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4047 | 0004746 | 4046 | 199 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4048 | 0004747 | 4047 | 198 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4049 | 0004748 | 4048 | 196 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4050 | 0004750 | 4049 | 196 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4051 | 0004751 | 4050 | 195 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4052 | 0004752 | 4051 | 194 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4053 | 0004753 | 4052 | 193 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4054 | 0004754 | 4053 | 191 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4055 | 0004755 | 4054 | 264 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4056 | 0004756 | 4055 | 186 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4057 | 0004757 | 4056 | 150 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4058 | 0004758 | 4057 | 186 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4059 | 0004759 | 4058 | 183 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4060 | 0004760 | 4059 | 183 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図204】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---------|-----|-----|----|------|------|
| 4061 | 0004761 | 4060 | 182 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4062 | 0004762 | 4061 | 181 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 3 | 0 | 1 | 0 | 004056 | 100 | 178 | 1 | 1032 | 1209 |
| 4063 | 0004763 | 4062 | 180 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4064 | 0004764 | 4063 | 180 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4065 | 0004765 | 4064 | 180 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4066 | 0004766 | 4065 | 178 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4067 | 0004767 | 4066 | 177 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4068 | 0004768 | 4067 | 175 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4069 | 0004769 | 4068 | 175 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4070 | 0004770 | 4069 | 174 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4071 | 0004771 | 4070 | 171 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4072 | 0004772 | 4071 | 170 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4073 | 0004773 | 4072 | 169 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4074 | 0004774 | 4073 | 169 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4075 | 0004775 | 4074 | 169 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0062958 | 97 | 166 | 1 | 2820 | 2985 |
| 4076 | 0004776 | 4075 | 168 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4077 | 0004777 | 4076 | 168 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4078 | 0004778 | 4077 | 167 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4079 | 0004779 | 4078 | 176 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4080 | 0004780 | 4079 | 164 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4081 | 0004781 | 4080 | 163 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4082 | 0004782 | 4081 | 162 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4083 | 0004783 | 4082 | 161 | 14 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 14 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 205】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|---|
| 4084 | 0004784 | 4083 | 159 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4085 | 0004785 | 4084 | 159 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4086 | 0004786 | 4085 | 158 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4087 | 0004787 | 4086 | 158 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4088 | 0004788 | 4087 | 157 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4089 | 0004789 | 4088 | 155 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4090 | 0004790 | 4089 | 155 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4091 | 0004791 | 4090 | 155 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4092 | 0004792 | 4091 | 153 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4093 | 0004793 | 4092 | 152 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4094 | 0004794 | 4093 | 149 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4095 | 0004795 | 4094 | 149 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4096 | 0004796 | 4095 | 148 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4097 | 0004797 | 4096 | 147 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4098 | 0004798 | 4097 | 148 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 4099 | 0004799 | 4098 | 149 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4100 | 0004800 | 4099 | 146 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4101 | 0004801 | 4100 | 146 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4102 | 0004802 | 4101 | 146 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4103 | 0004803 | 4102 | 146 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4104 | 0004804 | 4103 | 144 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4105 | 0004805 | 4104 | 143 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4106 | 0004806 | 4105 | 143 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図206】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 4107 | 0004808 | 4106 | 142 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4108 | 0004809 | 4107 | 142 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4109 | 0004810 | 4108 | 141 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4110 | 0004811 | 4109 | 140 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 57445 | 96 | 140 | 1 | 596 | 735 |
| 4111 | 0004812 | 4110 | 138 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4112 | 0004813 | 4111 | 138 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4113 | 0004814 | 4112 | 137 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4114 | 0004815 | 4113 | 137 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4115 | 0004816 | 4114 | 136 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4116 | 0004817 | 4115 | 136 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4117 | 0004818 | 4116 | 135 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | X72760 | 99 | 136 | 1 | 1830 | 1971 |
| 4118 | 0004819 | 4117 | 133 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4119 | 0004820 | 4118 | 132 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4120 | 0004821 | 4119 | 132 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4121 | 0004822 | 4120 | 132 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4122 | 0004823 | 4121 | 130 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | M65217 | 100 | 101 | 1 | 2311 | 2411 |
| 4123 | 0004824 | 4122 | 128 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4124 | 0004826 | 4123 | 126 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4125 | 0004827 | 4124 | 124 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4126 | 0004828 | 4125 | 123 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4127 | 0004829 | 4126 | 122 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4128 | 0004830 | 4127 | 121 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4129 | 0004831 | 4128 | 121 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図207】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|-----|-----|
| 4130 | 0004832 | 4129 | 121 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4131 | 0004833 | 4130 | 119 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4132 | 0004834 | 4131 | 116 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4133 | 0004835 | 4132 | 115 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4134 | 0004836 | 4133 | 115 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4135 | 0004837 | 4134 | 115 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4136 | 0004838 | 4135 | 115 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4137 | 0004839 | 4136 | 115 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4138 | 0004840 | 4137 | 112 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4139 | 0004841 | 4138 | 111 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 002317 | 100 | 111 | 1 | 517 | 874 |
| 4140 | 0004842 | 4139 | 111 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4141 | 0004843 | 4140 | 111 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4142 | 0004844 | 4141 | 110 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4143 | 0004845 | 4142 | 110 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4144 | 0004846 | 4143 | 110 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4145 | 0004847 | 4144 | 109 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4146 | 0004848 | 4145 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4147 | 0004850 | 4146 | 109 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | | | | | | |
| 4148 | 0004851 | 4147 | 107 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4149 | 0004852 | 4148 | 107 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4150 | 0004853 | 4149 | 107 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4151 | 0004854 | 4150 | 107 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4152 | 0004855 | 4151 | 107 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図208】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 4153 | 0004856 | 4152 | 106 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4154 | 0004859 | 4153 | 102 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4155 | 0004860 | 4154 | 101 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4156 | 0004861 | 4155 | 100 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4157 | 0004862 | 4156 | 97 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4158 | 0004863 | 4157 | 97 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4159 | 0004864 | 4158 | 96 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4160 | 0004865 | 4159 | 95 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4161 | 0004866 | 4160 | 95 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4162 | 0004867 | 4161 | 95 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4163 | 0004868 | 4162 | 94 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4164 | 0004869 | 4163 | 94 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4165 | 0004870 | 4164 | 92 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4166 | 0004871 | 4165 | 92 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4167 | 0004872 | 4166 | 91 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4168 | 0004873 | 4167 | 91 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4169 | 0004874 | 4168 | 90 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4170 | 0004875 | 4169 | 90 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4171 | 0004877 | 4170 | 89 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4172 | 0004878 | 4171 | 88 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4173 | 0004879 | 4172 | 88 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4174 | 0004881 | 4173 | 87 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4175 | 0004882 | 4174 | 86 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 209】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 4176 | 0004883 | 4175 | 86 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4177 | 0004884 | 4176 | 85 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4178 | 0004885 | 4177 | 84 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4179 | 0004886 | 4178 | 84 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4180 | 0004887 | 4179 | 83 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4181 | 0004888 | 4180 | 83 | 11 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 9 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4182 | 0004889 | 4181 | 82 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4183 | 0004890 | 4182 | 81 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4184 | 0004891 | 4183 | 81 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4185 | 0004892 | 4184 | 81 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4186 | 0004893 | 4185 | 80 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4187 | 0004894 | 4186 | 79 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4188 | 0004895 | 4187 | 79 | 14 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 13 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4189 | 0004897 | 4188 | 76 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4190 | 0004898 | 4189 | 76 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4191 | 0004900 | 4190 | 74 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4192 | 0004902 | 4191 | 73 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4193 | 0004903 | 4192 | 73 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4194 | 0004904 | 4193 | 74 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4195 | 0004905 | 4194 | 72 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4196 | 0004907 | 4195 | 70 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4197 | 0004908 | 4196 | 70 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4198 | 0004909 | 4197 | 69 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図210】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|----|----|------|------|
| 4199 | 0004910 | 4198 | 67 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | L03785 | 100 | 65 | 1 | 597 | 661 |
| 4200 | 0004912 | 4199 | 65 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4201 | 0004913 | 4200 | 64 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4202 | 0004914 | 4201 | 75 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4203 | 0004915 | 4202 | 63 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4204 | 0004916 | 4203 | 63 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4205 | 0004917 | 4204 | 62 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4206 | 0004918 | 4205 | 62 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4207 | 0004919 | 4206 | 62 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4208 | 0004920 | 4207 | 61 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4209 | 0004921 | 4208 | 60 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4210 | 0004922 | 4209 | 60 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4211 | 0004923 | 4210 | 59 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4212 | 0004924 | 4211 | 59 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M74826 | 97 | 58 | 1 | 2396 | 2457 |
| 4213 | 0004925 | 4212 | 59 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4214 | 0004926 | 4213 | 59 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4215 | 0004927 | 4214 | 57 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4216 | 0004928 | 4215 | 57 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4217 | 0004929 | 4216 | 57 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4218 | 0004930 | 4217 | 56 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4219 | 0004932 | 4218 | 55 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4220 | 0004934 | 4219 | 53 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4221 | 0004939 | 4220 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 2 1 1】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 4222 | 0004940 | 4221 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4223 | 0004942 | 4222 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4224 | 0004944 | 4223 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4225 | 0004945 | 4224 | 51 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4226 | 0004946 | 4225 | 51 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4227 | 0004947 | 4226 | 51 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4228 | 0004948 | 4227 | 56 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4229 | 0004950 | 4228 | 50 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4230 | 0004965 | 4229 | 113 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4231 | 0004985 | 4230 | 131 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4232 | 0004986 | 4231 | 50 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4233 | 0004987 | 4232 | 282 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4234 | 0004988 | 4233 | 257 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4235 | 0004989 | 4234 | 132 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4236 | 0004990 | 4235 | 51 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4237 | 0004991 | 4236 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4238 | 0004992 | 4237 | 113 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4239 | 0004993 | 4238 | 471 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4240 | 0004994 | 4239 | 338 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4241 | 0004997 | 4240 | 237 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4242 | 0004998 | 4241 | 313 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4243 | 0004999 | 4242 | 271 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4244 | 0005001 | 4243 | 345 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 2 1 2】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 4245 | 0005002 | 4244 | 406 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4246 | 0005003 | 4245 | 74 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4247 | 0005004 | 4246 | 230 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4248 | 0005005 | 4247 | 161 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4249 | 0005006 | 4248 | 259 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 3 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4250 | 0005007 | 4249 | 71 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4251 | 0005008 | 4250 | 67 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4252 | 0005009 | 4251 | 143 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4253 | 0005010 | 4252 | 362 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4254 | 0005011 | 4253 | 213 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4255 | 0005013 | 4254 | 169 | 14 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 6 | 7 | 1 | 0 | 0 | Y00503 | 96 | 164 | 1 | 1197 | 1360 |
| 4256 | 0005014 | 4255 | 379 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4257 | 0005016 | 4256 | 196 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | M16276 | 98 | 196 | 1 | 1121 | 1763 |
| 4258 | 0005018 | 4257 | 262 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4259 | 0005019 | 4258 | 277 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4260 | 0005021 | 4259 | 271 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | L20493 | 98 | 269 | 1 | 761 | 1032 |
| 4261 | 0005022 | 4260 | 80 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4262 | 0005023 | 4261 | 138 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4263 | 0005024 | 4262 | 64 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4264 | 0005025 | 4263 | 296 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4265 | 0005026 | 4264 | 135 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4266 | 0005027 | 4265 | 337 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4267 | 0005028 | 4266 | 179 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 4268 | 0005029 | 4267 | 207 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4269 | 0005030 | 4268 | 325 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4270 | 0005031 | 4269 | 304 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4271 | 0005033 | 4270 | 105 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4272 | 0005034 | 4271 | 343 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4273 | 0005035 | 4272 | 370 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | M97935 | 95 | 366 | 1 | 3429 | 3970 |
| 4274 | 0005037 | 4273 | 529 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | M11233 | 92 | 460 | 1 | 1540 | 2038 |
| 4275 | 0005039 | 4274 | 365 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4276 | 0005040 | 4275 | 114 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4277 | 0005041 | 4276 | 312 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4278 | 0005042 | 4277 | 306 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4279 | 0005043 | 4278 | 287 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4280 | 0005044 | 4279 | 324 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | X14618 | 98 | 321 | 1 | 1043 | 1359 |
| 4281 | 0005045 | 4280 | 65 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4282 | 0005046 | 4281 | 288 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4283 | 0005047 | 4282 | 333 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4284 | 0005051 | 4283 | 287 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | 0 | 0 | M59911 | 93 | 289 | 1 | 4163 | 4637 |
| 4285 | 0005052 | 4284 | 170 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | |
| 4286 | 0005053 | 4285 | 136 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4287 | 0005054 | 4286 | 100 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4288 | 0005055 | 4287 | 204 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4289 | 0005056 | 4288 | 310 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4290 | 0005058 | 4289 | 222 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 2 1 4】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 4291 | 0005059 | 4290 | 307 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | I03426 | 95 | 306 | 1 | 2875 | 3233 |
| 4292 | 0005060 | 4291 | 297 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4293 | 0005061 | 4292 | 208 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4294 | 0005062 | 4293 | 208 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4295 | 0005063 | 4294 | 126 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4296 | 0005064 | 4295 | 552 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4297 | 0005065 | 4296 | 180 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4298 | 0005066 | 4297 | 553 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4299 | 0005068 | 4298 | 313 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 1 | 0 | 0 | 0 | M87789 | 97 | 312 | 1 | 877 | 1599 |
| 4300 | 0005069 | 4299 | 176 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4301 | 0005070 | 4300 | 389 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | X07393 | 91 | 370 | 1 | 2132 | 2509 |
| 4302 | 0005071 | 4301 | 436 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 4303 | 0005073 | 4302 | 533 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4304 | 0005074 | 4303 | 124 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4305 | 0005075 | 4304 | 451 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4306 | 0005076 | 4305 | 197 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4307 | 0005077 | 4306 | 69 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4308 | 0005079 | 4307 | 54 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4309 | 0005080 | 4308 | 103 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4310 | 0005081 | 4309 | 449 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4311 | 0005082 | 4310 | 247 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | X03067 | 95 | 246 | 1 | 815 | 1081 |
| 4312 | 0005083 | 4311 | 424 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4313 | 0005085 | 4312 | 296 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |

【図215】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 4314 | 0005086 | 4313 | 374 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4315 | 0005087 | 4314 | 510 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4316 | 0005088 | 4315 | 466 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4317 | 0005089 | 4316 | 470 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4318 | 0005090 | 4317 | 476 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4319 | 0005091 | 4318 | 77 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 3 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4320 | 0005092 | 4319 | 277 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4321 | 0005094 | 4320 | 314 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4322 | 0005095 | 4321 | 489 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4323 | 0005096 | 4322 | 292 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | J03241 | 98 | 290 | 1 | 2235 | 2529 |
| 4324 | 0005099 | 4323 | 173 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4325 | 0005100 | 4324 | 307 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4326 | 0005102 | 4325 | 244 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4327 | 0005103 | 4326 | 69 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | X69819 | 100 | 69 | 1 | 1666 | 1817 |
| 4328 | 0005104 | 4327 | 341 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4329 | 0005105 | 4328 | 303 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4330 | 0005106 | 4329 | 349 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4331 | 0005107 | 4330 | 257 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4332 | 0005108 | 4331 | 210 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 1 | 0 | 1 | 0 | X54079 | 95 | 205 | 1 | 586 | 789 |
| 4333 | 0005109 | 4332 | 559 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4334 | 0005110 | 4333 | 50 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4335 | 0005111 | 4334 | 377 | 16 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 13 | 3 | 0 | 0 | 0 | M63438 | 94 | 374 | 1 | 720 | 1244 |
| 4336 | 0005112 | 4335 | 415 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 2 1 6】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 4337 | 0005113 | 4336 | 156 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4338 | 0005114 | 4337 | 310 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4339 | 0005115 | 4338 | 231 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4340 | 0005116 | 4339 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4341 | 0005117 | 4340 | 419 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4342 | 0005118 | 4341 | 75 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4343 | 0005119 | 4342 | 171 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4344 | 0005120 | 4343 | 309 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4345 | 0005121 | 4344 | 587 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4346 | 0005122 | 4345 | 111 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4347 | 0005123 | 4346 | 198 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4348 | 0005124 | 4347 | 355 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4349 | 0005126 | 4348 | 115 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4350 | 0005127 | 4349 | 240 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4351 | 0005128 | 4350 | 96 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4352 | 0005129 | 4351 | 354 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 4353 | 0005130 | 4352 | 161 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4354 | 0005132 | 4353 | 129 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4355 | 0005133 | 4354 | 227 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4356 | 0005134 | 4355 | 154 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4357 | 0005135 | 4356 | 181 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4358 | 0005136 | 4357 | 315 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4359 | 0005137 | 4358 | 255 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 2 1 7】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|----|----|-----|------|
| 4360 | 0005138 | 4359 | 212 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4361 | 0005139 | 4360 | 136 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4362 | 0005140 | 4361 | 228 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4363 | 0005141 | 4362 | 297 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4364 | 0005142 | 4363 | 90 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | X07834 | 99 | 88 | 1 | 679 | 1026 |
| 4365 | 0005143 | 4364 | 362 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4366 | 0005144 | 4365 | 99 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4367 | 0005145 | 4366 | 80 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 4368 | 0005147 | 4367 | 263 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4369 | 0005148 | 4368 | 111 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4370 | 0005149 | 4369 | 264 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4371 | 0005150 | 4370 | 259 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4372 | 0005151 | 4371 | 250 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4373 | 0005152 | 4372 | 260 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4374 | 0005153 | 4373 | 261 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4375 | 0005155 | 4374 | 145 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4376 | 0005156 | 4375 | 206 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4377 | 0005157 | 4376 | 264 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4378 | 0005158 | 4377 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4379 | 0005159 | 4378 | 195 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4380 | 0005160 | 4379 | 54 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4381 | 0005161 | 4380 | 89 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4382 | 0005162 | 4381 | 89 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 2 1 8】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 4383 | 0005163 | 4382 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4384 | 0005164 | 4383 | 248 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4385 | 0005165 | 4384 | 239 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4386 | 0005166 | 4385 | 223 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4387 | 0005167 | 4386 | 311 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4388 | 0005168 | 4387 | 52 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4389 | 0005169 | 4388 | 333 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4390 | 0005170 | 4389 | 146 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4391 | 0005172 | 4390 | 257 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4392 | 0005173 | 4391 | 73 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4393 | 0005174 | 4392 | 73 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4394 | 0005176 | 4393 | 306 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4395 | 0005177 | 4394 | 76 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 4396 | 0005178 | 4395 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4397 | 0005180 | 4396 | 268 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4398 | 0005181 | 4397 | 114 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4399 | 0005182 | 4398 | 179 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4400 | 0005183 | 4399 | 85 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4401 | 0005184 | 4400 | 194 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4402 | 0005185 | 4401 | 216 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4403 | 0005186 | 4402 | 333 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4404 | 0005187 | 4403 | 185 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4405 | 0005188 | 4404 | 108 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |

【図 2 1 9】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 4406 | 0005190 | 4405 | 201 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4407 | 0005191 | 4406 | 118 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4408 | 0005192 | 4407 | 277 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4409 | 0005194 | 4408 | 209 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4410 | 0005195 | 4409 | 58 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 109209 | 91 | 55 | 1 | 3673 | 3725 |
| 4411 | 0005196 | 4410 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4412 | 0005197 | 4411 | 190 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4413 | 0005198 | 4412 | 241 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4414 | 0005199 | 4413 | 51 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 110284 | 100 | 51 | 1 | 3826 | 4117 |
| 4415 | 0005200 | 4414 | 153 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4416 | 0005201 | 4415 | 103 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4417 | 0005203 | 4416 | 390 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4418 | 0005204 | 4417 | 144 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4419 | 0005205 | 4418 | 272 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4420 | 0005206 | 4419 | 168 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4421 | 0005207 | 4420 | 207 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4422 | 0005208 | 4421 | 189 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 4423 | 0005209 | 4422 | 278 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4424 | 0005210 | 4423 | 119 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4425 | 0005211 | 4424 | 258 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | M74817 | 99 | 251 | 1 | 761 | 1011 |
| 4426 | 0005212 | 4425 | 173 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4427 | 0005213 | 4426 | 62 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4428 | 0005214 | 4427 | 217 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 220】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 4429 | 0005215 | 4428 | 80 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4430 | 0005216 | 4429 | 187 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4431 | 0005217 | 4430 | 115 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4432 | 0005218 | 4431 | 270 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4433 | 0005219 | 4432 | 123 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4434 | 0005220 | 4433 | 288 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4435 | 0005221 | 4434 | 156 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4436 | 0005222 | 4435 | 51 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4437 | 0005223 | 4436 | 149 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4438 | 0005224 | 4437 | 204 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4439 | 0005227 | 4438 | 213 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4440 | 0005228 | 4439 | 67 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4441 | 0005229 | 4440 | 70 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4442 | 0005230 | 4441 | 148 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4443 | 0005231 | 4442 | 189 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4444 | 0005232 | 4443 | 71 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4445 | 0005233 | 4444 | 240 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4446 | 0005234 | 4445 | 67 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | 157650 | 98 | 64 | 1 | 1236 | 1299 |
| 4447 | 0005235 | 4446 | 173 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4448 | 0005236 | 4447 | 263 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | 158354 | 99 | 261 | 1 | 2258 | 3630 |
| 4449 | 0005237 | 4448 | 65 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4450 | 0005238 | 4449 | 124 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4451 | 0005239 | 4450 | 234 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---------|----|-----|----|------|------|
| 4452 | 0005240 | 4451 | 191 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | X64330 | 96 | 188 | 4 | 3910 | 4297 |
| 4453 | 0005241 | 4452 | 308 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4454 | 0005242 | 4453 | 116 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4455 | 0005243 | 4454 | 337 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4456 | 0005244 | 4455 | 120 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4457 | 0005245 | 4456 | 185 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4458 | 0005246 | 4457 | 59 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4459 | 0005247 | 4458 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4460 | 0005248 | 4459 | 363 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 4461 | 0005249 | 4460 | 266 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4462 | 0005250 | 4461 | 225 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4463 | 0005251 | 4462 | 104 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4464 | 0005252 | 4463 | 256 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4465 | 0005253 | 4464 | 255 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4466 | 0005254 | 4465 | 58 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4467 | 0005255 | 4466 | 234 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4468 | 0005259 | 4467 | 208 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4469 | 0005260 | 4468 | 84 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4470 | 0005262 | 4469 | 75 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4471 | 0005263 | 4470 | 423 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4472 | 0005264 | 4471 | 122 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 4473 | 0005266 | 4472 | 85 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | ME59040 | 95 | 84 | 1 | 1706 | 1794 |
| 4474 | 0005267 | 4473 | 187 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図221】

【図 2 2 2】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 4475 | 0005269 | 4474 | 211 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4476 | 0005270 | 4475 | 62 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4477 | 0005271 | 4476 | 98 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4478 | 0005272 | 4477 | 239 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 4479 | 0005273 | 4478 | 102 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4480 | 0005274 | 4479 | 332 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 4481 | 0005275 | 4480 | 72 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4482 | 0005276 | 4481 | 100 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4483 | 0005278 | 4482 | 96 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4484 | 0005279 | 4483 | 116 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4485 | 0005280 | 4484 | 411 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4486 | 0005281 | 4485 | 90 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4487 | 0005282 | 4486 | 342 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4488 | 0005283 | 4487 | 547 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4489 | 0005284 | 4488 | 301 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4490 | 0005285 | 4489 | 153 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4491 | 0005286 | 4490 | 216 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 4492 | 0005287 | 4491 | 172 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4493 | 0005288 | 4492 | 289 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4494 | 0005289 | 4493 | 121 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 4495 | 0005290 | 4494 | 293 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 4496 | 0005291 | 4495 | 336 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4497 | 0005292 | 4496 | 252 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 2 2 3】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 4498 | 0005293 | 4497 | 57 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4499 | 0005294 | 4498 | 564 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4500 | 0005295 | 4499 | 112 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4501 | 0005296 | 4500 | 152 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4502 | 0005297 | 4501 | 323 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4503 | 0005298 | 4502 | 229 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4504 | 0005300 | 4503 | 135 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 222969 | 99 | 130 | 1 | 3405 | 3786 |
| 4505 | 0005301 | 4504 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4506 | 0005302 | 4505 | 189 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4507 | 0005303 | 4506 | 363 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4508 | 0005304 | 4507 | 229 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4509 | 0005305 | 4508 | 496 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4510 | 0005306 | 4509 | 415 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4511 | 0005307 | 4510 | 209 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4512 | 0005308 | 4511 | 353 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | X68148 | 98 | 354 | 1 | 2662 | 3031 |
| 4513 | 0005309 | 4512 | 64 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | Y0971 | 97 | 64 | 1 | 2392 | 2457 |
| 4514 | 0005310 | 4513 | 169 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4515 | 0005311 | 4514 | 132 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4516 | 0005312 | 4515 | 328 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4517 | 0005313 | 4516 | 307 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4518 | 0005314 | 4517 | 133 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4519 | 0005315 | 4518 | 130 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4520 | 0005316 | 4519 | 105 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 2 2 4】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|--|
| 4521 | 0005317 | 4520 | 51 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4522 | 0005318 | 4521 | 159 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4523 | 0005319 | 4522 | 170 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4524 | 0005320 | 4523 | 73 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4525 | 0005321 | 4524 | 130 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4526 | 0005322 | 4525 | 56 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4527 | 0005323 | 4526 | 90 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4528 | 0005325 | 4527 | 58 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 2 | 0 | | | | | | | |
| 4529 | 0005326 | 4528 | 115 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4530 | 0005327 | 4529 | 201 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4531 | 0005328 | 4530 | 274 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4532 | 0005329 | 4531 | 331 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4533 | 0005331 | 4532 | 155 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4534 | 0005332 | 4533 | 115 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4535 | 0005333 | 4534 | 61 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4536 | 0005334 | 4535 | 72 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4537 | 0005335 | 4536 | 376 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4538 | 0005336 | 4537 | 170 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4539 | 0005337 | 4538 | 57 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4540 | 0005339 | 4539 | 372 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4541 | 0005340 | 4540 | 367 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4542 | 0005341 | 4541 | 150 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4543 | 0005342 | 4542 | 109 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |

【図 2 2 5】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|-----|-----|---|
| 4544 | 0005343 | 4543 | 315 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4545 | 0005344 | 4544 | 157 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4546 | 0005345 | 4545 | 396 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 4547 | 0005346 | 4546 | 84 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4548 | 0005347 | 4547 | 316 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4549 | 0005349 | 4548 | 218 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4550 | 0005350 | 4549 | 297 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4551 | 0005351 | 4550 | 321 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4552 | 0005352 | 4551 | 137 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4553 | 0005353 | 4552 | 285 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4554 | 0005354 | 4553 | 326 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 101411 | 90 | 324 | 2 | 223 | 636 | |
| 4555 | 0005355 | 4554 | 194 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 4556 | 0005356 | 4555 | 106 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4557 | 0005357 | 4556 | 89 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4558 | 0005359 | 4557 | 365 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4559 | 0005360 | 4558 | 313 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4560 | 0005361 | 4559 | 73 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4561 | 0005362 | 4560 | 247 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4562 | 0005363 | 4561 | 95 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4563 | 0005364 | 4562 | 134 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4564 | 0005365 | 4563 | 269 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4565 | 0005366 | 4564 | 189 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4566 | 0005367 | 4565 | 79 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |

【図 2 2 6】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|--------|-----|----|----|------|------|
| 4567 | 0005368 | 4566 | 255 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4568 | 0005370 | 4567 | 51 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4569 | 0005371 | 4568 | 352 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4570 | 0005372 | 4569 | 174 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4571 | 0005373 | 4570 | 201 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4572 | 0005374 | 4571 | 371 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4573 | 0005375 | 4572 | 194 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4574 | 0005376 | 4573 | 313 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4575 | 0005377 | 4574 | 182 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4576 | 0005378 | 4575 | 313 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4577 | 0005379 | 4576 | 310 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4578 | 0005381 | 4577 | 330 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4579 | 0005382 | 4578 | 204 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 4580 | 0005383 | 4579 | 136 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4581 | 0005384 | 4580 | 87 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4582 | 0005387 | 4581 | 305 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4583 | 0005388 | 4582 | 106 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4584 | 0005389 | 4583 | 167 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4585 | 0005390 | 4584 | 110 | 22 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 8 | 0 | 0 | 0 | 0 | 14 | ML3577 | 100 | 99 | 1 | 2041 | 2139 |
| 4586 | 0005391 | 4585 | 216 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | J05459 | | | | | |
| 4587 | 0005392 | 4586 | 103 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4588 | 0005393 | 4587 | 194 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4589 | 0005394 | 4588 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 2 2 7】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|-----|-----|
| 4590 | 0005395 | 4589 | 266 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4591 | 0005396 | 4590 | 72 | 9 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 7 | | | | | | |
| 4592 | 0005398 | 4591 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4593 | 0005399 | 4592 | 74 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4594 | 0005400 | 4593 | 292 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4595 | 0005401 | 4594 | 265 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M69054 | 96 | 265 | 1 | 645 | 918 |
| 4596 | 0005402 | 4595 | 173 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4597 | 0005404 | 4596 | 270 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4598 | 0005406 | 4597 | 333 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4599 | 0005407 | 4598 | 250 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4600 | 0005408 | 4599 | 211 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4601 | 0005409 | 4600 | 307 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4602 | 0005410 | 4601 | 152 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4603 | 0005411 | 4602 | 178 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4604 | 0005412 | 4603 | 366 | 9 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 7 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4605 | 0005413 | 4604 | 203 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4606 | 0005414 | 4605 | 352 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4607 | 0005415 | 4606 | 210 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4608 | 0005416 | 4607 | 74 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4609 | 0005417 | 4608 | 275 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4610 | 0005418 | 4609 | 109 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4611 | 0005419 | 4610 | 303 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4612 | 0005420 | 4611 | 230 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 2 2 8】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 4613 | 0005421 | 4612 | 354 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4614 | 0005422 | 4613 | 348 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4615 | 0005423 | 4614 | 266 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4616 | 0005424 | 4615 | 279 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4617 | 0005425 | 4616 | 113 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4618 | 0005426 | 4617 | 214 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4619 | 0005427 | 4618 | 413 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4620 | 0005428 | 4619 | 55 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4621 | 0005429 | 4620 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4622 | 0005430 | 4621 | 419 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4623 | 0005431 | 4622 | 307 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4624 | 0005432 | 4623 | 239 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4625 | 0005433 | 4624 | 51 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4626 | 0005434 | 4625 | 279 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 4627 | 0005435 | 4626 | 290 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4628 | 0005436 | 4627 | 392 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4629 | 0005437 | 4628 | 162 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4630 | 0005438 | 4629 | 122 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4631 | 0005439 | 4630 | 287 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4632 | 0005440 | 4631 | 188 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4633 | 0005441 | 4632 | 286 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4634 | 0005442 | 4633 | 288 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4635 | 0005443 | 4634 | 292 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 4636 | 0005444 | 4635 | 62 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4637 | 0005445 | 4636 | 64 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4638 | 0005446 | 4637 | 322 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4639 | 0005447 | 4638 | 70 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4640 | 0005448 | 4639 | 183 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4641 | 0005451 | 4640 | 70 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4642 | 0005452 | 4641 | 202 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4643 | 0005453 | 4642 | 149 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4644 | 0005454 | 4643 | 310 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4645 | 0005455 | 4644 | 221 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4646 | 0005456 | 4645 | 176 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4647 | 0005457 | 4646 | 335 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4648 | 0005458 | 4647 | 293 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4649 | 0005459 | 4648 | 184 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4650 | 0005460 | 4649 | 372 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4651 | 0005461 | 4650 | 278 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4652 | 0005462 | 4651 | 324 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4653 | 0005464 | 4652 | 225 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4654 | 0005465 | 4653 | 251 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4655 | 0005466 | 4654 | 239 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4656 | 0005467 | 4655 | 238 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4657 | 0005468 | 4656 | 128 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4658 | 0005469 | 4657 | 92 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【 2 2 9 】

【図 230】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 4659 | 0005470 | 4658 | 130 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4660 | 0005471 | 4659 | 330 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4661 | 0005472 | 4660 | 332 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4662 | 0005474 | 4661 | 335 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4663 | 0005475 | 4662 | 131 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4664 | 0005476 | 4663 | 139 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4665 | 0005477 | 4664 | 345 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4666 | 0005478 | 4665 | 342 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4667 | 0005479 | 4666 | 50 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 4668 | 0005480 | 4667 | 173 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4669 | 0005481 | 4668 | 290 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4670 | 0005482 | 4669 | 125 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4671 | 0005483 | 4670 | 252 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4672 | 0005484 | 4671 | 334 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4673 | 0005485 | 4672 | 192 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4674 | 0005486 | 4673 | 314 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4675 | 0005488 | 4674 | 51 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4676 | 0005490 | 4675 | 313 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4677 | 0005491 | 4676 | 90 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4678 | 0005492 | 4677 | 97 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4679 | 0005493 | 4678 | 319 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4680 | 0005494 | 4679 | 146 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4681 | 0005495 | 4680 | 177 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 2 3 1】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 4682 | 0005496 | 4681 | 103 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4683 | 0005497 | 4682 | 145 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4684 | 0005498 | 4683 | 278 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4685 | 0005502 | 4684 | 241 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4686 | 0005503 | 4685 | 64 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 4687 | 0005504 | 4686 | 62 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4688 | 0005505 | 4687 | 338 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4689 | 0005506 | 4688 | 70 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4690 | 0005507 | 4689 | 57 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4691 | 0005508 | 4690 | 158 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4692 | 0005509 | 4691 | 153 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4693 | 0005510 | 4692 | 341 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4694 | 0005511 | 4693 | 333 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4695 | 0005513 | 4694 | 187 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4696 | 0005514 | 4695 | 228 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4697 | 0005515 | 4696 | 299 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4698 | 0005516 | 4697 | 154 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4699 | 0005518 | 4698 | 250 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4700 | 0005519 | 4699 | 249 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4701 | 0005520 | 4700 | 290 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4702 | 0005521 | 4701 | 355 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4703 | 0005522 | 4702 | 381 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4704 | 0005523 | 4703 | 326 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 2 3 2】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 4705 | 0005524 | 4704 | 133 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4706 | 0005525 | 4705 | 264 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4707 | 0005526 | 4706 | 319 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4708 | 0005527 | 4707 | 226 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4709 | 0005528 | 4708 | 239 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4710 | 0005529 | 4709 | 68 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4711 | 0005531 | 4710 | 122 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4712 | 0005532 | 4711 | 196 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4713 | 0005533 | 4712 | 315 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4714 | 0005534 | 4713 | 168 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4715 | 0005535 | 4714 | 311 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4716 | 0005536 | 4715 | 167 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4717 | 0005538 | 4716 | 118 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4718 | 0005539 | 4717 | 311 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4719 | 0005540 | 4718 | 337 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4720 | 0005541 | 4719 | 164 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4721 | 0005544 | 4720 | 279 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4722 | 0005545 | 4721 | 137 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4723 | 0005547 | 4722 | 259 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4724 | 0005548 | 4723 | 275 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4725 | 0005551 | 4724 | 183 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4726 | 0005552 | 4725 | 234 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4727 | 0005553 | 4726 | 316 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|---|
| 4728 | 0005555 | 4727 | 303 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4729 | 0005556 | 4728 | 287 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4730 | 0005558 | 4729 | 297 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4731 | 0005559 | 4730 | 297 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4732 | 0005560 | 4731 | 120 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4733 | 0005561 | 4732 | 53 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4734 | 0005562 | 4733 | 362 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4735 | 0005563 | 4734 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4736 | 0005564 | 4735 | 368 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4737 | 0005565 | 4736 | 64 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 4738 | 0005566 | 4737 | 292 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4739 | 0005567 | 4738 | 251 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4740 | 0005568 | 4739 | 97 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 4741 | 0005570 | 4740 | 106 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4742 | 0005571 | 4741 | 106 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 106328 | 97 | 103 | 1 | 1302 | 1404 | |
| 4743 | 0005572 | 4742 | 149 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4744 | 0005573 | 4743 | 356 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4745 | 0005574 | 4744 | 190 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4746 | 0005575 | 4745 | 81 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 4747 | 0005576 | 4746 | 89 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4748 | 0005577 | 4747 | 311 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 4749 | 0005578 | 4748 | 94 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4750 | 0005579 | 4749 | 248 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図 2 3 4】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|-------|----|-----|----|------|------|
| 4751 | 0005580 | 4750 | 66 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4752 | 0005581 | 4751 | 59 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4753 | 0005582 | 4752 | 307 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4754 | 0005583 | 4753 | 322 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 4755 | 0005584 | 4754 | 207 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4756 | 0005585 | 4755 | 301 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4757 | 0005586 | 4756 | 301 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4758 | 0005587 | 4757 | 160 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4759 | 0005588 | 4758 | 120 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4760 | 0005589 | 4759 | 296 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4761 | 0005590 | 4760 | 67 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 4762 | 0005591 | 4761 | 50 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4763 | 0005593 | 4762 | 233 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | M2567 | 98 | 114 | 1 | 118 | 1231 |
| 4764 | 0005595 | 4763 | 281 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 4765 | 0005596 | 4764 | 95 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4766 | 0005598 | 4765 | 80 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4767 | 0005599 | 4766 | 204 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4768 | 0005600 | 4767 | 83 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | M2315 | 98 | 80 | 1 | 3702 | 3781 |
| 4769 | 0005601 | 4768 | 288 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4770 | 0005602 | 4769 | 235 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4771 | 0005603 | 4770 | 275 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4772 | 0005604 | 4771 | 277 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4773 | 0005606 | 4772 | 279 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 2 3 5】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|---|
| 4774 | 0005607 | 4773 | 253 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4775 | 0005608 | 4774 | 300 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4776 | 0005610 | 4775 | 294 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4777 | 0005612 | 4776 | 135 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4778 | 0005613 | 4777 | 328 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4779 | 0005614 | 4778 | 140 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4780 | 0005615 | 4779 | 190 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4781 | 0005616 | 4780 | 159 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4782 | 0005617 | 4781 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4783 | 0005618 | 4782 | 294 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 4784 | 0005619 | 4783 | 294 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 4785 | 0005620 | 4784 | 319 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4786 | 0005621 | 4785 | 259 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4787 | 0005622 | 4786 | 232 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4788 | 0005623 | 4787 | 138 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4789 | 0005624 | 4788 | 135 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 4790 | 0005625 | 4789 | 64 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4791 | 0005627 | 4790 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4792 | 0005628 | 4791 | 244 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4793 | 0005629 | 4792 | 209 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 4794 | 0005630 | 4793 | 265 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4795 | 0005631 | 4794 | 177 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4796 | 0005632 | 4795 | 376 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |

【236】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|--|
| 4797 | 0005634 | 4796 | 89 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4798 | 0005635 | 4797 | 55 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4799 | 0005636 | 4798 | 244 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4800 | 0005637 | 4799 | 231 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4801 | 0005639 | 4800 | 307 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | | |
| 4802 | 0005640 | 4801 | 65 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4803 | 0005642 | 4802 | 159 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4804 | 0005643 | 4803 | 255 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4805 | 0005644 | 4804 | 309 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 4806 | 0005645 | 4805 | 126 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4807 | 0005646 | 4806 | 316 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4808 | 0005647 | 4807 | 226 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4809 | 0005648 | 4808 | 311 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | X04741 | 100 | 310 | 1 | 330 | 1014 | |
| 4810 | 0005649 | 4809 | 95 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4811 | 0005650 | 4810 | 312 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | | |
| 4812 | 0005651 | 4811 | 309 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 112136 | 99 | 307 | 1 | 94 | 1831 | |
| 4813 | 0005652 | 4812 | 371 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4814 | 0005653 | 4813 | 332 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M36661 | 97 | 257 | 1 | 1338 | 1598 | |
| 4815 | 0005654 | 4814 | 131 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4816 | 0005655 | 4815 | 271 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | | |
| 4817 | 0005656 | 4816 | 87 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4818 | 0005657 | 4817 | 293 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4819 | 0005658 | 4818 | 313 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | K02778 | 96 | 299 | 1 | 506 | 800 | |

【図 2 3 7】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 4820 | 0005659 | 4819 | 279 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4821 | 0005660 | 4820 | 203 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4822 | 0005661 | 4821 | 112 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 108112 | 96 | 111 | 1 | 1011 | 1344 |
| 4823 | 0005662 | 4822 | 291 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4824 | 0005665 | 4823 | 133 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4825 | 0005667 | 4824 | 325 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4826 | 0005668 | 4825 | 113 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 2 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4827 | 0005669 | 4826 | 157 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4828 | 0005671 | 4827 | 214 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4829 | 0005673 | 4828 | 141 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4830 | 0005674 | 4829 | 154 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4831 | 0005676 | 4830 | 236 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4832 | 0005679 | 4831 | 168 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4833 | 0005680 | 4832 | 79 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4834 | 0005681 | 4833 | 107 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4835 | 0005682 | 4834 | 267 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4836 | 0005683 | 4835 | 78 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4837 | 0005684 | 4836 | 51 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4838 | 0005685 | 4837 | 244 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4839 | 0005686 | 4838 | 278 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4840 | 0005687 | 4839 | 334 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4841 | 0005688 | 4840 | 246 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | X62078 | 96 | 240 | 1 | 2189 | 2436 |
| 4842 | 0005689 | 4841 | 316 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 2 3 8】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|-----|----|------|------|
| 4843 | 0005690 | 4842 | 346 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4844 | 0005692 | 4843 | 187 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4845 | 0005693 | 4844 | 228 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 99 | 222 | 1 | 114 | 1335 |
| 4846 | 0005694 | 4845 | 220 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 94 | 229 | 1 | 2593 | 2838 |
| 4847 | 0005695 | 4846 | 367 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4848 | 0005696 | 4847 | 88 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4849 | 0005697 | 4848 | 216 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4850 | 0005700 | 4849 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4851 | 0005701 | 4850 | 148 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 99 | 145 | 1 | 950 | 1098 |
| 4852 | 0005704 | 4851 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4853 | 0005706 | 4852 | 53 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4854 | 0005707 | 4853 | 147 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4855 | 0005708 | 4854 | 295 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4856 | 0005709 | 4855 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4857 | 0005710 | 4856 | 374 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4858 | 0005711 | 4857 | 123 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 97 | 117 | 1 | 2439 | 2570 |
| 4859 | 0005712 | 4858 | 226 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4860 | 0005713 | 4859 | 223 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4861 | 0005714 | 4860 | 299 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4862 | 0005715 | 4861 | 204 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4863 | 0005716 | 4862 | 347 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4864 | 0005717 | 4863 | 234 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4865 | 0005718 | 4864 | 287 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 98 | 284 | 1 | 2120 | 2402 |

【図 2 3 9】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 4866 | 0005719 | 4865 | 341 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4867 | 0005720 | 4866 | 299 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4868 | 0005721 | 4867 | 235 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | X03342 | 93 | 233 | 1 | 190 | 505 |
| 4869 | 0005722 | 4868 | 63 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 006667 | 98 | 63 | 1 | 802 | 1560 |
| 4870 | 0005723 | 4869 | 105 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4871 | 0005724 | 4870 | 317 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4872 | 0005725 | 4871 | 178 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4873 | 0005726 | 4872 | 123 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4874 | 0005727 | 4873 | 61 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 106105 | 100 | 60 | 1 | 1297 | 1649 |
| 4875 | 0005729 | 4874 | 292 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4876 | 0005730 | 4875 | 61 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4877 | 0005731 | 4876 | 140 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4878 | 0005732 | 4877 | 309 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4879 | 0005733 | 4878 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4880 | 0005734 | 4879 | 233 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4881 | 0005735 | 4880 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4882 | 0005736 | 4881 | 277 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4883 | 0005738 | 4882 | 98 | 15 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4884 | 0005739 | 4883 | 51 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4885 | 0005740 | 4884 | 225 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4886 | 0005741 | 4885 | 81 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4887 | 0005742 | 4886 | 213 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4888 | 0005743 | 4887 | 130 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |

【図240】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---------|----|-----|----|------|------|
| 4889 | 0005747 | 4888 | 103 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4890 | 0005748 | 4889 | 324 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 080244 | 95 | 324 | 1 | 3373 | 3984 |
| 4891 | 0005749 | 4890 | 212 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4892 | 0005751 | 4891 | 284 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4893 | 0005752 | 4892 | 60 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4894 | 0005754 | 4893 | 144 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4895 | 0005755 | 4894 | 138 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4896 | 0005756 | 4895 | 84 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4897 | 0005757 | 4896 | 114 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4898 | 0005758 | 4897 | 322 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4899 | 0005759 | 4898 | 121 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4900 | 0005763 | 4899 | 149 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4901 | 0005765 | 4900 | 71 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4902 | 0005767 | 4901 | 111 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4903 | 0005768 | 4902 | 202 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0K62571 | 97 | 73 | # | 1430 | 1512 |
| 4904 | 0005769 | 4903 | 262 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4905 | 0005770 | 4904 | 250 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4906 | 0005772 | 4905 | 227 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4907 | 0005773 | 4906 | 231 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4908 | 0005774 | 4907 | 128 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4909 | 0005775 | 4908 | 349 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0D13643 | 95 | 343 | 1 | 3150 | 4186 |
| 4910 | 0005776 | 4909 | 354 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4911 | 0005777 | 4910 | 81 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 2 4 1】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|---------|-----|-----|------|------|------|
| 4912 | 0005778 | 4911 | 136 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4913 | 0005779 | 4912 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4914 | 0005780 | 4913 | 361 | 7 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 3 | 0 | 0 | J00269 | 91 | 359 | 1 | 1268 | 1617 | |
| 4915 | 0005781 | 4914 | 102 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | | | | | | | |
| 4916 | 0005782 | 4915 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4917 | 0005783 | 4916 | 210 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 2 | 1 | | | | | | | |
| 4918 | 0005784 | 4917 | 139 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4919 | 0005785 | 4918 | 150 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4920 | 0005786 | 4919 | 155 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4921 | 0005787 | 4920 | 155 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4922 | 0005789 | 4921 | 262 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4923 | 0005790 | 4922 | 232 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4924 | 0005792 | 4923 | 76 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4925 | 0005793 | 4924 | 75 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 3 | 0 | 0 | M87068 | 93 | 67 | 1 | 361 | 427 |
| 4926 | 0005794 | 4925 | 149 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4927 | 0005795 | 4926 | 209 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 4928 | 0005796 | 4927 | 334 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4929 | 0005797 | 4928 | 207 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | L112350 | 100 | 204 | 1 | 5181 | 5784 |
| 4930 | 0005798 | 4929 | 208 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 2 | | | | | | | |
| 4931 | 0005799 | 4930 | 84 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | X02851 | 100 | 84 | 1 | 1936 | 2027 |
| 4932 | 0005801 | 4931 | 336 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 4933 | 0005804 | 4932 | 328 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | X03803 | 91 | 323 | 1 | 525 | 956 |
| 4934 | 0005805 | 4933 | 226 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |

【242】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 4935 | 0005807 | 4934 | 142 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4936 | 0005808 | 4935 | 301 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4937 | 0005810 | 4936 | 61 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4938 | 0005813 | 4937 | 81 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4939 | 0005814 | 4938 | 102 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | |
| 4940 | 0005815 | 4939 | 66 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4941 | 0005816 | 4940 | 287 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4942 | 0005817 | 4941 | 74 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4943 | 0005818 | 4942 | 106 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4944 | 0005819 | 4943 | 96 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4945 | 0005820 | 4944 | 63 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4946 | 0005821 | 4945 | 61 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4947 | 0005823 | 4946 | 274 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4948 | 0005824 | 4947 | 268 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4949 | 0005825 | 4948 | 322 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4950 | 0005826 | 4949 | 66 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4951 | 0005827 | 4950 | 89 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4952 | 0005829 | 4951 | | | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4953 | 0005830 | 4952 | 341 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4954 | 0005831 | 4953 | 138 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4955 | 0005832 | 4954 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4956 | 0005833 | 4955 | 274 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4957 | 0005834 | 4956 | 342 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | |

【図243】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 4958 | 0005835 | 4957 | 337 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | X54232 | 97 | 313 | 1 | 3380 | 3692 |
| 4959 | 0005836 | 4958 | 290 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | |
| 4960 | 0005837 | 4959 | 111 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | |
| 4961 | 0005838 | 4960 | 292 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4962 | 0005839 | 4961 | 99 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4963 | 0005840 | 4962 | 291 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4964 | 0005841 | 4963 | 68 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4965 | 0005842 | 4964 | 223 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4966 | 0005843 | 4965 | 292 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4967 | 0005844 | 4966 | 65 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4968 | 0005845 | 4967 | 225 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4969 | 0005846 | 4968 | 135 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | 1 | 0 | 0 | | | | | |
| 4970 | 0005847 | 4969 | 225 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | L10844 | 93 | 223 | 3 | 125 | 1855 |
| 4971 | 0005848 | 4970 | 281 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4972 | 0005849 | 4971 | 179 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4973 | 0005850 | 4972 | 312 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4974 | 0005851 | 4973 | 124 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 124 | 1 | 4132 | 4268 |
| 4975 | 0005852 | 4974 | 312 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4976 | 0005854 | 4975 | 311 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4977 | 0005855 | 4976 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4978 | 0005856 | 4977 | 55 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4979 | 0005857 | 4978 | 312 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | | | | | | |
| 4980 | 0005858 | 4979 | 168 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 168 | 1 | 376 | 1560 |

【図244】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 4981 | 0005859 | 4980 | 123 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | M1839L | 95 | 118 | 1 | 3253 | 3370 |
| 4982 | 0005860 | 4981 | 166 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4983 | 0005862 | 4982 | 97 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4984 | 0005863 | 4983 | 211 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4985 | 0005864 | 4984 | 314 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | M26252 | 92 | 312 | 1 | 1817 | 2306 |
| 4986 | 0005865 | 4985 | 259 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | | | | | | |
| 4987 | 0005866 | 4986 | 195 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4988 | 0005867 | 4987 | 56 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4989 | 0005868 | 4988 | 82 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4990 | 0005869 | 4989 | 286 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4991 | 0005870 | 4990 | 310 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4992 | 0005871 | 4991 | 304 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4993 | 0005872 | 4992 | 233 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4994 | 0005874 | 4993 | 275 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4995 | 0005875 | 4994 | 89 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4996 | 0005876 | 4995 | 312 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4997 | 0005877 | 4996 | 224 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4998 | 0005879 | 4997 | 303 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | |
| 4999 | 0005880 | 4998 | 143 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5000 | 0005882 | 4999 | 389 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5001 | 0005883 | 5000 | 323 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | M6457L | 91 | 323 | 1 | 4646 | 5022 |
| 5002 | 0005885 | 5001 | 131 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5003 | 0005886 | 5002 | 115 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 2 4 5】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|----|
| 5004 | 0005887 | 5003 | 105 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5005 | 0005888 | 5004 | 350 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5006 | 0005889 | 5005 | 304 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5007 | 0005890 | 5006 | 64 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5008 | 0005892 | 5007 | 136 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5009 | 0005893 | 5008 | 162 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5010 | 0005894 | 5009 | 329 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | M17783 | 98 | 101 | 1 | 1091 | 1191 | |
| 5011 | 0005895 | 5010 | 329 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | M21551 | 96 | 330 | 1 | 295 | 640 | |
| 5012 | 0005896 | 5011 | 308 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5013 | 0005897 | 5012 | 97 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5014 | 0005898 | 5013 | 229 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5015 | 0005899 | 5014 | 144 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5016 | 0005900 | 5015 | 81 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5017 | 0005902 | 5016 | 324 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5018 | 0005903 | 5017 | 320 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5019 | 0005907 | 5018 | 312 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | X62571 | 94 | 308 | 1 | 1071 | 1512 | |
| 5020 | 0005908 | 5019 | 54 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5021 | 0005912 | 5020 | 208 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5022 | 0005913 | 5021 | 92 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5023 | 0005914 | 5022 | 270 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5024 | 0005916 | 5023 | 236 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5025 | 0005917 | 5024 | 265 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5026 | 0005918 | 5025 | 54 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |

【図246】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|--|
| 5027 | 0005919 | 5026 | 63 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5028 | 0005920 | 5027 | 233 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5029 | 0005921 | 5028 | 137 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | X63629 | 99 | 126 | 1 | 3046 | 3171 | |
| 5030 | 0005923 | 5029 | 90 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5031 | 0005924 | 5030 | 223 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5032 | 0005925 | 5031 | 259 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5033 | 0005926 | 5032 | 349 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5034 | 0005927 | 5033 | 202 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5035 | 0005928 | 5034 | 127 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5036 | 0005932 | 5035 | 249 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5037 | 0005933 | 5036 | 189 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5038 | 0005934 | 5037 | 230 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5039 | 0005937 | 5038 | 66 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5040 | 0005938 | 5039 | 105 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5041 | 0005939 | 5040 | 162 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5042 | 0005940 | 5041 | 189 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5043 | 0005941 | 5042 | 66 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5044 | 0005942 | 5043 | 113 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5045 | 0005943 | 5044 | 315 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5046 | 0005946 | 5045 | 325 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 119183 | 90 | 51 | 1 | 983 | 2002 | |
| 5047 | 0005947 | 5046 | 154 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5048 | 0005948 | 5047 | 122 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5049 | 0005949 | 5048 | 133 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | | |

【图 2 4 7】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 5050 | 0005951 | 5049 | 350 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | M65028 | 92 | 343 | 1 | 1021 | 1537 |
| 5051 | 0005952 | 5050 | 310 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5052 | 0005953 | 5051 | 150 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | M37712 | 99 | 147 | 1 | 3717 | 3863 |
| 5053 | 0005954 | 5052 | 237 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5054 | 0005955 | 5053 | 322 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5055 | 0005956 | 5054 | 110 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5056 | 0005957 | 5055 | 228 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5057 | 0005959 | 5056 | 182 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | M27319 | 99 | 65 | 1 | 735 | 799 |
| 5058 | 0005960 | 5057 | 299 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5059 | 0005961 | 5058 | 162 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5060 | 0005962 | 5059 | 136 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5061 | 0005963 | 5060 | 53 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5062 | 0005964 | 5061 | 333 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5063 | 0005966 | 5062 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5064 | 0005967 | 5063 | 290 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5065 | 0005968 | 5064 | 284 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5066 | 0005969 | 5065 | 345 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5067 | 0005970 | 5066 | 337 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5068 | 0005971 | 5067 | 227 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5069 | 0005974 | 5068 | 211 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5070 | 0005975 | 5069 | 103 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5071 | 0005976 | 5070 | 265 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5072 | 0005977 | 5071 | 226 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |

【図248】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|-----|------|
| 5073 | 0005978 | 5072 | 307 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 5 | 0 | 183197 | 94.8 | 305 | 1 | 495 | 1268 |
| 5074 | 0005980 | 5073 | 335 | 1 | 0 | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | |
| 5075 | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | | 1550 |
| 5076 | 0005982 | 5075 | 325 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5077 | 0005983 | 5076 | 325 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5078 | 0005984 | 5077 | 326 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5079 | 0005987 | 5078 | 293 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5080 | 0005988 | 5079 | 71 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5081 | 0005989 | 5080 | 354 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5082 | 0005991 | 5081 | 149 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5083 | 0005992 | 5082 | 259 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5084 | 0005993 | 5083 | 173 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5085 | 0005994 | 5084 | 266 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5086 | 0005996 | 5085 | 121 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5087 | 0005997 | 5086 | 58 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5088 | 0005998 | 5087 | 238 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5089 | 0005999 | 5088 | 198 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5090 | 0006000 | 5089 | 300 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5091 | 0006001 | 5090 | 300 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5092 | 0006002 | 5091 | 63 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5093 | 0006004 | 5092 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5094 | 0006005 | 5093 | 231 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5095 | 0006007 | 5094 | 55 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 2 4 9】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|----|----|------|------|
| 5096 | 0006008 | 5095 | 194 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5097 | 0006010 | 5096 | 89 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5098 | 0006011 | 5097 | 174 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5099 | 0006013 | 5098 | 232 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5100 | 0006014 | 5099 | 85 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5101 | 0006015 | 5100 | 351 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5102 | 0006016 | 5101 | 206 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5103 | 0006017 | 5102 | 207 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5104 | 0006018 | 5103 | 131 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5105 | 0006019 | 5104 | 233 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5106 | 0006020 | 5105 | 208 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5107 | 0006021 | 5106 | 150 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5108 | 0006022 | 5107 | 364 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5109 | 0006023 | 5108 | 147 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5110 | 0006024 | 5109 | 98 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | 0 | 0 | M60801 | 98 | 90 | 1 | 1279 | 1368 |
| 5111 | 0006025 | 5110 | 208 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5112 | 0006026 | 5111 | 237 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5113 | 0006027 | 5112 | 345 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5114 | 0006028 | 5113 | 298 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5115 | 0006029 | 5114 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5116 | 0006030 | 5115 | 153 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5117 | 0006031 | 5116 | 350 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5118 | 0006032 | 5117 | 124 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 2 5 0】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|-----|------|
| 5119 | 0006033 | 5118 | 63 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | 0 | 0 | 0 | J03909 | 100 | 52 | 1 | 981 | 1032 |
| 5120 | 0006034 | 5119 | 218 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5121 | 0006035 | 5120 | 128 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5122 | 0006036 | 5121 | 234 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5123 | 0006038 | 5122 | 145 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5124 | 0006039 | 5123 | 124 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5125 | 0006040 | 5124 | 118 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5126 | 0006041 | 5125 | 316 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | X68314 | 98 | 316 | 1 | 629 | 971 |
| 5127 | 0006042 | 5126 | 106 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5128 | 0006043 | 5127 | 74 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5129 | 0006044 | 5128 | 324 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5130 | 0006045 | 5129 | 107 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5131 | 0006046 | 5130 | 112 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5132 | 0006047 | 5131 | 298 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5133 | 0006048 | 5132 | 62 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5134 | 0006049 | 5133 | 55 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5135 | 0006050 | 5134 | 51 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5136 | 0006051 | 5135 | 209 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5137 | 0006052 | 5136 | 210 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5138 | 0006053 | 5137 | 230 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5139 | 0006054 | 5138 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5140 | 0006055 | 5139 | 116 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5141 | 0006056 | 5140 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 251】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 5142 | 0006057 | 5141 | 231 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5143 | 0006058 | 5142 | 288 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5144 | 0006059 | 5143 | 250 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5145 | 0006060 | 5144 | 298 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5146 | 0006061 | 5145 | 80 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5147 | 0006062 | 5146 | 210 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5148 | 0006064 | 5147 | 91 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5149 | 0006065 | 5148 | 316 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5150 | 0006066 | 5149 | 75 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5151 | 0006067 | 5150 | 139 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5152 | 0006068 | 5151 | 125 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5153 | 0006069 | 5152 | 277 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | MT7477 | 97 | 274 | 1 | 1243 | 1625 |
| 5154 | 0006070 | 5153 | 279 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5155 | 0006071 | 5154 | 62 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5156 | 0006072 | 5155 | 57 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5157 | 0006073 | 5156 | 231 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | M94314 | 90 | 237 | 1 | 75 | 556 |
| 5158 | 0006074 | 5157 | 68 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5159 | 0006075 | 5158 | 268 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | ML0941 | 96 | 267 | 1 | 679 | 1296 |
| 5160 | 0006076 | 5159 | 151 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5161 | 0006077 | 5160 | 266 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | M94859 | 93 | 268 | 1 | 2197 | 3881 |
| 5162 | 0006078 | 5161 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5163 | 0006079 | 5162 | 121 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5164 | 0006080 | 5163 | 377 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【252】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|----|----|-----|------|
| 5165 | 0006081 | 5164 | 81 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5166 | 0006083 | 5165 | 153 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5167 | 0006084 | 5166 | 55 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5168 | 0006085 | 5167 | 145 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5169 | 0006086 | 5168 | 199 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5170 | 0006087 | 5169 | 232 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5171 | 0006089 | 5170 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5172 | 0006090 | 5171 | 340 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5173 | 0006091 | 5172 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5174 | 0006092 | 5173 | 151 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5175 | 0006093 | 5174 | 86 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5176 | 0006094 | 5175 | 210 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5177 | 0006095 | 5176 | 242 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5178 | 0006097 | 5177 | 219 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5179 | 0006098 | 5178 | 227 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5180 | 0006100 | 5179 | 135 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5181 | 0006101 | 5180 | 167 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5182 | 0006102 | 5181 | 101 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5183 | 0006103 | 5182 | 172 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5184 | 0006104 | 5183 | 74 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5185 | 0006105 | 5184 | 134 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5186 | 0006107 | 5185 | 124 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5187 | 0006108 | 5186 | 275 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | MS8510 | 99 | 84 | 1 | 100 | 3355 |

【図253】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 5188 | 0006109 | 5187 | 122 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5189 | 0006110 | 5188 | 94 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5190 | 0006111 | 5189 | 80 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5191 | 0006112 | 5190 | 274 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5192 | 0006113 | 5191 | 350 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5193 | 0006114 | 5192 | 359 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5194 | 0006115 | 5193 | 88 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5195 | 0006116 | 5194 | 177 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5196 | 0006117 | 5195 | 56 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5197 | 0006118 | 5196 | 54 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5198 | 0006119 | 5197 | 316 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5199 | 0006122 | 5198 | 222 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5200 | 0006123 | 5199 | 130 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5201 | 0006125 | 5200 | 145 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5202 | 0006126 | 5201 | 340 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 |
| 5203 | 0006127 | 5202 | 148 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5204 | 0006128 | 5203 | 101 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5205 | 0006129 | 5204 | 346 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5206 | 0006130 | 5205 | 72 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5207 | 0006131 | 5206 | 203 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5208 | 0006133 | 5207 | 129 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5209 | 0006136 | 5208 | 269 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5210 | 0006137 | 5209 | 51 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|----|----|----|------|
| 5211 | 0006138 | 5210 | 190 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5212 | 0006139 | 5211 | 199 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5213 | 0006141 | 5212 | 311 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5214 | 0006142 | 5213 | 229 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5215 | 0006144 | 5214 | 331 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5216 | 0006145 | 5215 | 275 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5217 | 0006146 | 5216 | 92 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5218 | 0006147 | 5217 | 228 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5219 | 0006148 | 5218 | 322 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5220 | 0006149 | 5219 | 160 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | I04489 | 93 | 59 | 1 | 35 | 1605 |
| 5221 | 0006150 | 5220 | 312 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5222 | 0006151 | 5221 | 309 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5223 | 0006152 | 5222 | 307 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5224 | 0006153 | 5223 | 306 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5225 | 0006154 | 5224 | 66 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5226 | 0006155 | 5225 | 310 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5227 | 0006156 | 5226 | 111 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5228 | 0006157 | 5227 | 274 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5229 | 0006158 | 5228 | 155 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5230 | 0006159 | 5229 | 369 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5231 | 0006160 | 5230 | 279 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5232 | 0006161 | 5231 | 336 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5233 | 0006163 | 5232 | 377 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 255】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|----|-----|----|------|------|
| 5234 | 0006164 | 5233 | 135 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5235 | 0006165 | 5234 | 350 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5236 | 0006166 | 5235 | 57 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5237 | 0006167 | 5236 | 203 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5238 | 0006168 | 5237 | 274 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5239 | 0006169 | 5238 | 343 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | Z13009 | 97 | 321 | 1 | 4457 | 4778 |
| 5240 | 0006170 | 5239 | 393 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5241 | 0006171 | 5240 | 367 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5242 | 0006172 | 5241 | 207 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5243 | 0006173 | 5242 | 116 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5244 | 0006174 | 5243 | 92 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5245 | 0006175 | 5244 | 120 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5246 | 0006176 | 5245 | 102 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5247 | 0006177 | 5246 | 171 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5248 | 0006179 | 5247 | 188 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5249 | 0006180 | 5248 | 69 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5250 | 0006181 | 5249 | 134 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5251 | 0006182 | 5250 | 59 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5252 | 0006183 | 5251 | 193 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5253 | 0006184 | 5252 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5254 | 0006185 | 5253 | 296 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5255 | 0006186 | 5254 | 297 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5256 | 0006187 | 5255 | 293 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図257】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 5280 | 0006215 | 5279 | 87 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5281 | 0006216 | 5280 | 165 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5282 | 0006217 | 5281 | 116 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5283 | 0006218 | 5282 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5284 | 0006219 | 5283 | 181 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5285 | 0006220 | 5284 | 343 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5286 | 0006221 | 5285 | 139 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5287 | 0006222 | 5286 | 152 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5288 | 0006224 | 5287 | 129 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5289 | 0006225 | 5288 | 131 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5290 | 0006226 | 5289 | 190 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5291 | 0006227 | 5290 | 323 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5292 | 0006228 | 5291 | 225 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5293 | 0006229 | 5292 | 317 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5294 | 0006230 | 5293 | 51 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5295 | 0006232 | 5294 | 103 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5296 | 0006233 | 5295 | 218 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5297 | 0006234 | 5296 | 87 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5298 | 0006235 | 5297 | 202 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5299 | 0006236 | 5298 | 148 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5300 | 0006237 | 5299 | 370 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5301 | 0006238 | 5300 | 148 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5302 | 0006240 | 5301 | 129 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 5303 | 0006241 | 5302 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5304 | 0006243 | 5303 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5305 | 0006244 | 5304 | 60 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5306 | 0006245 | 5305 | 179 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5307 | 0006246 | 5306 | 76 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5308 | 0006247 | 5307 | 136 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5309 | 0006248 | 5308 | 238 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5310 | 0006249 | 5309 | 83 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5311 | 0006250 | 5310 | 178 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5312 | 0006251 | 5311 | 139 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5313 | 0006252 | 5312 | 311 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | M26252 | 92.8 | 305 | 1 | 1817 | 2306 |
| 5314 | 0006253 | 5313 | 362 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5315 | 0006254 | 5314 | 171 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5316 | 0006255 | 5315 | 348 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5317 | 0006256 | 5316 | 357 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5318 | 0006257 | 5317 | 160 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5319 | 0006258 | 5318 | 122 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5320 | 0006259 | 5319 | 71 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | X52056 | 95.6 | 68 | 1 | 1297 | 1364 |
| 5321 | 0006260 | 5320 | 114 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5322 | 0006261 | 5321 | 252 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5323 | 0006262 | 5322 | 168 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5324 | 0006264 | 5323 | 378 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5325 | 0006267 | 5324 | 131 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【图 2 5 9】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 5326 | 0006268 | 5325 | 321 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5327 | 0006269 | 5326 | 215 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5328 | 0006270 | 5327 | 229 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5329 | 0006271 | 5328 | 219 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5330 | 0006272 | 5329 | 144 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5331 | 0006273 | 5330 | 184 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | M80359 | 93.9 | 181 | 1 | 2062 | 2914 |
| 5332 | 0006274 | 5331 | 97 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5333 | 0006275 | 5332 | 161 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | M90104 | 95 | 159 | 1 | 1700 | 1879 |
| 5334 | 0006276 | 5333 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5335 | 0006277 | 5334 | 176 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5336 | 0006278 | 5335 | 93 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5337 | 0006279 | 5336 | 296 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5338 | 0006280 | 5337 | 61 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5339 | 0006281 | 5338 | 338 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | M64784 | 95.6 | 338 | 1 | 638 | 1138 |
| 5340 | 0006282 | 5339 | 258 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5341 | 0006283 | 5340 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | X52426 | 99 | 102 | 1 | 1574 | 1677 |
| 5342 | 0006284 | 5341 | 188 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5343 | 0006286 | 5342 | 203 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5344 | 0006288 | 5343 | 136 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5345 | 0006289 | 5344 | 71 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5346 | 0006290 | 5345 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5347 | 0006291 | 5346 | 132 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5348 | 0006292 | 5347 | 111 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|-------|------|
| 5349 | 0006293 | 5348 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5350 | 0006294 | 5349 | 222 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5351 | 0006295 | 5350 | 56 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5352 | 0006296 | 5351 | 125 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5353 | 0006297 | 5352 | 198 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | M86400 | 92.4 | 197 | 1 | 11.96 | 2834 |
| 5354 | 0006299 | 5353 | 250 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | M74002 | 99.1 | 229 | 1 | 2508 | 2736 |
| 5355 | 0006300 | 5354 | 180 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | J05448 | 98.9 | 176 | 1 | 1256 | 1766 |
| 5356 | 0006301 | 5355 | 158 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5357 | 0006302 | 5356 | 374 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5358 | 0006303 | 5357 | 272 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5359 | 0006304 | 5358 | 378 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5360 | 0006305 | 5359 | 376 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5361 | 0006306 | 5360 | 151 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5362 | 0006307 | 5361 | 324 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5363 | 0006308 | 5362 | 204 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5364 | 0006309 | 5363 | 219 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5365 | 0006310 | 5364 | 259 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 5366 | 0006311 | 5365 | 99 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5367 | 0006313 | 5366 | 81 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5368 | 0006314 | 5367 | 132 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5369 | 0006315 | 5368 | 100 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | M69039 | 99 | 100 | 1 | 1130 | 1240 |
| 5370 | 0006316 | 5369 | 196 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5371 | 0006317 | 5370 | 237 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 261】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 5372 | 0006318 | 5371 | 111 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5373 | 0006319 | 5372 | 198 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | MS9287 | 99.5 | 198 | 1 | 1549 | 1750 |
| 5374 | 0006320 | 5373 | 129 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5375 | 0006321 | 5374 | 143 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5376 | 0006322 | 5375 | 333 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5377 | 0006323 | 5376 | 336 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5378 | 0006324 | 5377 | 326 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5379 | 0006325 | 5378 | 174 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5380 | 0006326 | 5379 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5381 | 0006327 | 5380 | 238 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5382 | 0006328 | 5381 | 337 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 5 | 0 | M28252 | 93 | 327 | 1 | 1817 | 2306 |
| 5383 | 0006329 | 5382 | 132 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5384 | 0006330 | 5383 | 293 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5385 | 0006331 | 5384 | 228 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5386 | 0006332 | 5385 | 113 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5387 | 0006333 | 5386 | 154 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5388 | 0006334 | 5387 | 214 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5389 | 0006335 | 5388 | 127 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | DL3638 | 96 | 124 | 1 | 1571 | 5167 |
| 5390 | 0006337 | 5389 | 67 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5391 | 0006338 | 5390 | 130 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5392 | 0006339 | 5391 | 106 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5393 | 0006341 | 5392 | 195 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5394 | 0006342 | 5393 | 366 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 5395 | 0006343 | 5394 | 136 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5396 | 0006344 | 5395 | 179 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5397 | 0006345 | 5396 | 83 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5398 | 0006346 | 5397 | 179 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5399 | 0006347 | 5398 | 126 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5400 | 0006348 | 5399 | 181 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5401 | 0006350 | 5400 | 181 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5402 | 0006351 | 5401 | 157 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5403 | 0006352 | 5402 | 184 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5404 | 0006353 | 5403 | 94 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5405 | 0006354 | 5404 | 128 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5406 | 0006355 | 5405 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5407 | 0006356 | 5406 | 333 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5408 | 0006357 | 5407 | 329 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5409 | 0006358 | 5408 | 175 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5410 | 0006359 | 5409 | 123 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5411 | 0006360 | 5410 | 161 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5412 | 0006361 | 5411 | 139 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5413 | 0006362 | 5412 | 145 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5414 | 0006363 | 5413 | 350 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5415 | 0006364 | 5414 | 347 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5416 | 0006365 | 5415 | 220 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | X02994 | 96.8 | 217 | 1 | 1282 | 1498 |
| 5417 | 0006366 | 5416 | 227 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 2 6 3】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|------|
| 5418 | 0006367 | 5417 | 91 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 3 | | | | | | | |
| 5419 | 0006368 | 5418 | 290 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5420 | 0006369 | 5419 | 269 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5421 | 0006370 | 5420 | 67 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5422 | 0006371 | 5421 | 313 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5423 | 0006372 | 5422 | 87 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5424 | 0006373 | 5423 | 125 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5425 | 0006374 | 5424 | 51 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5426 | 0006376 | 5425 | 273 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5427 | 0006377 | 5426 | 76 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5428 | 0006378 | 5427 | 295 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5429 | 0006379 | 5428 | 296 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1103 |
| 5430 | 0006380 | 5429 | 88 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5431 | 0006381 | 5430 | 248 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5432 | 0006382 | 5431 | 65 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5433 | 0006383 | 5432 | 226 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5434 | 0006384 | 5433 | 304 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5435 | 0006385 | 5434 | 116 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5436 | 0006386 | 5435 | 74 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5437 | 0006387 | 5436 | 201 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | |
| 5438 | 0006388 | 5437 | 409 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 5439 | 0006389 | 5438 | 175 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 5440 | 0006390 | 5439 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |

【图 264】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 5441 | 0006392 | 5440 | 106 | 26 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 26 | 0 | X05232 | 99 | 103 | 1 | 1699 | 1801 |
| 5442 | 0006393 | 5441 | 382 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5443 | 0006394 | 5442 | 354 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5444 | 0006395 | 5443 | 79 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 5445 | 0006396 | 5444 | 238 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | M92287 | 98.3 | 238 | 1 | 1794 | 2042 |
| 5446 | 0006397 | 5445 | 321 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5447 | 0006398 | 5446 | 408 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5448 | 0006399 | 5447 | 178 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5449 | 0006400 | 5448 | 75 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5450 | 0006401 | 5449 | 354 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5451 | 0006402 | 5450 | 93 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5452 | 0006403 | 5451 | 80 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5453 | 0006404 | 5452 | 292 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 5454 | 0006405 | 5453 | 194 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | X56134 | 94.8 | 193 | 1 | 430 | 1766 |
| 5455 | 0006407 | 5454 | 72 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | M62403 | 100 | 70 | 1 | 1157 | 1955 |
| 5456 | 0006408 | 5455 | 219 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5457 | 0006409 | 5456 | 65 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5458 | 0006410 | 5457 | 97 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5459 | 0006411 | 5458 | 206 | 15 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 15 | 0 | M13509 | 97 | 203 | 1 | 1769 | 1970 |
| 5460 | 0006412 | 5459 | 84 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5461 | 0006413 | 5460 | 127 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5462 | 0006414 | 5461 | 229 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5463 | 0006415 | 5462 | 71 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |

【図 265】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 5464 | 0006416 | 5463 | 235 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5465 | 0006417 | 5464 | 236 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5466 | 0006418 | 5465 | 135 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5467 | 0006419 | 5466 | 260 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 5468 | 0006420 | 5467 | 299 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5469 | 0006421 | 5468 | 298 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 059040 | 99.3 | 296 | 1 | 934 | 1794 |
| 5470 | 0006422 | 5469 | 134 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5471 | 0006423 | 5470 | 302 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5472 | 0006424 | 5471 | 300 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5473 | 0006425 | 5472 | 128 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5474 | 0006426 | 5473 | 122 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5475 | 0006427 | 5474 | 57 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5476 | 0006428 | 5475 | 359 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5477 | 0006429 | 5476 | 246 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5478 | 0006430 | 5477 | 133 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5479 | 0006431 | 5478 | 119 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5480 | 0006432 | 5479 | 80 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5481 | 0006433 | 5480 | 130 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5482 | 0006434 | 5481 | 378 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 5483 | 0006435 | 5482 | 287 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 059184 | 95.9 | 268 | 1 | 2791 | 3088 |
| 5484 | 0006436 | 5483 | 294 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5485 | 0006437 | 5484 | 103 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5486 | 0006438 | 5485 | 60 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |

【図 2 6 6】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|-----|----|------|------|
| 5487 | 0006439 | 5486 | 91 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | | | | | |
| 5488 | 0006440 | 5487 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5489 | 0006441 | 5488 | 320 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5490 | 0006442 | 5489 | 390 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 5491 | 0006443 | 5490 | 197 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5492 | 0006444 | 5491 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5493 | 0006445 | 5492 | 244 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5494 | 0006446 | 5493 | 139 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5495 | 0006447 | 5494 | 196 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 3 | 0 | | | | | | |
| 5496 | 0006448 | 5495 | 69 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5497 | 0006449 | 5496 | 119 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 5498 | 0006450 | 5497 | 308 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5499 | 0006451 | 5498 | 302 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5500 | 0006452 | 5499 | 180 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5501 | 0006453 | 5500 | 99 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5502 | 0006454 | 5501 | 209 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5503 | 0006455 | 5502 | 246 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5504 | 0006456 | 5503 | 105 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5505 | 0006457 | 5504 | 159 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5506 | 0006458 | 5505 | 211 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5507 | 0006459 | 5506 | 66 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5508 | 0006460 | 5507 | 189 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | M59465 | 100 | 183 | 1 | 4244 | 4426 |
| 5509 | 0006461 | 5508 | 193 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |

【図 267】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 5510 | 0006462 | 5509 | 270 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5511 | 0006463 | 5510 | 159 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5512 | 0006464 | 5511 | 83 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5513 | 0006465 | 5512 | 168 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5514 | 0006466 | 5513 | 357 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5515 | 0006467 | 5514 | 134 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5516 | 0006468 | 5515 | 175 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5517 | 0006469 | 5516 | 218 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5518 | 0006470 | 5517 | 153 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5519 | 0006471 | 5518 | 310 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5520 | 0006472 | 5519 | 67 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5521 | 0006473 | 5520 | 228 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 5522 | 0006474 | 5521 | 306 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5523 | 0006475 | 5522 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5524 | 0006476 | 5523 | 255 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5525 | 0006477 | 5524 | 236 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | X63657 | 94.5 | 235 | 1 | 1738 | 2272 |
| 5526 | 0006478 | 5525 | 218 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5527 | 0006481 | 5526 | 256 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | X12510 | 95.6 | 250 | 1 | 760 | 1041 |
| 5528 | 0006482 | 5527 | 242 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5529 | 0006483 | 5528 | 394 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5530 | 0006484 | 5529 | 80 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5531 | 0006485 | 5530 | 147 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5532 | 0006486 | 5531 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 5533 | 0006487 | 5532 | 274 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 5534 | 0006488 | 5533 | 183 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 5535 | 0006489 | 5534 | 215 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5536 | 0006490 | 5535 | 70 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5537 | 0006491 | 5536 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5538 | 0006492 | 5537 | 214 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5539 | 0006493 | 5538 | 105 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5540 | 0006496 | 5539 | 56 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 5541 | 0006498 | 5540 | 103 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5542 | 0006499 | 5541 | 190 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5543 | 0006500 | 5542 | 98 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5544 | 0006501 | 5543 | 83 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5545 | 0006502 | 5544 | 180 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5546 | 0006503 | 5545 | 214 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5547 | 0006504 | 5546 | 186 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5548 | 0006505 | 5547 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5549 | 0006506 | 5548 | 309 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5550 | 0006507 | 5549 | 97 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5551 | 0006508 | 5550 | 67 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5552 | 0006509 | 5551 | 72 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5553 | 0006510 | 5552 | 466 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5554 | 0006511 | 5553 | 327 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5555 | 0006512 | 5554 | 70 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |

【図269】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|-----|----|----|-----|-----|
| 5556 | 0006513 | 5555 | 414 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5557 | 0006514 | 5556 | 112 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5558 | 0006515 | 5557 | 52 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | M36961 | 100 | 49 | 1 | 622 | 670 |
| 5559 | 0006516 | 5558 | 235 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5560 | 0006517 | 5559 | 144 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5561 | 0006518 | 5560 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5562 | 0006519 | 5561 | 168 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5563 | 0006520 | 5562 | 395 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5564 | 0006521 | 5563 | 89 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5565 | 0006522 | 5564 | 137 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5566 | 0006523 | 5565 | 250 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5567 | 0006524 | 5566 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5568 | 0006525 | 5567 | 118 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5569 | 0006526 | 5568 | 118 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5570 | 0006527 | 5569 | 120 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5571 | 0006528 | 5570 | 111 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5572 | 0006529 | 5571 | 421 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5573 | 0006530 | 5572 | 192 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5574 | 0006531 | 5573 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5575 | 0006532 | 5574 | 329 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5576 | 0006533 | 5575 | 125 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5577 | 0006536 | 5576 | 336 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5578 | 0006537 | 5577 | 194 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |

【図 270】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 5579 | 0006538 | 5579 | 206 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5580 | 0006539 | 5579 | 319 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5581 | 0006540 | 5580 | 115 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5582 | 0006541 | 5581 | 313 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | X02761 | 94.9 | 313 | 1 | 4357 | 7680 |
| 5583 | 0006542 | 5582 | 311 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5584 | 0006544 | 5583 | 217 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5585 | 0006545 | 5584 | 333 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5586 | 0006546 | 5585 | 87 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5587 | 0006547 | 5586 | 323 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5588 | 0006548 | 5587 | 90 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5589 | 0006549 | 5588 | 98 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5590 | 0006550 | 5589 | 64 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5591 | 0006551 | 5590 | 359 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5592 | 0006552 | 5591 | 357 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5593 | 0006553 | 5592 | 138 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5594 | 0006555 | 5593 | 167 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5595 | 0006556 | 5594 | 159 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5596 | 0006557 | 5595 | 167 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5597 | 0006558 | 5596 | 97 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5598 | 0006559 | 5597 | 225 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5599 | 0006560 | 5598 | 339 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5600 | 0006561 | 5599 | 314 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5601 | 0006563 | 5600 | 111 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |

【図 2 7 1】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 5602 | 0005564 | 5601 | 130 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5603 | 0005565 | 5602 | 113 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5604 | 0005566 | 5603 | 271 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | X07820 | 94.4 | 269 | 1 | 1374 | 1743 |
| 5605 | 0005567 | 5604 | 126 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5606 | 0005569 | 5605 | 156 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5607 | 0005570 | 5606 | 316 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5608 | 0005571 | 5607 | 133 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5609 | 0005572 | 5608 | 156 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5610 | 0005573 | 5609 | 63 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5611 | 0005574 | 5610 | 207 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5612 | 0005576 | 5611 | 190 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5613 | 0005577 | 5612 | 340 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5614 | 0005578 | 5613 | 144 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5615 | 0005579 | 5614 | 224 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | ML3509 | 98 | 203 | 1 | 1410 | 1970 |
| 5616 | 0005580 | 5615 | 344 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5617 | 0005581 | 5616 | 179 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | MS8460 | 98.9 | 177 | 1 | 1364 | 1542 |
| 5618 | 0005582 | 5617 | 148 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5619 | 0005583 | 5618 | 282 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5620 | 0005584 | 5619 | 248 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5621 | 0005585 | 5620 | 198 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5622 | 0005586 | 5621 | 188 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5623 | 0005587 | 5622 | 138 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5624 | 0005588 | 5623 | 332 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 5625 | 0006590 | 5624 | 106 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 5626 | 0006591 | 5625 | 358 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5627 | 0006592 | 5626 | 268 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | M98479 | 92.4 | 250 | 1 | 1311 | 1557 |
| 5628 | 0006593 | 5627 | 177 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5629 | 0006594 | 5628 | 105 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5630 | 0006595 | 5629 | 149 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5631 | 0006596 | 5630 | 410 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5632 | 0006597 | 5631 | 79 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5633 | 0006598 | 5632 | 131 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 5634 | 0006599 | 5633 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5635 | 0006600 | 5634 | 166 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | M16006 | 90.1 | 162 | 1 | 2350 | 2876 |
| 5636 | 0006601 | 5635 | 219 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5637 | 0006602 | 5636 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | L12146 | 95.1 | 102 | 1 | 2123 | 2338 |
| 5638 | 0006603 | 5637 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5639 | 0006604 | 5638 | 78 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 5640 | 0006605 | 5639 | 191 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5641 | 0006606 | 5640 | 102 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 5642 | 0006607 | 5641 | 135 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | | | | | | |
| 5643 | 0006608 | 5642 | 182 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5644 | 0006609 | 5643 | 125 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | M10036 | 95 | 80 | 43 | 1483 | 1835 |
| 5645 | 0006610 | 5644 | 154 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5646 | 0006611 | 5645 | 131 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | M14221 | 90 | 130 | 1 | 1709 | 2002 |
| 5647 | 0006612 | 5646 | 196 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |

【図 2 7 3】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 5648 | 0006613 | 5647 | 278 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5649 | 0006614 | 5648 | 188 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5650 | 0006615 | 5649 | 178 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5651 | 0006616 | 5650 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5652 | 0006617 | 5651 | 130 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5653 | 0006618 | 5652 | 80 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | II1005 | 97.4 | 78 | 1 | 447 | 4524 |
| 5654 | 0006619 | 5653 | 58 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5655 | 0006620 | 5654 | 188 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5656 | 0006621 | 5655 | 240 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5657 | 0006623 | 5656 | 197 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5658 | 0006624 | 5657 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5659 | 0006625 | 5658 | 332 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5660 | 0006626 | 5659 | 132 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | M20471 | 95.4 | 131 | 1 | 375 | 1105 |
| 5661 | 0006627 | 5660 | 272 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5662 | 0006628 | 5661 | 133 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5663 | 0006630 | 5662 | 186 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | X66363 | 95.1 | 184 | 1 | 1479 | 1745 |
| 5664 | 0006631 | 5663 | 136 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5665 | 0006632 | 5664 | 66 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5666 | 0006633 | 5665 | 122 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5667 | 0006634 | 5666 | 262 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5668 | 0006635 | 5667 | 275 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5669 | 0006636 | 5668 | 170 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | X53743 | 97.6 | 167 | 1 | 1991 | 2156 |
| 5670 | 0006637 | 5669 | 115 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |

【图 2 7 4】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 5671 | 0006638 | 5670 | 254 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5672 | 0006639 | 5671 | 305 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | M38258 | 94.9 | 253 | 1 | 2320 | 2571 |
| 5673 | 0006640 | 5672 | 206 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5674 | 0006641 | 5673 | 84 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5675 | 0006642 | 5674 | 150 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5676 | 0006643 | 5675 | 123 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5677 | 0006645 | 5676 | 170 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5678 | 0006646 | 5677 | 101 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | M59916 | 95.8 | 96 | 1 | 2074 | 2373 |
| 5679 | 0006647 | 5678 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5680 | 0006649 | 5679 | 91 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5681 | 0006650 | 5680 | 126 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5682 | 0006651 | 5681 | 393 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5683 | 0006652 | 5682 | 69 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5684 | 0006653 | 5683 | 85 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | M81757 | 98.6 | 69 | 17 | 432 | 510 |
| 5685 | 0006654 | 5684 | 149 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5686 | 0006655 | 5685 | 224 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5687 | 0006656 | 5686 | 120 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5688 | 0006659 | 5687 | 162 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5689 | 0006660 | 5688 | 56 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5690 | 0006661 | 5689 | 90 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5691 | 0006662 | 5690 | 219 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5692 | 0006664 | 5691 | 289 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5693 | 0006666 | 5692 | 216 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | J05016 | 91.6 | 215 | 1 | 1912 | 2865 |

【図 275】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 5694 | 0006667 | 5693 | 350 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5695 | 0006668 | 5694 | 105 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5696 | 0006669 | 5695 | 265 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5697 | 0006670 | 5696 | 138 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5698 | 0006672 | 5697 | 160 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5699 | 0006673 | 5698 | 217 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5700 | 0006674 | 5699 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5701 | 0006675 | 5700 | 267 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5702 | 0006676 | 5701 | 61 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5703 | 0006677 | 5702 | 330 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5704 | 0006678 | 5703 | 84 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5705 | 0006679 | 5704 | 244 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5706 | 0006680 | 5705 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5707 | 0006681 | 5706 | 71 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5708 | 0006682 | 5707 | 269 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5709 | 0006683 | 5708 | 375 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5710 | 0006684 | 5709 | 54 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5711 | 0006685 | 5710 | 182 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5712 | 0006686 | 5711 | 366 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5713 | 0006687 | 5712 | 336 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5714 | 0006688 | 5713 | 363 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5715 | 0006689 | 5714 | 339 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5716 | 0006690 | 5715 | 318 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---------|------|-----|----|------|------|
| 5717 | 0006691 | 5716 | 185 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5718 | 0006692 | 5717 | 130 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5719 | 0006693 | 5718 | 123 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5720 | 0006694 | 5719 | 235 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5721 | 0006696 | 5720 | 250 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5722 | 0006697 | 5721 | 131 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5723 | 0006698 | 5722 | 58 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5724 | 0006699 | 5723 | 250 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5725 | 0006700 | 5724 | 138 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5726 | 0006701 | 5725 | 268 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5727 | 0006702 | 5726 | 272 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5728 | 0006703 | 5727 | 264 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5729 | 0006704 | 5728 | 247 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5730 | 0006705 | 5729 | 248 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5731 | 0006706 | 5730 | 197 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5732 | 0006707 | 5731 | 210 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5733 | 0006709 | 5732 | 371 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 01A5388 | 95.7 | 369 | 1 | 1826 | 2557 |
| 5734 | 0006710 | 5733 | 114 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5735 | 0006711 | 5734 | 193 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5736 | 0006712 | 5735 | 176 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5737 | 0006713 | 5736 | 273 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5738 | 0006714 | 5737 | 231 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0X15187 | 97.8 | 231 | 1 | 2537 | 2780 |
| 5739 | 0006715 | 5738 | 228 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【図 277】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 5740 | 0006716 | 5739 | 182 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5741 | 0006717 | 5740 | 93 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5742 | 0006718 | 5741 | 331 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5743 | 0006719 | 5742 | 250 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5744 | 0006720 | 5743 | 408 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5745 | 0006721 | 5744 | 56 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5746 | 0006722 | 5745 | 227 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5747 | 0006723 | 5746 | 295 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5748 | 0006724 | 5747 | 69 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5749 | 0006725 | 5748 | 208 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5750 | 0006726 | 5749 | 326 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5751 | 0006727 | 5750 | 227 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5752 | 0006728 | 5751 | 324 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5753 | 0006730 | 5752 | 149 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5754 | 0006731 | 5753 | 236 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5755 | 0006732 | 5754 | 101 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5756 | 0006733 | 5755 | 259 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5757 | 0006734 | 5756 | 218 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5758 | 0006735 | 5757 | 222 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5759 | 0006736 | 5758 | 86 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5760 | 0006737 | 5759 | 391 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5761 | 0006739 | 5760 | 210 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5762 | 0006740 | 5761 | 223 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 5763 | 0006742 | 5762 | 390 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5764 | 0006743 | 5763 | 271 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5765 | 0006744 | 5764 | 166 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5766 | 0006745 | 5765 | 386 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5767 | 0006746 | 5766 | 260 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | I08488 | 100 | 253 | 1 | 1453 | 1705 |
| 5768 | 0006747 | 5767 | 183 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | Y00815 | 98.8 | 172 | 1 | 7531 | 7702 |
| 5769 | 0006749 | 5768 | 124 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5770 | 0006750 | 5769 | 268 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5771 | 0006751 | 5770 | 127 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5772 | 0006752 | 5771 | 221 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5773 | 0006753 | 5772 | 146 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5774 | 0006754 | 5773 | 343 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5775 | 0006755 | 5774 | 132 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | U03548 | 94.6 | 129 | 1 | 1335 | 1463 |
| 5776 | 0006756 | 5775 | 244 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5777 | 0006757 | 5776 | 143 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5778 | 0006758 | 5777 | 219 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5779 | 0006759 | 5778 | 292 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5780 | 0006760 | 5779 | 313 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5781 | 0006762 | 5780 | 143 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5782 | 0006763 | 5781 | 273 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5783 | 0006764 | 5782 | 337 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | M18217 | 91.4 | 336 | 1 | 292 | 946 |
| 5784 | 0006765 | 5783 | 290 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |
| 5785 | 0006766 | 5784 | 393 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | |

【图 279】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|--------|------|-----|------|------|------|
| 5786 | 0006767 | 5785 | 176 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5787 | 0006768 | 5786 | 178 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5788 | 0006769 | 5787 | 233 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5789 | 0006770 | 5788 | 374 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 102785 | 93.6 | 373 | 1 | 2499 | 2881 |
| 5790 | 0006771 | 5789 | 452 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5791 | 0006772 | 5790 | 257 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5792 | 0006773 | 5791 | 77 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5793 | 0006774 | 5792 | 278 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5794 | 0006775 | 5793 | 308 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5795 | 0006776 | 5794 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5796 | 0006777 | 5795 | 137 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5797 | 0006778 | 5796 | 333 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | | | | | | | |
| 5798 | 0006780 | 5797 | 126 | 3 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 1 | | | | | | | |
| 5799 | 0006781 | 5798 | 133 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 5800 | 0006783 | 5799 | 116 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 5801 | 0006784 | 5800 | 268 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 5802 | 0006785 | 5801 | 129 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 5803 | 0006786 | 5802 | 214 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | JD5633 | 100 | 214 | 1 | 2887 | 3117 | |
| 5804 | 0006787 | 5803 | 253 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | | |
| 5805 | 0006788 | 5804 | 332 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 5806 | 0006789 | 5805 | 284 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 5807 | 0006790 | 5806 | 253 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |
| 5808 | 0006791 | 5807 | 368 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | | |

【図280】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 5809 | 0006792 | 5808 | 174 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 1 | | | | | | |
| 5810 | 0006794 | 5809 | 366 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5811 | 0006795 | 5810 | 311 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5812 | 0006796 | 5811 | 341 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5813 | 0006797 | 5812 | 312 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5814 | 0006798 | 5813 | 132 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5815 | 0006800 | 5814 | 135 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5816 | 0006801 | 5815 | 333 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5817 | 0006802 | 5816 | 158 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5818 | 0006803 | 5817 | 106 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5819 | 0006804 | 5818 | 105 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5820 | 0006805 | 5819 | 243 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5821 | 0006806 | 5820 | 194 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5822 | 0006807 | 5821 | 216 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5823 | 0006808 | 5822 | 133 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5824 | 0006809 | 5823 | 275 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5825 | 0006810 | 5824 | 211 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5826 | 0006811 | 5825 | 133 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5827 | 0006812 | 5826 | 169 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5828 | 0006813 | 5827 | 127 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | 0 | L07956 | 98.4 | 127 | 1 | 2780 | 2955 |
| 5829 | 0006815 | 5828 | 165 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5830 | 0006816 | 5829 | 196 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | X06985 | 93.3 | 195 | 1 | 1175 | 1550 |
| 5831 | 0006817 | 5830 | 325 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |

【図 281】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 5832 | 0006818 | 5831 | 105 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5833 | 0006819 | 5832 | 167 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5834 | 0006820 | 5833 | 258 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5835 | 0006821 | 5834 | 349 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5836 | 0006823 | 5835 | 331 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5837 | 0006824 | 5836 | 236 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5838 | 0006825 | 5837 | 60 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5839 | 0006826 | 5838 | 129 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5840 | 0006827 | 5839 | 180 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5841 | 0006828 | 5840 | 119 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5842 | 0006829 | 5841 | 67 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5843 | 0006830 | 5842 | 323 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5844 | 0006831 | 5843 | 274 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5845 | 0006832 | 5844 | 344 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5846 | 0006833 | 5845 | 328 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5847 | 0006834 | 5846 | 239 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 005481 | 92.8 | 237 | 1 | 2363 | 2620 |
| 5848 | 0006835 | 5847 | 143 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5849 | 0006836 | 5848 | 32 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5850 | 0006837 | 5849 | 316 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5851 | 0006838 | 5850 | 308 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | 003202 | 95.3 | 299 | 1 | 5002 | 5306 |
| 5852 | 0006839 | 5851 | 91 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5853 | 0006840 | 5852 | 319 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5854 | 0006841 | 5853 | 319 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|-----|-----|
| 5855 | 0006842 | 5854 | 111 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5856 | 0006843 | 5855 | 107 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 0 | | | | | | |
| 5857 | 0006844 | 5856 | 163 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5858 | 0006845 | 5857 | 253 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5859 | 0006846 | 5858 | 137 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 5860 | 0006848 | 5859 | 370 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 5861 | 0006850 | 5860 | 131 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5862 | 0006851 | 5861 | 254 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5863 | 0006852 | 5862 | 345 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 5864 | 0006854 | 5863 | 335 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5865 | 0006855 | 5864 | 65 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5866 | 0006856 | 5865 | 127 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5867 | 0006857 | 5866 | 118 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5868 | 0006858 | 5867 | 259 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5869 | 0006859 | 5868 | 171 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 5870 | 0006863 | 5869 | 114 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5871 | 0006864 | 5870 | 55 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5872 | 0006865 | 5871 | 298 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5873 | 0006866 | 5872 | 117 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5874 | 0006867 | 5873 | 80 | 6 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 6 | | | | | | |
| 5875 | 0006868 | 5874 | 250 | 4 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 4 | X13585 | 90.6 | 233 | 1 | 254 | 518 |
| 5876 | 0006869 | 5875 | 110 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5877 | 0006870 | 5876 | 128 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |

【図 2 8 3】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 5878 | 0006871 | 5877 | 338 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5879 | 0006872 | 5878 | 342 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5880 | 0006873 | 5879 | 330 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5881 | 0006874 | 5880 | 265 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5882 | 0006875 | 5881 | 191 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5883 | 0006876 | 5882 | 204 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5884 | 0006878 | 5883 | 237 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5885 | 0006879 | 5884 | 214 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5886 | 0006880 | 5885 | 187 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5887 | 0006881 | 5886 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5888 | 0006882 | 5887 | 247 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 5889 | 0006883 | 5888 | 106 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5890 | 0006884 | 5889 | 214 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5891 | 0006885 | 5890 | 119 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5892 | 0006886 | 5891 | 339 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5893 | 0006887 | 5892 | 124 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5894 | 0006888 | 5893 | 380 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5895 | 0006889 | 5894 | 150 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5896 | 0006890 | 5895 | 276 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5897 | 0006891 | 5896 | 219 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5898 | 0006893 | 5897 | 191 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5899 | 0006894 | 5898 | 206 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5900 | 0006895 | 5899 | 55 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |

【図 2 8 4】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 5901 | 0006896 | 5900 | 197 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5902 | 0006897 | 5901 | 343 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5903 | 0006898 | 5902 | 111 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5904 | 0006899 | 5903 | 169 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5905 | 0006900 | 5904 | 112 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5906 | 0006901 | 5905 | 271 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | M/378 | 94.8 | 269 | 1 | 1762 | 2155 |
| 5907 | 0006902 | 5906 | 317 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5908 | 0006903 | 5907 | 294 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5909 | 0006904 | 5908 | 263 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5910 | 0006906 | 5909 | 199 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5911 | 0006909 | 5910 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5912 | 0006910 | 5911 | 343 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5913 | 0006911 | 5912 | 106 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5914 | 0006912 | 5913 | 349 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5915 | 0006913 | 5914 | 138 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5916 | 0006915 | 5915 | 180 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5917 | 0006916 | 5916 | 247 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5918 | 0006917 | 5917 | 169 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5919 | 0006918 | 5918 | 226 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5920 | 0006919 | 5919 | 268 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5921 | 0006920 | 5920 | 214 | 5 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 5 | J04569 | 97.6 | 210 | 1 | 2807 | 3017 |
| 5922 | 0006922 | 5921 | 153 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5923 | 0006923 | 5922 | 172 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |

【図 285】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 5924 | 0006927 | 5923 | 96 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | X52203 | 92.3 | 91 | 1 | 816 | 906 |
| 5925 | 0006928 | 5924 | 228 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5926 | 0006929 | 5925 | 109 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 5927 | 0006930 | 5926 | 160 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | I20046 | 96.8 | 158 | 1 | 3545 | 3702 |
| 5928 | 0006931 | 5927 | 77 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5929 | 0006932 | 5928 | 137 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | M27110 | 97.1 | 137 | 1 | 2343 | 2777 |
| 5930 | 0006933 | 5929 | 401 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5931 | 0006934 | 5930 | 259 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5932 | 0006935 | 5931 | 158 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5933 | 0006936 | 5932 | 127 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5934 | 0006937 | 5933 | 232 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5935 | 0006938 | 5934 | 290 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5936 | 0006939 | 5935 | 198 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5937 | 0006941 | 5936 | 255 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5938 | 0006942 | 5937 | 318 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5939 | 0006943 | 5938 | 54 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5940 | 0006945 | 5939 | 127 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5941 | 0006946 | 5940 | 211 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5942 | 0006947 | 5941 | 213 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 5943 | 0006948 | 5942 | 65 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5944 | 0006949 | 5943 | 55 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5945 | 0006951 | 5944 | 186 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5946 | 0006952 | 5945 | 102 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |

【図 2 8 6】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---------|------|-----|----|------|------|
| 5947 | 0006953 | 5946 | 97 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5948 | 0006954 | 5947 | 235 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5949 | 0006955 | 5948 | 128 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5950 | 0006956 | 5949 | 143 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5951 | 0006957 | 5950 | 235 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5952 | 0006958 | 5951 | 208 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5953 | 0006959 | 5952 | 258 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5954 | 0006960 | 5953 | 309 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | M/2709 | 100 | 84 | 1 | 1634 | 1717 |
| 5955 | 0006961 | 5954 | 179 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5956 | 0006963 | 5955 | 341 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5957 | 0006964 | 5956 | 60 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5958 | 0006965 | 5957 | 358 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5959 | 0006966 | 5958 | 170 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5960 | 0006967 | 5959 | 187 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 5961 | 0006969 | 5960 | 57 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5962 | 0006971 | 5961 | 288 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | M/26066 | 94.6 | 279 | 1 | 2451 | 2815 |
| 5963 | 0006972 | 5962 | 345 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | T/4482 | 98.6 | 209 | 1 | 1691 | 1899 |
| 5964 | 0006973 | 5963 | 187 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5965 | 0006975 | 5964 | 135 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5966 | 0006976 | 5965 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5967 | 0006977 | 5966 | 138 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5968 | 0006978 | 5967 | 189 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 5969 | 0006979 | 5968 | 98 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |

【図 2 8 7】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 5970 | 0006980 | 5969 | 127 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5971 | 0006981 | 5970 | 182 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5972 | 0006982 | 5971 | 87 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | |
| 5973 | 0006983 | 5972 | 315 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5974 | 0006984 | 5973 | 190 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5975 | 0006985 | 5974 | 322 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5976 | 0006986 | 5975 | 247 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5977 | 0006987 | 5976 | 51 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5978 | 0006988 | 5977 | 276 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5979 | 0006989 | 5978 | 54 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5980 | 0006990 | 5979 | 72 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5981 | 0006991 | 5980 | 267 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5982 | 0006992 | 5981 | 164 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5983 | 0006993 | 5982 | 340 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5984 | 0006994 | 5983 | 249 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5985 | 0006995 | 5984 | 204 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5986 | 0006996 | 5985 | 173 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5987 | 0006997 | 5986 | 156 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5988 | 0006998 | 5987 | 100 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5989 | 0006999 | 5988 | 65 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5990 | 0007000 | 5989 | 94 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5991 | 0007001 | 5990 | 89 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |
| 5992 | 0007002 | 5991 | 196 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | |

【図 288】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AE | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 5993 | 0007003 | 5992 | 50 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5994 | 0007004 | 5993 | 293 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 5995 | 0007005 | 5994 | 113 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5996 | 0007006 | 5995 | 171 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5997 | 0007007 | 5996 | 74 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5998 | 0007008 | 5997 | 118 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 5999 | 0007009 | 5998 | 185 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6000 | 0007011 | 5999 | 134 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6001 | 0007012 | 6000 | 297 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6002 | 0007013 | 6001 | 254 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6003 | 0007014 | 6002 | 120 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6004 | 0007015 | 6003 | 93 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6005 | 0007016 | 6004 | 306 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6006 | 0007017 | 6005 | 80 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6007 | 0007018 | 6006 | 110 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 6008 | 0007020 | 6007 | 157 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 6009 | 0007021 | 6008 | 329 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6010 | 0007022 | 6009 | 299 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6011 | 0007023 | 6010 | 85 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6012 | 0007025 | 6011 | 189 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6013 | 0007026 | 6012 | 215 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6014 | 0007027 | 6013 | 100 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 6015 | 0007028 | 6014 | 163 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |

【図 289】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|-------|----|-----|----|-----|-----|
| 6016 | 0007029 | 6015 | 132 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6017 | 0007030 | 6016 | 249 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6018 | 0007031 | 6017 | 191 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6019 | 0007032 | 6018 | 236 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6020 | 0007033 | 6019 | 101 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6021 | 0007034 | 6020 | 193 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6022 | 0007035 | 6021 | 251 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6023 | 0007036 | 6022 | 132 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6024 | 0007037 | 6023 | 90 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6025 | 0007038 | 6024 | 119 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6026 | 0007039 | 6025 | 251 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6027 | 0007040 | 6026 | 76 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6028 | 0007041 | 6027 | 103 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6029 | 0007042 | 6028 | 199 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | X5699 | 92 | 199 | 1 | 300 | 501 |
| 6030 | 0007043 | 6029 | 231 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6031 | 0007044 | 6030 | 278 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6032 | 0007046 | 6031 | 235 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6033 | 0007047 | 6032 | 119 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6034 | 0007048 | 6033 | 213 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6035 | 0007049 | 6034 | 147 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6036 | 0007050 | 6035 | 298 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6037 | 0007052 | 6036 | 50 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6038 | 0007053 | 6037 | 186 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 6039 | 0007054 | 6038 | 195 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6040 | 0007055 | 6039 | 116 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6041 | 0007056 | 6040 | 116 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6042 | 0007057 | 6041 | 179 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6043 | 0007058 | 6042 | 166 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6044 | 0007059 | 6043 | 230 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6045 | 0007060 | 6044 | 177 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 212020 | 96.2 | 52 | 1 | 2320 | 2372 |
| 6046 | 0007061 | 6045 | 96 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6047 | 0007062 | 6046 | 191 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 6048 | 0007063 | 6047 | 109 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6049 | 0007065 | 6048 | 216 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6050 | 0007066 | 6049 | 105 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6051 | 0007067 | 6050 | 298 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6052 | 0007068 | 6051 | 250 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | 134671 | 94 | 248 | 1 | 1332 | 1671 |
| 6053 | 0007069 | 6052 | 135 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6054 | 0007071 | 6053 | 179 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6055 | 0007072 | 6054 | 272 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6056 | 0007074 | 6055 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6057 | 0007075 | 6056 | 256 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6058 | 0007076 | 6057 | 282 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6059 | 0007079 | 6058 | 294 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6060 | 0007080 | 6059 | 159 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6061 | 0007081 | 6060 | 91 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |

【図 291】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 6062 | 0007082 | 6061 | 194 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6063 | 0007083 | 6062 | 266 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6064 | 0007084 | 6063 | 256 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6065 | 0007085 | 6064 | 119 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6066 | 0007086 | 6065 | 146 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6067 | 0007087 | 6066 | 203 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6068 | 0007088 | 6067 | 72 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6069 | 0007089 | 6068 | 106 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6070 | 0007090 | 6069 | 133 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6071 | 0007091 | 6070 | 212 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6072 | 0007093 | 6071 | 215 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6073 | 0007094 | 6072 | 140 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6074 | 0007095 | 6073 | 112 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6075 | 0007096 | 6074 | 165 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6076 | 0007097 | 6075 | 114 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6077 | 0007098 | 6076 | 112 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6078 | 0007099 | 6077 | 131 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6079 | 0007100 | 6078 | 126 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6080 | 0007101 | 6079 | 79 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6081 | 0007102 | 6080 | 270 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6082 | 0007103 | 6081 | 125 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6083 | 0007104 | 6082 | 73 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6084 | 0007105 | 6083 | 265 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |

【図 293】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD | |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 6108 | 0007130 | 6107 | 106 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6109 | 0007131 | 6108 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6110 | 0007132 | 6109 | 335 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6111 | 0007133 | 6110 | 112 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6112 | 0007134 | 6111 | 279 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6113 | 0007135 | 6112 | 119 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6114 | 0007136 | 6113 | 315 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 6115 | 0007137 | 6114 | 218 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6116 | 0007138 | 6115 | 53 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6117 | 0007139 | 6116 | 231 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 6118 | 0007140 | 6117 | 379 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6119 | 0007141 | 6118 | 107 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6120 | 0007142 | 6119 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6121 | 0007143 | 6120 | 355 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6122 | 0007144 | 6121 | 122 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 6123 | 0007145 | 6122 | 162 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6124 | 0007146 | 6123 | 179 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6125 | 0007147 | 6124 | 402 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6126 | 0007148 | 6125 | 214 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | J02611 | 90.8 | 217 | 1 | 502 | 809 |
| 6127 | 0007149 | 6126 | 67 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | X13710 | 93.8 | 65 | 1 | 1039 | 1100 |
| 6128 | 0007150 | 6127 | 198 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6129 | 0007151 | 6128 | 190 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6130 | 0007152 | 6129 | 217 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |

【図 295】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|----|----|----|----|
| 6154 | 0007181 | 6153 | 259 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6155 | 0007182 | 6154 | 92 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6156 | 0007183 | 6155 | 92 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6157 | 0007185 | 6156 | 93 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6158 | 0007186 | 6157 | 155 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 6159 | 0007187 | 6158 | 138 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 6160 | 0007188 | 6159 | 158 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6161 | 0007189 | 6160 | 52 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6162 | 0007190 | 6161 | 53 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6163 | 0007191 | 6162 | 53 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6164 | 0007192 | 6163 | 151 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6165 | 0007193 | 6164 | 362 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6166 | 0007194 | 6165 | 149 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6167 | 0007195 | 6166 | 184 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6168 | 0007196 | 6167 | 196 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6169 | 0007199 | 6168 | 295 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6170 | 0007200 | 6169 | 312 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6171 | 0007201 | 6170 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6172 | 0007202 | 6171 | 103 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6173 | 0007204 | 6172 | 127 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6174 | 0007206 | 6173 | 136 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6175 | 0007209 | 6174 | 108 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6176 | 0007210 | 6175 | 120 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|------|-----|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|---|--------|------|-----|----|------|------|
| 6177 | 0007211 | 6176 | 174 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6178 | 0007212 | 6177 | 186 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6179 | 0007213 | 6178 | 229 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6180 | 0007214 | 6179 | 50 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6181 | 0007215 | 6180 | 297 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6182 | 0007216 | 6181 | 191 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 6183 | 0007217 | 6182 | 235 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6184 | 0007218 | 6183 | 181 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 6185 | 0007219 | 6184 | 54 | 2 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 2 | | | | | | |
| 6186 | 0007220 | 6185 | 225 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6187 | 0007221 | 6186 | 291 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6188 | 0007222 | 6187 | 107 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | X69148 | 92.3 | 104 | 1 | 1502 | 3031 |
| 6189 | 0007223 | 6188 | 173 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | X65024 | 93.6 | 172 | 1 | 3234 | 3455 |
| 6190 | 0007224 | 6189 | 327 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6191 | 0007225 | 6190 | 156 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6192 | 0007226 | 6191 | 276 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6193 | 0007227 | 6192 | 151 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6194 | 0007228 | 6193 | 372 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6195 | 0007229 | 6194 | 174 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6196 | 0007230 | 6195 | 142 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6197 | 0007231 | 6196 | 139 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6198 | 0007232 | 6197 | 230 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6199 | 0007233 | 6198 | 173 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |

【図297】

| | A | B | C | D | E | F | G | H | I | J | K | L | M | N | O | P | Q | R | S | T | U | V | W | X | Y | Z | AA | AB | AC | AD |
|------|---------|--------|------|---|----|----|----|----|-----|-------|----|----|----|----|----|----|----|----|----|----|----|----|----|---|--------|------|----|----|------|------|
| 6200 | 0007235 | 6199 | 103 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6201 | 0007238 | 6200 | 245 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6202 | 0007241 | 6201 | 136 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6203 | 0007243 | 6202 | 112 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6204 | 0007244 | 6203 | 81 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | JD5032 | 98.8 | 81 | 1 | 1573 | 2271 |
| 6205 | 0007245 | 6204 | 104 | 1 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 0 | 1 | | | | | | |
| 6206 | GS | patent | size | F | hm | mm | pm | mp | 40x | 19xal | lg | ap | ae | cb | cm | sm | re | cc | ed | sq | hc | fc | za | | | | | | | |

【書類名】 要約書

【要約】

【目的】 細胞の識別や異常の検出のためのプローブあるいはプライマーとして用いることができるDNAを提供する。

【構成】 種々のヒト組織から、mRNAの細胞内の存在割合を忠実に反映する3' 指向cDNAライブラリーを作成した。該ライブラリーに含まれるcDNA群を無作為に配列決定し、組織毎の各cDNAの出現頻度を調べた。

【効果】 各cDNAにはmRNA濃度に対応する組織毎の出現頻度情報が付加されているので、該cDNAは、細胞の異常を検出したり細胞の識別をするためのプローブ・プライマーなどとして用いることができる。

【選択図】 なし

【書類名】 職権訂正データ
【訂正書類】 特許願

<認定情報・付加情報>

【特許出願人】

【識別番号】 594082279
【住所又は居所】 大阪府吹田市山田東3-18-1-804
【氏名又は名称】 松原 謙一

【特許出願人】

【識別番号】 594082280
【住所又は居所】 大阪府箕面市瀬川2-11-26
【氏名又は名称】 大久保 公策

【代理人】

申請人
【識別番号】 100075258
【住所又は居所】 東京都武蔵野市吉祥寺本町1丁目34番12号 吉
田金山石田国際特許事務所
【氏名又は名称】 吉田 研二

【代理人】

申請人
【識別番号】 100081503
【住所又は居所】 東京都武蔵野市吉祥寺本町1丁目34番12号 吉
田金山石田国際特許事務所
【氏名又は名称】 金山 敏彦

【代理人】

申請人
【識別番号】 100096976
【住所又は居所】 東京都武蔵野市吉祥寺本町1丁目34番12号 吉
田金山石田国際特許事務所
【氏名又は名称】 石田 純

出 願 人 履 歴 情 報

識別番号 [594082279]

1. 変更年月日 1993年11月12日
[変更理由] 新規登録
住 所 大阪府吹田市山田東3-18-1-804
氏 名 松原 謙一

出 願 人 履 歴 情 報

識別番号 [594082280]

| | |
|----------|-----------------|
| 1. 変更年月日 | 1993年11月12日 |
| [変更理由] | 新規登録 |
| 住 所 | 大阪府箕面市瀬川2-11-26 |
| 氏 名 | 大久保 公策 |

